明細書

ドメインを形成するヒト由来のタンパク質またはその用途

技術分野

5 本発明は、ドメインを形成するヒト由来のタンパク質、それをコードするポリ ヌクレオチド、そのタンパク質に対する抗体、それらを用いた活性化合物のスク リーニング方法などに関する。

背景技術

15

20

10 近年、ヒトゲノム計画に代表されるさまざまなモデル生物のゲノム塩基配列が 次々に解読されている。これらのゲノム配列情報から抽出される遺伝子について、 個々の遺伝子にコードされたタンパク質の立体構造を体系的に明らかにし、構造 と機能の関係を明確にしようとする"構造ゲノム科学"が、新たな研究分野とし て急速に立ち上がり、世界各国で大規模なプロジェクトが進行している。

この構造ゲノム科学において、解析対象となるタンパク質数は10万種類に及ぶとも見られており、その全立体構造の決定を目標とするのは現在の技術レベルでは未だ現実的ではない。

そこで、まず対象タンパク質を妥当な数に絞り、「代表的な構造」を選ぶことが必要である。網羅的な立体構造解析は、例えばa)対象とするタンパク質のセットとして比較的小さいものに特定する、b)超好熱性古細菌、高度好熱菌、マイコプラズマ等のゲノムサイズの小さい生物種を特定する、或いはc)シグナル伝達や遺伝子発現に関与するタンパク質、疾病関連遺伝子産物タンパク質等、生命現象を特定する等、様々な視点から解析対象を選定したプロジェクトが開始されている。

このような研究の流れにおいては、最初のステップとして、約1万種類とも推 25 測されているファミリー(アミノ酸配列が約30~35%の相同性を有するものをファミリーとして分類)のすべてについて代表的な立体構造を1つ以上決定することを1つの目標としている。ある代表的な立体構造(基本構造)があれば、同じファミリーに属する他のタンパク質の構造も、ホモロジーに基づくモデリングにより類推することが可能となる。

10

15

20

25



このプロジェクトの中で、機能ドメインの三次元構造のタイプ、又はトポロジ ー(基本構造:フォールド)に注目し、タンパク質の基本構造単位で機能との相 関を解明しようとする研究が注目されている。

複数のドメインを有するタンパク質の場合、機能ドメインがモジュールのよう に組み合わさってできているため、あるドメインがさまざまなタンパク質のなか に違ったドメインとの組み合わせで現れることがしばしば見られる。また、一次 配列上のホモロジーが検出されなくても同じ基本構造をもつことはめずらしくな い。従って、基本構造の数はタンパク質のファミリーの数よりもかなり少ないは ずであり、それぞれの基本構造が分子機能と関連付けられると期待される。この 基本構造の数は、約1万~2万種類と予測されており、このオーダーの解析対象で あれば、全対象タンパク質の立体構造を決定することも十分可能になる。

このようにして得られるタンパク質の立体構造と機能に関する情報は、生体機 能の解明に新たな知見を与え、医薬品等の開発(例えば、ラショナルドラックデ ザインやバーチャルスクリーニングによる開発)を飛躍的に発展させるものであ り、産業界においても非常に有益である。

しかしながら、タンパク質の立体構造解析には、多くの時間と労力、費用を要 するのが実情である。網羅的且つ体系的な構造解析を目指す構造ゲノム科学研究・ においては、構造解析のハイスループット化を図ることが重要な課題である。

タンパク質の立体構造解析には主にNMR法およびX線結晶構造解析法が使用 されている。

タンパク質をNMRを用いて立体構造解析を行うためには、サンプルの分子量 は約20000以下(アミノ酸残基で約200個以下)であることが好ましい。X線解析 によって立体構造解析を行う場合にも、結晶作成のためにタンパク質の性状に制 限がある。

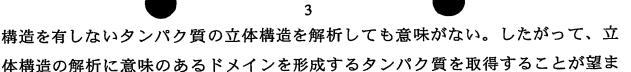
構造解析に適したタンパク質を得るためにタンパク質をランダムに分割する と、切断する部位が β シートや α ヘリックス構造をとるアミノ酸配列中にあると 、多くのタンパク質は生理的に意味のある構造が変形したり、ひも状になり構造 を取らなかったり、あるいは凝集することになる。このように本来生体内でとる

れる。

5

10

25



構造解析に適した、ドメインを有するタンパク質(以下、「ドメインを形成す るタンパク質」という)を発現させるためには、ドメイン境界の位置に関する情 報が必要である。一般に、このドメイン境界はアミノ酸配列の相同性などを手が かりにして予測される。このようにして予測されたドメイン領域のアミノ酸配列 に基づいてタンパク質の発現を行っても実際に構造をとる(フォールドする)ド メインを形成するタンパク質が得られる確率は非常に低く、ドメイン発現が構造 解析のボトルネックの1つとなっている。

本発明の対象であるCAP-G1y様ドメインを形成するタンパク質につい ても、これまでは取得されておらず、またその構造情報も未知であり、これらを 創薬等に利用することはできなかった。

発明の開示 15

本発明は、このような状況に鑑みてなされたもので、下記のようなタンパク質、 その製造方法、それをコードするポリヌクレオチド、そのタンパク質に対する抗 体、それらを用いるスクリーニング方法などを提供する。

- (1) 配列番号1に記載されたアミノ酸配列からなるタンパク質又はその塩。 20
 - (2) 配列番号3、5、7のいずれか一つに記載されたアミノ酸配列からなるタ ンパク質又はそれらの塩。
 - (3) 配列番号5に記載されたアミノ酸配列のN末端から0個~10個のアミノ 酸残基が欠損し、更にC末端から0個~5個のアミノ酸残基が欠損したアミノ酸 配列を有し、アミノ酸残基数が92~106であるタンパク質又はそれらの塩。
 - (4) (1) 、(2) 又は(3) に記載のタンパク質のアミノ酸配列において、 1若しくは数個のアミノ酸が欠失、置換又は付加されたアミノ酸配列からなり、
 - (1)、(2)又は(3)に記載のタンパク質と実質的に同一の細胞増殖抑制機 能を有するタンパク質又はそれらの塩。

- (5) $^{\circ}(1)$ \sim (4) に記載されたタンパク質のいずれか1つのタンパク質のアミノ酸配列をコードするポリヌクレオチドを含有するポリヌクレオチド。
- (6) 配列番号2、4、6、8のいずれか一つに記載された塩基配列を含有する
- (5) に記載のポリヌクレオチド。
- 5 (7) (5) 又は(6) に記載のポリヌクレオチドを含有する組換えベクター。
 - (8) (5) 又は(6) に記載のポリヌクレオチドで形質転換させた形質転換体
 - $(9)(1) \sim (4)$ のいずれか一つに記載のタンパク質に対する抗体。
- (10)(8)に記載の形質転換体を培養し、タンパク質を生成させる工程を含 10 む、(1)~(4)のいずれか一つに記載のタンパク質またはそれらの塩の製造 方法。
 - (11)無細胞タンパク質合成系を用いることを特徴とする(1)~(4)のいずれか一つに記載のタンパク質又はそれらの塩の製造方法。
- (12)(1)~(4)のいずれか一つに記載のタンパク質と候補物質とを接触 させる工程と、前記タンパク質と候補物質とが相互作用をするかどうかを確認す る工程とを含む(1)~(4)のいずれか一つに記載のタンパク質またはそれら の塩及び/又は(1)~(4)のいずれか一つに記載のタンパク質のアミノ酸配 列を含んだ天然に存在するタンパク質又はそれらの塩と相互作用する物質のスク リーニング方法。
- 20 (13)(9)に記載の抗体を用いた(1)~(4)のいずれか一つに記載のタンパク質を含むタンパク質又はそれらの塩の定量方法。
 - (14)(13)に記載の定量方法を用いた、(1)~(4)のいずれか一つに 記載のタンパク質を含むタンパク質またはそれらの塩と相互作用をする物質のス クリーニング方法。
- 25 (15)(1)~(4)のいずれか一つに記載のタンパク質を細胞内で発現させる工程と、当該細胞内における遺伝子の発現状態を調べる工程と、を含む、(1)~(4)のいずれか一つに記載のタンパク質と関連する遺伝子を特定する方法
 - (16) (1) ~ (4) のいずれか一つに記載のタンパク質の立体構造に関する

25

情報を用いて、前記タンパク質の活性部位を決定する工程と、当該活性部位と相互作用する化合物をコンピュータ上で特定する工程とを含む(1)~(4)のいずれか一つに記載のタンパク質またはそれらの塩及び/又は(1)~(4)のいずれか一つに記載のタンパク質のアミノ酸配列を含んだ天然に存在するタンパク質又はそれらの塩と相互作用する化合物のスクリーニング方法。

(17)前記タンパク質の立体構造に関する情報が、立体構造座標表1~20のいずれかに記載の立体構造情報のうちアミノ酸番号8~98番目のアミノ酸残基からなるタンパク質の立体構造情報である(16)に記載のスクリーニング方法

(18)立体構造座標表1に記載の立体構造情報のうち、(Val26、Lys27、Glu47、Arg67、Lys83、Ser86)のアミノ酸残基に相当する部分の情報を用いる(17)に記載のスクリーニング方法。

(19) (16) ~ (18) のいずれか一つに記載されたスクリーニング方法によって、特定された活性部位と相互作用する化合物を候補化合物として用意し、

(1)~(4)のいずれか一つに記載されたタンパク質と候補物質とを接触させる工程と、前記タンパク質と候補物質とが相互作用をするかどうかを確認する工程とを含む(1)~(4)のいずれか一つに記載されたタンパク質またはその塩及び/又は(1)~(4)のいずれか一つに記載のタンパク質のアミノ酸配列を含んだ天然に存在するタンパク質又はそれらの塩と相互作用する物質のスクリーニング方法。

(20)立体構造座標表1~20のいずれかに記載されたタンパク質の立体構造のうちアミノ酸番号8~98番目のアミノ酸残基のタンパク質の立体構造情報に関する情報を用いて、(1)~(4)のいずれか一つに記載のタンパク質のアミノ酸配列と30%以上の相同性を有するアミノ酸配列を有する構造未知タンパク質のホモロジーモデリングを行い、前記構造未知タンパク質の立体構造を推定する方法。

図面の簡単な説明

図1は、実施例1~4におけるSDSゲル電気泳動図を示す。図1(a)は、

15

25

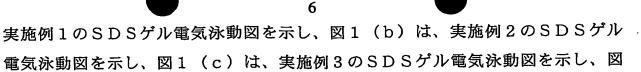


図2は、各比較例のSDSゲル電気泳動図を示す。図2(a)は比較例1のS DSゲル電気泳動図を示し、図2(b)は比較例2のSDSゲル電気泳動図を示

し、図2(c)は比較例3のSDSゲル電気泳動図を示す。

1 (d) は、実施例4のSDSゲル電気泳動図を示す。

図3は、配列番号1に記載されたタンパク質の1次元核磁気共鳴スペクトルと出 - 15N HSQCスペクトルを示す。図3 (a)は、1次元核磁気共鳴スペクトルを表 し、図3 (b) は、'H - ¹⁵N HSQCスペクトルを表す。

図4は、配列番号3に記載されたタンパク質の1次元核磁気共鳴スペクトルと¹H 10 - 15N HSQCスペクトルを示す。図4 (a)は、1次元核磁気共鳴スペクトルを表 し、図4 (b) は、¹H - ¹⁵N HSQCスペクトルを表す。

図5は、配列番号5に記載されたタンパク質の1次元核磁気共鳴スペクトルと'H - 15N HSQCスペクトルを示す。図 5 (a) は、1次元核磁気共鳴スペクトルを表 し、図 5 (b) は、'H - ¹⁵N HSQCスペクトルを表す。

図6は、配列番号7に記載されたタンパク質の1次元核磁気共鳴スペクトルと¹H - 15N HSQCスペクトルを示す。図6(a)は、1次元核磁気共鳴スペクトルを表 し、図6 (b) は、'H - ¹⁵N HSQCスペクトルを表す。

図7は、293細胞、及びHeLa細胞を用いた生細胞数の測定結果を表す図 20 である。

図8は、実施例9のウェスタンプロッティングの検出像を示す図面に変わる写 真である。レーン1はHeLa細胞抽出液の上清のみ(対照)、レーン2はHe La細胞にIKK-gamma (1-419)とFLAG配列を発現させたもの (対照)、レーン3は、HeLa細胞にIKK-gamma(1-419)とC AP-G1y様ドメインタンパク質(464-554)にFLAG配列を付加し たものを発現させたもののレーンを示す。

発明を実施するための最良の形態 (本発明のタンパク質)

10

15

20

25

本発明のタンパク質は、立体構造をもったドメインを形成するタンパク質である。本発明は、より具体的には、配列番号1、3、5、7のいずれか一つに記載されるCAP-G1y様ドメインタンパク質、又は配列番号5に記載されたアミノ酸配列のN末端から0個~10個のアミノ酸残基が欠損し、更にC末端から0個~5個のアミノ酸残基が欠損したアミノ酸配列を有し、アミノ酸残基数が92~106であるタンパク質(すなわち、配列番号1のアミノ酸配列のN末端に0~10個、C末端に0~5個のアミノ酸残基を付加したタンパク質)に関する。以下、本発明のタンパク質の機能などについて説明する。

CAP-Glyは、cytoskeletal-associated-protein-glycine-conserved domain の略であり、細胞内小器官や染色体を細胞内の微小管に結合する役割を果たすタンパク質を構成する。CAP-Glyドメインは、保存性の高い約42残基からなるグリシンに富んだ領域を含む [Riehemann K., Sorg C. Sequence homologies between four cytoskeleton-associated proteins. Trends Biochem. Sci. 18: 82-83 (1993)]。このドメインを含むタンパク質としては、細胞内小胞体と微小管を接続する中間径フィラメントに関連する160 kDa のタンパク質のレスチン(restin) (細胞質のリンカータンパク質170または CLIP-170とも呼ばれる)、脊椎動物のダイナクチン [150 kDa のダイニン関連ポリペプチド (DAP)]、アクティベータIの主要な成分であるDrosophila glued複合体、有糸分裂期の微小管の形成・安定化および対合期における紡錘体融合に必要と考えられる酵母タンパク質 BIK1、酵母タンパク質 NIP100 (NIP80)、ヒトタンパク質 CKAP1/TFCB、Schizosaccharomyces pombe タンパク質のalp11、C. elegans のタンパク質と推定されるF53F4、3などが知られている。

なお、CAP-Gly様ドメインタンパク質と疾病との関連については、実施例によりCAP-Gly様ドメインに細胞増殖抑制効果があることが示されたことと、CAP-Gly様ドメインがIKK-ガンマ(gammma)と結合することが示されたことから、CAP-Gly様ドメインは癌関連疾患の原因遺伝子の一つであると予測できる。すなわち、実施例8では、CAP-Gly様ドメインタンパク質は、HeLa細胞(子宮頸癌細胞)及び293細胞において増殖抑制効果を示し、実施例9ではIKK-gammaとの結合性を示した。ここでI

10

15

20

25

KK-gammaは、転写調整因子NF-kBと結合してNF-kBの転写促進 機能を抑制する因子であり、またNF-kBは癌遺伝子ReIファミリーである p50とp65によりヘテロ複合体を形成している。CAP-G1y様ドメイン は、IKK-gammaと結合し、活増殖抑制能を示すことから、IKK-ga mmaに結合してNF-kBの転写促進を抑制しているものと考えることができ る。このようにCAP-G1ャ様ドメインにより細胞は増殖抑制の制御をうける ため本発明のタンパク質は、癌抑制遺伝子産物としての機能を有している。癌抑 制遺伝子に変異が起き増殖抑制活性が低下すると、癌が発病することはよく知ら れた事実である(田矢洋一ほか Bio Science 用語ライブラリー 癌遺伝子・癌 抑制遺伝子 p113-115 羊土社 2000)。網膜芽細胞腫を引き起こすレチノプラス トーマ遺伝子が有名である (Weinberg RA. The retinoblastoma protein and cell cycle control. Cell 81, 323-330 1995)。殊に、本発明に利用した遺伝子(KI AA0849)は、ヒトのターバン腫瘍症候群の原因遺伝子であることが知られ ている (Nature Genet. 25, 160-165 2000)。 KIAAO 8 4 9 の発現するタンパ ク質のどのドメインが疾病の原因であるかは未だ不明であるが、本発明で例示し た、本発明のタンパク質の癌抑制遺伝子的な機能を考えると、CAP-G1y様 ドメインタンパク質が本疾病の原因であることが予測される。本発明のタンパク 質は、少なくともターバン症候群に対する薬物のスクリーニングへの利用や、立 体構造情報を利用しての薬物の最適化、および癌関連の疾患の予防、治療に有効 に用いられ得る。

また、本発明は、配列番号 1、 3、 5、 7 のいずれか一つに記載のアミノ酸配列、又は配列番号 5 に記載されたアミノ酸配列のN末端から0 個~1 0 個のアミノ酸残基が欠損し、更にC末端から0 個~5 個のアミノ酸残基が欠損したアミノ酸配列において、1 若しくは数個(1 ~9 個、好ましくは1 ~5 個、さらに好ましくは1 ~2 個)のアミノ酸が欠失、置換又は付加されたアミノ酸配列からなり、配列番号 5 に記載されたアミノ酸配列のN末端から0 個~1 0 個のアミノ酸残基が欠損し、更にC末端から0 個~5 個のアミノ酸残基が欠損したアミノ酸配列のいずれか一つに記載されたアミノ酸配列からなるタンパク質のいずれかと実質的に同一の機能を有するタンパク質またはその塩も提供する。

10

25



なお、「本発明のタンパク質と実質的に同一の細胞増殖抑制機能を有する」とは、本発明のタンパク質が有する細胞増殖抑制機能を有することを意味する。ここで、そのような分子機能としては、IKK-gammaとの結合性のほか、CAP-Gly様ドメインタンパク質が有する機能や活性が上げられる。

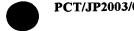
IKK-gammaは、inhibitor-kappaBの略であり、NF(Nuclear Factor)-kBに結合する。NF-kBは、免疫グロプリンkL鎖遺 伝子のイントロンエンハンサーに結合する転写因子であり、p50とp65との 2種類のサブユニットからなるヘテロ2量体である。ここでp50、p65はともに癌遺伝子Re1に相同性を示し、Re1ファミリーに属する。その機能は、

NF-kBは当初B細胞に特異的でB細胞の分化に伴って発現する細胞特異的な遺伝子の発現を制御しているものと考えられた。その後、非B細胞にも同様の効果がみられた。また、NF-kBは免疫グロブリン遺伝子の他にも様々な遺伝子の転写調節領域にも結合し、これらの遺伝子の転写を活性化する。非B細胞では、不活性型のNF-kBがIKK-gammaと結合し複合体を形成している。

15 細胞外刺激により I KK-g a mm a はリン酸化による不活性化を受け、その結果、NF-k Bが解離して各核内に移行して活性型となり、転写因子として働く。 I KK-g a mm a のサブユニットとしては、I KK $-\alpha$ 、I KK $-\beta$ 、b c 1-3 が知られている。

20 (タンパク質の配列)

本発明のタンパク質の配列決定に関しては、i)公知のタンパク質配列情報に基づき、対象とする機能を有するドメイン領域を推定した後、ii)その推定ドメイン領域のアミノ酸配列を基本パターンとするドメイン候補配列パターンを用意し、iii)各配列パターン毎にタンパク質発現を行い、得られたドメインを形成するタンパク質の構造安定性評価により、良好な結果を示すものを目的ドメインとし、この目的ドメインのアミノ酸配列により各タンパク質を定義する。即ち、本発明のタンパク質は、全長タンパク質中のある一部分(目的とする機能を有する)を断片化してドメインを形成するタンパク質として発現させた時に、安定な構造を有するものを経験的に選別したものであり、ドメイン領域予測の段階では



数100のオーダーで存在するドメイン候補が、種々の要因により絞り込まれて実 際は10~数10のオーダーまで厳選される。従って、このように選別されたタンパ ク質を、立体構造解析に用いることにより、高精度で且つ信頼性に優れた構造解 析を行うことが可能となる。

5

20

(ドメイン領域の推定)

全長タンパク質中のドメイン領域を推定する手法としては、パイオインフォー マティクスなどの情報科学的な手法や計算科学的な手法(特願2001-309434号明 細書参照)、deleted DNAライブラリーとGFPの組み合わせ(特開2002-262873 号公報参照)、プロテアーゼによる限定分解などの実験的な手法等、いずれも利 10 用可能であり、特に限定されるものではなく、より精度の高い手法を用いること により、ドメイン候補群から目的ドメインを選び出す作業効率が向上する。

(ドメイン候補配列パターンの作製)

上記ドメイン候補配列パターンは、上述のように推定されたドメイン領域を基 15 準にしてドメイン境界の位置をN末端側又はC末端側に伸ばしたり縮めたりする ことにより作製される。

例えば、推定ドメイン領域のN末端側のドメイン境界におけるアミノ酸残基の 位置より、N末端側に数から数十残基分伸長させた、又はC末端側に数から数十残 基分短縮したおよそ数十種類の境界を新たに設け、それらの境界をN末端とする ドメイン候補配列パターンが用意される。同様に、推定ドメイン領域のC末端側 のドメイン境界においても数種類のドメイン境界を選定し、各境界をC末端とす るドメイン候補配列パターンが作製される。

(ドメイン境界の伸縮)

上記推定ドメイン領域のドメイン境界を伸縮させる方法としては、例えば上記 25 ドメイン候補配列パターンに対応したCDNAを作成できるPCRプライマー を個々に合成して、PCRにより作成する方法が挙げられ、特に特開2003-9880 号公報に示される2段階PCR法が好適である。

(ドメイン候補配列パターンからの目的ドメインの抽出)



このようなドメイン候補配列パターンから実際に安定な立体構造を有する目的ドメインを選び出すためには、まず上述のようにして作製されたドメイン候補配列パターンの c DNAを用いてそれぞれタンパク合成を行う。

このドメイン候補配列パターンの発現系としては、特に限定されず、従来より 5 公知の発現系がいずれも使用可能である。

次に、得られたタンパク質が実際に安定な立体構造をとっているかどうかを判定し、立体構造を有することが確認できたものを本発明におけるタンパク質として採用する。

このタンパク質の立体構造の安定性の指標としては、例えば合成されたドメインタンパク質が可溶性タンパク質としてSDSゲル電気泳動等により検出され、かつ適当な分子量相当な均一なバンドとして検出されるかという生化学的指標や、C末端側に融合させたGFPの蛍光強度、NMRスペクトル、CDスペクトルなどの分光学的手法等が挙げられる。

従来のタンパク質の配列決定の過程では、例えば①上記タンパク質合成で、目 15 的とするドメインを形成するタンパク質が発現しない、或いは②発現はしたもの の、凝集を起こす、溶解度が低い等の問題があった。本発明者らは、このような 問題点を克服し、本発明を完成させるに至った。

(安定な立体構造を有することの確認)

20

上記NMRスペクトルにおいてドメインを形成するタンパク質のフォールディングの判定を以下に示す。

1Dスペクトルにおいて、ドメインを形成するタンパク質がフォールドしていない場合はVal、Leu、Ileなどのメチル基プロトンに由来するシグナルが0.8ppm付近に観測される。しかしフォールドしている場合はメチル基プロトンの環境が変化し、シグナルが高磁場側(0.7ppmから-0.5ppm付近)にシフトする。

25 「H-15NHSQCにおける判定は、クロスピーク収束度合いとシグナル強度の均一性の評価を目視により行うことが挙げられる。すなわち、クロスピークが密集した場合は、立体構造を形成していない状態とし、逆に分散した場合は安定な立体構造を形成している状態として立体構造の安定性の評価を行う。

(ベクター)

5

10

15

20

本発明の(組換え)ベクターは、適当なベクターに本発明の遺伝子を連結(挿入)することにより得ることができる。本発明の遺伝子を挿入するためのベクターは、宿主中で複製可能なものであれば特に限定されず、例えば、プラスミド DNA、ファージ DNA等が挙げられる。

プラスミド DNAとしては、大腸菌由来のプラスミド(例えばpRSET、pBR322、 pBR325、 pUC118、 pUC119、 pUC18、 pUC19等)、枯草菌由来のプラスミド(例えばpUB110、 pTP5等)、酵母由来のプラスミド(例えばYEp13、 YEp24、 YCp50等)などが挙げられ、ファージDNAとしては入ファージ(Charon4A、Charon21A、 EMBL3、 EMBL4、 λ gt10、 λ gt11、 λ ZAP等)が挙げられる。 さらに、レトロウイルス又はワクシニアウイルスなどの動物ウイルス、バキュロウイルスなどの昆虫ウイルスベクターを用いることもできる。

ベクターに本発明の遺伝子を挿入するには、まず、精製されたDNAを適当な制限酵素で切断し、適当なベクター DNAの制限酵素部位又はマルチクローニングサイトに挿入してベクターに連結する方法などが採用される。

本発明の遺伝子は、その遺伝子の機能が発揮されるようにベクターに組み込まれることが必要である。そこで、本発明のベクターには、プロモーター、本発明の遺伝子のほか、所望によりエンハンサーなどのシスエレメント、スプライシングシグナル、ポリA付加シグナル、選択マーカー、リボソーム結合配列(SD配列)などを含有するものを連結することができる。なお、選択マーカーとしては、例えばジヒドロ葉酸還元酵素遺伝子、アンピシリン耐性遺伝子、ネオマイシン耐性遺伝子等が挙げられる。

(形質転換体)

25 本発明の形質転換体は、本発明のポリヌクレオチドを、目的遺伝子が発現し得るように宿主中に導入することにより得ることができる。簡便で効率が良いことから多くの場合、ベクターを用いて形質転換が行われる。ここで、宿主としては、本発明のDNAを発現できるものであれば特に限定されるものではない。例えば、エッシェリヒア・コリ (Escherichia coli) 等のエッシェリヒア属、バチルス・ズ

10

15

20

25

ブチリス (Bacillus subtilis) 等のバチルス属、シュードモナス・プチダ (Pseudomonas putida) 等のシュードモナス属、リゾビウム・メリロティ (Rhizobium meliloti) 等のリゾビウム属に属する細菌が挙げられる。また、サッカロミセス・セレビシエ (Saccharomyces cerevisiae)、シゾサッカロミセス・ポンベ (Schizosaccharomyces pombe) 等の酵母、さらにCOS細胞、CHO細胞等の動物細胞が挙げられる。あるいはSf9、Sf21等の昆虫細胞を用いることもできる。

大腸菌等の細菌を宿主とする場合は、本発明のポリヌクレオチドを導入した組換えベクターが該細菌中で自律複製可能であると同時に、プロモーター、リボゾーム結合配列、本発明の遺伝子、転写終結配列により構成されていることが好ましい。また、プロモーターを制御する遺伝子が含まれていてもよい。

大腸菌としては、例えばエッシェリヒア・コリ (Escherichia coli) K12、DH1などが挙げられ、枯草菌としては、例えばバチルス・ズブチリス (Bacillus subtilis) などが挙げられる。プロモーターとしては、大腸菌等の宿主中で発現できるものであればいずれを用いてもよい。例えばtrpプロモーター、lacプロモーター、 P_L プロモーター、 P_R プロモーターなどの、大腸菌やファージに由来するプロモーターが用いられる。tacプロモーターなどのように、人為的に設計改変されたプロモーターを用いてもよい。細菌への組換えベクターの導入方法としては、細菌にDNAを導入する方法であれば特に限定されるものではない。例えばカルシウムイオンを用いる方法 (Cohen, S. N. et al. (1972) Proc. Natl. Acad. Sci., USA 69, 2110-2114)、エレクトロポレーション法等が挙げられる。

酵母を宿主とする場合は、例えばサッカロミセス・セレビシエ (Saccharomyces cerevisiae)、シゾサッカロミセス・ポンベ (Schizosaccharomyces pombe)、ピヒア・パストリス (Pichia pastoris) などが用いられる。この場合、プロモーターとしては酵母中で発現できるものであれば特に限定されず、例えばgallプロモーター、gall0プロモーター、ヒートショックタンパク質プロモーター、MF αlプロモーター、PHO5プロモーター、PGKプロモーター、GAPプロモーター、ADHプロモーター、AOX1プロモーター等が挙げられる。酵母への組換えベクターの導入方法としては、酵母にDNAを導入する方法であれば特に限定されず、例えばエレクトロポレーション法 (Becker, D. M. et al. (1990) Methods. Enzymol., 194, 182-187)、



スフェロプラスト法 (Hinnen, A. et al. (1978) Proc. Natl. Acad. Sci., USA 75, 1929-1933)、酢酸リチウム法 (Itoh, H. (1983) J. Bacteriol. 153, 163-168) 等が挙げられる。

動物細胞を宿主とする場合は、サル細胞COS-7、Vero、チャイニーズハムスター卵巣細胞(CHO細胞)、マウスL細胞、ラットGH3、ヒトFL細胞などが用いられる。プロモーターとしてSR α プロモーター、SV40プロモーター、LTRプロモーター、CMVプロモーター等が用いられ、また、ヒトサイトメガロウイルスの初期遺伝子プロモーター等を用いてもよい。動物細胞への組換えベクターの導入方法としては、例えばエレクトロポレーション法、リン酸カルシウム法、リポフェクション法等が挙げられる。

昆虫細胞を宿主とする場合は、Sf9細胞、Sf21細胞などが用いられる。昆虫細胞への組換えベクターの導入方法としては、例えばリン酸カルシウム法、リポフェクション法、エレクトロポレーション法などが用いられる。

15 (抗体)

5

10

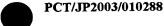
25

本発明のタンパク質を抗原として用いて、その抗原に対する抗体を調製することができる。

[本発明のタンパク質に対するポリクローナル抗体の作製]

20 前記の抗原を用いて動物を免疫する。抗原の動物 1 匹当たりの投与量は、ウサギの場合、例えばアジュバントを用いて100~500 μgである。アジュバントとしては、フロイント完全アジュバント (FCA)、フロイント不完全アジュバント (FIA)、水酸化アルミニウムアジュバント等が挙げられる。

免疫は、哺乳動物(例えばラット、マウス、ウサギなどの非ヒト哺乳動物)に 投与することにより行われる。投与部位は静脈内、皮下又は腹腔内である。また、 免疫の間隔は特に限定されず、数日から数週間間隔、好ましくは2~3週間間隔 で、1~10回、好ましくは2~3回免疫を行う。そして、最終の免疫日から6~ 60日後に抗体価を測定し、最大の抗体価を示した日に採血し、抗血清を得る。抗 体価の測定は、酵素免疫測定法(ELISA; enzyme-linked immunosorbent assay)、



放射性免疫測定法 (RIA; radioimmuno assay) 等により行うことができる。

抗血清から抗体の精製が必要とされる場合は、硫安塩析法、イオン交換クロマ トグラフィー、ゲル濾過、アフィニティークロマトグラフィーなどの公知の方法 を適宜選択して、又はこれらを組み合わせることにより精製することができる。

[タンパク質に対するモノクローナル抗体の作製] 5

上記抗原を用いて動物を免疫する。必要であれば、免疫を効果的に行うため、前 記と同様アジュバント(市販のフロイント完全アジュバント、フロイント不完全 アジュバント等)を混合してもよい。

免疫は、哺乳動物(例えばラット、マウス、ウサギなど)に投与することによ り行われる。抗原の1回の投与量は、マウスの場合1匹当たり $50\mu g$ である。投与 10 部位は、主として静脈内、皮下、腹腔内である。また、免疫の間隔は特に限定さ れず、数日から数週間間隔、好ましくは2~3週間間隔で、最低2~3回行う。そし て、最終免疫後、抗体産生細胞を採集する。抗体産生細胞としては、脾臓細胞、 リンパ節細胞、末梢血細胞等が挙げられるが、脾臓細胞が好ましい。

15

20

[細胞融合]

ハイブリドーマを得るため、抗体産生細胞とミエローマ細胞との細胞融合を行 う。抗体産生細胞と融合させるミエローマ細胞として、マウスなどの動物由来の 細胞であって一般に入手可能な株化細胞を使用することができる。使用する細胞 株として、薬剤選択性を有し、未融合の状態ではHAT選択培地(ヒポキサンチン、 アミノプテリン及びチミジンを含む) で生存できず、抗体産生細胞と融合した状 態でのみ生存できる性質を有するものが好ましい。例えば、ミエローマ細胞の具 体例としてはP3X63-Ag. 8. U1 (P3U1)、P3/NSI/1-Ag4-1、Sp2/0-Ag14などのマウス ミエローマ細胞株が挙げられる。

次に、上記ミエローマ細胞と抗体産生細胞とを細胞融合させる。細胞融合は、 25 血清を含まないDMEM、RPMI-1640培地などの動物細胞培養用培地中に、抗体産生細 胞とミエローマ細胞とを15:1~25:1の割合で混合し、ポリエチレングリコール等 の細胞融合促進剤存在のもとで、あるいは電気パルス処理(例えばエレクトロポレ ーション) により融合反応を行う。

[ハイブリドーマの選別及びクローニング]

細胞融合処理後の細胞から目的とするハイブリドーマを選別する。例えば、ヒポキサンチン、アミノプテリン及びチミジンを含む培地を用いて培養し、生育する細胞をハイブリドーマとして得ることができる。

5 次に、増殖したハイブリドーマの培養上清中に、目的とする抗体が存在するか否かをスクリーニングする。ハイブリドーマのスクリーニングは、通常の方法に従えばよく、特に限定されるものではない。例えば、ハイブリドーマとして生育したウェルに含まれる培養上清の一部を採集し、酵素免疫測定法 (ELISA; enzyme-linked immunosorbent assay)、RIA (radioimmuno assay)等によってスクリーニングすることができる。融合細胞のクローニングは、限界希釈法等により行い、最終的に単クローン抗体産生細胞であるハイブリドーマを樹立する。

[モノクローナル抗体の採取]

15

20

25

樹立したハイプリドーマからモノクローナル抗体を採取する方法として、通常の細胞培養法等を採用することができる。細胞培養法においては、ハイプリドーマを10%牛胎児血清含有 RPMI-1640培地又はMEM 培地等の動物細胞培養培地中、通常の培養条件 (例えば37%、5% CO_2 濃度) で $3\sim10$ 日間培養し、その培養上清から抗体を取得する。

上記抗体の採取方法において、抗体の精製が必要とされる場合は、硫安分画法、イオン交換クロマトグラフィー、アフィニティークロマトグラフィー、ゲルクロマトグラフィーなどの公知の方法を適宜に選択して、又はこれらの方法を組み合わせることにより精製することができる。

(本発明のタンパク質の製造)

本発明のタンパク質は、例えば、形質転換体を培養し、その培養物から採取することにより得ることができる。「培養物」とは、培養上清のほか、培養細胞若しくは培養菌体又は細胞若しくは菌体の破砕物のいずれをも意味するものである。「本発明の形質転換体を培養する方法」は、宿主の培養に適用される通常の方法に従って行われる。

大腸菌や酵母菌等の微生物を宿主として得られた形質転換体を培養する培地

10

15

20

25



としては、微生物が資化し得る炭素源、窒素源、無機塩類等を含有し、形質転換体の培養を効率的に行うことができる培地であれば、天然培地、合成培地のいずれを用いてもよい。炭素源としては、グルコース、フラクトース、スクロース、デンプン等の炭水化物、酢酸、プロピオン酸等の有機酸、エタノール、プロパノール等のアルコール類が用いられる。窒素源としては、アンモニア、塩化アンモニウム、硫酸アンモニウム、酢酸アンモニウム、リン酸アンモニウム等の無機酸若しくは有機酸のアンモニウム塩又はその他の含窒素化合物のほか、ペプトン、肉エキス、コーンスティープリカー等が用いられる。無機物としては、リン酸第一カリウム、リン酸第二カリウム、リン酸マグネシウム、硫酸マグネシウム、塩化ナトリウム、硫酸第一鉄、硫酸マンガン、硫酸銅、炭酸カルシウム等が用いられる。

培養は、好ましくは、振盪培養又は通気攪拌培養などの好気的条件下、37℃で6~24時間行う。培養期間中、pHは7.0~7.5に保持する。pHの調整は、好ましくは無機又は有機酸、アルカリ溶液等を用いて行う。培養中は必要に応じてアンピシリンやテトラサイクリン等の抗生物質を培地に添加してもよい。

プロモーターとして誘導性のプロモーターを用いた発現ベクターで形質転換した微生物を培養する場合は、必要に応じてインデューサーを培地に添加してもよい。例えば、Lacプロモーターを用いた発現ベクターで形質転換した微生物を培養するときにはイソプロピルーβーDーチオガラクトピラノシド (IPTG) 等を、trpプロモーターを用いた発現ベクターで形質転換した微生物を培養するときにはインドールアクリル酸 (IAA) 等を培地に添加してもよい。

動物細胞を宿主として得られた形質転換体を培養する培地としては、一般に使用されているRPMI1640培地、DMEM培地又はこれらの培地に牛胎児血清等を添加した培地等が用いられる。培養は、通常、 $5\%CO_2$ 存在下、37 $^{\circ}$ $^{\circ}$ $^{\circ}$ 00日行う。培養中は必要に応じてカナマイシン、ペニシリン等の抗生物質を培地に添加してもよい。

培養後、タンパク質が菌体内又は細胞内に生産される場合には、菌体又は細胞を破砕することによりタンパク質を抽出する。また、本発明のタンパク質が菌体外又は細胞外に生産される場合には、培養液をそのまま使用するか、遠心分離等

15

20

25



により菌体又は細胞を除去する。その後、タンパク質の単離精製に用いられる一般的な生化学的方法、例えば硫酸アンモニウム沈殿、ゲルクロマトグラフィー、イオン交換クロマトグラフィー、アフィニティークロマトグラフィー等を単独で又は適宜組み合わせて用いることにより、前記培養物中から本発明のタンパク質を単離精製することができる。この精製工程の間又は後において、プロテアーゼ処理により精製のために用いられた夕が配列を除去することができる。

(無細胞タンパク質合成系を用いるドメインを形成するタンパク質の製造方法)

10 本発明は、無細胞タンパク質合成系を用いる、配列番号1、3、5、7のいずれか一つに記載のアミノ酸配列を有するドメインを形成するタンパク質、および配列番号5に記載されたアミノ酸配列のN末端から0個~10個のアミノ酸残基が欠損し、更にC末端から0個~5個のアミノ酸残基が欠損したアミノ酸配列を有し、アミノ酸残基数が92~106であるタンパク質の製造方法も提供する。

無細胞タンパク質合成系は、細胞抽出液を用いて試験管内でタンパク質を合成する系である。「無細胞タンパク質合成系」は、mRNAの情報を読み取ってリボソーム上でタンパク質を合成する無細胞翻訳系、及びDNAを鋳型としてRNAを合成する無細胞転写系と無細胞翻訳系の両者を含む。無細胞タンパク質合成系は、系を容易に改変することができるため、目的のタンパク質に適した発現系を構築しやすいという利点がある。なお、無細胞タンパク質合成系の詳細については、特許公開2000-175695号などに記載されている。

[細胞抽出液]

粗細胞抽出液は、細菌(例えば大腸菌等)、菌類(例えば出芽酵母等)、小麦胚芽、ウサギ網赤血球、マウスLー細胞、エールリッヒ腹水癌細胞、HeLa細胞、CHO細胞等の、高いタンパク質合成活性の状態の真核および原核生物細胞からの抽出液であってもよい(Clemens, M. J., Transcriptionandtranslation-apracticalapproach, (1984), pp. 231-270, Henes, B. D. とHiggins, S. J. 編、IRLPress, Oxford)。

粗細胞抽出液はリボソーム、tRNAなどのタンパク質合成に必要な成分を含むことが好ましい。粗抽出液の調製は、例えばPratt, J. M. ら、Transcription and translation—apractical approach, (1984), pp. 179—209, Henes, B. D. とHiggins, S. J. 編, IRLPress, Oxfordに記載の方法を使用できる。具体的には、フレンチプレッスによる破砕(Prattら、上掲)やグラスビーズを用いた破砕によって行うことができる。好ましい細胞抽出液は大腸菌S30細胞抽出液である。S30細胞抽出液は、大腸菌BL21Codon Plus株から既知の方法、例えばPrattら(上掲)の方法に従って調製できるし、あるいはPromega社やNovagen社から市販されるものを使用してもよい。細胞抽出液としては、主に大腸菌、小麦胚、ウサギ網

[透析装置]

赤血球由来のものが使用される。

5 透析膜を介して内液と外液とを隔離して含む振とうもしくは攪拌可能な透析 装置を用いることができる。小スケール反応用装置としては、例えばDispo Dialyzer (登録商標) (Spectrum社製) やSlidealyzer (登録商標) (Pierce社製) が挙げられる。

また、大スケール反応用装置としては、Spectra/Por(登録商標) 透析用チューブ(Spectrum社製)を例示できる。

[透析内液]

20

無細胞タンパク質合成系における透析内液(すなわち、タンパク質合成反応液)には、大腸菌S30等の濃縮細胞抽出液の他に、目的のタンパク質をコードするDNAもしくはRNA(mRNA等)、ATP(アデノシン5'ー三リン酸)、 GTP(グアノシン5'ー三リン酸)、CTP(シチジン5'ー三リン酸)、 UTP(ウリジン5'ー三リン酸)、緩衝液、塩類、アミノ酸、RNアーゼ阻害剤、抗菌剤、必要によりRNAポリメラーゼ(DNAを鋳型として用いる場合)およびtRNA、などを含んでもよい。

その他、ATP再生系としてホスホエノールピルベートとピルビン酸キナーゼの組合わせまたはクレアチンホスフェートとクレアチンキナーゼの組合わせ、ポリエチレングリコール(例えば#8000)、3′,5′ーcAMP、葉酸類、RNアーゼ阻害剤、還元剤(例えばジチオトレイトール)、などを含むことができる。一方、透析外液(すなわち、タンパク質合成基質溶液)は、透析内液組成から細胞抽出液、RNアーゼ阻害剤、DNAもしくはRNA、RNAポリメラーゼを除いたものが使用できる。例えば、緩衝液、ATP、GTP、CTP、UTP、塩類、アミノ酸、抗菌剤などを含むことができる。添加成分の濃度は任意に

10

15

20

25

5

[緩衝液]

選択することができる。

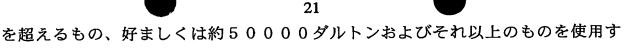
緩衝液としては、例えばHepes-KOH、Tris-OAcのような緩衝剤を使用できる。塩類の例は、酢酸塩(例えばアンモニウム塩、マグネシウム塩など)、グルタミン酸塩などであり、抗菌剤の例はアジ化ナトリウム、アンピシリンなどである。アミノ酸はタンパク質を構成する20種のアミノ酸である。また、DNAを鋳型として用いる場合にはRNAポリメラーゼを反応系に添加するが、例えばT7RNAポリメラーゼなどの市販の酵素を使用できる。

透析膜の内部に上記透析内液を、一方その外部に透析外液を入れた、膜の分子量限界に応じて物質が膜を介して移動可能とする閉鎖系を振とうまたは攪拌(回転攪拌など)し、生成した目的タンパク質を、透析内液または外液から回収することができる。温度および攪拌速度などの反応条件は、タンパク質の種類に応じて任意の条件を使用できる。タンパク質の合成の場合、温度は通常約25~約50℃、好ましくは37℃であるが、高度好熱菌由来の菌体抽出液を用いる無細胞タンパク質合成系では50℃を超える温度でもよい。

また、振とう速度もしくは攪拌速度は低速、例えば100~200rpmを使用できる。目的のタンパク質の生成を監視しながら、反応時間を適当に選択することができる。

上記無細胞タンパク質合成系の透析外液を、反応速度が低下した時点で新鮮なものと交換することが好ましい。また、透析膜の分子量限界が10000ダルトン

る場合には、タンパク質の生産量をさらに高めることができる。



[タンパク質の精製]

生成タンパク質の精製は、生細胞からの分離と比べて混在する汚染物質の量お よび種類が格段に少ないため、比較的容易に行うことができる。精製法は、タン パク質の性質に応じて従来公知のものを単独にまたは適宜組合わせて使用できる。 例えば硫酸アンモニウムもしくはアセトン沈殿、酸抽出、アニオンもしくはカチ オン交換クロマトグラフィー、疎水性相互作用クロマトグラフィー、アフィニテ ィークロマトグラフィー、ゲルろ過クロマトグラフィー、HPLC、電気泳動、 クロマトフォーカシングなどの慣用の技術を挙げることができる。この精製工程 の間又は後においてプロテアーゼ処理により、精製のために用いられたタグ配列 を除去することができる。生成タンパク質の同定および定量は、活性測定、免疫 学的測定、分光学的測定、アミノ酸分析などによって、必要に応じて標準サンプ ルと比較しながら行うことができる。

15

5

10

(スクリーニング方法)

本発明のスクリーニング方法としては、本発明のタンパク質またはその塩と候 補物質とを接触させる工程と、前記タンパク質と候補物質とが相互作用をするか どうかを確認する工程とを含む前記タンパク質と相互作用を有する化合物のスク リーニング方法が挙げられる。ここで、「相互作用を有する」とは、化合物とタ ンパク質が結合して、そのタンパク質の分子機能及び/又は生理活性を抑制また は増強すること、などをいう。このスクリーニング方法においては、そのタンパ ク質と候補物質を接触させて、そのタンパク質の分子機能または生理活性が変化 するか否かを測定する。

25

20

[NMRを用いた相互作用物質探索]

相互作用物質探索にNMRを用いる場合、候補物質の添加前後でのタンパク 質のシグナル変化の有無により、相互作用の有無を判定することができる。すな わち、相互作用候補物質がタンパク質と相互作用する場合には、タンパク質の相



互作用部位近傍に由来するNMRシグナルの化学シフト値、線幅、個数等に変化が起きることが期待されるので、その変化を検出することで相互作用の有無を判定できる。特に 15 Nで標識したタンパク質は調製が比較的容易であり、そこから得られる 15 N-HSQCスペクトルは、分解能や感度が比較的高く、添加した相互作用候補物質由来のNMRシグナルの影響を受けにくいため、その有用性は高い。

(定量方法)

5

10

25

本発明のタンパク質は、例えば本発明の抗体を用いることによっても定量する ことができる。抗体を用いたタンパク質の定量方法としては、例えば、サンドイ ッチ免疫測定法、競合法、イムノメトリック法、ネフメトリー法などが挙げられ る。また、放射性同位体や酵素、蛍光物質などの標識物質を用いて検出すること もできる。

(定量方法を用いたスクリーニング方法)

15 本発明の抗体は、本発明のタンパク質と特異的に結合するため、本発明の抗体 を用いることで、本発明のタンパク質と相互作用する化合物のスクリーングなど に用いることができる。この際のスクリーニング方法としては、公知のスクリー ニング方法を用いることができる。

なお、本発明の抗体を用いた、本発明のタンパク質の定量方法によれば、本発 20 明のタンパク質が関与する疾患の予防・診断を行うことができる。

(立体構造解析)

タンパク質の立体構造は、NMRによる構造解析、X線構造解析などによって解析することができる。

(NMR)

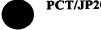
NMRに用いる試料としては、特に限定されるわけではないが、好ましくは、 タンパク質中の 12 C、または 14 Nを 13 C、 15 N核で安定同位体標識した試料を 用いる(多核多次元NMR測定)。タンパク質を安定同位体標識する技術は慣用

10

15

20

25



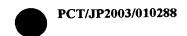
技術であり、例えば、Clore, G. M. & Gronenborn, A. M., Science, 252, p. 1390-1399, 1991等の文献に記載されている。特に、主鎖 15 N均一安定同位体標識したタンパク質試料を用いた解析が容易であり好ましい。また、タンパク質の主鎖の骨格を、 13 C、 15 N及び 2 Hのうち少なくとも2種類以上の同位体標識したものを使用してもよい(特表2001-514239)。

好ましくは、IPAP-HSQCスペクトルの観測等による 15N-1Hスピン 結合定数の測定を行う。「<math>IPAP-HSQCスペクトル」とは、準位相、反位相の2つのHSQCスペクトルを同時に観測し、両者のスペクトルの足しあわせをすることにより、シグナルのオーバーラップを防いで、効果的に <math>15N-1Hスピン結合定数を読みとるための測定法である。

2種類以上のNMR法により化学シフト帰属が行われる。例えば、2次元NMRとしては2D、DOQ-COSY、TOCSY、NOESY、HSQC等、多次元NMRとしては、HNCO、HCACO、HNCA、HCA(CO)N、HN(CO)CA、HNHB、CBCANH、H(CA)NH、HBHA(CO)NH、HCCH-COSY、HCANH、HCCH-TOCSY、HCACON、15N-NOESY-HSQC、13C-NOESY-HSQC等が公知技術として知られている。NMRの一般的手法は周知であり、例えば、「タンパク質のNMR」(共立出版、1996、荒田洋治);「日本生化学会編基礎生化学実験法第3巻タンパク質I、検出・構造解析法」第18章NMRによる立体構造解析(東京化学同人、2001年2月);伊藤隆ら、日本農薬学会誌21,p.450-459、1996;田中俊之、化学と工業第49巻第2号p.155-158、1996等に詳述されている。

立体構造解析にNMRを用いる場合、タンパク質の各プロトン間の核オーバーハウザー効果の大きさから各プロトン間の距離を見積もり、その距離情報に基づき立体構造を決定する方法が一般的である。化学シフト値、スカラーカップリング値、残余双極子カップリング値、水素結合等の情報を加えて立体構造を精密化することも可能である。

NMRデータから構造解析を行うための多くのプログラムが周知である。好ま



しくは、化学シフト帰属のためのものとして、NMR Pipe、PIPP、Capp、Felix、NMR View、XEASY、立体構造計算ソフトとしてX-PLOR、CNS、DYANA、DYNAMO等を用いて構造解析を行う。

5 (X線結晶構造解析)

10

25

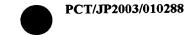
立体構造解析にX線結晶構造解析を用いる場合、結晶化させたタンパク質のX線回折像に基づき電子密度図を計算し、立体構造を決定する。すなわち、タンパク質を結晶化し、その結晶に単色化されたX線をあて、得られたX線の回折像をもとに、該蛋白質の3次元構造を明らかにしていくものである(Blundell, T. L. 及びJohnson, L. N., PROTEIN CRYSTALLOGRAPHY, 1-565頁, (1976) Academic Press, New York)。

(立体構造情報に基づくスクリーニング方法)

15 次に、本発明は、前記タンパク質の立体構造に関する情報を用いて、前記タンパク質の活性部位を決定する工程と、当該活性部位と相互作用する化合物をコンピュータ上で検索する工程とを含む、前記タンパク質またはその塩と相互作用する化合物のスクリーニング方法をも提供する。

20 (インシリコ スクリーニング)

分子の3次元構造に基づく薬物設計については、医薬品の開発・第7巻「分子設計」(廣川書店)をはじめとして数多くの総説がある。具体的には、第一にFlexiDock、FlexX等のフレキシブルリガンドバインディングシミュレーションソフトウエアを用いて、Oracle等のリレーショナルデータベースに格納された低分子(分子量1000以下)化合物のライブラリー(たとえば約150000種)をコンピュータでスクリーニングする。このライブラリー内の化学物質はCONCORD等のプログラムで3次元構造を指定し、活性部位にはめ込める物質を選択することができる。選ばれた物質の中からInsight IIやMOE等のシミュレーションプログラムを用いて肉眼により更によく活性部位にあてはまる化合物を絞り込む。一連の過程で利



用されるコンピュータソフトウエアは、いずれも以下のような市販のものである

FlexiDock: Tripos Inc. FlexX: Tripos Inc. CONCORD: Tripos Inc. Oracle: Oracle Corp. Insight II: Molecular Simulations Inc. MOE: Chemical Computing Group Inc.

他の方法は、未知の物質を含めた候補化合物のコンピュータによる設計である。この方法には、メチル、エチル等の化学基を活性部位に並べて適合するものを探す方法と、原子を活性部位にコンピュータプログラムを用いて並べていく方法とが知られている。

10

15

5

(ウエットスクリーニング)

本発明のタンパク質と相互作用する候補化合物の有力候補を選択するために、インシリコスクリーニングにより得られた候補化合物と本発明のタンパク質と接触させ、本発明のタンパク質の分子機能又は生理活性を測定する。候補化合物と本発明のタンパク質の立体構造データをもとに候補化合物を修飾し、より望ましい構造とする。

絞り込まれた化合物を合成し、実際に前記タンパク質と作用させ、スクリーニングする。前記タンパク質の活性を変化させた化合物を、更に動物実験によってインビトロでの活性や、体内動態、あるいは毒性等に関する試験を行う。

20 (相互作用する物質を含む医薬)

本発明のタンパク質と相互作用を有する物質は、そのタンパク質が関与する疾 患の予防及び/又は治療剤として用いることができる。そのような医薬は、経口 又は非経口的に全身又は局所投与することができる。

本発明の医薬を経口投与する場合は、錠剤、カプセル剤、顆粒剤、散剤、丸剤、 25 トローチ剤、内用水剤、懸濁剤、乳剤、シロップ剤等のいずれのものであっても よく、使用する際に再溶解させる乾燥生成物にしてもよい。また、本発明の医薬 を非経口投与する場合は、静脈内注射(点滴を含む)、筋肉内注射、腹腔内注射、 皮下注射、坐剤などの製剤形態を選択することができ、注射用製剤の場合は単位 投与量アンプル又は多投与量容器の状態で提供される。



これらの各種製剤は、製剤上通常用いられる賦形剤、増量剤、結合剤、湿潤剤、 崩壊剤、潤滑剤、界面活性剤、分散剤、緩衝剤、保存剤、溶解補助剤、防腐剤、 矯味矯臭剤、無痛化剤、安定化剤、等張化剤等などを適宜選択し、常法により製 造することができる。

上記各種製剤は、医薬的に許容される担体又は添加物を共に含むものであって 5 もよい。このような担体及び添加物の例として、水、医薬的に許容される有機溶 剤、コラーゲン、ポリビニルアルコール、ポリビニルピロリドン、カルボキシビ ニルポリマー、アルギン酸ナトリウム、水溶性デキストラン、カルボキシメチル スターチナトリウム、ペクチン、キサンタンガム、アラビアゴム、カゼイン、ゼ ラチン、寒天、グリセリン、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール、 10 ワセリン、パラフィン、ステアリルアルコール、ステアリン酸、ヒト血清アルブ ミン、マンニトール、ソルビトール、ラクトースなどが挙げられる。使用される 添加物は、本発明の剤型に応じて上記の中から適宜又は組み合わせて選択される。

広範囲に変えることができる。この場合、本発明のタンパク質の有効量と適切な 15 希釈剤及び薬理学的に使用し得る担体との組合せとして投与される有効量は、一 回につき体重1kgあたり0.01mg~1000 mgの範囲の投与量を選ぶことができ、好ま しくは1日1回から数回に分けて1日以上投与される。

本発明の医薬の投与量は、投与対象の年齢、投与経路、投与回数により異なり、

20 (配列の説明)

本明細書の配列番号は、以下の配列を示す。

[配列番号1]

CAP-Gly様ドメインタンパク質(KIAA0849 タンパク質(464-554)) のアミノ酸配列を示す。

25 「配列番号2]

配列番号1のタンパク質をコードするDNA配列を示す。

[配列番号3]

CAP-Gly様ドメインタンパク質(KIAA0849 タンパク質(454-554)) のアミノ酸配列を示す。

[配列番号4]

配列番号3のタンパク質をコードするDNA配列を示す。

「配列番号5]

CAP-Gly様ドメインタンパク質(KIAA0849 タンパク質(454-559))

5 のアミノ酸配列(配列番号 1 に示されるアミノ酸配列のN末端とC末端にそれぞれ アミノ酸残基NTAPVQESPP、VSNQIが付加したアミノ酸配列)を示す。

[配列番号6]

配列番号5のタンパク質をコードするDNA配列を示す。

[配列番号7]

10 CAP-G1y様ドメインタンパク質(KIAA0849 タンパク質(464-559) のアミノ酸配列を示す。

[配列番号8]

配列番号7のタンパク質をコードするDNA配列を示す。

[配列番号9]

15 以下の実施例で用いられるプライマーの塩基配列を示す。

「配列番号10]

以下の実施例で用いられるプライマーの塩基配列を示す。

「配列番号11]

以下の実施例で用いられるプライマーの塩基配列を示す。

20 [配列番号12]

以下の実施例で用いられるプライマーの塩基配列を示す。

[配列番号13]

以下の実施例で用いられるプライマーの塩基配列を示す。

[配列番号14]

25 以下の実施例で用いられるプライマーの塩基配列を示す。

「配列番号15]

以下の実施例で用いられるプライマーの塩基配列を示す。

[配列番号16]

以下の実施例で用いられるプライマーの塩基配列を示す。

[配列番号17]

以下の実施例で用いられるプライマーの塩基配列を示す。

[配列番号18]

以下の実施例で用いられるプライマーの塩基配列を示す。

5 [配列番号19]

以下の実施例で用いられるプライマーの塩基配列を示す。

[配列番号20]

配列番号1に示されるアミノ酸配列のN末端とC末端に複数のアミノ酸残基が付加したアミノ酸配列を示す。

10 [配列番号21]

IKK-gamma(1-419)のアミノ酸配列を示す。

[配列番号22]

配列番号21に示されるタンパク質の c DNAの塩基配列を示す。

15 実施例

以下に実施例を示して、本発明をより詳細に説明するが、これらは本発明の範囲を限定するものではない。

[実験例1]

- (1) ドメイン領域の推定
- ・20 ドメイン領域の推定を、以下の手順で行った。

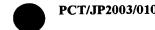
まず、1) <SCOP法>問い合わせ配列について、タンパク質データベースSCOP (Version1.55) に含まれる配列と相同性がある領域が検出された場合、その領域をドメインとして予測した。相同性検出手法としてBLASTPを利用し、E-valueが0.1以下のヒットがあった場合に、相同性があったと判断した。

- 2) < PFAM法>問い合わせ配列について、タンパク質モチーフデータベース PFAM (version6.5) に含まれる配列プロファイルと相同性がある領域が検出された場合、その領域をドメインとして予測した。相同性検出手法としてHMMERを利用し、E-valueが0.1以下のヒットがあった場合に相同性があったと判断した。
 - 3) <ProDom法>問い合わせ配列について、タンパク質モチーフデータベース

10

15

20



ProDom (2000年1月にWebより取得したバージョン) に含まれるコンセンサス配列 のいずれかに対して相同性がある領域が検出された場合、その領域をドメインと して予測した。相同性検出手法として、BLASTPを利用し、E-valueが0.1以下のヒ ットがあった場合に相同性があったと判断した。

- 4) <NR法>問い合わせ配列について、タンパク質配列データセット(NCBI-nr) に対してBLASTPによる相同性検索を行い、E-valueが0.1以下のヒットがあった場 合、その相同性領域をグループとしてまとめ、ドメインとして予測した。
 - 5) <PASS法>問い合わせ配列について、タンパク質配列データセット (NCBI-nr) に対してBLASTPによる相同性検索を行い、相同性が検出された頻度を 計算した。頻度の高い部分を山、低い部分を谷として表示し、谷となっている部 分でドメイン境界となるように、一つの山をドメインとして予測した。
 - 6) <No Hit法>以上1) から5) までの方法のいずれを用いてもドメイン として検出されなかった領域(残余領域)をドメインとして予測した。
- 7) <差分ドメイン境界設定法>上記6つのドメイン予測について、ヒット領 域が重なっている場合の優先順位は1)を最優先として、以下2)、3)、4)、 5)、6)の順序とし、ヒット領域が重なっているものの、ドメイン境界のずれ が30残基以上あり、かつ低い優先度での定義のほうがN末側あるいはC末側により 長く存在している場合は、その差分の配列を別途ドメインとして予測した。

以上のいずれかの方法で推定されたドメイン領域のうち、Low-Complexity領域 (複雑性の低い配列領域)を1箇所以上有するものや、全長30残基に未満のものは、 除外した。

KIAA0849タンパク質(CAP-Gly様ドメインタンパク質)のアミ ノ酸配列について上述のようにしてドメイン領域の推定を行い、NR法によりアミ ノ酸残基番号496-539の範囲をドメイン領域と推定した。このドメイン領域は、

Low-Complexity領域(複雑性の低い配列領域)をもたず、全長も30残基以上であ 25 るため、最終的にこの領域をパイオインフォーマティクスによるドメイン推定の 結果とした。

コンストラクトの製造 (2)

このKIAA0849タンパク質中のアミノ酸残基番号496番から539番まで



のアミノ酸配列を有するタンパク質(ここで、推定ドメインと称する。)につい て、後述の無細胞タンパク質合成系を用い、タンパク質合成反応を行った。その 後、得られた試料について定法に従ってSDSゲル電気泳動を行い、タンパク質の発 現状態を調べた。

その結果、推定ドメインのアミノ酸配列情報からは、目的とするタンパク質の 5 発現を行うことができなかった。

そこで、この推定ドメインのアミノ酸配列を基準にして、KIAAO849夕 ンパク質のアミノ酸配列に対し、該推定ドメインのドメイン境界の位置をN末端 およびC末端においてそれぞれ数残基ずつ伸ばしたり縮めたりしたコンストラク トを系統的に作成した。

即ち、例えばKIAAO849タンパク質のアミノ酸残基番号496番を基準と し、N末端側に10残基ずつ伸縮させ、またC末端側に10残基ずつ短縮させたパ ターンと、KIAA0849タンパク質のアミノ酸残基番号539番を基準とし、N 末端側に5残基ずつ短縮させ、またC末端側に5残基ずつ伸長させたパターンをそ れぞれ用意した。

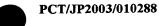
このようにして作成したコンストラクトを全て用いて、個々のパターンについ てタンパク質発現を行い、その発現状態をSDSゲル電気泳動にて評価した。

[実施例1]

10

15

- 本実施例では、上述のようにして作成したコンストラクトのうち、立体構造解 20 析に用いて好適なCAP-G1v様ドメインを有するKIAA0849タンパク 質 (464~554) : (配列番号1) について検討した結果を説明する。
 - (1) 発現ベクターの構築
 - 第1次PCR
- KIAA0849タンパク質をコードするcDNA (DDBJ accession No. 25 AB020656. 2) がプラスミドpBluescriptII SK+にクローン化されたプラスミドを 含む組換え大腸菌培養液を用いて、5'プライマー1(配列番号14)、3'プラ イマー1(配列番号15)を用いてPCRを行った。PCR反応液組成は、表1 に示す通りとし、プログラムは、通常のPCRのプロトコルに従った。



[表1] 第1次PCR反応の反応液組成

組成	濃度	添加量_	終濃度
鋳型プラスミド	(×1/10	3μ L	$(\times 3/200)$
)		
5'プライマー1	$0.25\mu\mathrm{M}$	4μ L	$0.05\mu\mathrm{M}$
3'プライマー1	0. $25\mu\mathrm{M}^{\circ}$	4μ L	$0.05\mu\mathrm{M}$
dNTPs(東洋紡)	2 mM	2μ L	0.2 mM
Expand HiFi緩衝液(15mM塩化マグネ	(10×)	2μ L	(1×)
シウム含有)(ロッシュ)			
滅菌蒸留水		4. 85 μ L	
DNAポリメラーゼ(ロッシュ)	3.5 U/	0. 15 μ L	0.02625 U/
	μL		μL
合計量		20 μ L	

5 ② 第2次PCR

10

次に、上記反応によって得られた第1次PCR産物と、T7プロモーター配列の下 流にHisタグ配列を有する5'プライマー2(配列番号17)とT7ターミネーター配 列を有する3'プライマー2(配列番号18)、及びユニバーサルプライマ-U2(配列 番号19)とを用いて、第2次PCRを行った。PCR反応液組成は、表2に示す通 りとし、プログラムは上記第1次PCRと同様とした。

[表2] 第2次PCR反応の反応液組成

組成	濃度	添加量	終濃度
第1次PCR産物(鋳型)	$(\times 1/5)$	5 μ L	$(\times 1/20)$
5'プライマー2	2μ M	$0.5 \mu L$	$0.05\mu\mathrm{M}$
3'プライマー2	2μ M	$0.5\mu\mathrm{L}$	$0.~05\mu\mathrm{M}$
ユニバーサルプライマーU2	100μ M	0. 2 μ L	1μ M

WO 2004/016781	32	P	CT/JP2003/010288
dNTPs(東洋紡)	2 mM	2μ L	0.2 mM
Expand HiFi緩衝液(15mM塩化マグネ	シ (10×)	2μ L	(1×)
ウム含有)(ロッシュ)			
滅菌蒸留水		9.65μ	
		L	
DNAポリメラーゼ(ロッシュ)	3.5 U/ μ	$0.~15~\mu$	0.02625 U/
	L	L	μ L
合計量		$20 \mu L$	

この結果、T7プロモーターの制御下で、Hisタグ配列とKIAA0849タンパク質 (464~554) との融合タンパク質を発現することのできる直鎖状二本鎖DNA断片を増幅できた。

5 ③ クローン化

上記第2次PCR反応により得られたDNA断片を、TOPO TA-クローニングキット (cloning kit) (インビトロジェン (invtrogen) 社) により、ベクターpPCR2.1 (インビトロジェン社) にクローン化することにより、発現ベクターP011213-03を構築した。

10

- (2) KIAA0849タンパク質(464~554) タンパク質の発現
- ① 透析法を用いた無細胞タンパク質合成法による¹⁵N標識 CAP-Gly様ドメインの合成

大腸菌S30抽出液は、Zubayら (Annu. Rev. Geneti. 7, 267-287, 1973) の方 15 法に従って、大腸菌BL21 コドン プラス (codon plus) 株から調製した。

タンパク質合成反応は、表3に示す反応液組成の反応液3ml、および表4に示す 透析外液組成の透析外液30mlのスケールで、液温を30℃に維持しつつ一晩行った。

「丰	2]	反応液組	रीत
1 2	3	火心性	$\mu \chi_{i}$

	1122 774	
_	組成	終濃度
Hepes-KOH (pH 7.	5)	58 mM

	33
DTT	1.8 mM
ATP	1. 2 mM
CTP	0.8 mM
GTP	0.8 mM
UTP	0.8 mM
クレアチンリン酸	80 mM
クレアチンキナーゼ	0.25 mg/mL
ポリエチレングリコール(平均分子量	. 8000) 4.0 %
3', 5'-cAMP	0.64 mM
L(-)-5-フォルミル-5, 6, 7, 8-テトラヒ	ドロ葉酸 68 μM
大腸菌トータルtRNA	175 μ g/mL
グルタミン酸カリウム	210 mM
酢酸アンモニウム	27.5 mM
酢酸マグネシウム	10.7 mM
[¹⁵ N] 標識体アミノ酸ミクスチャー	3 mg/mL
L-[15N] システイン	1 mM
L-[¹⁵N] トリプトファン	1 mM
L-[15N] グルタミン	1 mM
L-[¹⁵ N] アスパラギン	1 mM
アジ化ナトリウム	0.05 %
T7 RNA ポリメラーゼ	66.6 μ g/mL
S30抽出液	30 %
鋳型DNA (P011213-03)	1 μg/mL

PCT/JP2003/010288

[表4]透析外液組成

WO 2004/016781

組成	終濃度
Hepes-KOH (pH	58 mM
7. 5)	

WO 2004/016781	34	PCT/JP2003/010288
DTT	_	1.8 mM
ATP		1.2 mM
CTP		0.8 mM
GTP		0.8 mM
UTP		0.8 mM
クレアチリン酸		80 mM
クレアチリンキナーセ		0.25 mg/mL
ポリエチレングリコール(平均分子量	<u>t</u> . 8000)	4.0 %
3', 5'-cAMP		0.64 mM
L(-)-5-フォルミル-5, 6, 7, 8-テトラヒ	ドロ葉酸	$68~\mu\mathrm{M}$
グルタミン酸カリウム		210 mM
酢酸アンモニウム		27.5 mM
酢酸マグネシウム		10.7 mM
[¹⁵ N] 標識体アミノ酸ミクスチャー		3 mg/mL
L-[15N] システイン		1 mM
L-[¹⁵N] トリプトファン		1 mM
L-[¹⁵N] グルタミン		1 mM
L-[¹⁵N] アスパラギン		1 mM
アジ化ナトリウム		0.05 %

② SDSゲル電気泳動による発現状態の判定

10

合成反応終了後、常法に従ってSDSゲル電気泳動を行い、得られたタンパク質 の発現状態を判定した。

その結果を図1 (a) に示す。図1 (a) から、KIAA0849タンパク質 (464~554) (配列番号1に記載のアミノ酸配列を有するCAP-G1y様ドメ インタンパク質) が発現していることが確認できた。なお、図1(a)において、 第1レーンは精製時の目的フラクションを含むタンパク質、Mはマーカーレーン を表す。

[実施例2~4]

5

10

20

以下に説明する実施例2~4では、上述のようにして作成したコンストラクト のうち、KIAA0849タンパク質(454~554)(実施例2)、KIAA08 49タンパク質(454~559) (実施例3)、KIAA0849タンパク質(464~ 559) (実施例4) について検討した。それらの結果を、以下に説明する。

実施例1における第1次PCR、及び第2次PCRに用いた各種プライマーをそ れぞれ表5に示すように代え、それ以外は実施例1と同様にして発現ベクターを構 築し、得られた直鎖状二本鎖DNA断片を鋳型DNAとしてタンパク質合成を行 った。

【表 5】	第1次と(こK及ひ弟。	2 次 P C R	で用いた谷」	ノフィマーの配え	り世つ
	第1次	PCR		第2次P(C R	
# ## ##	5,プライ	3,プライ	5,プライ	3,プライ	フーバーサル	

	第 1 次	第1次PCR		第 2 次 P C R		
実施例	5'プライ	3'プライ	5'プライ	3'プライ	ユニバーサル	
番号	マー1	マー1	マー2	マー2	プライマ-	
1	配列番号	配列番号	配列番号	配列番号	配列番号19	
	14	1 5	17	18		
2	配列番号	配列番号	配列番号	配列番号	配列番号19	
	1 3	1 5	17	18		
3	配列番号	配列番号	配列番号	配列番号	配列番号19	
	1 3	16	1 7	1 8		
4	配列番号	配列番号	配列番号	配列番号	配列番号19	
	1 4	1 6	1 7	18		

合成反応終了後、実施例1と同様にして、SDSゲル電気泳動による発現状態の 15 判定を行った。

その結果を、図1 (b) ~図1 (d) 示す。図1 (b) は、実施例2のSDS ゲル電気泳動図を示し、図1(c)は、実施例3のSDSゲル電気泳動図を示し、 図1 (d) は、実施例4のSDSゲル電気泳動図を示す。なお、図1 (b) ~図 1 (d) において、第1レーンは精製時の目的フラクションを含むタンパク質、 Mはマーカーレーンを表す。図1(b)には、KIAA0849タンパク質(454) ~554) に対応する位置にバンドが見られる。このことから、実施例2において、



KIAA0849タンパク質 ($454\sim554$) が発現したことがわかる。また、図1 (b) と同様にして、図1 (c) から、実施例3において、KIAA0849タンパク質 ($454\sim559$) が発現したことがわかる。さらに、図1 (d) から実施例4において、KIAA0849タンパク質 ($464\sim559$) が発現したことがわかる。

5

20

25

[比較例1~3]

上述のようにして作成したコンストラクトのうち、KIAA0849タンパク質のアミノ酸残基番号474番目から539番目のアミノ酸配列を有するポリペプチドa(比較例1)、アミノ酸残基番号454番目から539番目のアミノ酸10配列を有するポリペプチドb(比較例2)、及びアミノ酸残基番号454番目から549番目のアミノ酸配列を有するポリペプチドc(比較例3)について、上述の実施例1と同様にして発現ベクターを構築し、得られた直鎖状二本鎖DNA断片を鋳型DNAとしてタンパク質合成を行った。この際、実施例1における第1次PCRに用いた各種プライマーとしては、本比較例に適したものとして設計した7ミノ酸配列のものに代えた。

そして、得られた試料について、SDSゲル電気泳動により発現状態の判定を行った。図2に比較例におけるSDSゲル電気泳動図を示す。図2(a)は比較例1のSDSゲル電気泳動図を示し、図2(b)は比較例2のSDSゲル電気泳動図を示し、図2(c)は比較例3のSDSゲル電気泳動図を示す。なお、第1レーンは生成物全体を表し、第2レーンは上清、Mはマーカーレーンを表す。

図 2 (a) において、ポリペプチド a のアミノ酸配列から推定される分子量であるMW=1 1.1 k D a の位置にバンドが現れていない。したがって、図 2 (a) から、比較例 1 においては、目的とするタンパク質が発現しなかったことがわかる。

また、図2(b)においても、ポリペプチドbのアミノ酸配列から推定される 分子量である13.1kDaの位置にバンドが現れていない。したがって、図2 (b)から、比較例2においては、目的とするタンパク質が発現しなかったこと がわかる。

次に図2(c)においては、ポリペプチドcのアミノ酸配列から推定される分



子量である14.2kDaに対応する位置よりも、上側にバンドが現れた。したがって、図2(c)から、比較例3では、目的とするタンパク質が良好な発現状態で得られていないことがわかる。

37

5 [実施例5]

上記の実施例1~4の各種目的タンパク質(配列番号1、配列番号3、配列番号5、配列番号7に記載されたタンパク質)について、構造安定性を評価した。

(1) ¹⁵N標識ドメインの精製

10 まず、上記の実施例1~4の各種目的タンパク質の精製を行った。

15N標識ドメインタンパク質の精製には、ヒスチジンタグとニッケルの親和性を利用した。精製に関する操作を、4℃の温度環境の下で行った。合成反応終了後、3 m1の反応液を4.2 m1の洗浄緩衝液 [50 mMリン酸ナトリウム (pH 8.0)/300 mM塩化ナトリウム/10 mMイミダゾール]で希釈、回収し、1960×g、5分間遠心して沈殿を取り除いた。次に、得た上清を0.8 m1のNi-NTA樹脂 (キアゲン社) に通して吸着させ、9.6 m1の洗浄緩衝液を通すことで夾雑物を除去した。最後に4 m1の溶出緩衝液 [50 mMリン酸ナトリウム (pH 8.0)/300 mM塩化ナトリウム/500 mMイミダゾール]を通すことで、サンプルを樹脂から遊離させた。以上の手順により、0.88 mgの精製サンプルを得た。

20

25

15

(2) 構造安定性評価のための試料調製

精製サンプルをNMR測定に適した溶媒にするために、20 mMリン酸ナトリウム (pH 6.0)/100 mM塩化ナトリウム溶液に置換した。その後、サンプルを0.25 ml (サンプル濃度0.28 mM) になるまで濃縮した。以上の操作を、限外ろ過装置(ビバスピン2; ザルトリウス社)を用いて行った。最後に0.03 mlの重水を濃縮したサンプルに添加して、構造安定性評価用試料とした。

(3) NMR測定による構造安定性評価

NMR測定用のサンプル管として、シゲミ社の対称型ミクロ試料管(5 mmプロー

15

20



ブ用)を用いた。NMR測定は、600 MHzのNMR装置(Avance600; ブルカー社) で、温度25℃のもとで行った。判定には、Hの1次元スペクトル(以後1Dスペクト ルと略記)、および'H-¹⁵N 2 次元HSQCスペクトル(以後¹⁵N-HSQCスペクトルと略記) を用いた。その条件は下表6のとおりであった。 NMR測定結果を図3~図6に 示す。

「表6」構造安定性評価のためのNMR測定条件

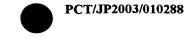
スペクトル	積算回数	中心周波数	スペクトル幅	データポイント	
				数	
1D	128	¹ H: 2822 Hz	¹H: 8013 Hz	¹H: 8192	
15N HSQC	16	¹ H: 2822 Hz	¹H: 8013 Hz	¹H: 2048	
		¹⁵ N: 7085 Hz	¹⁵ N: 2190 Hz	¹⁵ N: 128	

図3~図6は、それぞれ配列番号1、配列番号3、配列番号5、配列番号7に 10 記載されたタンパク質の1次元核磁気共鳴スペクトルと「H - 「5N HSQCスペクトル を示す。なお、図3~図6において、図(a)は、1次元核磁気共鳴スペクトル を表し、図(b)は、'H - ¹⁵N HSQCスペクトルを表す。

図3 (a) ~図6 (a) には、1次元核磁気共鳴スペクトルのメチル領域の高 磁場側(0.7ppmから-0.5ppm付近)に、高磁場シフトしたシグナルが認められた。ま た、図3 (b) ~図6 (b) には、¹⁵N-HSQCスペクトルには、7ppmから9ppmにわ たって分離したアミドプロトンのシグナルが認められた。

これらのシグナルの現れ方は、安定な立体構造を形成しているタンパク質に特 徴的なシグナルの現れ方であることから、上記実施例1~4で得られた各タンパ ク質は安定な立体構造を形成していると判定した。

以上のように、上記の実施例1~4においては、全長KIAA0849タンパ ク質からコンピュータによりタンパク質の構造・機能を有する構成要素(ドメイ ン)のアミノ酸配列を予測して、予測した領域を基準として種々のコンストラク トを全て作成してタンパク質発現を行い、実際に取得したタンパク質をSDSゲル電



気泳動でその発現状態を確認した。さらに安定な立体構造を有するか否かをNMRの測定結果に基づいて評価し、全てのタンパク質について優れた構造安定性を確認した。

したがって、本実施例により、実際に安定な立体構造をもつ(フォールドする) CAP-Gly様ドメインのアミノ酸配列を正確に決定できたことが確認された。

また、このような分子量の小さい、ドメインを形成するタンパク質を用いることで、精度の高い立体構造解析を比較的容易に行うことが可能となった。

そこで、実施例1のKIAA0849タンパク質(464~554):配列番号1に 10 示されるアミノ酸配列を有するCAP-Gly様ドメインタンパク質を用いて、 以下のようにして立体構造解析を行った。

[実施例6]

15

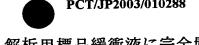
20

ヒトターバン腫瘍症候群に関与するガン抑制遺伝子(KIAA0849)産物に 含まれるCAP-Gly様ドメインタンパク質のNMRによる構造決定

(1) ¹³C¹⁵N標識ドメインの精製

全ての炭素核および窒素核をそれぞれ安定同位体である炭素13、窒素15により 置換した配列番号20に記載されたタンパク質を、上述の無細胞タンパク質発現 系により作成した。配列番号20に記載されたタンパク質は、配列番号1に記載 されたタンパク質のN末端にGSSGSSG、C末端にSGPSSGで表されるアミノ酸残基を 付加したものであり、これらの付加配列は立体構造には影響を与えないものであ る。したがって、配列番号20に記載されたタンパク質の立体構造を解析すれば、 配列番号1に記載された本発明のタンパク質の立体構造に関する情報を得ること ができる。

25 得られた高純度標品を高速遠心機用の限外濾過膜付タンパク質濃縮器を用いて標品濃度がおよそ0.8mM となるまで濃縮した。その後、NMR解析用標品緩衝液により濃縮液を10倍に希釈した。この濃縮、希釈の操作を3回繰返し、標品精製用の緩衝液をNMR解析用標品緩衝液に完全に置換した。用いたNMR解析用標品緩衝液の組成は、20mM リン酸ナトリウム緩衝液、100mM塩化ナトリウム、1 mM



ジチオスレイトールであり、pHは6.0であった。NMR解析用標品緩衝液に完全置 換された標品の最終的な標品濃度は、およそ0.8mM であった。得られた標品を、 外径5mmのNMR測定用試料管に注入した後、25℃にて2時間保存することにより 安定化させた。

5

(2) NMR測定

NMR実験には、スイス・ブルカー社製DRX600およびDRX800を使用した。全て の測定を25℃の温度環境下で行った。主鎖シグナルの帰属を目的としたNMR実 験として、二次元スペクトルは¹H-¹5N HSQC、三次元スペクトルはHNCO、HN (CO) CA、 HNCA, CBCA (CO) NH, HNCACB, HBHA (CBCACO) NH, H (CCCO) NH, C (CCCO) NH, 15N-edited NOESY を測定した。また、側鎖シグナルの帰属を目的としたNMR実験として、 二次元スペクトルは「H-13C HSQC、三次元スペクトルは脂肪族系側鎖用HCCH-COSY、 同HCCH-TOCSY、同13C-edited NOESY、芳香族系側鎖用HCCH-COSY、同13C-edited NOESY さらにHNHB、HN (CO) HBを測定した。

15

20

25

10

(3) 測定データの解析

測定データを、アメリカ・シリコングラフィックス社製ワークステーションオ クタン (Octane) 2、およびオリジン (Origin) 3800を用いてフーリエ変換計算を 行い、各二次元および三次元スペクトルを得た。得られたスペクトルデータに基 づいて、アミノ酸残基における主鎖シグナルとして α 位および β 位の炭素核であ る $C\alpha$ と $C\beta$ 、カルボニル基の炭素核であるC'、 α 位および β 位の水素核であるHαとHβ、アミド基の水素核であるHN、アミド基の窒素核であるNを連鎖的に帰属 した。この手法は、まずHN (CO) Ca上で隣接残基のCαシグナルの化学シフト値に一 致するシグナルをHNCA上で検索し、自身と隣接する残基のCαシグナルの連鎖性を 明らかにする。この操作を繰り返すことによりプロリン残基および何らかの原因 でシグナルが観測できない場合を除く全てのCαシグナルを連鎖的に帰属できる。 同様の操作を行うことにより、C(CCCO)NH 、CBCA(CO)NHと HNCACBによりCβシグ ナル、H (CCCO) NH、HBHA (CBCACO) NHと15N-edited NOESYによりHa、 Hβシグナル、 さらにHNCOによりC'シグナルを帰属することで、より正確に帰属を行うことがで

10

15

· 25



きる。さらに、得られた主鎖帰属情報および側鎖帰属用に測定したスペクトルデ ータを用いて γ 、 δ 、 ϵ 、 ζ 、 η 位の炭素核、窒素核、水素核の帰属を行う。以 上の操作によりほぼ全てのアミノ酸残基に対するシグナルの帰属データを得た。 また、15N-edited NOESY上の1142個のシグナル、脂肪族系側鎖用¹³C-edited NOESY 上の2158個のシグナル、芳香族系側鎖用¹³C-edited NOESY上の209個のシグナルか ら距離制限データを得た。主鎖帰属の際に得られた $C\alpha$ 、 $C\beta$ 、C'、 $H\alpha$ 、 $H\beta$ 、HN、 Nシグナルの化学シフト値から、ポリペプチド主鎖二面角であるφ角、およびψ角 を高精度で予測するソフトウエアTALOSを用いて、42残基に対するφ、ψ角データ を得た。さらに、HNHBおよびHN (CO) HBのシグナルパターンから35残基における側 鎖二面角であるχ角のデータを得た。これらシグナルの帰属データ、距離制限デ ータ、φ、ψ、χ角度制限データを元に、タンパク質立体構造計算用ソフトウエ アであるCNSを用いてドメイン構造の計算を行った。得られた立体構造に基づいて、 供した距離制限が満たされていないNOE群を比較検討しながら最適化を行った。こ れを繰返すことで最終的に全ての角度制限と2667個の距離制限を用いて計算し、 エネルギー的に安定した立体構造20個を得た。これら構造において二次構造を形 成するアミノ酸残基部分の収斂度は、主鎖の原子団に対して0.29Å、側鎖を含め た水素原子以外の全原子団に対しては0.76Åであった。

(4) 立体構造座標

20 得られた構造座標を以下の立体構造座標1~20に示す。

以下の立体構造座標データは、プロテインデータバンク(PDB)のフォーマットに準じて記載されているものである。1列目のATOMはこの行が原子座標の行であることを示し、2列目は、その原子の順番を、3列目はアミノ酸残基等における原子の区別を、4列目はアミノ酸残基等を、5列目は配列番号20に対応したアミノ酸の番号を、6、7、8列目はその原子の座標(a軸、b軸、c軸方向の順番でÅ単位)を、9列目は、その原子の占有率(本発明においてはすべて1.00)を、10列目はその原子の温度因子を示している。最終行は、この表の終わりの行であることを示している。



立体構造座標表1

		1,40,4	200.20					
	ATOM 1	N	GLY A	1120. 138	11. 140	-2.903	1. 00	0.00 N
	ATOM 2	CA	GLY A	1120. 658	10. 305	-1. 785	1. 00	0.00 C
	ATOM 3	C	GLY A	1120. 202	8.862	-1. 879	1. 00	0.00 C
5	ATOM 4	0	GLY A	1119. 025	8. 590	-2. 119	1. 00	0.000
	ATOM 5	1H	GLY A	1120. 758	11. 050	-3. 733	1. 00	0.00 H
	ATOM 6	2H	GLY A	1120. 103	12. 139	-2. 617	1. 00	0.00 H
	ATOM 7	3H	GLY A	1119. 180	10. 832	-3. 164	1. 00	0.00 H
	ATOM 8	1HA	GLY A	1121. 737	10. 331	-1. 802	1. 00	0.00 H
10	ATOM 9	2HA	GLY A	1120. 312	10.720	-0.850	1. 00	0.00 H
	ATOM10	N	SER A	2121. 135	7. 935	-1. 688	1. 00	0.00 N
•	ATOM11	CA	SER A	2120. 822	6. 512	-1. 752	1. 00	0.00 C
	ATOM12	C	SER A	2119. 883	6. 109	-0.621	1. 00	0.00 C
	ATOM13	0	SER A	2119. 959	6.647	0.484	1. 00	0.000
15	ATOM14	CB	SER A	2122. 107	5. 683	-1. 684	1. 00	0. 00 C
	ATOM15	0G	SER A	2122. 628	5. 441	-2. 980	1.00	0.000
	ATOM16	H	SER A	2122. 055	8. 214	-1. 500	1. 00	0.00 H
	ATOM17	HA	SER A	2120. 333	6. 322	-2. 695	1. 00	0.00 H
	ATOM18	1HB	SER A	2122. 846	6. 217	-1. 107	1. 00	0.00 H
20	ATOM19	2HB	SER A	2121. 896	4. 735	-1. 211	1. 00	0.00 H
	ATOM20	HG	SER A	2122. 628	6. 259	-3. 482	1. 00	0.00 H
	ATOM21	N	SER A	3118. 997	5. 160	-0. 902	1. 00	0.00 N
	ATOM22	CA	SER A	3118. 042	4. 685	0. 092	1. 00	0.00 C
	ATOM23	C	SER A	3118. 645	3. 564	0. 933	1. 00	0.00 C
25	ATOM24	0	SER A	3118. 658	2. 404	0. 523	1. 00	0.000
	ATOM25	CB	SER A	3116. 764	4. 194	-0. 591	1. 00	0.00 C
	ATOM26	0G	SER A	3117. 063	3. 463	-1. 768	1. 00	0.000
	ATOM27	H	SER A	3118. 986	4. 769	-1. 801	1. 00	0.00 H
	ATOM28	HA	SER A	3117. 798	5. 513	0. 739	1. 00	0.00 H

WO 20	04/016	781		43			PCT/J
ATOM29	1HB	SER A	3116. 220	3. 553	0. 087	1. 00	0.00 H
ATOM30	2HB	SER A	3116. 152	5. 044	-0.854	1. 00	0.00 H
ATOM31	HG	SER A	3117. 138	4. 068	-2. 510	1. 00	0.00 H
ATOM32	N	GLY A	4119. 143	3. 920	2. 114	1. 00	0.00 N
ATOM33	CA	GLY A	4119. 741	2. 933	2. 993	1. 00	0.00 C
ATOM34	C	GLY A	4119. 727	3. 367	4. 446	1. 00	0.00 C
ATOM35	0	GLY A	4118. 924	4. 213	4. 840	1. 00	0.000
ATOM36	H	GLY A	4119. 105	4.860	2. 388	1. 00	0.00 H
ATOM37	1HA	GLY A	4119. 195	2. 005	2. 901	1. 00	0.00 H
ATOM38	2HA	GLY A	4120. 764	2. 767	2. 689	1. 00	0.00 H
ATOM39	N	SER A	5120.616	2. 785	5. 244	1. 00	0.00 N
ATOM40	CA	SER A	5120. 703	3. 116	6. 662	1. 00	0. 00 C
ATOM41	C	SER A	5122. 050	3. 754	6. 990	1. 00	0. 00 C
ATOM42	0	SER A	5122. 125	4. 697	7. 777	1. 00	0.000
ATOM43	CB	SER A	5120. 499	1.861	7. 513	1. 00	0. 00 C
ATOM44	0G	SER A	5119. 829	2. 169	8. 723	1. 00	0.000
ATOM45	H	SER A	5121. 230	2. 118	4. 870	1. 00	0.00 H
ATOM46	HA	SER A	5119. 919	3.824	6.886	1. 00	0.00 H
ATOM47	1HB	SER A	5119. 907	1. 147	6. 961	1. 00	0.00 H
ATOM48	2HB	SER A	5121.461	1. 428	7. 747	1. 00	0.00 H
ATOM49	HG	SER A	5120. 475	2. 376			
ATOM50	N	SER A	6123. 109			1. 00	
ATOM51	CA	SER A	6124. 454	3. 751		1. 00	
ATOM52	С	SER A				1. 00	
ATOM53	0	SER A					
ATOM54	CB	SER A					
ATOM55	OG	SER A	6126. 514	2. 846	7. 526	1. 00	0.000

10

15

20

25

 ${\tt ATOM56}$

 ${\tt ATOM57}$

H

HA

SER A

SER A

6122.985

6124.467

2. 481

4. 223

5.763

7. 579

1.00

1.00

0.00 H

0.00 H

	WO 20	04/0167	781			44			PCT/JI
	ATOM58	1HB	SER	A	6124. 978	1. 686	6. 853	1. 00	0.00 H
	ATOM59	2HB	SER	A	6125. 901	2. 525	5. 606	1. 00	0.00 H
	ATOM60	HG	SER	A	6126. 892	2. 007	7. 803	1. 00	0.00 H
	ATOM61	N	GLY	A	7125. 235	5. 968	6.007	1. 00	0.00 N
5	ATOM62	CA	GLY	A	7125. 610	7. 027	5. 088	1. 00	0. 00 C
	ATOM63	С	GLY	A	7127. 112	7. 214	5. 001	1. 00	0.00 C
	ATOM64	0	GLY	A	7127. 869	6. 243	5. 033	1. 00	0.000
	ATOM65	H	GLY	A	7125. 286	6. 119	6. 974	1. 00	0.00 H
	ATOM66	1HA	GLY	A	7125. 230	6. 788	4. 107	1. 00	0.00 H
10	ATOM67	2HA	GLY	A	7125. 161	7. 951	5. 421	1. 00	0.00 H
	ATOM68	N	LEU	A	8127. 545	8. 467	4. 889	1. 00	0.00 N
	ATOM69	CA	LEU	A	8128. 966	8. 780	4. 795	1.00	0.00 C
	ATOM70	C	LEU	A	8129. 559	8. 221	3. 505	1. 00	0. 00 C
	ATOM71	0	LEU	A	8130. 682	7. 717	3. 493	1. 00	0.000
15	ATOM72	CB	LEU	Α	8129. 719	8. 220	6.004	1. 00	0. 00 C
	ATOM73	CG	LEU	A	8129. 030	8. 435	7. 352	1. 00	0. 00 C
	ATOM74	CD1	LEU	A	8129. 288	7. 256	8. 279	1.00	0. 00 C
	ATOM75	CD2	LEU	A	8129. 506	9. 731	7. 991	1. 00	0.00 C
	ATOM76	H	LEU	I A	8126. 893	9. 197	4. 867	1. 00	0.00 H
20	ATOM77	HA	LEU	JA	8129.068	9.855	4. 786	1. 00	0.00 H
	ATOM78	1HB	LEU	J A	8129. 853	7. 157	5. 856	1. 00	0.00 H
	ATOM79	2HB	LEU	J A	8130. 692	8. 685	6. 043	1. 00	0.00 H
	ATOM80	HG	LEU	J A	8127. 964	8. 510	7. 196	1. 00	0.00 H
	ATOM81	1HD 1	LEU	J A	8129. 004	7. 522	9. 286	1. 00	0.00 H
25	ATOM82	2HD1	LE	J A	8130. 337	7. 002	8. 254	1. 00	0.00 H
	ATOM83	3HD1	LE	JA	8128. 704	6. 408	7. 952	1. 00	0.00 H
	ATOM84	1HD2	2 LEI	U A	8130. 301	9. 516	8. 691	1. 00	0.00 H
	ATOM85	2HD2	2 LE	U A	8128. 684	10. 199	8. 512	1. 00	0.00 H
	ATOM86	3HD2	2 LE	U A	8129. 872	10. 397	7. 224	1. 00	0.00 H

WO 20	04/0167	781				4	5		PO	CT/JP2003/010288
ATOM87	N	ALA	A	9128	. 795	8. 314	2. 42	23 1.00	0. 00	N
ATOM88	CA	ALA	A	9129	. 241	7. 818	1. 12	28 1.00	0.00	C
ATOM89	С	ALA	A	9129	. 592	8. 968	0. 19	1. 00	0.00	C
ATOM90	0	ALA	A	9128	3. 799	9. 890	0.00	00 1.00	0.00	0
ATOM91	CB	ALA	A	9128	3. 171	6. 934	0. 50	1. 00	0.00	C
ATOM92	Н	ALA	A	9127	7. 908	8. 725	2. 49	97 1.00	0.00	H
ATOM93	HA	ALA	A	9130). 123	7. 216	1. 28	89 1.00	0.00	H
ATOM94	1HB	ALA	A	9127	7. 782	6. 258	3 1. 29	51 1.00	0.00	H
ATOM95	2HB	ALA	A	9128	8. 602	6. 365	-0.30	08 1.00	0.00	Н
ATOM96	3HB	ALA	A	912	7. 369	7. 552	2 0. 13	26 1.00	0.00	H
ATOM97	N	MET	A	1013	0. 785	8. 908	3 -0.3	89 1.00	0.00	N
ATOM98	CA	MET	A	1013	1. 242	9. 94	5 -1.3	06 1.00	0.00	C
ATOM99	C	MET	A	1013	1. 920	9. 33	1 -2.5	28 1.00	0.00	C
ATOM	100	0	ME	T A	10133.	135	9. 442	-2. 697	1. 00	0.000
ATOM	101	СВ	ME	T A	10132.	206	10. 896	-0. 594	1. 00	0.00 C
ATOM	102	CG	ME	TA	10131.	. 568	11. 663	0. 553	1. 00	0.00 C

10

25

15 103 SD MET A 10132.377 13. 245 0.863 1.00 0.00 S ATOM 14.013 -0.7511.00 0.00 C ATOM 104 CE MET A 10132. 247 0.00 H 8. 148 -0.1971.00 ATOM 105 H MET A 10131.373 -1.6320.00 H 10130.376 10.503 106 HA MET A 1.00 20 ATOM 10133.031 10.321 -0.2001.00 0.00 H ATOM 107 1HB MET A -1.3101.00 0.00 H ATOM 108 2HB MET A 10132. 585 11.609 0.314 1.00 0.00 H 109 1HG MET A 10130.531 11.846 ATOM

1.00 0.00 H 110 2HG MET A 10131.629 11.062 ATOM 1. 448 -1.2001.00 0.00 H 111 1HE MET A 10133. 228 14.073 ATOM 112 2HE MET A 10131.839 15.007 -0.6441.00 0.00 H ATOM MET A -1.3801.00 0.00 H ATOM 113 3HE 10131.598 13. 422 -3.4021.00 PRO A 11131. 139 8.673 0.00 N ATOM 114 N -4.613CA PRO A 8.043 1.00 11131.671 0.00 C ATOM 115

WO 2004/016781		46	PCT/JP2003/010288
----------------	--	----	-------------------

	ATOM	116	C	PRO A	11132. 451	9. 024	-5. 486	1. 00	0. 00 C
	ATOM	117	0	PRO A	11133. 544	8. 709	-5. 957	1. 00	0.000
	ATOM	118	CB	PRO A	11130. 423	7. 547	-5. 350	1. 00	0.00 C
	ATOM	119	CG	PRO A	11129. 365	7. 447	-4. 304	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	120	CD	PRO A	11129. 682	8. 497	-3.277	1. 00	0. 00 C
	ATOM	121	HA	PRO A	11132. 304	7. 202	-4. 372	1. 00	0.00 H
	ATOM	122	1 HB	PRO A	11130. 152	8. 253	-6. 120	1. 00	0.00 H
	ATOM	123	2HB	PRO A	11130. 626	6. 585	-5. 795	1. 00	0.00 H
	ATOM	124	1HG	PRO A	11128. 400	7. 638	-4. 744	1. 00	0.00 H
10	ATOM	125	2HG	PRO A	11129. 387	6. 466	-3. 855	1. 00	0.00 H
	ATOM	126	1HD	PRO A	11129. 162	9. 416	-3. 504	1. 00	0.00 H
	ATOM	127	2HD	PRO A	11129. 421	8. 149	-2. 288	1. 00	0.00 H
	ATOM	128	N	PRO A	12131. 907	10. 235	-5. 713	1. 00	0.00 N
	ATOM	129	CA	PRO A	12132. 573	11. 253	-6. 531	1. 00	0.00 C
15	ATOM	130	C	PRO A	12133. 937	11. 637	-5. 966	1. 00	0.00 _C
	ATOM	131	0	PRO A	12134. 781	12. 188	-6. 673	1. 00	0.000
	ATOM	132	CB	PRO A	12131. 618	12. 453	-6. 477	1. 00	0.00 C
	ATOM	133	CG	PRO A	12130. 301	11. 882	-6. 078	1. 00	0.00 C
	ATOM	134	CD	PRO A	12130. 613	10. 712	-5. 191	1. 00	0.00 C
20	ATOM	135	HA	PRO A	12132. 688	10. 926	-7. 553	1. 00	0.00 H
	ATOM	136	1HB	PRO A	12131. 975	13. 167	-5. 750	1. 00	0.00 H
	ATOM	137	2HB	PRO A	12131. 566	12. 918	-7. 451	1. 00	0.00 H
	ATOM	138	1HG	PRO A	12129. 729	12. 621	-5. 537	1. 00	0.00 H
	ATOM	139	2HG	PRO A	12129. 761	11. 555	-6. 954	1. 00	0.00 H
25	ATOM	140	1HD	PRO A	12130. 705	11. 030	-4. 163	1. 00	0.00 H
	ATOM	141	2HD	PRO A	12129. 854	9. 952	-5. 287	1. 00	0.00 H
	ATOM	142	N	GLY A	13134. 145	11. 341	-4. 687	1. 00	0.00 N
	ATOM	143	CA	GLY A	13135. 408	11. 661	-4. 048	1. 00	0. 00 C
	ATOM	144	C	GLY A	13136. 522	10. 720	-4. 461	1. 00	0. 00 C

	WO 20	04/016781			47		PCT/JP2003/010288		
	ATOM	145 0	GLY A	13137. 189		472 1.00	0.000		
	ATOM	146 H	GLY A	13133. 435	10. 900 -4.	171 1.00	0.00 H		
	ATOM	147 1HA	GLY A	13135. 687	12. 670 -4.	313 1.00	0.00 H		
	ATOM	148 2HA	GLY A	13135. 282	11. 603 -2.	. 977 1. 00	0.00 H		
5	ATOM	149 N	ASN A	14136. 723	9. 665 -3	. 678 1. 00	0.00 N		
	ATOM	150 CA	ASN A	14137. 765	8. 687 -3	. 969 1. 00	0.00 C		
	ATOM	151 C	ASN A	14137. 162	7. 396 -4	. 514 1. 00	0.00 C		
	ATOM	152 0	ASN A	14137. 556	6. 914 -5	. 575 1. 00	0.000		
	ATOM	153 CB	ASN A	14138. 580	8. 389 -2	. 709 1. 00	0.00 C		
10	ATOM	154 CG	ASN A	14139. 257	9. $626 -2$	1. 152 1. 00	0. 00 C		
	ATOM	155 OD	ASN A	14140. 304	10. 048 -2	1. 643 1. 00	0.000		
	ATOM	156 ND	2 ASN A	14138. 660	10. 215 -1	. 122 1. 00	0. 00 N		
	ATOM	157 H	ASN A	14136. 159	9. 542 -2	2. 887 1. 00	0.00 H		
	ATOM	158 HA	ASN A	14138. 418	9. 109 -4	1. 718 1. 00	0.00 H		
15	ATOM	159 1HB	ASN A	14137. 925	7. 988 -1	1. 950 1. 00	0.00 H		
	ATOM	160 2HB	ASN A	14139. 341	7. 660 -2	2. 944 1. 00	0.00 H		
	ATOM	161 1HD	2 ASN A	14137. 829	9. 823 -0). 784 1. 00	0.00 H		
	ATOM	162 2HD	2 ASN A	14139. 076	11. 018 -0	0. 744 1. 00	0.00 H		
	ATOM	163 N	SER A	15136. 202	6. 842 -	3.779 1.00	0. 00 N		
20	ATOM	164 CA	SER A	15135. 544	5. 607 -	4. 189 1. 00	0. 00 C		
	ATOM	165 C	SER A	15134. 436	5. 233	3. 208 1. 00	0.00 C		
	ATOM	166 0	SER A	15133. 344	4. 832 -	3.612 1.00	0.000		
	ATOM	167 CB	SER A	15136. 561	4. 468 -	4. 286 1. 00	0.00 C		
	ATOM	168 OG	SER A	15137. 099	4. 375 -	5. 592 1. 00	0.000		
25	ATOM	169 H	SER A	15135. 930	7. 274 -	2. 943 1. 00	0.00 Н		
	ATOM	170 HA	SER A	15135. 106	5. 770 -	5. 163 1. 00	0.00 Н		
	ATOM	171 1HE	SER A	15137. 366	4. 649 -	3. 590 1. 00	0.00 H		
	ATOM	172 2HF	SER A	15136. 076	3. 535 -	4. 041 1. 00	0.00 H		
	ATOM	173 HC	SER A	15136. 766	3. 582 -	6. 020 1. 00	0.00 Н		

	WO 20	04/0167	81			48				PCT/JP2003/010288		
	ATOM	174	N	HIS A	1613	4. 726	5. 365	-1. 919	1. 00	0. 00 N		
	ATOM	175	CA	HIS A	1613	3. 756	5. 041	-0.879	1. 00	0.00 C		
	ATOM	176	C	HIS A	1613	4. 196	5. 603	0.468	1. 00	0.00 C		
	ATOM	177	0	HIS A	1613	3. 479	6. 389	1. 089	1. 00	0.000		
5	ATOM	178	CB	HIS A	1613	3. 574	3. 525	-0.778	1. 00	0.00 C		
	ATOM	179	CG	HIS A	1613	2. 466	2. 998	-1.636	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	180	ND1	HIS A	1613	1. 131	3. 188	-1. 343	1. 00	0.00 N		
	ATOM	181	CD2	HIS A	1613	2. 499	2. 283	-2. 786	1. 00	0.00 C		
	ATOM	182	CE1	HIS A	1613	0. 392	2. 611	-2. 275	1. 00	0.00 C		
10	ATOM	183	NE2	HIS A	1613	1. 198	2. 057	-3. 162	1. 00	0.00 N		
	ATOM	184	H	HIS A	1613	5. 614	5. 688	-1.660	1. 00	0.00 H		
	ATOM	185	HA	HIS A	1613	2. 814	5. 491	-1. 153	1. 00	0.00 H		
	ATOM	186	1HB	HIS A	1613	4. 489	3. 038	-1. 081	1. 00	0.00 H		
	ATOM	187	2HB	HIS A	1613	33. 355	3. 264	0. 247	1. 00	0.00 H		
15	ATOM	188	HD1	HIS A	1613	30. 779	3. 672	-0.567	1. 00	0.00 H		
	ATOM	189	HD2	HIS A	1613	33. 384	1. 952	-3. 310	1. 00	0.00 H		
	ATOM	190	HE1	HIS A	1612	29. 313	2. 598	-2. 306	1. 00	0.00 H		
	ATOM	191	HE2	HIS A	1613	30. 911	1. 498	-3. 913	1. 00	0.00 H		
	ATOM	192	N	GLY A	1713	35. 381	5. 198	0.914	1. 00	0.00 N		
20	ATOM	193	CA	GLY A	1713	35. 896	5. 673	2. 185	1. 00	0.00 C		
	ATOM	194	C	GLY A	171	37. 255	5. 085	2. 515		0.00 C		
	MOTA	195	0	GLY A	171	37. 399	4. 345	3. 488	1. 00	0.000		
	ATOM	196	H	GLY A	171	35. 909	4. 572	0. 377		0.00 H		
	ATOM	197	1HA	GLY A	A 171	35. 981	6. 748	2. 148	1. 00	0.00 H		
25	ATOM	198	2HA	GLY A	A 171	35. 201	5. 403	2. 967	1. 00	0.00 H		
	ATOM	199	N	LEU A	A 181	38. 253	5. 417			0.00 N		
	ATOM	200	CA	LEU	A 181	39. 607	4. 918	1. 913		0.00 C		
	ATOM	201	C	LEU A	A 181	40. 527	6. 030	2. 407	1. 00	0. 00 C		

LEU A

202 0

ATOM

18140. 851

6. 956

1. 663

1. 00

			•		•	49	•		
	ATOM	203	CB	LEU A	18140. 160	4. 320	0. 618	1. 00	0. 00 C
	ATOM	204	CG	LEU A	18139. 326	3. 186	0.021	1. 00	0.00 C
	ATOM	205	CD1	LEU A	18139. 476	3. 153	-1. 493	1. 00	0.00 C
-	ATOM	206	CD2	LEU A	18139. 730	1. 851	0.628	1. 00	0.00 C
5	ATOM	207	H	LEU A	18138. 075	6. 012	0. 944	1. 00	0.00 H
	ATOM	208	HA	LEU A	18139. 562	4. 144	2.665	1. 00	0.00 H
	ATOM	209	1HB	LEU A	18140. 234	5. 111	-0. 115	1. 00	0.00 H
	ATOM	210	2HB	LEU A	18141. 151	3. 942	0.815	1. 00	0.00 H
	ATOM	211	HG	LEU A	18138. 283	3. 356	0. 248	1. 00	0.00 H
10	ATOM	212	1HD1	LEU A	18139. 372	2. 136	-1.842	1. 00	0.00 H
	ATOM	213	2HD1	LEU A	18140. 451	3. 528	-1.766	1. 00	0. 00 H
	ATOM	214	3HD1	LEU A	18138. 713	3. 768	-1. 944	1. 00	0. 00 H
	ATOM	215	1HD2	LEU A	18140. 757	1. 903	0. 959	1. 00	0.00 H
	ATOM	216	2HD2	LEU A	18139. 629	1. 073	-0. 113	1. 00	0.00 H
15	ATOM	217	3HD2	LEU A	18139. 092	1. 630	1. 471	1. 00	0.00 H
	ATOM	218	N	GLU A	19140. 945	5. 931	3.664	1. 00	0.00 N
	ATOM	219	CA	GLU A	19141. 830	6. 927	4. 257	1. 00	0. 00 C
	ATOM	220	С	GLU A	19142. 859	6. 267	5. 168	1. 00	0.00 C
	ATOM	221	0	GLU A	19142. 811	5. 059	5. 403	1. 00	0.000
20	ATOM	222	CB	GLU A	19141. 017	7. 954	5. 047·	1. 00	0. 00 C
	ATOM	223	CG	GLU A	19140. 018	7. 331	6.010	1. 00	0. 00 C
	ATOM	224		GLU A				1. 00	0. 00 C
	ATOM	225		GLU A				1. 00	0.000
	ATOM	226	0E2	C GLU A		6. 705	5. 727	1. 00	0.000
25	ATOM	227		GLU A		5. 168	4. 207	1. 00	0. 00 H
	ATOM	228	HA	GLU A				1. 00	0.00 H
	ATOM	229		GLU A				1. 00	0. 00 H
	ATOM		2HB	GLU A				1. 00	0.00 H
	ATOM	231	1HG	GLU A	19140. 161	6. 261	6. 013	1. 00	0.00 H

	WO 20	JU4/U1678	81			50			C1/JP2003/0
	ATOM	232	2HG	GLU A	19140. 202	7. 721	7. 000	1. 00	0.00 H
	ATOM	233	N	VAL A	20143. 791	7.066	5. 679	1. 00	0.00 N
	ATOM	234	CA	VAL A	20144. 831	6. 559	6. 564	1. 00	0.00 C
	ATOM	235	C	VAL A	20144. 232	5. 988	7. 845	1. 00	0.00 C
5	ATOM	236	. 0	VAL A	20143. 373	6. 610	8. 471	1. 00	0.000
	ATOM	237	CB	VAL A	20145. 845	7. 660	6. 930	1. 00	0. 00 C
	ATOM	238	CG1	VAL A	20147. 003	7. 079	7. 729	1. 00	0. 00 C
	ATOM	239	CG2	VAL A	20146. 352	8. 359	5. 677	1. 00	0.00 C
	ATOM	240	H	VAL A	20143. 776	8. 020	5. 455	1. 00	0.00 H
10	ATOM	241	HA	VAL A	20145. 358	5. 773	6.043	1. 00	0.00 H
	ATOM	242	HB	VAL A	20145. 345	8. 392	7. 547	1. 00	0.00 H
	ATOM	243	1HG1	VAL A	20147. 813	7. 792	7. 760	1. 00	0.00 H
	ATOM	244	2HG1	VAL A	20147. 342	6. 167	7. 260	1.00	0.00 H
	ATOM	245	3HG1	VAL A	20146. 674	6.864	8. 735	1.00	0.00 H
15	ATOM	246	1HG2	VAL A	20146. 407	9. 423	5.856	1. 00	0.00 H
	ATOM	247	2HG2	VAL A	20145. 676	8. 167	4. 858	1. 00	0.00 H
	ATOM	248	3HG2	VAL A	20147. 335	7. 985	5. 429	1. 00	0.00 H
	ATOM	249	N	GLY A	21144. 691	4. 802	8. 230	1. 00	0.00 N
	ATOM	250	CA	GLY A	21144. 189	4. 168	9. 435	1. 00	0.00 C
20	ATOM	251	C	GLY A	21143. 139	3. 114	9. 141	1. 00	0.00 C
	ATOM	252	0	GLY A	21142. 996	2. 145	9. 887	1. 00	0.000
	ATOM	253	H	GLY A	21145. 376	4. 354	7. 691	1. 00	0.00 H
	ATOM	254	1HA	GLY A	21145. 013	3. 703	9. 954	1. 00	0.00 H
	ATOM	255	2HA	GLY A	21143. 756	4. 923	10. 072	1. 00	0.00 H
25	MOTA	256	N	SER A	22142. 400	3. 304	8. 051	1. 00	0.00 N
	ATOM	257	CA	SER A	22141. 358	2. 363	7. 661	1. 00	0.00 C
	ATOM	258	С	SER A	22141. 934	1. 233	6. 815	1. 00	0.00 C
	ATOM	259	0	SER A	22142. 916	1. 420	6. 095	1. 00	0.000
	ATOM	260	CB	SER A	22140. 255	3. 084	6. 886	1. 00	0.00 C

	WO 20	04/01678:	1			51		PCT/JP2003/010288		
	ATOM	261	0G	SER A	22139. 291	3. 639	7. 764	1. 00	0.000	
	ATOM	262	H	SER A	22142. 561	4. 097	7. 498	1. 00	0.00 H	
	ATOM	263	HA	SER A	22140. 936	1. 943	8. 563	1. 00	0.00 H	
	ATOM	264 1	HB	SER A	22140.690	3. 882	6.302	1. 00	0.00 H	
5	ATOM	265 2	HB	SER A	22139.763	2. 384	6. 227	1. 00	0.00 H	
	ATOM	266	HG	SER A	22139.736	4. 075	8. 494	1. 00	0.00 H	
	ATOM	267	N	LEU A	23141. 319	0.059	6. 906	1. 00	0.00 N	
	ATOM	268	CA	LEU A	23141. 771	-1. 103	6. 149	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	269	C	LEU A	23141. 219	-1. 074	4. 727	1. 00	0.00 C	
10	ATOM .	270	0	LEU A	23140. 087	-0. 646	4. 499	1. 00	0.000	
	ATOM	271	CB	LEU A	23141. 341	-2. 394	6. 849	1. 00	0.00 C	
	ATOM	272	CG	LEU A	23142. 012	-2. 651	8. 199	1. 00	0.00 C	
	ATOM	273	CD1	LEU A	23141.094	-3. 458	9. 106	1. 00	0.00 C	
	ATOM	274	CD2	LEU A	23143. 339	-3. 369	8. 005	1. 00	0.00 C	
15	ATOM	275	H	LEU A	23140. 542	-0.029	7. 497	1. 00	0.00 H	
	ATOM	276	HA	LEU A	23142. 849	-1. 070	6. 104	1. 00	0.00 H	
	ATOM	277	1HB	LEU A	23140. 273	-2.356	7.002	1. 00	0.00 H	
	ATOM	278	2HB	LEU A	23141. 566	-3. 224	6. 197	1. 00	0.00 H	
	ATOM	279	HG	LEU A	23142. 211	-1. 706	8. 682	1. 00	0.00 H	
20	ATOM	280	1HD1	LEU A	23140. 445	-4. 074	8. 503	1. 00	0.00 H	
	ATOM	281	2HD1	LEU A	23140. 499	-2. 784	9. 705	1. 00	0.00 H	
	ATOM	282	3HD 1	LEU A	23141. 689	-4. 085	9. 753	1. 00	0.00 H	
	ATOM	283	1HD2	LEU A	23143. 169	-4. 436	7. 969	1. 00	0.00 H	
	ATOM	284	2HD2	LEU A	23143. 997	-3. 138	8. 830	1. 00	0.00 H	
25	ATOM	285	3HD2	LEU A	23143. 792	-3. 046	7. 080	1. 00	0.00 H	
	ATOM	286	N	ALA A	24142. 025	-1. 531	3. 776	1. 00	0.00 N	
	ATOM	287	CA	ALA A	24141. 617	-1. 558	2. 376	1. 00	0.00 C	
	ATOM	288	С	ALA A	24142. 162	-2. 794	1. 669	1. 00	0.00 C	
	ATOM	289	0	ALA A	24143. 002	-3. 511	2. 211	1. 00	0.000	

WO 200	04/01678	81			52	(• P	PCT/JP2003/010288
ATOM	290	CB	ALA A	24142. 082	-0. 294	1. 668	1. 00	0.00 C

	ATOM	290	CB	ALA	A	24142. 082	-0. 294	1. 668	1. 00	0. 00 C
	ATOM	291	H	ALA	A	24142. 916	-1. 859	4. 019	1. 00	0.00 H
	ATOM	292	HA	ALA	A	24140. 538	-1. 584	2. 345	1. 00	0. 00 H
	ATOM	293	1HB	ALA	A	24143. 093	-0. 432	1. 314	1. 00	0.00 H
5	ATOM	294	2HB	ALA	A	24142. 051	0. 537	2. 357	1: 00	0.00 H
	ATOM	295	ЗНВ	ALA	A	24141. 432	-0. 091	0.830	1. 00	0.00 H
	ATOM	296	N	GLU	A	25141.678	-3. 036	0. 456	1. 00	0.00 N
	ATOM	297	CA	GLU	A	25142. 117	-4. 186	-0.326	1. 00	0. 00 C
	ATOM	298	C	GLU	A	25142. 455	-3. 774	-1. 756	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	299	0	GLU	A	25141. 823	-2. 884	-2. 323	1. 00	0.000
	ATOM	300	CB	GLU	A	25141. 032	-5. 265	-0. 338	1. 00	0. 00 C
	ATOM	301	CG	GLU	A	25141. 479	-6. 569	-0.978	1. 00	0. 00 C
	ATOM	302	CD	GLU	A	25140. 325	-7. 520	-1. 231	1. 00	0. 00 C
	ATOM	303	0E1	GLU	A	25140. 422	-8. 335	-2. 172	1. 00	0.000
15	ATOM	304	0E2	GLU	A	25139. 324	-7. 450	-0. 486	1. 00	0.000
	MOTA	305	H	GLU	A	25141. 010	-2. 427	0.076	1. 00	0.00 H
	ATOM	306	HA	GLU	A	25143. 004	-4. 585	0. 140	1. 00	0.00 H
	ATOM	307	1HB	GLU	A	25140. 736	-5. 472	0.680	1. 00	0.00 H
	ATOM	308	2HB	GLU	A	25140. 178	-4. 896	-0. 885	1. 00	0.00 H
20	ATOM	309	1HG	GLU	A	25141. 955	-6. 348	-1.921	1. 00	0.00 H
	ATOM	310	2HG	GLU	A	25142. 188	-7. 053	-0. 323	1. 00	0.00 H
	ATOM	311	N	VAL	A	26143. 459	-4. 429	-2. 333	1. 00	0.00 N
	ATOM	312	CA	VAL	. A	26143. 882	-4. 131	-3. 695	1. 00	0.00 C
	ATOM	313	С	VAL	. A	26143. 519	-5. 267	-4. 644	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	314	0	VAI	. A	26143. 657	-6.442	-4. 305	1. 00	0.000
	ATOM	315	CB	VAI	. A	26145. 400	-3. 881	-3. 770	1. 00	0. 00 C
	ATOM	316	CG1	VAI	. A	26145. 791	-3. 373	-5. 149	1. 00	0.00 C
	ATOM	317	CG2	VAI	. A	26145. 833	-2.901	-2. 690	1. 00	0.00 C
	ATOM	318	H	VAI	A	26143. 925	-5. 129	-1. 829	1. 00	0.00 H

						33			
	ATOM	319	HA	VAL A	26143. 374	-3. 233	-4. 014	1. 00	0.00 H
	ATOM	320	HB	VAL A	26145. 908	-4. 819	-3.600	1. 00	0.00 H
	ATOM	321	1HG1	VAL A	26145. 889	-2. 297	-5. 123	1. 00	0. 00 H
	ATOM	322	2HG1	VAL A	26145. 030	-3. 648	-5.864	1. 00	0.00 H
5	ATOM	323	3HG1	VAL A	26146. 734	-3.812	-5. 440	1. 00	0.00 H
	ATOM	324	1HG2	VAL A	26145. 367	-3. 169	-1. 753	1. 00	0.00 H
	ATOM	325	2HG2	VAL A	26145. 533	-1. 902	-2. 968	1. 00	0.00 H
	ATOM	326	3HG2	VAL A	26146. 907	-2. 938	-2. 582	1. 00	0.00 H
	ATOM	327	N	LYS A	27143. 052	-4. 909	-5. 837	1. 00	0.00 N
10	ATOM	328	CA	LYS A	27142. 669	-5. 900	-6.836	1. 00	0.00 C
	ATOM	329	C	LYS A	27143. 868	-6. 308	-7. 685	1. 00	0. 00 C
	ATOM	330	0	LYS A	27144. 189	-5. 657	-8. 680	1. 00	0.000
	ATOM	331	CB	LYS A	27141. 557	-5. 347	-7. 731	1. 00	0.00 C
	ATOM	332	CG	LYS A	27140. 454	-6. 352	-8. 020	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	333	CD	LYS A	27139. 652	-6. 674	-6. 770	1. 00	0.00 C
	ATOM	334	CE	LYS A	27138. 931	-5. 445	-6. 239	1. 00	0. 00 C
	ATOM	335	NZ	LYS A	27139. 738	-4. 727	-5. 213	1. 00	0. 00 N
	ATOM	336	H	LYS A	27142. 964	-3. 957	-6. 049	1. 00	0.00 H
	ATOM	337	HA	LYS A	27142. 299	-6. 770	-6. 315	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	338	1HB	LYS A	27141. 115	-4. 489	-7. 248	1. 00	0.00 H
	ATOM	339	2HB	LYS A	27141. 988	-5. 037	-8. 672	1. 00	0. 00 H
	ATOM	340	1HG	LYS A	27139. 790	-5. 939	-8. 765	1. 00	0. 00 H
	ATOM	341	2HG	LYS A	27140. 898	-7. 262	-8. 397	1. 00	0. 00 H
	MOTA	342	1HD	LYS A	27138. 922	-7. 433	-7. 007	1. 00	0.00 H
25	ATOM	343	2HD	LYS A	27140. 324	-7. 043	-6. 008	1. 00	0. 00 H
	ATOM	344	1HE	LYS A	27138. 735	-4. 775	-7. 063	1. 00	0.00 H
	ATOM	345	2HE	LYS A	27137. 996	-5. 755	-5. 797	1. 00	0.00 H
	ATOM	346	3 1HZ	LYS A	27140. 748	-4. 947	-5. 335	1. 00	0.00 H
	ATOM	347	ZHZ	LYS A	27139. 443	-5. 018	-4. 260	1. 00	0.00 H

	WO 2	004/016781		54	PCT/JP2003/010288
	ATOM	348 3HZ	LYS A		5. 308 1. 00 0. 00 H
	ATOM	349 N	GLU A	28144. 529 -7. 390 -	7. 286 1. 00 0. 00 N
	ATOM	350 CA	GLU A	28145. 694 -7. 886 -	-8. 010 1. 00 0. 00 C
	ATOM	351 C	GLU A	28145. 709 -9. 411 -	-8. 036 1. 00 0. 00 C
5	ATOM	352 0	GLU A	28144. 797 -10. 059	-7. 525 1. 00 0. 00 0
	ATOM	353 CB	GLU A	28146. 980 -7. 360 -	-7. 368 1. 00 0. 00 C
	ATOM	354 CG	GLU A	28147. 981 -6. 812 -	-8. 372 1. 00 0. 00 C
	ATOM	355 CD	GLU A	28149. 350 -6. 580 -	-7. 762 1. 00 0. 00 C
	ATOM	356 OE1	GLU A	28149. 538 -5. 534 -	-7. 106 1. 00 0. 00 0
10	ATOM	357 OE2	GLU A	28150. 233 -7. 446	-7. 941 1. 00 0. 00 0
	ATOM	358 H	GLU A	28144. 225 -7. 867	-6. 485 1. 00 0. 00 H
	ATOM	359 HA	GLU A	28145. 633 -7. 520	-9. 024 1. 00 0. 00 H
	ATOM	360 1HB	GLU A	28146. 727 -6. 570	-6. 677 1. 00 0. 00 H
	ATOM	361 2HB	GLU A	28147. 453 -8. 164	-6. 824 1. 00 0. 00 H
15	ATOM	362 1HG	GLU A	28148. 080 -7. 517	-9. 183 1. 00 0. 00 H
	ATOM	363 2HG	GLU A	28147. 609 -5. 873	-8. 755 1. 00 0. 00 H
	ATOM	364 N	ASN A	29146. 752 -9. 977	-8. 635 1. 00 0. 00 N
	ATOM	365 CA	ASN A	29146. 886 -11. 426	-8. 726 1. 00 0. 00 C
	ATOM	366 C	ASN A		-7. 335 1. 00 0. 00 C
20	ATOM	367 0	ASN A	29146. 123 -12. 880	-6. 974 1. 00 0. 00 0
	ATOM	368 CB	ASN A	29148. 133 -11. 794	
	ATOM	369 CG	ASN A	29147. 812 -12. 105 -	
	ATOM	370 OD	1 ASN A	29147. 758 -13. 268 -	
	ATOM	371 ND	2 ASN A	29147. 598 -11. 063 -	
25	ATOM	372 H	ASN A		-9. 023 1. 00 0. 00 H
	ATOM	373 HA	ASN A	29146. 013 -11. 808	
	ATOM	374 1HB	ASN A	29148. 828 -10. 969	
	ATOM	375 2HB	ASN A	29148. 597 -12. 664	
	ATOM	376 1HD	2 ASN A	29147. 658 -10. 166 -	-11. 389 1. 00 0. 00 H

١	
	55

	ATOM	377 2HD2	ASN A	29147. 388 -11. 235 -	-12. 719	1. 00	0.00 H
	ATOM	378 N	PRO A	30147. 964 -11. 661	-6. 533	1. 00	0.00 N
	ATOM	379 CA	PRO A	30148. 142 -12. 186	-5. 177	1. 00	0.00 C
	ATOM	380 · C	PRO A	30147. 167 -11. 559	-4. 180	1. 00	0.00 C
5	ATOM	381 0	PRO A	30147. 291 -10. 383	-3. 839	1. 00	0.000
	ATOM	382 CB	PRO A	30149. 577 -11. 785	-4. 840	1. 00	0.00 C
	ATOM	383 CG	PRO A	30149. 809 -10. 537	-5. 617	1. 00	0.00 C
	ATOM	384 CD	PRO A	30149. 006 -10. 676	-6. 885	1. 00	0.00 C
	ATOM	385 HA	PRO A	30148. 048 -13. 261	-5. 151	1. 00	0.00 H
10	ATOM	386 1HB	PRO A	30149. 666 -11. 614	-3. 777	1. 00	0.00 H
	ATOM	387 2HB	PRO A	30150. 254 -12. 571	-5. 143	1. 00	0.00 H
	ATOM	388 1HG	PRO A	30149. 468 -9. 684	-5.050	1. 00	0.00 H
	ATOM	389 2HG	PRO A	30150. 859 -10. 438	-5. 849	1. 00	0. 00 H
	ATOM	390 1HD	PRO A	30148. 564 -9. 730	-7. 156	1. 00	0.00 H
15	ATOM	391 2HD	PRO A	30149. 628 -11. 045	-7. 685	1. 00	0.00 H
	ATOM	392 N	PRO A	31146. 181 -12. 338	-3. 697	1. 00	0.00 N
	ATOM	393 CA	PRO A	31145. 190 -11. 843	-2. 736	1. 00	0.00 C
	ATOM	394 C	PRO A	31145. 794 -11. 586	-1. 360	1. 00	0.00 C
	ATOM	395 0	PRO A	31146. 067 -12. 521	-0. 606	1. 00	0.000
20	ATOM	396 CB	PRO A	31144. 165 -12. 976	-2. 667	1. 00	0.00 C
	ATOM	397 CG	PRO A	31144. 925 -14. 198	-3. 043	1. 00	0.00 C
	MOTA	398 CD	PRO A	31145. 955 -13. 754	-4. 044	1. 00	0.00 C
	ATOM	399 HA	PRO A	31144. 712 -10. 941	-3. 091	1. 00	0.00 H
	ATOM	400 1HE	PRO A	31143. 770 -13. 047	-1. 663	1. 00	0.00 H
25	ATOM	401 2HF	PRO A	31143. 361 -12. 782	-3. 362	1. 00	0.00 H
	ATOM	402 1HC	PRO A	31145. 408 -14. 615	-2. 170	1. 00	0.00 H
	ATOM	403 2HO	F PRO A	31144. 260 -14. 924	-3. 487	1. 00	0.00 H
	ATOM	404 1HI	PRO A	31146. 863 -14. 327	-3. 934	1. 00	0.00 H
	ATOM	405 2HI	PRO A	31145. 569 -13. 846	-5. 048	1. 00	0.00 H

				56		
מווח	Λ	20146	ΛΛ1	10	919	_

							-		_	
	ATOM	406	N	PHE A	A	32146. 001	-10. 313	-1. 038	1. 00	0.00 N
	ATOM	407	CA	PHE A	A	32146. 574	-9. 933	0. 248	1. 00	0.00 C
	ATOM	408	C	PHE A	A	32145. 715	-8. 877	0. 935	1. 00	0.00 C
	ATOM	409	0	PHE A	A	32144. 802	-8. 315	0. 330	1. 00	0.000
5	ATOM	410	CB	PHE	A	32147. 998	-9. 406	0.061	1. 00	0.00 C
	ATOM	411	CG	PHE	A	32148. 118	-8. 373	-1.023	1. 00	0.00 C
	ATOM	412	CD1	PHE	A	32148. 820	-8. 648	-2. 186	1. 00	0.00 C
	ATOM	413	CD2	PHE .	A	32147. 530	-7. 127	-0.877	1.00	0.00 C
	ATOM	414	CE1	PHE	A	32148. 933	-7. 700	-3. 184	1. 00	0.00 C
10	ATOM	415	CE2	PHE	A	32147. 641	-6. 173	-1. 873	1. 00	0. 00 C
	ATOM	416	CZ	PHE	A	32148. 342	-6. 460	-3. 028	1. 00	0.00 C
	ATOM	417	H	PHE	A	32145. 764	-9. 613	-1. 680	1.00	0.00 H
	ATOM	418	HA	PHE	A	32146. 606	-10. 815	0.870	1.00	0.00 H
	ATOM	419	1HB	PHE	A	32148. 333	-8. 959	0. 985	1. 00	0.00 H
15	ATOM	420	2HB	PHE	A	32148. 649	-10. 231	-0. 190	1. 00	0.00 H
	ATOM	421	HD1	PHE	A	32149. 281	-9. 617	-2. 308	1. 00	0.00 H
	ATOM	422	HD2	PHE	A	32146. 982	-6. 901	0.025	1. 00	0.00 H
	ATOM	423	HE 1	PHE	A	32149. 483	-7. 927	-4. 086	1. 00	0.00 H
	ATOM	424	HE 2	PHE	A	32147. 178	-5. 206	-1. 748	1. 00	0.00 H
20	ATOM	425	HZ	PHE	A	32148. 429	-5. 718	-3. 807	1. 00	0. 00 H
	ATOM	426	N	TYR	A	33146. 012	-8. 612	2. 203	1. 00	0.00 N
	ATOM	427	CA	TYR	A	33145. 266	-7. 623	2. 973	1. 00	0. 00 C
	ATOM	428	C	TYR	A	33146. 213	-6. 681	3. 708	1. 00	0.00 C
	ATOM	429	0	TYR	A	33147. 222	-7. 110	4. 269	1. 00	0.000
25	ATOM	430	CB	TYR	A	33144. 340	-8. 318	3. 973	1. 00	0.00 C
	ATOM	431	CG	TYR	A	33143. 079	-8. 869	3. 348	1. 00	0.00 C
	ATOM	432	CD	1 TYR	A	33142. 709	-10. 196	3. 538	1. 00	0.00 C
	ATOM	433	CD	2 TYR	A	33142. 257	-8.064	2. 568	1. 00	0.00 C
	ATOM	434	CE	1 TYR	A	33141. 557	-10. 703	2. 969	1. 00	0.00 C

						57			
	ATOM	435	CE2	TYR A	33141. 103	-8. 566	1. 996	1. 00	0.00 C
	ATOM	436	CZ	TYR A	33140. 758	-9.885	2. 199	1. 00	0.00 C
	ATOM	437	ОН	TYR A	33139. 610 -	-10. 387	1. 630	1. 00	0.000
	ATOM	438	H	TYR A	33146. 751	-9. 094	2.631	1. 00	0.00 H
5	ATOM	439	HA	TYR A	33144. 669	-7. 047	2. 282	1. 00	0, 00 H
	ATOM	440	1HB	TYR A	33144. 869	-9. 139	4. 432	1. 00	0.00 H
	ATOM	441	2HB	TYR A	33144. 051	-7. 610	4. 736	1. 00	0.00 H
	ATOM	442	HD1	TYR A	33143. 337	-10. 833	4. 141	1. 00	0.00 H
	ATOM	443	HD2	TYR A	33142. 531	-7. 032	2. 411	1. 00	0.00 H
10	ATOM	444	HE 1	TYR A	33141. 286	-11. 737	3. 127	1. 00	0.00 H
	ATOM	445	HE2	TYR A	33140. 477	-7. 924	1. 393	1. 00	0.00 H
	ATOM	446	HH	TYR A	33139. 802	-11. 228	1. 209	1. 00	0.00 H
	ATOM	447	N	GLY A	34145. 881	-5. 394	3.704	1. 00	0.00 N
	ATOM	448	CA	GLY A	34146. 711	-4. 411	4. 374	1. 00	0.00 C
15	ATOM	449	C	GLY A	34145. 948	-3. 149	4. 725	1. 00	0.00 C
	ATOM	450	0	GLY A	34144. 896	-2. 873	4. 150	1. 00	0.000
	ATOM	451	H	GLY A	34145. 066	-5. 109	3. 241	1. 00	0.00 H
	ATOM	452	1HA	GLY A	34147. 103	-4. 846	5. 282	1. 00	0.00 H
	ATOM	453	2HA	GLY A	34147. 537	-4. 151	3. 727	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	454	N	VAL A	35146. 480	-2. 382	5. 671	1. 00	0.00 N
	ATOM	455	CA	VAL A	35145. 842	-1. 143	6. 098	1. 00	0.00 C
	ATOM	456	С	VAL A	35146. 536	0. 070	5. 486	1. 00	0.00 C
	ATOM	457	0	VAL A	35147. 743	0. 052	5. 247	1. 00	0.000
	ATOM	458	CB	VAL A	35145. 848	-1. 009	7. 635	1. 00	0.00 C
25	ATOM	459	CG1	VAL A	35147. 273	-0. 996	8. 169	1. 00	0.00 C
	ATOM	460	CG2	2 VAL A	35145. 095	0. 240	8. 067	1. 00	0.00 C
	ATOM	461	Н	VAL A	35147. 322	-2. 656	6. 092	1. 00	0. 00 H
	ATOM	462	HA	VAL A	35144. 816	-1. 165	5. 763	1. 00	0. 00 H
	ATOM	463	НВ	VAL A	35145. 342	-1. 869	8. 050	1. 00	0.00 H

58

	ATOM	464	1HG1	VAL A	35147. 344	-0. 295	8. 987	1. 00	0.00 H
	ATOM	465	2HG1	VAL A	35147. 950	-0. 699	7. 381	1. 00	0.00 H
	ATOM	466	3HG1	VAL A	35147. 536	-1. 984	8. 516	1. 00	0.00 H
	ATOM	467	1HG2	VAL A	35145. 576	1. 113	7. 652	1. 00	0.00 H
5	ATOM	468	2HG2	VAL A	35145. 096	0. 307	9. 145	1. 00	0.00 H
	ATOM	469	3HG2	VAL A	35144. 076	0. 188	7. 712	1. 00	0.00 H
	ATOM	470	N	ILE A	36145. 764	1. 122	5. 233	1. 00	0.00 N
	ATOM	471	CA	ILE A	36146. 305	2. 343	4. 648	1. 00	0.00 C
	ATOM	472	C	ILE A	36147. 257	3. 039	5. 615	1. 00	0.00 C
10	ATOM	473	0	ILE A	36147. 061	3. 001	6.830	1. 00	0.000
	ATOM	474	CB	ILE A	36145. 182	3. 324	4. 253	1. 00	0.00 C
	ATOM	475	CG1	ILE A	36144. 129	2. 611	3. 400	1. 00	0. 00 C
	ATOM	476	CG2	ILE A	36145. 758	4. 516	3. 505	1. 00	0.00 C
	ATOM	477	CD1	ILE A	36142. 990	3. 510	2. 971	1. 00	0.00 C
15	ATOM	478	H	ILE A	36144. 808	1. 075	5. 445	1. 00	0.00 H
	MOTA	479	HA	ILE A	36146. 848	2. 073	3. 754	1. 00	0.00 H
	ATOM	480	HB	ILE A	36144.717	3. 687	5. 157	1. 00	0.00 H
	ATOM	481	1HG1	ILE A	36144. 599	2. 224	2. 509	1. 00	0.00 H
	ATOM	482	2HG1	ILE A	36143. 711	1. 791	3. 967	1. 00	0.00 H
20	ATOM	483	1HG2	ILE A	36146. 253	5. 174	4. 204	1. 00	0. 00 H
	ATOM	484	2HG2	ILE A	36144. 960	5. 051	3. 011	1. 00	0.00 H
	ATOM	485	3HG2	ILE A	36146. 469	4. 172	2. 770	1. 00	0.00 H
	ATOM	486	1HD1	ILE A	36142. 253	3. 558	3. 759	1. 00	0.00 H
	ATOM	487	2HD1	ILE A	36142. 535	3. 111	2. 076	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	488	3HD1	ILE A	36143. 369	4. 500	2. 772	1. 00	0.00 H
	ATOM	489	N	ARG A	37148. 287	3. 674	5.067	1. 00	0.00 N
	ATOM	490	CA	ARG A	37149. 271	4. 379	5. 882	1. 00	0. 00 C
	ATOM	491	C	ARG A	37149. 476	5. 804	5. 378	1. 00	0.00 C
	ATOM	492	0	ARG A	37149. 174	6. 769	6. 080	1. 00	0.000

WO 2004/016781 PCT/JP20	003/010288
59	
ATOM 493 CB ARG A 37150.604 3.626 5.872 1.00 0.00	C
ATOM 494 CG ARG A 37150. 463 2. 137 6. 139 1. 00 0. 00	C
ATOM 495 CD ARG A 37149.863 1.870 7.511 1.00 0.00	C
ATOM 496 NE ARG A 37150.865 1.945 8.571 1.00 0.00	N
ATOM 497 CZ ARG A 37150.616 1.661 9.847 1.00 0.00	C
ATOM 498 NH1 ARG A 37149.401 1.284 10.226 1.00 0.00	N
ATOM 499 NH2 ARG A 37151.585 1.755 10.749 1.00 0.00	N
ATOM 500 H ARG A 37148.389 3.668 4.093 1.00 0.00	H
ATOM 501 HA ARG A 37148.897 4.418 6.893 1.00 0.00	H
ATOM 502 1HB ARG A 37151.069 3.754 4.907 1.00 0.00	H
ATOM 503 2HB ARG A 37151. 247 4. 047 6. 632 1. 00 0. 00	H

10

ATOM

ATOM

ATOM

ATOM

518

519

520

521

CG

504 1HG 37149.820 5.386 0.00 H ARG A 1.705 1.00 ATOM 6.088 0.00 H **ATOM** 505 2HG ARG A 37151.440 1.678 1.00 2.605 7.702 0.00 H ATOM 506 1HD ARG A 1.00 37149.095 0.00 H ATOM 507 2HD ARG A 37149. 424 7.511 1.00 15 0.883 8.319 0.00 H ATOM 508 ARG A 37151.770 2. 221 1.00 HE 0.00 H ATOM 509 1HH1 ARG A 37148.667 1. 211 9.551 1.00 510 2HH1 ARG A 0.00 H 1.071 11. 187 ATOM 37149. 221 1.00 0.00 H 511 1HH2 ARG A 2.039 **ATOM** 37152. 502 10. 469 1.00 1.00 0.00 H 2HH2 ARG A 37151.398 1. 542 11.707 20 ATOM 512 1.00 38149. 989 5.929 4.158 0.00 N ATOM 513 TRP A N 1.00 3.563 **ATOM** 514 TRP A 38150. 233 7. 238 0.00 C CA 2. 237 TRP A 38149. 491 7.382 1.00 0.00 C ATOM 515 C TRP A 1.399 38149. 514 6.481 1.00 0.000 ATOM 516 0 TRP A 38151.735 7.456 3.349 1.00 0.00 C 25 ATOM 517 CB

38152.054

38152. 277

38152. 180

38152. 534

8.673

9.938

8.741

10.787

2.533

2.997

1. 107

1.947

1.00

1.00

1.00

1.00

0.00 C

0.00 C

0.00 C

0.00 N

TRP A

CD1 TRP A

CD2 TRP A

NE1 TRP A

	WO 20	004/0167	81				<i>c</i> o	(C1/JP2003/010
	ATOM	Enn	'CE9	TDD /		20152 400	10 075	0. 777	1. 00	0. 00 C
	ATOM	522		TRP A		38152. 480	10. 075			
	ATOM	523		TRP A		38152. 068	7. 801	0. 079	1. 00	0. 00 C
	ATOM	524		TRP A		38152. 669	10. 492	-0. 540	1. 00	0. 00 C
	ATOM	525		TRP I		38152. 256	8. 216	-1. 226	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	526	CH2	TRP	A	38152. 554	9. 551	-1. 526	1. 00	0. 00 C
	ATOM	527	H	TRP	A	38150. 208	5. 122	3. 646	1. 00	0.00 H
	ATOM	528	HA	TRP	A	38149. 865	7. 987	4. 249	1. 00	0.00 H
	ATOM	529	1HB	TRP .	A.	38152. 215	7. 565	4. 310	1. 00	0.00 H
	ATOM	530	2HB	TRP .	A	38152. 147	6. 595	2. 842	1. 00	0.00 H
10	ATOM	531	HD1	TRP	A	38152. 251	10. 216	4. 039	1. 00	0.00 H
	ATOM	532	HE1	TRP	A	38152. 725	11. 746	2. 023	1. 00	0.00 H
	ATOM	533	HE3	TRP	A	38151. 838	6. 769	o. 289	1.00	0.00 H
	ATOM	534	HZ2	TRP	A	38152. 896	11. 518	-0. 788	1.00	0.00 H
	ATOM	535	HZ3	TRP	A	38152. 173	7. 503	-2. 034	1. 00	0.00 H
15	ATOM	536	HH2	TRP	A	38152. 693	9. 829	-2. 560	1. 00	0.00 H
	ATOM	537	N	ILE	A	39148. 842	8. 527	2. 055	1. 00	0.00 N
	ATOM	538	CA	ILE	A	39148. 100	8. 803	0. 831	1. 00	0.00 C
	ATOM	539	C	ILE	A	39148. 544	10. 127	0. 223	1. 00	0.00 C
	ATOM	540	0	ILE	A	39148. 213	11. 197	0. 735	1. 00	0.000
20	ATOM	541	CB	ILE	A	39146. 583	8. 851	1. 090	1. 00	0.00 C
	ATOM	542	CG1	ILE	A	39146. 137	7. 619	1. 880	1. 00	0.00 C
	ATOM	543	CG2	ILE	A	39145. 824	8. 946	-0. 225	1. 00	0.00 C
	ATOM	544	CD1	ILE	A	39144. 728	7. 725	2. 420	1. 00	0.00 C
	ATOM	545	H	ILE	A	39148. 868	9. 207	2. 760	1. 00	0.00 · H
25	ATOM	546	HA	ILE	A	39148. 302	8. 007	0. 129	1. 00	0.00 H
	ATOM	547	НВ	ILE	A	39146. 366	9. 737	1. 667	1. 00	0.00 H
	ATOM	548	1HG1	ILE	A	39146. 182	6. 752	1. 239	1. 00	0.00 H
	ATOM	549	2HG1	ILE	A	39146. 804	7. 476	2. 717	1. 00	0.00 H
	ATOM	550	1HG2	ILE	A	39146. 045	8. 080	-0. 832	1. 00	0.00 н

ì		
	61	

			`				01			
	ATOM	551 2	2HG2	ILE A		39146. 125	9. 840	-0.752	1. 00	0.00 H
	ATOM	552 3	BHG2	ILE A		39144. 763	8. 986	-0. 028	1. 00	0.00 H
	ATOM	553	1HD1	ILE A		39144. 041	7. 263	1. 727	1. 00	0.00 H
	ATOM	554	2HD1	ILE A	L	39144. 468	8. 765	2. 547	1. 00	0.00 H
5	ATOM	555	3HD1	ILE A	L	39144. 669	7. 221	3. 374	1. 00	0.00 H
	ATOM	556	N	GLY A	L	40149. 303	10.051	-0.866	1. 00	0.00 N
	ATOM	557	CA	GLY A	L	40149. 784	11. 256	-1. 513	1. 00	0.00 C
	ATOM	558	C	GLY A	L	40150. 325	11. 000	-2. 905	1. 00	0. 00 C
	ATOM	559	0	GLY A	l	40150. 197	9. 896	-3. 437	1, 00	0.000
10	ATOM	560	Н	GLY A	l	40149. 542	9. 172	-1. 228	1. 00	0.00 H
	ATOM	561	1HA	GLY A	·	40148. 973	11. 963	-1. 580	1. 00	0.00 H
	ATOM	562	2HA	GLY A	I	40150. 569	11. 684	-0.909	1. 00	0. 00 H
	ATOM	563	N	GLN A	A	41150. 931	12. 024	-3. 494	1. 00	0.00 N
	MOTA	564	CA	GLN A	A	41151. 497	11. 918	-4. 833	1. 00	0.00 C
15	ATOM	565	C	GLN A	A	41152. 964	12. 346	-4. 832	1. 00	0. 00 C
	ATOM	566	0	GLN A	A	41153. 276	13. 509	-4. 574	1. 00	0.000
	ATOM	567	CB	GLN A	A	41150. 698	12. 783	-5. 807	1. 00	0.00 C
	ATOM	568	CG	GLN A	A	41149. 196	12. 573	-5. 716	1. 00	0.00 C
	ATOM	569	CD	GLN A	A	41148. 417	13. 867	-5. 845	1. 00	0.00 C
20	ATOM	570	0E1	GLN	A	41148. 369	14. 671	-4. 914	1. 00	0.000
	ATOM	571	NE2	GLN .	A	41147. 802	14. 074	-7. 002	1. 00	0.00 N
	ATOM	572	H	GLN	A	41150. 998	12. 876	-3. 016	1. 00	0.00 H
	MOTA	573	HA	GLN	A	41151. 430	10. 886	-5. 142	1. 00	0.00 H
	ATOM	574	1HB	GLN	A	41150. 906	13. 822	-5. 600	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	575	2HB	GLN	A	41151. 013	12. 556	-6. 814	1. 00	0.00 H
	ATOM	576	1HG	GLN	A	41148. 889	11. 906	-6. 508	1. 00	0.00 H
	ATOM	577	2HG	GLN	A	41148. 965	12. 125	-4. 761	1. 00	0.00 H
	ATOM	578	1HE2	2 GLN	A	41147. 884	13. 389	-7. 698	1. 00	0.00 H
	ATOM	579	2HE2	2 GLN	A	41147. 291	14. 902	-7. 114	1. 00	0.00 H

589 2HB 0.00 H -5.0571.00 **ATOM** PRO A 42156.886 10. 230 10 0.00 H -5.9131.00 590 1HG PRO A 42155. 054 8. 501 ATOM 0.00 H 9.034 -4.2221.00 591 2HG PRO A 42155.078 ATOM 9.891 -6.4571.00 0.00 H 592 1HD PRO A 42153. 280 MOTA 0.00 H 593 2HD PRO A 42152. 891 9. 583 -4.7511.00 ATOM 0.00 N ATOM 13. 463 -5.9431.00 15 594 N PRO A 43156.841 -6.8160.00 C PRO A 43157. 286 14. 551 1.00 ATOM 595 CA 14.053 -8.1931.00 0.00 C 596 PRO A 43157. 707 ATOM C 597 PRO A 43158.879 13. 762 -8.4291.00 0.000 **ATOM** 0 -6.0721.00 0.00 C **ATOM** 598 CB PRO A 43158. 488 15. 132 -5.2591.00 0.00 C **ATOM** 599 CG PRO A 43159. 013 14.001 20 -4.8761.00 0.00 C 43157. 817 13. 173 **ATOM** 600 CD PRO A 15. 310 -6.9251.00 0.00 H 43156. 525 ATOM 601 HA PRO A 602 1HB PRO A 43159. 220 15. 481 -6.7861. 00 0.00 H ATOM 1. 00 0.00 H ATOM 603 2HB PRO A 43158. 167 15. 952 -5. 447 -5.8481.00 0.00 H PRO A 43159. 702 13. 414 25 ATOM 604 1HG 14. 381 -4.3751.00 0.00 H 43159. 504 ATOM 605 2HG PRO A 12. 124 -4.8641.00 0.00 H 606 1HD PRO A 43158. 074 ATOM 13. 479 -3.9131.00 0.00 H 607 2HD PRO A 43157. 438 ATOM GLY A 44156. 742 13. 956 **-9.** 102 1.00 0.00 N ATOM 608 N

			(63		
	ATOM	609	CA	GLY A	44157. 035	13. 493 -10. 444	1. 00	0.00 C
	ATOM	610	C	GLY A	44155. 815	12. 935 -11. 146	1. 00	0.00 C
	ATOM	611	0	GLY A	44155. 511	13. 319 -12. 275	1. 00	0.000
	ATOM	612	H	GLY A	44155. 826	14. 202 -8. 859	1. 00	0.00 H
5	ATOM	613	1HA	GLY A	44157. 422	14. 318 -11. 021	1. 00	0. 00 H
	ATOM	614	2HA	GLY A	44157. 789	12. 721 -10. 389	1. 00	0.00 H
	ATOM	615	N	LEU A	45155. 112	12. 028 -10. 476	1. 00	0.00 N
	ATOM	616	CA	LEU A	45153. 916	11. 419 -11. 047	1. 00	0. 00 C
	ATOM	617	C	LEU A	45152. 704	11. 673 -10. 162	1. 00	0.00 C
10	ATOM	618	0	LEU A	45152.622	11. 161 -9. 045	1. 00	0.000
	ATOM	619	CB	LEU A	45154. 123	9. 914 -11. 228	1. 00	0. 00 C
	ATOM	620	CG	LEU A	45154.702	9. 190 -10. 012	1. 00	0.00 C
	ATOM	621	CD1	LEU A	45154. 398	7. 699 -10. 079	1. 00	0.00 C
	ATOM	622	CD2	LEU A	45156. 202	9. 431 -9. 913	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	623	H	LEU A	45155. 402	11. 763 -9. 577	1. 00	0.00 H
	ATOM	624	HA	LEU A	45153. 744	11. 868 -12. 013	1. 00	0.00 H
	ATOM	625	1HB	LEU A	45153. 168	9. 467 -11. 467	1. 00	0. 00 H
	ATOM	626	2HB	LEU A	45154. 792	9. 761 -12. 061	1. 00	0.00 H
	ATOM	627	HG	LEU A	45154. 240	9. 583 -9. 116	1. 00	0.00 H
20	ATOM	628	1HD1	LEU A	45153. 895	7. 394 -9. 174	1. 00	0.00 H
	ATOM	629	2HD1	LEU A	45155. 321	7. 147 -10. 182	1. 00	0.00 H
	MOTA	630	3HD1	LEU A	45153. 763	7. 498 -10. 930	1. 00	0.00 H
	ATOM	631	1HD2	LEU A	45156. 405	10. 107 -9. 095	1. 00	0.00 H
	ATOM	632	2HD2	LEU A	45156. 558	9. 867 -10. 836	1. 00	0.00 H
25	ATOM	633	3HD2	LEU A	45156. 709	8. 493 -9. 739	1. 00	0.00 H
	ATOM	634	N	ASN A	46151.760	12. 464 -10. 662	1. 00	0.00 N
	ATOM	635	CA	ASN A	46150. 556	12. 771 -9. 903	1. 00	0. 00 C
	ATOM	636	C	ASN A	46149. 628	11. 5639. 860	1. 00	0. 00 C
	ATOM	637	0	ASN A	46149.007	11. 207 -10. 861	1. 00	0.000

	WO 20	04/0167	81			64	PCT/JP2003/010288
	ATOM	638	CB	ASN A	46149. 829	13. 967 -10. 521	1. 00 0. 00 C
	ATOM	639	CG	ASN A	46148. 973	14. 709 -9. 514	1.00 0.00 C
	ATOM	640	OD 1	ASN A	46147. 746	14. 622 -9. 540	1. 00 0. 00 0
	ATOM	641	ND2	ASN A	46149.619	15. 445 -8. 617	1.00 0.00 N
5	ATOM	642	H	ASN A	46151.875	12. 844 -11. 558	1. 00 0. 00 H
	ATOM	643	HA	ASN A	46150. 852	13. 021 -8. 895	1. 00 0. 00 H
	ATOM	644	1HB	ASN A	46150. 557	14. 655 -10. 922	1. 00 0. 00 H
	ATOM	645	2HB	ASN A	46149. 191	13. 619 -11. 320	1. 00 0. 00 H
	ATOM	646	1HD2	ASN A	46150. 599	15. 4688. 655	1. 00 0. 00 H
10	ATOM	647	2HD2	ASN A	46149. 091	15. 936 -7. 953	1. 00 0. 00 H
	ATOM	648	N	GLU A	47149. 543	10. 935 -8. 693	1. 00 0. 00 N
	ATOM	649	CA	GLU A	47148. 693	9. 766 -8. 511	1. 00 0. 00 C
	ATOM	650	C	GLU A	47148. 523	9. 444 -7. 031	1. 00 0. 00 C
	ATOM	651	0	GLU A	47149. 502	9. 193 -6. 327	1.00 0.00 0
15	ATOM	652	CB	GLU A	47149. 286	8. 558 -9. 243	1. 00 0. 00 C
	ATOM	653	CG	GLU A	47150. 801	8. 468 -9. 150	1. 00 0. 00 C
	ATOM	654	CD	GLU A	47151. 389	7. 499 -10. 156	1. 00 0. 00 C
	ATOM	655	0E1	GLU A	47151. 498	7. 871 -11. 345	1. 00 0. 00 0
	ATOM	656	0E2	GLU A	47151. 742	6. 370 -9. 757	1. 00 0. 00 0
20	ATOM	657	H	GLU A	47150.064	11. 268 -7. 933	1. 00 0. 00 H
	ATOM	658	HA	GLU A	47147. 725	9. 991 -8. 932	1.00 0.00 H
	ATOM	659	1HB	GLU A	47148. 866	7. 656 -8. 820	1. 00 0. 00 H
	ATOM	660	2HB	GLU A	47149. 014	8. 615 -10. 286	1. 00 0. 00 H
	ATOM	661	1HG	GLU A	47151. 218	9. 446 -9. 329	1. 00 0. 00 H
25	ATOM	662	2HG	GLU A	47151.070	8. 140 -8. 157	1. 00 0. 00 H
	ATOM	663	N	VAL A	48147. 281	9. 445 -6. 564	1.00 0.00 N

1. 00

1. 00

1.00

-5. 167

-4. 839

-5. 164

9. 146

7. 708

6. 771

ATOM

ATOM

ATOM

 $\mathsf{C}\mathsf{A}$

C

0

664

665

666

VAL A

VAL A

VAL A

48146.998

48147. 382

48146.654

0.00 C

0.00 C

	WO 20	04/0167	/81			65			C1/JP2003/0
	ATOM	667	СВ	VAL A	48145. 510	9. 358	-4. 832	1. 00	0. 00 C
	ATOM	668	CG1	VAL A	48145. 280	9. 261	-3. 332	1. 00	0.00 C
	ATOM	669	CG2	VAL A	48145. 028	10. 698	-5. 367	1. 00	0.00 C
	ATOM	670	H	VAL A	48146. 539	9. 647	-7. 171	1. 00	0.00 H
5	ATOM	671	HA	VAL A	48147. 586	9. 814	-4. 555	1. 00	0.00 H
	ATOM	672	HB	VAL A	48144. 938	8. 577	-5. 311	1. 00	0.00 H
	ATOM	673	1HG1	VAL A	48146. 009	9. 870	-2. 816	1. 00	0.00 H
	ATOM	674	2HG1	VAL A	48145. 384	8. 234	-3. 018	1. 00	0.00 H
	ATOM	675	3HG1	VAL A	48144. 286	9. 612	-3.096	1. 00	0.00 H
10	ATOM	676	1HG2	VAL A	48144. 888	10. 631	-6. 435	1. 00	0.00 H
	ATOM	677	2HG2	VAL A	48145. 764	11. 458	-5. 149	1. 00	0.00 H
	ATOM	678	3HG2	VAL A	48144. 092	10. 958	-4. 896	1. 00	0.00 H
	ATOM	679	N	LEU A	49148. 535	7. 539	-4. 201	1. 00	0.00 N
	ATOM	680	CA	LEU A	49149. 018	6. 214	-3.836	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	681	C	LEU A	49148. 878	5. 981	-2. 338	1. 00	0. 00 C
	ATOM	682	0	LEU A	49149. 538	6. 638	-1.532	1. 00	0.000
	ATOM	683	CB	LEU A	49150. 480	6. 046	-4. 256	1. 00	0.00 C
	ATOM	684	CG	LEU A	49150. 733	6. 129	-5.763	1. 00	0.00 C
	ATOM	685	CD1	LEU A	49152. 125	6. 676	-6.041	1. 00	0.00 C
20	ATOM	686	CD2	LEU A	49150. 556	4. 763	-6. 408	1. 00	0.00 C
	ATOM	687	H	LEU A	49149. 075	8. 325	-3. 971	1. 00	0.00 H
	ATOM	688	HA	LEU A	49148. 417	5. 486	-4. 360	1. 00	0.00 H
	ATOM	689	1HB	LEU A	49151.062	6. 815	-3. 771	1. 00	0. 00 H
	ATOM	690	2HB	LEU A	49150. 824	5. 084	-3. 910	1. 00	0.00 H
25	ATOM	691	HG	LEU A	49150. 016	6.805	-6. 206	1. 00	0.00 H
	ATOM	692	1HD1	LEU A	49152. 859	6.065	-5. 535	1. 00	0.00 H
	ATOM	693	2HD1	LEU A	49152. 192	7. 691	-5. 679	1. 00	0.00 H
	ATOM	694	3HD1	LEU A	49152. 313	6. 658	-7. 104	1. 00	0.00 H
	ATOM	695	1HD2	LEU A	49151.466	4. 192	-6. 299	1. 00	0.00 H

							00			
	ATOM	696	2HD2	LEU A	A	49150. 332	4. 887	-7. 458	1. 00	0.00 H
	ATOM	697	3HD2	LEU	A	49149. 744	4. 241	-5. 927	1. 00	0.00 H
	ATOM	698	N	ALA	A	50148. 016	5. 041	-1. 969	1. 00	0.00 N
	ATOM	699	CA	ALA .	A	50147. 792	4. 725	-0.567	1. 00	0.00 C
5	ATOM	700	C	ALA .	A	50148. 710	3. 597	-0. 106	1. 00	0.00 C
	ATOM	701	0	ALA	A	50148. 601	2. 465	-0.577	1. 00	0.000
	ATOM	702	CB	ALA	A	50146. 334	4. 353	-0. 335	1. 00	0.00 C
	ATOM	703	H	ALA	A	50147. 518	4. 551	-2.657	1. 00	0.00 H
	ATOM	704	HA	ALA	A	50148. 009	5. 613	0.009	1. 00	0.00 H
10	ATOM	705	1HB	ALA	A	50145. 791	5. 222	0. 005	1. 00	0.00 H
	ATOM	706	2HB	ALA	A	50146. 275	3. 576	0. 412	1. 00	0.00 H
	ATOM	707	3HB	ALA	A	50145. 903	3. 997	-1. 259	1. 00	0.00 H
	ATOM	708	N	GLY	A	51149. 612	3. 914	0.815	1. 00	0.00 N
	ATOM	709	CA	GLY	A	51150. 535	2. 916	1. 323	1. 00	0.00 C
15	ATOM	710	C	GLY	A	51149. 844	1. 863	2. 167	1. 00	0.00 C
	ATOM	711	0	GLY	A	51149. 329	2. 161	3. 245	1. 00	0.000
	ATOM	712	H	GLY	A	51149. 653	4. 833	1. 153	1. 00	0.00 H
	ATOM	713	1HA	GLY	A	51151. 018	2. 431	0. 488	1. 00	0.00 H
	ATOM	714	2HA	GLY	A	51151. 286	3. 408	1. 924	1. 00	0.00 H
20	ATOM	715	N	LEU	A	52149. 831	0. 629	1. 676	1. 00	0.00 N
	ATOM	716	CA	LEU	A	52149. 197	-0. 472	2. 394	1. 00	0. 00 C
	ATOM	717	C	LEU	A	52150. 243	-1. 373	3. 043	1. 00	0.00 C
	ATOM	718	3 0	LEU	A	52151. 202	-1. 795	2. 395	1. 00	0.000
	ATOM	719	CB	LEU	A	52148. 321	-1. 291	1. 444	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	720) CG	LEU	A	52147. 056	-0. 582	0. 958	1. 00	0. 00 C
	ATOM	721	CD:	LEU	A	52146. 413	-1. 358	-0. 180	1. 00	0. 00 C
	ATOM	722	2 CD	2 LEU	A	52146. 072	-0. 402	2. 105	1. 00	0. 00 C
	ATOM	723	3 H	LEU	A	52150. 258	0. 452	0.813	1. 00	0. 00 H
	ATOM	724	4 HA	LEU	A	52148. 576	-0. 048	3. 168	1. 00	0. 00 H

						• -		_	
	ATOM	725	1HB	LEU A	52148. 914	-1. 558	0. 582	1. 00	0.00 H
	ATOM	726	2HB	LEU A	52148. 025	-2. 197	1. 951	1. 00	0.00 H
	ATOM	727	HG	LEU A	52147. 320	0. 398	0. 587	1. 00	0.00 H
	ATOM	728	1HD1	LEU A	52147. 183	-1. 760	-0.823	1. 00	0.00 H
5	ATOM	729	2HD1	LEU A	52145. 776	-0. 698	-0.752	1. 00	0.00 H
	ATOM	730	3HD1	LEU A	52145. 822	-2. 167	0. 223	1. 00	0.00 H
	ATOM	731	1HD2	LEU A	52146. 235	-1. 174	2. 843	1. 00	0.00 H
	ATOM	732	2HD2	LEU A	52145. 063	-0. 473	1. 728	1. 00	0.00 H
	ATOM	733	3HD2	LEU A	52146. 220	0. 567	2. 558	1. 00	0.00 H
10	ATOM	734	N	GLU A	53150. 052	-1.664	4. 326	1. 00	0.00 N
	ATOM	735	CA	GLU A	53150. 978	-2.514	5.063	1. 00	0.00 C
	ATOM	736	C	GLU A	53150. 455	-3. 945	5. 146	1. 00	0.00 C
	ATOM	737	0	GLU A	53149. 489	-4. 223	5. 858	1. 00	0.000
	ATOM	738	CB	GLU A	53151. 204	-1. 959	6. 470	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	739	CG	GLU A	53152. 193	-2. 769	7. 292	1. 00	0. 00 C
	ATOM	740	CD	GLU A	53151. 825	-2.820	8. 762	1. 00	0. 00 C
	ATOM	741	0E1	GLU A	53150. 789	-3. 436	9. 095	1. 00	0.000
	ATOM	742	0E2	GLU A	53152. 571	-2. 244	9. 581	1. 00	0.000
	ATOM	743	H	GLU A	53149. 269	-1. 297	4. 787	1. 00	0.00 H
20	ATOM	744	HA	GLU A	53151. 919	-2. 519	4. 532	1. 00	0.00 H
	ATOM	745	1HB	GLU A	53151. 577	-0. 949	6. 391	1. 00	0.00 H
	ATOM	746	2HB	GLU A	53150. 259	-1. 944	6. 995	1. 00	0. 00 H
	ATOM	747	1HG	GLU A	53152. 219	-3. 779	6. 909	1. 00	0.00 H
	ATOM	748	2HG	GLU A	53153. 172	-2. 323	7. 196	1. 00	0.00 H
25	ATOM	749	N	LEU A	54151. 097	-4. 848	4. 413	1. 00	0.00 N
	ATOM	750	CA	LEU A	54150. 696	-6. 250	4. 404	1. 00	0.00 C
	ATOM	751	C	LEU A	54150. 964	-6. 903	5. 757	1. 00	0.00 C
	ATOM	752	0	LEU A	54152. 037	-6. 735	6. 335	1. 00	0.000
	ATOM	753	CB	LEU A	54151. 439	-7. 008	3. 302	1. 00	0.00 C

68	
00	,

	ATOM	754	CG	LEU A	54151. 377	-6. 362	1. 917	1. 00	0.00 C
	ATOM	755	CD1	LEU A	54152. 577	-6. 778	1. 080	1. 00	0.00 C
	ATOM	756	CD2	LEU A	54150. 080	-6. 734	1. 215	1. 00	0.00 C
	ATOM	757	H	LEU A	54151. 859	-4. 565	3. 866	1. 00	0.00 H
5	ATOM	758	HA	LEU A	54149. 635	-6. 290	4. 203	1. 00	0.00 H
	ATOM	759	1HB	LEU A	54152. 476	-7. 094	3. 591	1. 00	0.00 H
	ATOM	760	2HB	LEU A	54151.019	-8. 000	3. 231	1. 00	0.00 H
	ATOM	761	HG	LEU A	54151. 404	-5. 288	2. 026	1. 00	0.00 H
	ATOM	762	1HD1	LEU A	54152. 294	-6. 815	0. 038	1. 00	0.00 H
10	ATOM	763	2HD1	LEU A	54152. 914	-7. 755	1. 396	1. 00	0.00 H
	ATOM	764	3HD1	LEU A	54153. 373	-6.062	1. 212	1. 00	0.00 H
	ATOM	765	1HD2	LEU A	54150. 087	-6. 336	0. 212	1. 00	0.00 H
	ATOM	766	2HD2	LEU A	54149. 244	-6. 321	1. 761	1. 00	0.00 H
	ATOM	767	3HD2	LEU A	54149. 988	-7. 809	1. 175	1. 00	0.00 H
15	ATOM	768	N	GLU A	55149. 981	-7. 645	6. 255	1. 00	0. 00 N
	ATOM	769	CA	GLU A	55150. 112	-8. 323	7. 540	1. 00	0. 00 C
	ATOM	770	C	GLU A	55151. 134	-9. 452	7. 459	1. 00	0. 00 C
	ATOM	771	0	GLU A	55151. 849	-9. 725	8. 422	1. 00	0.000
	ATOM	772	CB	GLU A	55148. 758	-8. 876	7. 988	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	773	CG	GLU A	55147. 661	-7. 825	8. 049	1. 00	0. 00 C
	ATOM	774	CD	GLU A	55146. 606	-8. 144	9. 089	1. 00	0.00 C
	ATOM	775	0E1	GLU A	55146. 111	-7. 202	9. 743	1. 00	0.000
	ATOM	776	0E2	GLU A	55146. 273	-9. 338	9. 250	1. 00	0.000
	ATOM	777	H	GLU A	55149. 149	-7. 740	5. 746	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	778	HA	GLU A	55150. 452	-7. 597	8. 264	1. 00	0.00 H
	ATOM	779	1HB	GLU A	55148. 450	-9. 646	7. 297	1. 00	0.00 H
	ATOM	780	2HB	GLU A	55148. 867	-9. 310	8. 971	1. 00	0.00 H
	ATOM	781	1HG	GLU A	55148. 106	-6. 873	8. 292	1. 00	0.00 H
	ATOM	782	2HG	GLU A	55147. 185	-7. 764	7. 081	1. 00	0.00 H

57156. 832 -9. 125

57156. 673 -10. 298

58156. 035 -10. 715

58156. 305 -11. 234

7. 194

8. 502

3. 125

1. 789

1.00

1. 00

1.00

1.00

0.00 H

0.00 H

0.00 N

0.00 C

808 1HG

809 2HG

N

CA

810

811

ATOM

ATOM

ATOM

ATOM

GLU A

GLU A

CYS A

CYS A

	WO 20	004/016781		PCT/JP2003/010288
	ATOM	812 C	CYS A	58157. 612 -10. 668 1. 241 1. 00 0. 00 C
	ATOM	813 0	CYS A	58157. 877 -9. 472 1. 350 1. 00 0. 00 0
	ATOM	814 CB	CYS A	58155. 153 -10. 892 0. 844 1. 00 0. 00 C
	ATOM	815 SG	CYS A	58154. 828 -12. 155 -0. 409 1. 00 0. 00 S
5	ATOM	816 H	CYS A	58155. 731 -9. 788 3. 225 1. 00 0. 00 H
	ATOM	817 HA	CYS A	58156. 393 -12. 307 1. 862 1. 00 0. 00 H
	ATOM	818 1HB	CYS A	58154. 249 -10. 764 1. 421 1. 00 0. 00 H
	ATOM	819 2HB	CYS A	58155. 378 -9. 970 0. 330 1. 00 0. 00 H
	ATOM	820 HG	CYS A	58155. 382 -11. 967 -1. 171 1. 00 0. 00 H
10	ATOM	821 N	ALA A	59158. 424 -11. 538 0. 649 1. 00 0. 00 N
	ATOM	822 CA	ALA A	59159. 704 -11. 127 0. 083 1. 00 0. 00 C
	ATOM	823 C	ALA A	59159. 504 -10. 336 -1. 206 1. 00 0. 00 C
	ATOM	824 0	ALA A	59158. 946 -10. 845 -2. 177 1. 00 0. 00 0
	ATOM	825 CB	ALA A	59160. 583 -12. 342 -0. 172 1. 00 0. 00 C
15	ATOM	826 H	ALA A	59158. 157 -12. 480 0. 592 1. 00 0. 00 H
	ATOM	827 HA	ALA A	59160. 201 -10. 498 0. 806 1. 00 0. 00 H
	ATOM	828 1HB	ALA A	59160. 533 -13. 006 0. 679 1. 00 0. 00 H
	ATOM	829 2HB	ALA A	59161. 604 -12. 022 -0. 319 1. 00 0. 00 H
	ATOM	830 3HB	ALA A	59160. 235 -12. 859 -1. 053 1. 00 0. 00 H
20	ATOM	831 N	GLY A	60159. 964 -9. 090 -1. 206 1. 00 0. 00 N
	ATOM	832 CA	GLY A	60159. 828 -8. 249 -2. 381 1. 00 0. 00 C
	ATOM	833 C	GLY A	60159. 332 -6. 857 -2. 044 1. 00 0. 00 C
	ATOM	834 0	GLY A	60159. 634 -5. 895 -2. 751 1. 00 0. 00 0
	ATOM	835 H	GLY A	60160. 402 -8. 738 -0. 403 1. 00 0. 00 H
25	ATOM	836 1HA	GLY A	60160. 789 -8. 169 -2. 868 1. 00 0. 00 H
	ATOM	837 2HA	GLY A	60159. 129 -8. 713 -3. 063 1. 00 0. 00 H
	ATOM	838 N	CYS A	61158. 569 -6. 749 -0. 961 1. 00 0. 00 N
	ATOM	839 CA	CYS A	61158. 030 -5. 464 -0. 533 1. 00 0. 00 C
	ATOM	840 C	CYS A	61159. 088 -4. 647 0. 201 1. 00 0. 00 C

	WO 2004/016781				71		PCT/JP2003/010288			
	ATOM	841 0	CYS A	61160. 199	-5. 122	0. 439	1.00	0.000		
	ATOM	842 CB	CYS A	61156. 814	-5. 674	0.372	1. 00	0.00 C		
	ATOM	843 SG	CYS A	61155. 538	-6. 739	-0. 343	1. 00	0.00 S		
	ATOM	844 H	CYS A	61158. 363	-7. 552	-0. 440	1. 00	0.00 H		
5	ATOM	845 HA	CYS A	61157. 721	-4.923	-1. 414	1. 00	0.00 H		
	ATOM	846 1HB	CYS A	61157. 137	-6. 126	1. 297	1. 00	0.00 H		
	ATOM	847 2HB	CYS A	61156. 361	-4. 716	0. 584	1. 00	0.00 H		
	ATOM	848 HG	CYS A	61155. 374	-6. 443	-1. 241	1. 00	0.00 H		
	ATOM	849 N	THR A	62158. 736	-3. 416	0. 557	1. 00	0.00 N		
10	ATOM	850 CA	THR A	62159. 656	-2. 532	1. 265	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	851 C	THR A	62159. 205	-2. 320	2. 707	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	852 0	THR A	62158. 208	-2. 893	3. 147	1. 00	0.000		
	ATOM	853 CF	3 THR A	62159.755	-1. 186	0. 546	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	854 00	G1 THR A	62158. 468	-0. 633	0. 336	1. 00	0.000		
15	ATOM	855 CC	G2 THR A	62160. 441	-1. 276	-0.800	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	856 H	THR A	62157. 835	-3. 094	0. 341	1. 00	0.00 H		
	ATOM	857 H	A THR A	62160. 628	-3.001	1. 270	1. 00	0.00 H		
	MOTA	858 H	B THR A	62160. 322	-0. 502	1. 161	1. 00	0.00 H		
	ATOM	859 H	G1 THR A	62158. 158	-0. 226	1. 149	1. 00	0.00 H		
20	ATOM	860 1H	G2 THR A	62160. 407	-2. 296	-1. 154	1. 00	0.00 H		
	ATOM	861 2H	G2 THR A	62161. 470	-0. 963	-0. 701	1. 00	0.00 H		
	ATOM	862 3H	G2 THR A	62159. 936	-0. 634	-1. 506	1. 00	0.00 H		
	ATOM	863 N	ASP A	63159. 946	-1. 492	3. 437	1. 00	0. 00 N		
	ATOM	864 C	A ASP A	63159. 622	-1. 204	4. 830		0.00 C		
25	ATOM	865 C	ASP A	63158. 872	0. 118		1. 00	0. 00 C		
	ATOM	866 0	ASP A	63158. 994	0. 823					
	ATOM	867 C	B ASP A	63160. 897	-1. 160					
	ATOM	868 C	G ASP A	63161. 958	-0. 260					
	ATOM	869 0	D1 ASP A	63161. 917	0. 962	5. 329	1. 00	0.000		

			•				72			
	ATOM	870	OD2	ASP A		63162. 830	-0.775	4. 341	1. 00	0.000
	ATOM	871	H	ASP A		63160. 728	-1.066	3. 030	1. 00	0.00 H
	ATOM	872	HA	ASP A		63158. 988	-1. 998	5. 194	1. 00	0.00 H
	ATOM	873	1HB	ASP A		63160. 658	-0.792	6. 659	1. 00	0.00 H
5	ATOM	874	2HB	ASP A		63161. 302	-2. 158	5. 755	1. 00	0.00 H
	ATOM	875	N	GLY A		64158. 097	0. 449	3. 923	1. 00	0.00 N
	ATOM	876.	CA	GLY A		64157. 338	1. 687	3. 936	1. 00	0.00 C
	ATOM	877	C	GLY A		64158. 086	2. 832	3. 282	1. 00	0.00 C
	ATOM	878	0	GLY A		64158. 057	3. 960	3. 772	1. 00	0.000
10	ATOM	879	H	GLY A		64158. 038	-0. 151	3. 152	1. 00	0.00 H
	ATOM	880	1HA	GLY A	L	64156. 408	1. 532	3. 409	1. 00	0.00 H
	ATOM	881	2HA	GLY A	L	64157. 119	1. 951	4. 959	1. 00	0.00 H
	ATOM	882	N	THR A	1	65158. 759	2. 540	2. 173	1. 00	0.00 N
	ATOM	883	CA	THR A	1	65159. 518	3. 555	1. 451	1. 00	0.00 C
15	ATOM	884	C	THR A	A	65159. 186	3. 527	-0.037	1. 00	0.00 C
	ATOM	885	0	THR A	A	65159. 401	2. 520	-0.712	1. 00	0.000
	ATOM	886	CB	THR A	4	65161.018	3. 339	1. 654	1. 00	0.00 C
	ATOM	887	0G1	THR A	A	65161. 361	1. 979	1. 450	1. 00	0.000
	ATOM	888	CG2	THR A	A	65161. 498	3. 730	3. 036	1. 00	0.00 C
20	ATOM	889	H	THR A	A	65158. 743	1. 622	1. 832	1. 00	0.00 H
	ATOM	890	HA	THR	A	65159. 246	4. 520	1. 851	1. 00	0.00 H
	ATOM	891	HB	THR	A	65161. 559	3. 937	0. 935	1. 00	0.00 H
	ATOM	892	HG1	THR	A	65160. 987	1. 675	0.620	1. 00	0.00 H
	ATOM	893	1HG2	THR .	A	65161. 971	2. 882	3. 507	1. 00	0.00 H
25	ATOM	894	2HG2	THR	A	65160. 656	4. 050	3. 632	1. 00	0.00 H
	ATOM	895	3HG2	THR	A	65162. 209	4. 539	2. 954	1. 00	0.00 H
	ATOM	896	N	PHE	A	66158. 661	4. 639	-0. 541	1. 00	0.00 N
	ATOM	897	CA	PHE	A	66158. 299	4. 742	-1. 950	1. 00	0.00 C
	ATOM	898	C	PHE	A	66159. 221	5. 716	-2. 679	1. 00	0.00 C

						73			
	ATOM	899	0	PHE A	66159. 301	6. 892	-2. 326	1. 00	0.000
	ATOM	900	CB	PHE A	66156. 845	5. 196	-2. 093	1. 00	0.00 C
	ATOM	901	CG	PHE A	66156. 255	4. 906	-3. 443	1. 00	0.00 C
	ATOM	902	CD1	PHE A	66155. 891	3. 615	-3. 791	1. 00	0.00 C
5	ATOM	903	CD2	PHE A	66156.065	5. 924	-4. 364	1. 00	0.00 C
	ATOM	904	CE1	PHE A	66155. 348	3. 345	-5.033	1. 00	0.00 C
	ATOM	905	CE2	PHE A	66155. 523	5. 659	-5.607	1. 00	0.00 C
	ATOM	906	CZ	PHE A	66155. 163	4. 368	-5. 943	1. 00	0.00 C
	ATOM	907	H	PHE A	66158. 514	5. 408	0.047	1. 00	0.00 H
10	ATOM	908	HA	PHE A	66158. 406	3. 764	-2. 393	1. 00	0.00 H
	ATOM	909	1HB	PHE A	66156. 243	4. 691	-1. 353	1. 00	0.00 H
	ATOM	910	2HB	PHE A	66156. 791	6. 263	-1. 927	1. 00	0.00 H
	ATOM	911	HD1	PHE A	66156.035	2. 814	-3. 082	1. 00	0.00 H
	ATOM	912	HD2	PHE A	66156. 345	6. 933	-4. 104	1. 00	0.00 H
15	ATOM	913	HE1	PHE A	66155.069	2. 333	-5. 293	1. 00	0. 00 H
	ATOM	914	HE2	PHE A	66155. 379	6. 461	-6. 316	1. 00	0.00 H
	ATOM	915	HZ	PHE A	66154. 739	4. 159	-6. 913	1. 00	0.00 H
	ATOM	916	N	ARG A	67159. 915	5. 216	-3.697	1. 00	0.00 N
	ATOM	917	CA	ARG A	67160. 832	6. 041	-4. 475	1. 00	0.00 C
20	ATOM	918	C	ARG A	67161. 929	6. 620	-3. 587	1. 00	0. 00 C
	ATOM	919	0	ARG A	67162. 433	7. 715	-3. 841	1. 00	0.000
	ATOM	920	CB	ARG A	67160. 070	7. 173	-5. 166	1. 00	0. 00 C
	ATOM	921	CG	ARG A	67158. 877	6. 694	-5. 979	1. 00	0. 00 C
	ATOM	922	CD	ARG A	67159. 187	6. 672	-7. 467	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	923	NE	ARG A	67158. 148	5. 989	-8. 234	1. 00	0. 00 N
	ATOM	924	CZ	ARG A	67158. 009	6. 095	-9. 553	1. 00	0. 00 C
	ATOM	925	NH	I ARG A	67158. 840	6.854	-10. 257	1. 00	0.00 N
	ATOM	926	NH	2 ARG A	67157. 035	5. 440	-10. 172	1. 00	0.00 N
	ATOM	927	H	ARG A	67159. 809	4. 270	-3. 929	1. 00	0.00 H

			•				74	`		
	ATOM	928	HA	ARG A		67161. 287	5. 413	-5. 225	1. 00	0.00 H
	ATOM	929	1HB	ARG A		67159. 713	7.862	-4. 417	1. 00	0.00 H
	ATOM	930	2HB	ARG A		67160. 746	7. 692	-5.830	1. 00	0.00 H
	ATOM	931	1HG	ARG A		67158. 615	5. 696	-5.662	1. 00	0.00 H
5	ATOM	932	2HG	ARG A		67158. 045	7. 361	-5. 805	1. 00	0.00 H
	ATOM	933	1HD	ARG A	L	67159. 272	7. 689	-7.821	1. 00	0.00 H
	ATOM	934	2HD	ARG Å		67160. 127	6. 161	-7.618	1. 00	0.00 H
	ATOM	935	HE	ARG A	L	67157. 520	5. 422	-7. 739	1. 00	0.00 H
	ATOM	936	1HH1	ARG A		67159. 576	7. 350	-9. 797	1. 00	0.00 H
10	ATOM	937	2HH1	ARG A		67158. 731	6. 929	-11. 248	1. 00	0.00 H
	ATOM	938	1HH2	ARG A	1	67156. 407	4.867	-9. 647	1. 00	0. 00 H
	ATOM	939	2HH2	ARG A	1	67156. 931	5. 520	-11. 163	1. 00	0.00 H
	ATOM	940	N	GLY A	1	68162. 294	5. 880	-2.546	1. 00	0.00 N
	ATOM	941	CA	GLY A	I	68163.328	6. 336	-1. 637	1. 00	0.00 C
15	ATOM	942	C	GLY A	I	68162. 851	7. 452	-0. 728	1. 00	0.00 C
	ATOM	943	0	GLY A	ł	68163. 645	8. 277	-0. 277	1. 00	0.000
	ATOM	944	H	GLY A	A	68161.858	5. 016	-2.394	1. 00	0.00 H
	ATOM	945	1HA	GLY A	A	68163. 650	5. 504	-1. 028	1. 00	0.00 H
	ATOM	946	2HA	GLY A	A	68164. 169	6. 692	-2. 215	1. 00	0.00 H
20	ATOM	947	N	THR A	A	69161. 549	7. 477	-0. 459	1. 00	0.00 N
	ATOM	948	CA	THR A	A	69160. 967	8. 500	0. 402	1. 00	0.00 C
	ATOM	949	C	THR A	A	69160. 013	7. 879	1. 417	1. 00	0.00 C
	ATOM	950	0 .	THR A	A	69158. 835	7. 665	1. 126	1. 00	0.000
	ATOM	951	CB	THR A	A	69160. 228	9. 543	-0. 438	1. 00	0.00 C
25	ATOM	952	0G1	THR A	A	69161.060	10. 033	-1. 474	1. 00	0.000
	ATOM	953	CG2	THR A	A	69159. 750	10. 732	0. 367	1. 00	0. 00 C
	ATOM	954	H	THR A	A	69160. 967	6. 792	-0. 848	1. 00	0.00 H
	ATOM	955	HA	THR	A	69161. 772	8. 984	0. 934	1. 00	0.00 H
	ATOM	956	HB	THR	A	69159. 362	9. 079	-0. 889	1. 00	0.00 H

	WO 20)04/0167	81				75			C1/JP2003/0
	ATOM	957	HG1	THR A	L	69161. 864	10. 397	-1. 095	1. 00	0.00 H
	ATOM	958	1HG2	THR A	L	69158. 755	11. 006	0. 048	1. 00	0.00 H
	ATOM	959	2HG2	THR A	L	69160. 421	11. 564	0. 214	1. 00	0.00 H
	ATOM	960	3HG2	THR A	L	69159. 732	10. 473	1. 416	1. 00	0.00 H
5	ATOM	961	N	ARG A	L	70160. 528	7. 590	2. 608	1. 00	0.00 N
	ATOM	962	CA	ARG A	1	70159. 721	6. 993	3.665	1. 00	0.00 C
	ATOM	963	C	ARG A	1	70158. 604	7. 938	4. 097	1. 00	0. 00 C
	ATOM	964	0	ARG A	1	70158. 855	9. 085	4. 463	1. 00	0.000
	ATOM	965	CB	ARG A	A	70160. 598	6. 640	4. 867	1. 00	0.00 C
10	ATOM	966	CG	ARG A	A	70159. 836	5. 977	6.004	1. 00	0. 00 C
	ATOM	967	CD	ARG A	ł	70160. 300	6. 481	7. 361	1. 00	0. 00 C
	ATOM	968	NE	ARG A	4	70160. 874	5. 412	8. 175	1. 00	0.00 N
	ATOM	969	CZ	ARG A	A	70161. 488	5. 614	9. 338	1. 00	0. 00 C
	ATOM	970	NH1	ARG A	A	70161. 607	6.842	9. 829	1. 00	0.00 N
15	ATOM	971	NH2	ARG A	A	70161. 982	4. 586	10.014	1. 00	0. 00 N
	ATOM	972	H	ARG A	A	70161. 472	7. 783	2. 779	1. 00	0.00 H
	ATOM	973	HA	ARG A	A	70159. 279	6. 088	3. 274	1. 00	0. 00 H
	ATOM	974	1HB	ARG	A	70161. 378	5. 965	4. 544	1. 00	0.00 H
	ATOM	975	2HB	ARG	A	70161. 052	7. 544	5. 245	1. 00	0.00 H
20	ATOM	976	1HG	ARG	A	70158. 784	6. 193	5. 892	1. 00	0.00 H
	ATOM	977	2HG	ARG	A	70159. 992	4. 908	5. 953	1. 00	0. 00 H
	ATOM	978	1HD	ARG	A	70161. 046	7. 247	7. 213	1. 00	0. 00 H
	ATOM	979	2HD	ARG	A	70159. 453	6. 901	7. 883	1. 00	0.00 H
	ATOM	980	HE	ARG	A	70160. 800	4. 496	7. 836	1. 00	0.00 H
25	ATOM	981	1 HH 1	ARG	A	70161. 237	7. 621	9. 325	1. 00	0.00 H
	ATOM	982	2HH1	ARG	A	70162. 069	6. 987	10. 705	1. 00	0.00 H
	ATOM	983	1 HH 2	ARG	A	70161. 894	3. 659	9. 650	1. 00	0.00 H
	ATOM	984	2HH2	ARG	A	70162. 443	4. 738	10. 889	1. 00	0.00 H
	ATOM	985	N	TYR	A	71157. 370	7. 446	4. 052	1. 00	0.00 N

3. 179

3. 971

72154.006

72153. 441

6.690

4. 108

1.00

1.00

0.00 C

0.00 C

CD2 PHE A

CE1 PHE A

ATOM

ATOM

1013

1014

			,				11	`		
	ATOM	1015	CE2	PHE	A	72153. 844	2. 231	5. 697	1. 00	0.00 C
	ATOM	1016	CZ	PHE	A	72153. 562	2. 628	4. 405	1. 00	0.00 C
	ATOM	1017	H	PHE	A	72156. 214	5. 975	5. 561	1. 00	0.00 H
	ATOM	1018	HA	PHE	A	72155. 461	7. 017	8. 192	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1019	1HB	PHE	A	72153. 851	5. 084	8. 432	1. 00	0.00 H
	ATOM	1020	2HB	PHE	A	72153. 345	6. 348	7. 315	1. 00	0.00 H
	ATOM	1021	HD1	PHE	A	72153. 509	5. 965	4. 871	1. 00	0.00 H
	ATOM	1022	HD2	PHE	A	72154. 227	2. 868	7. 700	1. 00	0.00 H
	ATOM	1023	HE 1	PHE	A	72153. 219	4. 284	3. 097	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1024	HE2	PHE	A	72153. 939	1. 181	5. 932	1. 00	0.00 H
_	ATOM	1025	HZ	PHE	A	72153. 435	1. 888	3. 628	1. 00	0.00 H
	ATOM	1026	N	THR	A	73156. 221	4. 676	9. 294	1. 00	0.00 N
	ATOM	1027	CA	THR	A	73157. 093	3. 690	9. 923	1. 00	0.00 C
	ATOM	1028	C	THR	A	73156. 375	2. 353	10. 085	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1029	0 .	THR	A	73155. 407	2. 245	10. 838	1. 00	0.000
	ATOM	1030	CB	THR	A	73157. 569	4. 194	11. 287	1. 00	0.00 C
	ATOM	1031	0G1	THR	A	73157. 769	5. 596	11. 260	1. 00	0.000
	ATOM	1032	CG2	THR	A	73158. 861	3. 554	11. 744	100	0.00 C
	ATOM	1033	H	THR	A	73155. 443	5. 008	9. 787	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1034	HA	THR	A	73157. 950	3. 549	9. 283	1. 00	0.00 H
	ATOM	1035	HB	THR	A	73156.810	3. 974	12. 025	1. 00	0.00 H
	ATOM	1036	HG1	THR	A	73158. 374	5.820	10. 549	1. 00	0.00 H
	ATOM	1037	1HG2	THR	A	73158. 644	2. 615	12. 232	1. 00	0.00 H
	ATOM	1038	2HG2	THR	A	73159. 362	4. 213	12. 438	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1039	3HG2	THR	A	73159. 498	3. 378	10. 890	1. 00	0.00 H
	ATOM	1040	N	CYS	A	74156. 856	1. 339	9. 374	1. 00	0.00 N
	ATOM	1041	CA	CYS	A	74156. 259	0. 010	9. 438	1. 00	0.00 C
	ATOM	1042	C	CYS	A	74157. 337	-1.069	9. 474	1. 00	0.00 C
	ATOM	1043	0	CYS	A	74158. 530	-0. 770	9. 420	1. 00	0.000

						78			
	ATOM	1044	CB	CYS A	74155. 333	-0. 215	8. 241	1. 00	0.00 C
	ATOM	1045	SG	CYS A	74153. 621	0. 290	8. 527	1. 00	0.00 S
	ATOM	1046	H	CYS A	74157. 629	1. 488	8. 790	1. 00	0.00 H
	ATOM	1047	HA	CYS A	74155. 679	-0.049	10. 346	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1048	1HB	CYS A	74155. 705	0. 347	7. 398	1. 00	0.00 H
	ATOM	1049	2HB	CYS A	74155. 329	-1. 267	7. 992	1. 00	0.00 H
	ATOM	1050	HG	CYS A	74153. 631	1. 051	9. 113	1. 00	0.00 H
	ATOM	1051	N	ALA A	75156. 908	-2. 324	9. 562	1. 00	0.00 N
	ATOM	1052	CA	ALA A	75157. 836	-3. 447	9. 604	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1053	C	ALA A	75158. 524	-3. 641	8. 257	1. 00	0.00 C
	ATOM	1054	0	ALA A	75158. 192	-2. 974	7. 277	1. 00	0.000
	ATOM	1055	CB	ALA A	75157. 108	-4. 718	10. 014	1. 00	0.00 C
	ATOM	1056	H	ALA A	75155. 945	-2. 498	9. 601	1. 00	0.00 H
	ATOM	1057	HA	ALA A	75158. 586	-3. 232	10. 352	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1058	1HB	ALA A	75156. 868	-5. 295	9. 134	1. 00	0.00 H
	ATOM	1059	2HB	ALA A	75156. 197	-4. 459	10. 535	1. 00	0.00 H
	ATOM	1060	3HB	ALA A	75157. 741	-5. 301	10.666	1. 00	0.00 H
	ATOM	1061	N	LEU A	76159. 485	-4. 558	8. 216	1. 00	0.00 N
	ATOM	1062	CA	LEU A	76160. 222	-4. 840	6. 989	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1063	C	LEU A	76159. 471	-5. 846	6. 123	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1064	0	LEU A	76158. 917	-6. 822	6. 628	1. 00	0.000
	ATOM	1065	CB	LEU A	76161. 617	-5. 374	7. 317	1. 00	0.00 C
	ATOM	1066	CG	LEU A	76162. 644	-4. 307	7. 700	1. 00	0. 00 C
	MOTA	1067	CD1	LEU A	76163. 639	-4. 860	8. 709	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1068	CD2	LEU A	76163. 367	-3. 795	6. 463	1. 00	0.00 C
	ATOM	1069	H	LEU A	76159. 706	-5. 056	9. 031	1. 00	0.00 H
	ATOM	1070	HA	LEU A	76160. 320	-3. 914	6. 442	1. 00	0.00 H
	ATOM	1071	1HB	LEU A	76161. 529	-6. 070	8. 139	1. 00	0.00 H
	ATOM	1072	2HB	LEU A	76161. 988	-5. 905	6. 455	1. 00	0.00 H

	WO 2	004/016	781			79	+		C1/JP2003/0
	ATOM	1073	HG	LEU A	76162. 134	-3. 472	8. 159	1. 00	0.00 H
	ATOM	1074	1HD1	LEU A	76163. 261	-4. 706	9. 709	1. 00	0.00 H
	ATOM	1075	2HD1	LEU A	76164. 585	-4. 352	8. 600	1. 00	0.00 H
	ATOM	1076	3HD1	LEU A	76163. 777	-5. 919	8. 536	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1077	1HD2	LEU A	76162. 751	-3. 963	5. 592	1. 00	0.00 H
	ATOM	1078	2HD2	LEU A	76164. 302	-4. 323	6. 349	1. 00	0.00 H
	ATOM	1079	3HD2	LEU A	76163. 560	-2. 739	6. 570	1. 00	0.00 H
	MOTA	1080	N	LYS A	77159. 456	-5. 600	4. 817	1. 00	0.00 N
	ATOM	1081	CA	LYS A	77158. 773	-6. 486	3. 881	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1082	. C	LYS A	77157. 282	-6. 563	4. 193	1. 00	0.00 C
	ATOM	1083	0	LYS A	77156. 676	-7. 632	4. 119	1. 00	0.000
	ATOM	1084	CB	LYS A	77159. 390	-7. 885	3. 928	1.00	0.00 C
	ATOM	1085	CG	LYS A	77160. 875	-7. 906	3.603	1. 00	0.00 C
	ATOM	1086	CD	LYS A	77161. 118	-7. 884	2. 103	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1087	CE	LYS A	77162. 543	-7. 467	1. 776	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1088	NZ	LYS A	77163. 090	-8. 220	0.614	1. 00	0.00 N
	ATOM	1089	H	LYS A	77159. 916	-4. 805	4. 475	1. 00	0.00 H
	ATOM	1090	HA	LYS A	77158. 900	-6. 079	2. 889	1. 00	0.00 H
•	ATOM	1091	1HB	LYS A	77159. 255	-8. 293	4. 918	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1092	2HB	LYS A	77158. 879	-8. 515	3. 215	1. 00	0.00 H
	ATOM	1093	1HG	LYS A	77161. 343	-7. 040	4.047	1. 00	0.00 H
	ATOM	1094	2HG	LYS A	77161. 311	-8. 804	4. 017	1. 00	0.00 H
	ATOM	1095	1HD	LYS A	77160. 944	8. 872	1. 705	1. 00	0.00 H
	ATOM	1096	3 2HD	LYS A	77160. 434	-7. 183	1. 648	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1097	7 1HE	LYS A	77162. 551	-6. 412	1. 544	1. 00	0.00 H
	ATOM	1098	3 2HE	LYS A	77163. 166	-7. 649	2. 639	1. 00	0.00 H
	ATOM	1099	HZ 1HZ	LYS A	77162. 550	-7. 995	-0. 246	1. 00	0.00 H
	ATOM	1100) 2HZ	LYS A	77163. 028	-9. 244	0. 790	1. 00	0.00 H
	ATOM	110	1 3HZ	LYS A	77164. 088	-7. 967	0. 461	1. 00	0.00 H

WO 2004/016781		PCT/JP2003/010288
	80	

	ATOM	1102	N	LYS A	78156. 696	-5. 423	4. 544	1. 00	0.00 N
	ATOM	1103	CA	LYS A	78155. 275	-5. 362	4. 868	1. 00	0.00 C
	ATOM	1104	C	LYS A	78154. 692	-4. 001	4. 500	1. 00	0.00 C
	ATOM	1105	0	LYS A	78153. 843	-3. 465	5. 212	1. 00	0.000
5	ATOM	1106	СВ	LYS A	78155. 058	-5. 638	6. 357	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1107	CG	LYS A	78155. 577	-6. 994	6. 806	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1108	CD	LYS A	78155. 301	-7. 234	8. 282	1. 00	0.00 C
	ATOM	1109	CE	LYS A	78154. 066	-8. 098	8. 483	1. 00	0.00 C
	ATOM	1110	NZ	LYS A	78153. 349	-7. 755	9. 743	1. 00	0. 00 N
10	ATOM	1111	H	LYS A	78157. 232	-4. 604	4. 586	1. 00	0.00 H
	ATOM	1112	HA	LYS A	78154. 772	-6. 123	4. 293	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1113	1HB	LYS A	78155. 565	-4. 875	6. 930	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1114	2HB	LYS A	78154. 001	-5. 592	6. 569	1. 00	0.00 H
	ATOM	1115	1HG	LYS A	78155. 089	-7. 764	6. 228	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1116	2HG	LYS A	78156. 643	-7. 035	6. 636	1. 00	0.00 H
	ATOM	1117	1HD	LYS A	78156. 152	-7. 734	8. 720	1. 00	0.00 H
	ATOM	1118	2HD	LYS A	78155. 148	-6. 283	8. 769	1. 00	0.00 H
	ATOM	1119	1HE	LYS A	78153. 399	-7. 950	7. 649	1. 00	0.00 H
	ATOM	1120	2HE	LYS A	78154. 369	-9. 134	8. 522	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1121	1HZ	LYS A	78152. 922	-8. 610	10. 155	1. 00	0.00 H
	ATOM	1122	2HZ	LYS A	78152. 597	-7. 065	9. 549	1. 00	
	MOTA	1123	3HZ	LYS A	78154. 012	-7. 345	10. 431	1. 00	0.00 H
	ATOM	1124	N	ALA A	79155. 152	-3. 448	3. 382	1. 00	0.00 N
	ATOM	1125	CA	ALA A	79154. 674	-2. 151	2. 920	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1126	C	ALA A	79154. 599	-2. 103	1. 397	1. 00	0.00 C
	ATOM	1127	0	ALA A	79155. 621	-2. 002	0. 719	1. 00	0.000
	ATOM	1128	CB	ALA A		-1. 041	3. 440	1. 00	0.00 C
	ATOM	1129	H	ALA A	79155. 828	-3. 923	2. 856		0.00 H
	MOTA	1130	HA	ALA A	79153. 684	-1. 996	3. 324	1. 00	0.00 H

	WO 2004/016781					81		P	. 1/JP2003/0
	ATOM	1131	1HB	ALA A	79155. 178	-0. 659	4. 369	1. 00	0.00 H
	ATOM	1132		ALA A	79155. 621	-0. 243	2.714	1. 00	0.00 H
	ATOM	1133	ЗНВ	ALA A	79156. 569	-1. 432	3. 607	1. 00	0.00 H
	ATOM	1134	N	LEU A	80153. 382	-2. 177	0.868	1. 00	0. 00 N
5	ATOM	1135	CA	LEU A	80153. 172	-2. 143	-0. 576	1. 00	0.00 C
	ATOM	1136	С	LEU A	80152. 306	-0. 951	-0.970	1. 00	0.00 C
	ATOM	1137	0	LEU A	80151. 157	-0. 836	-0. 541	1. 00	0.000
	ATOM	1138	CB	LEU A	80152. 518	-3. 443	-1. 047	1. 00	0.00 C
	ATOM	1139	CG	LEU A	80152. 189	-3. 497	-2. 540	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1140	CD1	LEU A	80153. 449	-3. 741	-3. 356	1. 00	0.00 C
	ATOM	1141	CD2	LEU A	80151. 155	-4. 579	-2.817	1. 00	0.00 C
	ATOM	1142	H	LEU A	80152. 606	-2. 257	1.462	1. 00	0.00 H
	ATOM	1143	HA	LEU A	80154. 137	-2. 043	-1. 049	1. 00	0.00 H
	ATOM	1144	1HB	LEU A	80153. 185	-4. 261	-0.816	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	1145	2HB	LEU A	80151.601	-3. 581	-0. 494	1. 00	0.00 H
	ATOM	1146	HG	LEU A	80151. 772	-2.549	-2. 845	1. 00	0.00 H
	ATOM	1147	1HD1	LEU A	80153. 391	-3. 188	-4. 282	1. 00	0.00 H
	ATOM	1148	2HD1	LEU A	80153. 541	-4. 794	-3. 571	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1149	3HD1	LEU A	80154. 311	-3. 411	-2. 794	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	1150	1HD2	LEU A	80150. 553		-3. 666	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1151	2HD2	LEU A	80150. 522		-1. 951	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1152	2 3HD2	LEU A			-3. 032	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1153	B N	PHE A	81152. 863		-1. 789	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1154	4 CA	PHE A			-2. 242	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	1155	5 C	PHE A					0. 00 C
	ATOM	1156	3 0	PHE I				1. 00	0.000
	ATOM	1157	7 CB	PHE A					0. 00 C
	ATOM	1158		PHE					
	MOTA	1159	9 CD	PHE	A 81153. 243	3. 993	-0. 757	1. 00	0. 00 C

	ATOM	1160	CD2	PHE A	81154. 883	2. 260	-0. 768	1. 00	0.00 C
	ATOM	1161	CE1	PHE A	81153.829	4. 545	0. 367	1. 00	0.00 C
	ATOM	1162	CE2	PHE A	81155. 473	2. 808	0. 355	1. 00	0.00 C
	ATOM	1163	CZ	PHE A	81154. 946	3. 952	0. 923	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1164	H	PHE A	81153. 783	-0. 212	-2.096	1. 00	0.00 H
	ATOM	1165	HA	PHE A	81151. 487	1. 433	-1. 443	1. 00	0.00 H
	ATOM	1166	1HB	PHE A	81153. 910	1. 868	-3. 191	1. 00	0.00 H
	ATOM	1167	2HB	PHE A	81152. 597	3. 037	-3.077	1. 00	0.00 H
	ATOM	1168	HD1	PHE A	81152. 370	4. 457	-1. 190°	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1169	HD2	PHE A	81155. 296	1. 367	-1. 212	1. 00	0.00 H
	ATOM	1170	HE 1	PHE A	81153. 416	5. 439	0.809	1. 00	0.00 H
	ATOM	1171	HE2	PHE A	81156. 346	2. 343	0. 788	1. 00	0.00 H
	ATOM	1172	HZ	PHE A	81155. 407	4. 381	1.802	1. 00	0.00 H
	ATOM	1173	N	VAL A	82150.087	1. 347	-3.509	1. 00	0.00 N
15	ATOM	1174	CA	VAL A	82149. 182	1. 124	-4. 631	1. 00	0.00 C
	ATOM	1175	C	VAL A	82148. 297	2. 342	-4. 873	1. 00	0.00 C
	ATOM	1176	0	VAL A	82148. 200	3. 229	-4. 027	1. 00	0.000
	ATOM	1177	CB	VAL A	82148. 288	-0. 107	-4. 394	1. 00	0.00 C
	ATOM	1178	CG1	VAL A	82149. 115	-1. 382	-4. 425	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1179	CG2	VAL A	82147. 539	0. 021	-3. 077	1. 00	0.00 C
	ATOM	1180	H	VAL A	82149. 794	1. 912	-2. 764	1. 00	0.00 H
	ATOM	1181	HA	VAL A	82149. 780	0. 945	-5. 512	1. 00	0.00 H
	ATOM	1182	HB	VAL A	82147. 561	-0. 158	-5. 192	1. 00	0.00 H
	ATOM	1183	1HG1	VAL A	82149. 562	-1. 499	-5. 401	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1184	2HG1	VAL A	82148. 478	-2. 230	-4. 217	1. 00	0.00 H
	ATOM	1185	3HG1	VAL A	82149. 893	-1. 325	-3. 677	1. 00	0.00 H
	ATOM	1186	1HG2	VAL A	82147. 408	-0. 959	-2. 641	1. 00	0.00 H
	ATOM	1187	2HG2	VAL A	82146. 572	0. 469	-3. 254	1. 00	0.00 H
	ATOM	1188	3HG2	VAL A	82148. 106	0. 644	-2. 400	1. 00	0.00 H

						83			
	ATOM	1189	N	LYS A	83147. 652	2. 375	-6.035	1. 00	0.00 N
	ATOM	1190	CA	LYS A	83146.774	3. 484	-6.390	1. 00	0.00 C
	ATOM	1191	C	LYS A	83145. 517	3. 482	-5.528	1. 00	0.00 C
	ATOM	1192	0	LYS A	83144. 750	2. 518	-5. 530°	1. 00	0.000
5	ATOM	1193	CB	LYS A	83146. 392	3. 406	-7.870	1. 00	0.00 C
	ATOM	1194	CG	LYS A	83147. 588	3. 405	-8.808	1. 00	0.00 C
	ATOM	1195	CD	LYS A	83147. 168	3. 152	-10. 247	1. 00	0.00 C
	ATOM	1196	CE	LYS A	83147. 976	3. 993	-11. 220	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1197	NZ	LYS A	83148. 286	3. 250	-12. 472	1. 00	0.00 N
10	ATOM	1198	H	LYS A	83147. 770	1. 637	-6.669	1. 00	0.00 H
	ATOM	1199	HA	LYS A	83147. 313	4. 403	-6.216	1. 00	0.00 H
	ATOM	1200	1HB	LYS A	83145. 830	2. 498	-8.038	1. 00	0.00 H
	ATOM	1201	2HB	LYS A	83145. 770	4. 254	-8. 115	1. 00	0.00 H
	ATOM	1202	1HG	LYS A	83148. 078	4. 366	-8. 751	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1203	2HG	LYS A	83148. 274	2. 630	-8.501	1. 00	0.00 H
	ATOM	1204	1HD	LYS A	83147. 318	2. 108	-10. 477	1. 00	0.00 H
	ATOM	1205	2HD	LYS A	83146. 121	3. 398	-10. 354	1. 00	0.00 H
	ATOM	1206	1HE	LYS A	83147. 410	4. 879	-11. 469	1. 00	0.00 H
	ATOM	1207	2HE	LYS A	83148. 902	4. 282	-10. 744	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1208	1HZ	LYS A	83149. 234	3. 508	-12.816	1. 00	0.00 H
	ATOM	1209	2HZ	LYS A	83147. 589	3. 481	-13. 207	1. 00	0.00 H
	ATOM	1210	3HZ	LYS A	83148. 261	2. 226	-12. 296	1. 00	0.00 H
	ATOM	1211	N	LEU A	84145. 313	4. 569	-4. 792	1. 00	0.00 N
	ATOM	1212	CA	LEU A	84144. 151	4. 700	-3. 922	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1213	C	LEU A	84142. 856	4. 573	-4. 719	1. 00	0.00 C
	ATOM	1214	0	LEU A	84141. 863	4. 038	-4. 227	1. 00	0.000
	ATOM	1215	CB	LEU A	84144. 189	6. 045	-3. 194	1. 00	0.00 C
	ATOM	1216	CG	LEU A	84142. 978	6. 339	-2. 308	1. 00	0.00 C
	ATOM	1217	CD	LEU A	84143. 141	5. 682	-0.946	1. 00	0.00 C

							04	`		
	ATOM	1218	CD2	LEU .	A	84142. 780	7. 840	-2. 158	1. 00	0.00 C
	ATOM	1219	H	LEU	A	84145. 962	5. 301	-4. 836	1. 00	0.00 H
	ATOM	1220	HA	LEU	A	84144. 191	3. 905	-3. 193	1. 00	0.00 H
	ATOM	1221	1HB	LEU	A	84145. 075	6.071	-2. 577	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1222	2HB	LEU	A	84144. 264	6. 827	-3. 934	1. 00	0.00 H
	ATOM	1223	HG	LEU	A	84142. 091	5. 928	-2. 771	1. 00	0.00 H
	ATOM	1224	1HD1	LEU	A	84143. 630	4. 727	-1.063	1. 00	0.00 H
	ATOM	1225	2HD1	LEU	A	84142. 169	5. 537	-0. 497	1. 00	0.00 H
	ATOM	1226	3HD1	LEU	A	84143. 739	6. 318	-0. 309	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1227	1HD2	LEU	A	84141. 894	8. 030	-1. 571	1. 00	0.00 H
	ATOM	1228	2HD2	LEU	A	84142. 667	8. 287	-3. 134	1. 00	0.00 H
	ATOM	1229	3HD2	LEU	A	84143. 639	8. 268	-1.663	1. 00	0.00 H
	ATOM	1230	N	LYS	A	85142. 875	5. 070	-5. 951	1. 00	0.00 N
	ATOM	1231	CA	LYS	A	85141. 701	5.014	-6.815	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1232	C	LYS	A	85141. 332	3. 569	-7. 138	1. 00	0.00 C
	ATOM	1233	0	LYS	A	85140. 173	3. 263	-7. 421	1. 00	0.000
	ATOM	1234	CB	LYS	A	85141. 958	5. 788	-8. 109	1. 00	0.00 C
	ATOM	1235	CG	LYS	A	85143.098	5. 223	-8. 941	1. 00	0.00 C
	ATOM	1236	CD	LYS	A	85143. 604	6. 236	-9. 955	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1237	CE	LYS	A	85144. 941	5. 817	-10. 542	1. 00	0.00 C
	ATOM	1238	NZ	LYS	A	85145. 553	6. 900	-11. 362	1. 00	0.00 N
	ATOM	1239	H	LYS	A	85143. 696	5. 486	-6. 287	1. 00	0.00 H
	ATOM	1240	HA	LYS	A	85140. 879	5. 473	-6. 289	1. 00	0.00 H
	ATOM	1241	1HB	LYS	A	85141.060	5. 770	-8. 710	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1242	2HB	LYS	A	85142. 195	6. 812	-7. 862	1. 00	0.00 H
	ATOM	1243	1HG	LYS	A	85143. 910	4. 952	-8. 283	1. 00	0.00 H
	ATOM	1244	2HG	LYS	A	85142. 748	4. 346	-9. 465	1. 00	0.00 H
	ATOM	1245	i 1HD	LYS	A	85142. 882	6. 323	-10. 753	1. 00	0.00 H
	ATOM	1246	3 2HD	LYS	A	85143. 719	7. 193	-9. 466	1. 00	0.00 H

	85

	ATOM	1247	1HE	LYS A	85145. 613	5. 567	-9. 734	1. 00	0.00 H
	ATOM	1248	2HE	LYS A	85144. 790	4. 948 -	-11. 165	1. 00	0.00 H
	ATOM	1249	1HZ	LYS A	85145. 891	7. 666 -	-10. 746	1. 00	0.00 H
	ATOM	1250	2HZ	LYS A	85144. 850	7. 287 -	-12. 023	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1251	3HZ	LYS A	85146. 356	6. 526	-11. 906	1. 00	0.00 H
	ATOM	1252	N	SER A	86142. 322	2. 682	-7. 094	1. 00	0.00 N
	ATOM	1253	CA	SER A	86142.098	1. 271	-7. 381	1. 00	0.00 C
	ATOM	1254	C	SER A	86142.057	0. 453	-6. 095	1. 00	0.00 C
	ATOM	1255	0	SER A	86142. 443	-0.716	-6. 079	1. 00	0.000
10	ATOM	1256	· CB	SER A	86143. 194	0. 737	-8. 305	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1257	0G	SER A	86143. 269	1. 496	-9. 499	1. 00	0.000
	ATOM	1258	H	SER A	86143. 225	2. 984	-6.862	1. 00	0.00 H
	ATOM	1259	HA	SER A	86141. 144	1. 182	-7. 881	1. 00	0.00 H
	ATOM	1260	1HB	SER A	86144. 146	0. 792	-7. 799	1. 00	0. 00 H
15	MOTA	1261	2HB	SER A	86142. 980	-0. 290	-8. 558	1. 00	0. 00 H
	· ATOM	1262	HG	SER A	86142. 385	1. 639	-9. 845	1. 00	0.00 H
	ATOM	1263	N	CYS A	87141. 587	1. 075	-5. 018	1. 00	0.00 N
	ATOM	1264	CA	CYS A	87141. 496	0. 404	-3. 726	1. 00	0.00 C
	ATOM	1265	C	CYS A	87140. 043	0. 114	-3. 366	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1266	0	CYS A	87139. 125	0. 737	-3. 901	1. 00	0.000
	ATOM	1267	CB	CYS A	87142. 143	1. 260	-2. 637	1. 00	0.00 C
	ATOM	1268	SG	CYS A	87143. 948	1. 167	-2. 600	1. 00	0. 00 S
	ATOM	1269	H	CYS A	87141. 296	2. 007	-5. 094	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1270	HA	CYS A	87142. 029	-0. 532	-3. 801	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1271	1HB	CYS A	87141. 871	2. 293	-2. 792	1. 00	0.00 H
	ATOM	1272	2HB	CYS A	87141. 777	0. 938	-1. 673	1. 00	0.00 H
	ATOM	1273	HG	CYS A	87144. 265	1. 809	-1. 959	1. 00	0.00 H
	ATOM	1274	N	ARG A	88139. 840	-0. 834	-2. 458	1. 00	0.00 N
	ATOM	1275	CA	ARG A	88138. 497	-1. 205	-2. 028	1. 00	0.00 C

						86	(
	ATOM	1276	C	ARG A	88138. 413	-1. 271	-0. 503	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	1277	0	ARG A	88139. 296	-1.826	0. 151	1. 00	0.000	
	ATOM	1278	CB	ARG A	88138. 102	-2. 555	-2.631	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	1279	CG	ARG A	88137. 308	-2. 435	-3. 921	1. 00	0.00 C	
5	ATOM	1280	CD	ARG A	88135. 810	-2.459	-3. 658	1. 00	0.00 C	
	ATOM	1281	NE	ARG A	88135. 049	-1. 912	-4. 778	1. 00	0.00 N	
	ATOM	1282	CZ	ARG A	88133. 789	-1. 490	-4. 682	1. 00	0.00 C	
	ATOM	1283	NH1	ARG A	88133. 148	-1. 550	-3.522	1. 00	0.00 N	
	ATOM	1284	NH2	ARG A	88133. 171	-1. 005	-5. 749	1. 00	0.00 N	
10	ATOM	1285	H	ARG A	88140. 612	-1. 296	-2.068	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1286	HA	ARG A	88137. 816	-0. 449	-2. 386	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1287	1HB	ARG A	88138. 998	-3. 121	-2.836	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1288	2HB	ARG A	88137. 502	-3. 096	-1. 914	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1289	1HG	ARG A	88137. 563	-1. 504	-4. 405	1. 00	0.00 H	
15	ATOM	1290	2HG	ARG A	88137. 564	-3. 262	-4. 568	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1291	1HD	ARG A	88135. 504	-3. 481	-3. 491	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1292	2HD	ARG A	88135. 604	-1. 873	-2. 773	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1293	HE	ARG A	88135. 498	-1. 856	-5. 647	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1294	1 HH 1	ARG A	88133. 608	-1. 915	-2.713	1. 00	0.00 H	
20	ATOM	1295	2HH1	ARG A	88132. 203	-1. 231	-3. 456	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	1296	1HH2	2 ARG A	88133. 649	-0. 958	-6.626	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1297	2HH2	2 ARG A	88132. 225	-0. 688	-5. 678	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	1298	N	PRO A	89137. 344	-0. 704	0. 089	1. 00	0.00 N	
	ATOM	1299	CA	PRO A	89137. 157				0. 00 C	
25	ATOM	1300	C	PRO A	89137. 223	-2. 113			0.00 C	
	ATOM	1301	0	PRO A	89136. 564	-3. 031	1. 646		0.000	
	ATOM	1302	СВ	PRO A	89135. 757				0.00 C	
	ATOM	1303	CG	PRO A						
	ATOM	1304	L CD	PRO A	89136. 239	-0. 019	-0. 608	1. 00	0.00 C	

	WO 2	004/01678	81				87			J1/JP2003/01
	ATOM	1305	HA	PRO A	A	89137. 884	-0. 079	2. 037	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1306	1HB	PRO A	A	89135. 037	-0. 916	1. 822	1. 00	0.00 H
	ATOM	1307	2HB	PRO A	A	89135. 737	0. 498	2. 617	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1308	1HG	PRO .	A	89134. 461	0. 740	0. 294	1. 00	0. 00 H
5	ATOM	1309	2HG	PRO.	A	89135. 922	1. 686	0.635	1. 00	0.00 H
	ATOM	1310	1HD	PRO .	A	89135. 584	-0. 732	-1.086	1. 00	0.00 H
	ATOM	1311	2HD	PRO	A	89136. 619	0. 691	-1. 326	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1312	N	ASP	A	90138. 021	-2. 273	3. 183	1. 00	0.00 N
	ATOM	1313	CA	ASP	A	90138. 172	-3. 568	3. 838	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	1314	C	ASP	A	90137. 378	-3. 612	5. 140	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1315	0	ASP	A	90137. 759	-2. 992	6. 133	1. 00	0.000
	ATOM	1316	CB	ASP	A	90139. 648	-3. 854	4. 116	1. 00	0.00 C
	ATOM	1317	CG	ASP	A	90139. 948	-5. 339	4. 174	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1318	0D1	ASP	A	90140. 366	-5. 819	5. 248	1. 00	0.000
15	ATOM	1319	OD2	ASP	A	90139. 764	-6.022	3. 144	1. 00	0.000
	ATOM	1320	H	ASP	A	90138. 520	-1. 503	3. 526	1. 00	0.00 H
	ATOM	1321	HA	ASP	A	90137. 787	-4. 323	3. 170	1. 00	0.00 H
	ATOM	1322	1HB	ASP	A	90140. 247	-3. 414	3. 333	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1323	2HB	ASP	A	90139. 921	-3. 412	5.063	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1324	N	SER	A	91136. 274	-4. 352	5. 129	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1325	CA	SER	A	91135. 426	-4. 478	6. 310	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1326	C	SER	A	91135. 724	-5. 774	7. 057	1. 00	0.00 C
	ATOM	1327	0	SER	A	91134. 840	-6. 355	7. 688	1. 00	0.000
	ATOM	1328	CB	SER	A	91133. 950	-4. 434	5. 911	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	1329	0G	SER	A	91133. 158	-3. 879	6. 947	1. 00	0.000
	ATOM	1330	H	SER	A	91136. 023	-4. 823	4. 308	1. 00	0.00 H
	ATOM	1331	HA	SER	. A	91135. 639	-3. 644	6. 961	1. 00	0.00 H
	ATOM	1332	1HB	SER	. A	91133. 837	-3. 827	5. 024	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1333	2HB	SER	. A	91133. 605	-5. 436	5. 708	1. 00	0.00 H

			•			88			
	ATOM	1334	HG	SER A	91132. 243	-3. 834	6. 660	1. 00	0.00 H
	ATOM	1335	N	ARG A	92136. 972	-6. 223	6. 981	1. 00	0.00 N
	ATOM	1336	CA	ARG A	92137. 384	-7. 451	7.650	1. 00	0.00 C
	ATOM	1337	C	ARG A	92137. 327	-7. 291	9. 166	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1338	0	ARG A	92137. 085	-8. 254	9. 893	1. 00	0.000
	ATOM	1339	CB	ARG A	92138. 798	-7. 842	7. 220	1. 00	0.00 C
	ATOM	1340	CG	ARG A	92138. 835	-8. 741	5. 995	1. 00	0.00 C
	ATOM	1341	CD	ARG A	92140. 147	-9. 503	5. 902	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1342	NE	ARG A	92140. 288	-10. 485	6. 976	1. 00	0.00 N
10	MOTA	1343	CZ	ARG A	92139. 667	-11.663	6. 989	1. 00	0.00 C
	ATOM	1344	NH1	ARG A	92138. 865	-12. 010	5. 991	1. 00	0.00 N
	ATOM	1345	NH2	ARG A	92139. 851	-12. 496	8. 004	1. 00	0.00 N
	ATOM	1346	H	ARG A	92137. 632	-5. 717	6. 462	1. 00	0.00 H
	ATOM	1347	HA	ARG A	92136. 700	-8. 234	7. 358	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1348	1HB	ARG A	92139. 355	-6. 944	6. 997	1. 00	0.00 H
	ATOM	1349	2HB	ARG A	92139. 281	-8. 361	8. 035	1. 00	0.00 H
	ATOM	1350	1HG	ARG A	92138. 022	-9. 450	6.056	1. 00	0.00 H
	ATOM	1351	2HG	ARG A	92138.719	-8. 133	5. 109	1. 00	0.00 H
	ATOM	1352	1HD	ARG A	92140. 185	-10. 016	4. 953	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1353	2HD	ARG A	92140. 963	-8. 798	5. 962	1. 00	0.00 H
	ATOM	1354	HE	ARG A	92140. 875	-10. 253	7. 725	1. 00	0.00 H
	ATOM	1355	1HH1	ARG A	92138. 722	-11. 386	5. 223	1. 00	0.00 H
	ATOM	1356	2HH 1	ARG A	92138. 403	-12. 896	6. 007	1. 00	0.00 H
	ATOM	1357	1HH2	ARG A	92140. 455	-12. 240	8. 758	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1358	2HH2	ARG A	92139. 385	-13. 381	8. 014	. 1. 00	0.00 H
	ATOM	1359	N	PHE A	93137. 554	-6. 068	9. 637	1. 00	0.00 N
	ATOM	1360	CA	PHE A	93137. 528	-5. 782	11. 067	1. 00	0.00 C
	ATOM	1361	C	PHE A	93136. 525	-4. 678	11. 385	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1362	0	PHE A	93136. 707	-3. 917	12. 335	1. 00	0.00 0

	•					07	`		
	ATOM	1363	CB	PHE A	93138. 921	-5. 377	11. 551	1. 00	0.00 C
	ATOM	1364	CG	PHE A	93139. 888	-6. 524	11.626	1. 00	0.00 C
	ATOM	1365	CD1	PHE A	93140. 464	-6. 884	12. 834	1. 00	0.00 C
	ATOM	1366	CD2	PHE A	93140. 221	-7. 243	10. 489	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1367	CE1	PHE A	93141. 354	-7. 938	12. 907	1. 00	0.00 C
	ATOM	1368	CE2	PHE A	93141. 111	-8. 298	10. 555	1. 00	0.00 C
	ATOM	1369	CZ	PHE A	93141. 677	-8. 646	11.765	1. 00	0.00 C
	ATOM	1370	H	PHE A	93137. 741	-5. 341	9.007	1. 00	0.00 H
	ATOM	1371	HA	PHE A	93137. 227	-6. 684	11. 579	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1372	1HB	PHE A	93139. 330	-4. 642	10.874	1. 00	0.00 H
	ATOM	1373	2HB	PHE A	93138. 839	-4. 945	12. 537	1. 00	0.00 H
	ATOM	1374	HD1	PHE A	93140. 212	-6. 330	13.727	1. 00	0.00 H
	ATOM	1375	HD2	PHE A	93139. 778	-6. 971	9. 543	1. 00	0.00 H
	ATOM	1376	HE 1	PHE A	93141. 796	-8. 208	13. 854	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1377	HE2	PHE A	93141. 361	-8. 850	9.662	1. 00	0.00 H
	ATOM	1378	HZ	PHE A	93142. 373	-9. 471	11. 820	1. 00	0.00 H
	ATOM	1379	N	ALA A	94135. 467	-4. 596	10. 586	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1380	CA	ALA A	94134. 436	-3. 584	10. 785	1. 00	0.00 C
	ATOM	1381	C	ALA A	94133. 274	-4. 138	11. 602	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1382	0	ALA A	94132. 658	-5. 136	11. 227	1. 00	0.000
	ATOM	1383	CB	ALA A	94133. 940	-3. 064	9. 444	1. 00	0.00 C
	ATOM	1384	H	ALA A	94135. 376	-5. 231	9. 844	1. 00	0.00 H
	ATOM	1385	HA	ALA A	94134. 879	-2. 759	11. 322	1. 00	0.00 H
	ATOM	1386	1HB	ALA A	94133. 035	-3. 584	9. 169	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1387	2HB	ALA A	94134. 696	-3. 235	8. 691	1. 00	0.00 H
	ATOM	1388	3HB	ALA A	94133. 739	-2. 007	9. 520	1. 00	0.00 H
	ATOM	1389	N	SER A	95132. 980	-3. 485	12. 721	1. 00	0.00 N
	ATOM	1390	CA	SER A	95131. 891	-3. 913	13. 593	1. 00	0.00 C
	ATOM	1391	C	SER A	95130. 740	-2. 913	13. 557	1. 00	0.00 C

							90			
	ATOM	1392	0	SER	A	95130. 944	-1.724	13. 314	1. 00	0.000
	ATOM	1393	CB	SER	A	95132. 394	-4. 078	15. 028	1. 00	0.00 C
	ATOM	1394	0G	SER	A	95131. 383	-4. 612	15. 865	1. 00	0.000
	ATOM	1395	H	SER	A	95133. 508	-2.696	12. 967	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1396	HA	SER	A	95131. 535	-4.867	13. 234	1. 00	0: 00 H
	ATOM	1397	1HB	SER	A	95133. 240	-4. 748	15. 035	1. 00	0.00 H
	ATOM	1398	2HB	SER	A	95132. 695	-3. 115	15. 415	1. 00	0.00 H
	ATOM	1399	HG	SER	A	95131.061	-5. 436	15. 493	1. 00	0.00 H
	ATOM	1400	N	LEU	A	96129. 529	-3. 404	13. 802	1. 00	0. 00 N
10	ATOM	1401	CA	LEU	A	96128. 344	-2. 554	13. 798	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1402	C	LEU	A	96127. 403	-2. 931	14. 938	1. 00	0.00 C
	ATOM	1403	0	LEU	A	96126.670	-3. 916	14. 852	1. 00	0.000
	ATOM	1404	CB	LEU	A	96127. 616	-2.665	12. 456	1. 00	0.00 C
	ATOM	1405	CG	LEU	A	96127. 763	-1. 451	11. 537	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1406	CD1	LEU	A	96129. 230	-1. 182	11. 239	1. 00	0.00 C
	ATOM	1407	CD2	LEU	A	96126. 985	-1. 664	10. 247	1. 00	0.00 C
	ATOM	1408	H	LEU	A	96129. 430	-4. 361	13. 989	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1409	HA	LEU	A	96128. 669	-1. 534	13. 938	1. 00	0.00 H
	ATOM	1410	1HB	LEU	A	96127. 996	-3. 533	11. 936	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1411	2HB	LEU	A	96126. 564	-2. 816	12. 649	1. 00	0.00 H
	ATOM	1412	HG	LEU	A	96127. 358	-0. 581	12. 034	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1413	1HD1	LEU	A	96129. 616	-0. 468	11. 952	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1414	2HD1	LEU	A	96129. 327	-0. 782	10. 241	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1415	3HD1	LEU	A	96129. 788		11. 315	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	1416	1HD2	LEU	A			10. 481	1. 00	0. 00 H
	ATOM		2HD2						1. 00	0. 00 H
	ATOM	1418	3HD2	2 LEU	A	96126. 969		9. 681	1. 00	
	ATOM	1419	N	GLN					1. 00	
	ATOM	1420) CA	GLN	I A	97126. 577	-2. 389	17. 163	1. 00	0.00 C

			•				91			
	ATOM	1421	C	GLN A		97126. 881	-3. 753	17. 778	1.00	0.00 C
	ATOM	1422	0	GLN A	L	97126. 251	-4. 753	17. 433	1.00	0.000
	ATOM	1423	CB	GLN A		97125. 102	-2. 314	16. 763	1. 00	0.00 C
	ATOM	1424	CG	GLN A	L	97124. 743	-1. 048	16.001	1.00	0.00 C
5	ATOM	1425	CD	GLN A	L	97124. 686	0. 175	16. 897	1. 00	0.00 C
	ATOM	1426	0E1	GLN A	ì	97123. 756	0. 338	17. 686	1. 00	0.000
	ATOM	1427	NE2	GLN A	1	97125. 684	1. 041	16. 778	1. 00	0.00 N
	ATOM	1428	H	GLN A	I	97128. 035	-1. 369	16. 015	1. 00	0.00 H
	ATOM	1429	HA	GLN A	1	97126. 782	-1. 623	17. 896	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1430	1HB	GLN A	I	97124. 867	-3. 162	16. 139	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1431	2HB	GLN A	A	97124. 497	-2. 355	17. 656	1. 00	0.00 H
	ATOM	1432	1HG	GLN A	4	97125. 485	-0. 880	15. 236	1. 00	0.00 H
	ATOM	1433	2HG	GLN A	A	97123. 775	-1. 184	15. 540	1. 00	0.00 H
	ATOM	1434	1HE2	GLN A	A	97126. 392	0.846	16. 128	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1435	2HE2	GLN A	A	97125. 673	1. 841	17. 345	1. 00	0.00 H
	ATOM	1436	N	PRO A	A	98127. 854	-3. 812	18. 702	1. 00	0.00 N
	ATOM	1437	CA	PRO A	A	98128. 239	-5.063	19. 366	1. 00	0.00 C
	ATOM	1438	C	·PRO	A	98127. 043	-5. 789	19. 971	1. 00	0.00 C
	ATOM	1439	0	PRO.	A	98127. 044	-7. 014	20. 094	1. 00	0.000
20	ATOM	1440	CB	PRO.	A	98129. 197	-4. 602	20. 467	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1441	CG	PRO.	A	98129. 755	-3. 315	19. 969	1. 00	0.00 C
	ATOM	1442	CD	PRO	A	98128. 656	-2. 668	19. 173	1. 00	0.00 C
	ATOM	1443	HA	PRO	A	98128. 755	-5. 726	18. 689	1. 00	0.00 H
	ATOM	1444	1HB	PR0	A	98128. 652	-4. 467	21. 389	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1445	2HB	PRO	A	98129. 973	-5. 341	20. 605	1. 00	0.00 H
	ATOM	1446	1HG	PRO	A	98130. 034	-2. 688	20. 803	1. 00	0.00 H
	ATOM	1447	2HG	PRO	A	98130. 611	-3. 505	19. 338	1. 00	0.00 H
	ATOM	1448	1HD	PRO	A	98128. 067	-2. 017	19. 803	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1449	2HD	PRO	A	98129. 067	-2. 117	18. 340	1. 00	0.00 H

	WO 2	004/016/	81				- 4	PC1/JP2003/0		
			'				92	,		
	ATOM	1450	N	SER		99126. 021	-5. 025	20. 346	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1451	CA	SER	A	99124. 818	-5. 596	20. 940	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1452	С	SER	A	99123. 564	-4. 983	20. 323	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1453	0	SER	A	99123. 584	-3. 845	19. 855	1. 00	0.000
5	ATOM	1454	CB	SER	A	99124. 815	-5. 377	22. 453	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1455	0G	SER	A	99125. 417	-6.469	23. 127	1. 00	0.000
	ATOM	1456	H	SER	A	99126. 079	-4. 054	20. 222	1. 00	0.00 H
	ATOM	1457	HA	SER	A	99124. 820	-6.657	20. 738	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1458	1HB	SER	A	99125. 367	-4. 479	22. 686	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1459	2HB	SER	A	99123. 797	-5. 273	22. 798	1. 00	0.00 H
	ATOM	1460	HG	SER	A	99124. 734	-7.021	23. 516	1. 00	0.00 H
	ATOM	1461	N	GLY	A	100122. 475	-5. 744	20. 327	1. 00	0.00 N
	ATOM	1462	CA	GLY	A	100121. 229	-5. 258	19.766	1. 00	0.00 C
	ATOM	1463	C	GLY	A	100120. 594	-4. 171	20.614	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1464	0	GLY	A	100120. 434	-3. 039	20. 157	1. 00	0.000
	ATOM	1465	H	GLY	A	100122. 518	-6. 644	20. 714	1. 00	0.00 H
	ATOM	1466	1HA	GLY	A	100121. 420	-4. 864	18. 779	1. 00	0.00 H
	ATOM	1467	2HA	GLY	A	100120. 537	-6. 085	19. 685	1.00	0.00 H
	ATOM	1468	N	PRO	A	101120. 221	-4. 486	21.866	1. 00	0.00 N
20	ATOM	1469	CA	PRO	A	101119. 600	-3. 515	22. 773	1. 00	0.00 C
	ATOM	1470	C	PRO	A	101120. 582	-2. 443	23. 233	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1471	0	PRO	A	101121. 475	-2. 709	24. 038	1. 00	0.000
	ATOM	1472	CB	PRO	A	101119. 150	-4. 372	23. 959	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1473	CG	PRO	A	101120. 062	-5. 549	23. 942	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1474	CD	PRO	A	101120. 374	-5. 812	22. 495	1. 00	0.00 C
	ATOM	1475	HA	PRO	A	101118. 741	-3. 043	22. 319	1. 00	0.00 H
	ATOM	1476	1HB	PRO	A	101119. 249	-3. 806	24. 873	1. 00	0.00 H
	ATOM	1477	2HB	PRO) A	101118. 121	-4. 669	23. 821	1. 00	0.00 H
	ATOM	1478	1HG	PRO) A	101120. 966	-5. 320	24. 485	1. 00	0.00 H

	WU 20	81				93			PC 1/JP2003/0		
	ATOM	1479	2HG	PRO A	1	101119. 566	-6. 403	24. 379	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	1480	1HD			101121. 386	-6. 175	22. 387	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	1481	2HD	PRO A	1	101119. 671	-6. 518	22. 079	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	1482	N	SER A	Į	102120. 410	-1. 230	22. 718	1. 00	0. 00 N	
5	ATOM	1483	CA	SER A	1	102121. 282	-0. 117	23. 077	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	1484	C	SER A	Į	102120. 786	0. 576	24. 341	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	1485	0	SER A	ł	102121. 581	1. 051	25. 153	1. 00	0.000	
	ATOM	1486	CB	SER A	A	102121. 358	0. 889	21. 926	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	1487	0G	SER A	4	102120. 064	1. 307	21. 527	1. 00	0.000	
10	ATOM	1488	H	SER A	A	102119. 679	-1. 080	22. 081	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1489	HA	SER A	A	102122. 268	-0. 515	23. 261	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1490	1HB	SER A	A	102121. 918	1. 755	22. 245	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1491	2HB	SER	A	102121. 851	0. 430	21.082	1. 00	0.00 H	
	MOTA	1492	HG	SER	A	102119. 966	2. 248	21.690	1. 00	0.00 H	
15	ATOM	1493	N	SER .	A	103119. 468	0.630	24. 503	1. 00	0.00 N	
	ATOM	1494	CA	SER	A	103118. 867	1. 265	25. 670	1. 00	0.00 C	
	ATOM	1495	C	SER	A	103119. 270	0. 543	26. 952	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	1496	0	SER	A	103118. 782	-0.550	27. 240	1. 00	0.000	
	ATOM	1497	CB	SER	A	103117. 343	1. 283	25. 539	1. 00	0. 00 C	
20	ATOM	1498	0G	SER	A	103116. 799	2. 484	26.058	1. 00	0.000	
	ATOM	1499	Н	SER	A	103118. 886	0. 234	23.821	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1500	HA	SER	A	103119. 226	2. 282	25. 716	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	1501	1HB	SER	A	103117. 073	1. 202	24. 497	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	1502	2HB	SER	A	103116. 927	0. 448	26. 083	1. 00	0. 00 H	
25	ATOM	1503	HG	SER	A	103116. 312	2. 293	26. 864	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1504	l N	GLY	A	104120. 165	1. 160	27. 717	1. 00	0.00 N	
	ATOM	1505	CA	GLY	A	104120. 618	0. 561	28. 957	1. 00	0. 00 C	
	MOTA	1506	G C	GLY	A	104119. 539	0. 545	30. 022	1. 00	0.00 C	
	ATOM	1507	0	GLY	A	104119. 748	-0. 103	31.070	1. 00	0.000	

VO 2004/016781		PCT/JP2003/010288
	94	

ATOM	1508	OXT	GLY A	104118. 485	1. 179	29. 809	1.00	0.000
ATOM	1509	H	GLY A	104120. 520	2. 029	27. 436	1. 00	0.00 H
ATOM	1510	1HA	GLY A	104120. 930	-0. 455	28. 762	1. 00	0.00 H
ATOM	1511	2HA	GLY A	104121. 464	1. 121	29. 327	1. 00	0.00 H
TER	1512	GLY	A 104					

ENDMDL

5

立体構造座標表 2

	ATOM 1	N	GLY A	1105. 215	7. 354	-0. 195	1.00	0.00 N
10	ATOM 2	CA	GLY A	1106. 288	6.361	-0. 481	1. 00	0.00 C
	ATOM 3	C	GLY A	1107. 290	6. 250	0.651	1.00	0.00 C
	ATOM 4	0	GLY A	1107. 077	6. 795	1. 734	1.00	0.000
	ATOM 5	1H	GLY A	1105. 533	8. 026	0. 533	1.00	0.00 H
	ATOM 6	2H	GLY A	1104. 360	6.869	0. 147	1.00	0.00 H
15	ATOM 7	3H	GLY A	1104. 976	7. 882	-1.060	1. 00	0.00 H
	ATOM 8	1HA	GLY A	1105. 834	5. 395	-0. 642	1.00	0.00 H
	ATOM 9	2HA	GLY A	1106. 807	6. 659	-1. 380	1. 00	0.00 H
	ATOM10	N	SER A	2108. 386	5. 542	0. 400	1. 00	0.00 N
	ATOM11	CA	SER A	2109. 426	5. 360	1. 405	1.00	0.00 C
20	ATOM12	C	SER A	2110. 256	6. 629	1. 565	1. 00	0.00 C
	ATOM13	0	SER A	2110. 259	7. 496	0.691	1. 00	0.000
	ATOM14	CB	SER A	2110. 332	4. 187	1. 026	1.00	0.00 C
	ATOM15	0G	SER A	2109. 867	2. 977	1. 597	1. 00	0.000
	ATOM16	H	SER A	2108. 498	5. 132	-0. 484	1.00	0.00 H
25	ATOM17	HA	SER A	2108. 942	5. 140	2. 346	1.00	0.00 H
	ATOM18	1HB	SER A	2110. 348	4. 080	-0. 048	1.00	0.00 H
	ATOM19	2HB	SER A	2111. 334	4. 379	1. 384	1. 00	0.00 H
	ATOM20	HG	SER A	2110. 095	2. 955	2. 530	1. 00	0.00 H
	ATOM21	N	SER A	3110.962	6. 731	2. 687	1.00	0.00 N

WO 200	04/016	781		95		PCT/JJ			
ATOM22	CA	SER A	3111. 797	7. 894	2. 960	1. 00	0.00 C		
ATOM23	C	SER A	3113. 078	7. 853	2. 131	1. 00	0.00 C		
ATOM24	0	SER A	3113. 500	8.866	1. 573	1. 00	0.000		
ATOM25	CB	SER A	3112. 142	7.961	4. 450	1. 00	0.00 C		
ATOM26	0G	SER A	3113. 199	7.072	4. 769	1. 00	0.000		
ATOM27	H	SER A	3110. 920	6.008	3. 346	1. 00	0.00 H		
ATOM28	HA	SER A	3111. 237	8. 777	2. 690	1. 00	0.00 H		
ATOM29	1HB	SER A	3112. 447	8.967	4. 702	1.00	0.00 H		
ATOM30	2HB	SER A	3111. 272	7.692	5. 031	1.00	0.00 H		
ATOM31	HG	SER A	3112. 849	6. 184	4. 872	1.00	0.00 H		
ATOM32	N	GLY A	4113. 690	6. 676	2. 056	1.00	0.00 N		
ATOM33	CA	GLY A	4114. 915	6. 525	1. 294	1. 00	0.00 C		
ATOM34	C	GLY A	4116. 155	6.661	2. 156	1. 00	0.00 C		
ATOM35	0	GLY A	4116. 173	7. 435	3. 112	1. 00	0.000		
ATOM36	H	GLY A	4113. 307	5. 904	2. 523	1. 00	0.00 H		
ATOM37	1HA	GLY A	4114. 918	5. 550	0. 828	1. 00	0.00 H		
ATOM38	2HA	GLY A	4114. 941	7. 280	0. 523	1. 00	0.00 H		
ATOM39	N	SER A	5117. 194	5. 905	1. 817	1. 00	0.00 N		
ATOM40	CA	SER A	5118. 444	5. 943	2. 567	1. 00	0.00 C		
ATOM41	C	SER A	5119. 548	5. 197	1. 823	1. 00	0. 00 C		
ATOM42	0	SER A	5119. 739	3. 997	2. 018	1. 00	0.000		
ATOM43	CB	SER A	5118. 248	5. 336	3. 957	1. 00	0.00 C		
ATOM44	OG.	SER A	5117. 949	3. 954	3. 871	1. 00	0.000		
ATOM45	H	SER A	5117. 119	5. 306	1. 044	1. 00	0.00 H		
ATOM46	HA								
ATOM47	1HB	SER A	5119. 154	5. 461	4. 533	1. 00	0.00 H		

5.839

3.826

5.917

5117. 433

5117. 186

6120.271

SER A

SER A

SER A

1.00

1.00

1.00

4. 455

3. 304

0.971

0.00 H

0.00 H

0.00 N

5

10

15

20

25

ATOM48 2HB

ATOM49

ATOM50

HG

N

	ATOM52 ATOM53 ATOM54	C 0	SER A SER A	6121. 355 6122. 687 6123. 365	5. 469		 1. 00 1. 00 	0.00 C 0.00 C
	ATOM53 ATOM54	0	SER A			0. 929	1. 00	0.00 C
	ATOM54			6123, 365				
		CB		0120: 000	6. 489	0.805	1. 00	0.000
	ATOM55		SER A	6121. 443	5. 975	-1. 182	1.00	0.00 C
5		OG	SER A	6120. 178	5. 990	-1.821	1. 00	0.000
	ATOM56	H	SER A	6120.070	6.869	0.859	1.00	0.00 H
	ATOM57	HA	SER A	6121. 140	4. 271	0. 077	1. 00	0.00 H
	ATOM58	1HB	SER A	6121.790	6. 992	-1.076	1. 00	0.00 H
	ATOM59	2HB	SER A	6122. 137	5. 420	-1. 796	1. 00	0.00 H
10	ATOM60	HG	SER A	6119.653	6. 716	-1. 475	1. 00	0.00 H
	ATOM61	N	GLY A	7123. 055	4. 444	1. 688	1. 00	0.00 N
	ATOM62	CA	GLY A	7124. 304	4. 477	2. 428	1. 00	0.00 C
	ATOM63	C	GLY A	7125. 284	3. 418	1. 960	1. 00	0.00 C
	ATOM64	0	GLY A	7126. 040	2. 867	2. 760	1. 00	0.000
15	ATOM65	H	GLY A	7122. 474	3.656	1. 750	1. 00	0.00 H
	ATOM66	1HA	GLY A	7124. 757	5. 450	2. 304	1. 00	0.00 H
	ATOM67	2HA	GLY A	7124. 095	4. 321	3. 475	1. 00	0.00 H
	ATOM68	N	LEU A	8125. 269	3. 134	0.662	1. 00	0.00 N
	ATOM69	CA	LEU A	8126. 163	2. 134	0. 089	1. 00	0.00 C
20	ATOM70	C	LEU A	8127. 308	2. 798	-0.668	1. 00	0.00 C
	ATOM71	0	LEU A	8128. 424	2. 279	-0. 705	1. 00	0.000
	ATOM72	CB	LEU A	8125. 389	1. 205	-0. 847	1. 00	0.00 C
	ATOM73	CG	LEU A	8124. 503	0. 173	-0. 148	1. 00	0.00 C
	ATOM74	CD1	LEU A	8123. 307	-0. 182	-1. 018	1. 00	0.00 C
25	ATOM75	CD2	LEU A	8125. 306	-1. 075	0. 192	1. 00	0.00 C
	ATOM76	H	LEU A	8124. 644	3. 608	0. 076	1. 00	0.00 H
	ATOM77	HA	LEU A	8126. 573	1. 553	0. 901	1. 00	0.00 H
	ATOM78	1HB	LEU A	8124. 763	1. 811	-1. 486	1. 00	0.00 H
	ATOM79	2HB	LEU A	8126. 099	0.676	-1. 465	1. 00	0.00 H

			•				97					
	ATOM80	HG I	LEU A	81	24. 13	0 0. 5	94 0). 775	. 00	0. 00 1	H	
	ATOM81	1HD1 1	LEU A	. 81	22. 46	7 -0.4	137 -0). 390	l. 00	0.00	H	
	ATOM82	2HD1	LEU A	. 81	23. 55	7 -1. ()26 -1	1.646	1.00	0.00	H	
	ATOM83	3HD1	LEU A	81	123. 05	0 0.6	364 -1	1. 638	1. 00	0. 00]	H	
5	ATOM84	1HD2	LEU A	8	124. 66	9 -1. 9	943 0). 118	1. 00	0. 00	H	
	ATOM85	2HD2	LEU A	8	125. 68	9 -0.	992 1	1. 198	1. 00	0. 00	H	
	ATOM86	3HD2	LEU A	8	126. 12	9 -1.	171 -0	0. 500	1. 00	0. 00	H	
	ATOM87	N	ALA A	9	127. 02	5 3.	949 -1	1. 271	1. 00	0. 00	N	
	ATOM88	CA	ALA A	9	128. 03	2 4.	684 -2	2. 027	1. 00	0. 00	С	
10	ATOM89	C	ALA A	9	128. 35	6.	018 -	1. 362	1. 00	0. 00	С	
	ATOM90	0	ALA A	1 9	127. 46	6.	685 -0	0. 828	1. 00	0. 00	0	
	ATOM91	CB	ALA .	A 9	127. 55	i9 4.	904 -	3. 456	1. 00	0.00	C	
	ATOM92	H	ALA	A 9	1 26. 11	17 4.	312 -	1. 204	1. 00	0.00	H	
	ATOM93	HA	ALA .	A 9	128. 93	30 4.	083 -	2. 058	1. 00	0.00	H	
15	ATOM94	1HB	ALA .	A 9	126. 94	48 4.	070 -	3. 766	1. 00	0.00	H	
	ATOM95	2HB	ALA .	A 9	128. 4	15 4.	986 -	4. 110	1. 00	0.00	H	
	ATOM96	3HB	ALA	A 9	126. 9	79 5.	813 -	3. 507	1. 00	0. 00	H	
	ATOM97	N	MET	A 10	129. 6	25 6.	399 –	1. 399	1. 00	0.00	N	
	ATOM98	CA	MET	A 10	130. 0	64 7.	654 -	·0. 799	1. 00	0.00	C	
20	ATOM99	C	MET	A 10	131. 1	40 8.	320 -	-1. 656	1. 00	0.00		
	ATOM	100	0	MET	A 10	132. 329	8.0)52 − 1.	490	1. 00	0. 00	
	ATOM	101	CB	MET	A 10	130. 601	. 7.4			1. 00	0. 00	
	ATOM	102	CG	MET	A 10	129. 515	7. 1	117 1.		1. 00	0. 00	
	ATOM	103	SD	MET	A 10	130. 052	5. 9	956 2.		1. 00	0. 00	
25	ATOM	104	CE	MET	A 10	128. 479				1. 00	0.00	
	ATOM	105	H	MET	A 10	130. 289	5 5.8	823 -1.		1. 00	0. 00	
	ATOM	106	HA	MET	A 10	129. 209	8. 3	3110.		1. 00	0. 00	
	ATOM	107	1HB	MET		131. 27				1. 00	0. 00	
	ATOM	108	2HB	MET	A 10	131. 14	4 8. 2	286 0	. 935	1. 00	0. 00	H

	•		1			98	•		
	⁻ ATOM	109	1HG	MET A	10129. 229	8. 043	2. 110	1. 00	0.00 H
	ATOM	110	2HG	MET A	10128.661	6. 699	1. 121	1. 00	0.00 H
	ATOM	111	1HE	MET A	10127. 696	6.001	3. 239	1. 00	0.00 H
	ATOM	112	2HE	MET A	10128. 516	5.071	4. 493	1. 00	0.00 H
5	ATOM	113	3HE	MET A	10128. 277	4. 371	2. 892	1. 00	0.00 H
	ATOM	114	N	PRO A	11130. 733	9. 201	-2. 588	1. 00	0.00 N
	ATOM	115	CA	PRO A	11131. 672	9. 903	-3. 467	1. 00	0.00 C
	ATOM	116	C	PRO A	11132. 708	10.710	-2. 687	1. 00	0.00 C
	ATOM	117	0	PRO A	11133. 901	10. 639	-2. 976	1. 00	0.000
10	ATOM	118	CB	PRO A	11130. 781	10. 836	-4. 295	1. 00	0.00 C
	ATOM	119	CG	PRO A	11129. 406	10. 270	-4. 185	1. 00	0.00 C
	ATOM	120	CD	PRO A	11129. 335	9. 581	-2.851	1. 00	0.00 C
	ATOM	121	HA	PRO A	11132. 181	9. 214	-4. 125	1. 00	0.00 H
	ATOM	122	1HB	PRO A	11130. 831	11. 836	-3.892	1. 00	0.00 H
15	ATOM	123	2HB	PRO A	11131. 120	10. 841	-5. 321	1. 00	0.00 H
	ATOM	124	1HG	PRO A	11128. 680	11.066	-4. 229	1. 00	0.00 H
	ATOM	125	2HG	PRO A	11129. 236	9. 561	-4. 981	1. 00	0.00 H
	ATOM	126	1HD	PRO A	11128. 971	10. 260	-2. 095	1. 00	0.00 H
	ATOM	127	2HD	PRO A	11128. 704	8. 707	-2. 911	1. 00	0.00 H
20	ATOM	128	N	PRO A	12132. 269	11. 487	-1. 678	1. 00	0.00 N
	ATOM	129	CA	PRO A	12133. 179	12. 297	-0.861	1. 00	0. 00 C
	ATOM	130	C	PRO A	12134. 284	11. 455	-0. 232	1. 00	0.00 C
	ATOM	131	0	PRO A	12135. 340	11. 970	0. 133	1. 00	0.000
	ATOM	132	CB	PRO A	12132. 272	12. 882	0. 225	1. 00	0.00 C
25	ATOM	133	CG	PRO A	12130. 903	12. 847	-0.360	1. 00	0.00 C
	ATOM	134	CD	PRO A	12130. 866	11. 636	-1. 249	1. 00	0.00 C
	ATOM	135	HA	PRO A	12133. 622	13. 096	-1. 437	1. 00	0.00 H
	ATOM	136	1HB	PRO A	12132. 336	12. 276	1. 117	1. 00	0.00 H
	ATOM	137	2HB	PRO A	12132. 579	13. 893	0. 447	1. 00	0.00 H

ATOM ATOM **ATOM** 5 ATOM **ATOM** ATOM 0.000 145 0 GLY A 13135. 145 6.891 0. 193 1.00 ATOM -0.4170.00 H 146 H GLY A 13133. 170 9.800 1.00 ATOM 0.552 0.00 H 147 1HA GLY A 13135. 957 9. 779 1.00 10 ATOM 1.470 0.00 H 148 2HA GLY A 13134. 686 8.986 1. 00 ATOM 149 ASN A 14135. 447 8. 169 -1.6381.00 0.00 N N 7.038 -2.5360.00 C **ATOM** 150 CA ASN A 14135.654 1.00 6. 163 -2.6120.00 C **ATOM** 151 C ASN A 14134. 405 1.00 **ATOM** 15 152 0 ASN A 14133. 628 6. 256 -3.5621.00 0.000 0.00 C ATOM 153 CBASN A 14136. 854 6. 205 -2.0781.00 ATOM 154 CG ASN A 14138. 169 6. 936 -2.2651.00 0.00 C 7. 023 -3.3750.000 ATOM 155 OD1 ASN A 14138. 694 1.00 ND2 ASN A 14138. 711 7.466 -1.1731.00 0.00 N ATOM 156 ${\tt ATOM}$ 9.078 -2.0000.00 H 20 ASN A 14135. 485 1.00 157 H 158 ASN A 14135. 858 7.433 -3.5201.00 0.00 H ATOM HA -1.0325.965 1.00 0.00 H ATOM 159 1HB ASN A 14136. 742 5. 290 -2.6521.00 0.00 H ATOM 160 2HB ASN A 14136. 888 7.357 -0.3221.00 0.00 H **ATOM** 161 1HD2 ASN A 14138. 237 7.945 -1.2641.00 0.00 H 25 **ATOM** 162 2HD2 ASN A 14139. 561 ATOM N SER A 15134. 219 5. 312 -1.6071.00 0.00 N 163 4. 422 -1.5641.00 0.00 C ATOM 164 CA SER A 15133. 065 4. 276 -0.139ATOM 1.00 0.00 C C SER A 15132. 542 165

15131. 340

ATOM

166

0

SER A

0.107

4.379

1.00

0.000

	WO 20	JU4/U16 /3	81				100			C 1/JP2003/0.
	ATOM	167	СВ	SER A		15133. 432	100 3. 048	-2. 127	1. 00	0. 00 C
	ATOM	168		SER A		15132. 293	2. 391	-2. 653	1. 00	0.000
		169	H			15134. 872	5. 282	-0. 878	1. 00	0. 00 H
	ATOM			SER A				-2. 176	1. 00	0. 00 H
_	ATOM	170	HA	SER A		15132. 289	4. 856			0. 00 H
5	ATOM		1HB	SER A		15134. 159	3. 167	-2. 917		0. 00 H
	ATOM	172		SER A		15133. 853	2. 439	-1. 340	1. 00	
	ATOM	173	HG	SER A		15131. 783	3. 007	-3. 183	1. 00	0. 00 H
	ATOM	174	N	HIS A		16133. 453	4. 036	0. 799	1. 00	0. 00 N
	ATOM	175		HIS A		16133. 084	3. 876	2. 201	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	176	C	HIS A		16133. 923	4. 787	3. 092	1. 00	0. 00 C
	ATOM	177	0	HIS A		16133. 400	5. 454	3. 984	1. 00	0.000
	ATOM	178	СВ	HIS A		16133. 259	2. 420	2. 633	1. 00	0. 00 C
	ATOM	179	CG	HIS A		16132. 025	1. 591	2. 457	1. 00	0. 00 C
	ATOM	180		HIS A		16131. 474	0. 835	3. 472	1. 00	0. 00 N
15	ATOM	181		HIS A		16131. 232	1. 401	1. 377	1. 00	0. 00 C
	ATOM	182		HIS A		16130. 397	0. 216	3. 023	1. 00	0. 00 C
	ATOM	183		HIS A		16130. 227	0. 543	1. 755	1. 00	0. 00 N
	ATOM	184	H	HIS A		16134. 396	3. 965	0. 542	1. 00	0.00 H
	ATOM	185	HA	HIS A	4	16132. 045	4. 150	2. 304	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	186	1 HB	HIS A	A	16134. 047	1. 970	2. 047	1. 00	0. 00 H
	ATOM	187	2HB	HIS A	A	16133. 534	2. 391	3. 678	1. 00	0. 00 H
	ATOM	188	HD1	HIS A	A	16131. 822	0. 763	4. 385	1. 00	0. 00 H
	ATOM	189	HD2	HIS A	A	16131. 363	1. 841	0. 399	1. 00	0.00 H
	ATOM	190	HE 1	HIS A	A	16129. 763	-0. 444	3. 596	1. 00	0.00 H
25	ATOM	191	HE2	HIS	A	16129. 457	0. 291	1. 205	1. 00	0.00 H
	ATOM	192	N	GLY A	A	17135. 229	4. 809	2. 843	1. 00	0.00 N
	ATOM	193	CA	GLY	A	17136. 120	5. 641	3. 630	1. 00	0.00 C
	ATOM	194	C	GLY	A	17137. 532	5. 092	3. 679	1. 00	0.00 C
	ATOM	195	0	GLY	A	17138. 032	4. 742	4. 748	1. 00	0.000

	WU 2004	/010/81				101		PCI	/JF2003/0102
	ATOM	196	Н	GLY A	17135. 589	4. 257	2. 119	1. 00	0.00 H
	ATOM		1HA	GLY A	17136. 145	6. 631	3. 200	1. 00	0.00 H
	ATOM	198	2HA	GLY A	17135. 736	5. 707	4. 637	1. 00	0.00 H
	ATOM	199	N	LEU A	18138. 175	5. 015	2. 519	1. 00	0.00 N
5	ATOM	200	CA	LEU A	18139. 539	4. 503	2. 434	1. 00	0. 00 C
	ATOM	201	С	LEU A	18140. 547	5. 574	2. 836	1. 00	0.00 C
	ATOM	202	0	LEU A	18140. 918	6. 426	2. 029	1. 00	0.000
	ATOM	203	СВ	LEU A	18139. 833	4. 014	1. 015	1. 00	0.00 C
	ATOM	204	CG	LEU A	18138. 730	3. 165	0. 380	1. 00	0.00 C
10	ATOM	205	CD1	LEU A	18138. 853	3. 178	-1. 136	1. 00	0.00 C
	ATOM	206	CD2	LEU A	18138. 786	1. 740	0. 909	1. 00	0.00 C
	ATOM	207	H	LEU A	18137. 723	5. 308	1. 701	1. 00	0.00 H
	ATOM	208	HA	LEU A	18139. 623	3. 672	3. 116	1. 00	0.00 H
	ATOM	209	1HB	LEU A	18140. 002	4. 877	0. 387	1. 00	0.00 H
15	ATOM	210	2HB	LEU A	18140. 739	3. 426	1. 040	1. 00	0.00 H
	ATOM	211	HG	LEU A	18137. 769	3. 583	0. 641	1. 00	0.00 H
	ATOM	212	1HD1	LEU A	18139. 875	2. 973	-1. 416	1. 00	0.00 H
	ATOM	213	2HD1	LEU A	18138. 564	4. 149	-1. 512	1. 00	0.00 H
	ATOM	214	3HD1	LEU A	18138. 205	2. 423	-1. 556	1. 00	0.00 H
20	ATOM	215	1HD2	LEU A	18137. 874	1. 224	0.648	1. 00	0.00 H
	ATOM	216	2HD2	LEU A	18138. 895	1. 758	1. 983	1. 00	0.00 H
	ATOM	217	3HD2	LEU A	18139. 629	1. 226	0. 470	1. 00	0.00 H
	ATOM	218	N	GLU A	19140. 988	5. 523	4. 088	1. 00	0.00 N
	ATOM	219) CA	GLU A	19141. 956	6. 488	4. 598	1. 00	0.00 C
25	ATOM	220) C	GLU A	19143. 006	5. 799	5. 464	1. 00	0.00 C
	ATOM	221	0	GLU A	19142. 962	4. 585	5. 662	1. 00	0.000
	ATOM	222	CB	GLU A	19141. 246	7. 576	5. 405	1. 00	0.00 C
	ATOM	223	3 CG	GLU A	19140. 290	7. 030	6. 453	1. 00	0.00 C
	ATOM	224	4 CD	GLU A	19140.046	8.008	7. 586	1. 00	0.00 C

	WO 2004/016781					102		PCT/JP2003/010288		
	ATOM	225	0E1	GLU A	19139. 639	7. 561	8. 679	1. 00	0.000	
	ATOM	226	0E2	GLU A	19140. 261	9. 220	7. 380	1. 00	0.000	
	ATOM	227	H	GLU A	19140. 656	4. 819	4. 684	1. 00	0.00 H	
	ATOM	228	HA	GLU A	19142. 447	6. 944	3. 751	1. 00	0.00 H	
5	ATOM	229	1HB	GLU A	19141. 989	8. 180	5. 907	1. 00	0.00 H	
	ATOM	230	2HB	GLU A	19140. 683	8. 202	4. 728	1. 00	0.00 H	
	ATOM	231	1HG	GLU A	19139. 345	6.807	5. 981	1. 00	0.00 H	
	ATOM	232	2HG	GLU A	19140. 708	6. 122	6.864	1. 00	0.00 H	
	ATOM	233	N	VAL A	20143. 949	6. 582	5. 978	1. 00	0.00 N	
10	ATOM	234	CA	VAL A	20145. 009	6. 047	6.822	1. 00	0.00 C	
	ATOM	235	С	VAL A	20144. 435	5. 407	8. 082	1. 00	0.00 C	
	ATOM	236	0	VAL A	20143. 542	5. 963	8. 722	1. 00	0.000	
	ATOM	237	CB	VAL A	20146. 013	7. 144	7. 229	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	238	CG1	VAL A	20147. 191	6. 540	7. 979	1. 00	0.00 C	
15	ATOM	239	CG2	VAL A	20146. 489	7. 914	6.004	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	240	H	VAL A	20143. 931	7. 543	5. 783	1. 00	0.00 H	
	ATOM	241	HA	VAL A	20145. 539	5. 294	6. 257	1. 00	0.00 H	
	ATOM	242	HB	VAL A	20145. 512	7. 835	7. 889	1. 00	0.00 H	
	ATOM	243	1HG1	VAL A	20147. 488	5. 618	7. 501	1. 00	0.00 H	
20	ATOM	244	2HG1	VAL A	20146. 903	6. 341	9. 000	1. 00	0.00 H	
	ATOM	245	3HG1	VAL A	20148. 019	7. 235	7. 967	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	246	1HG2	VAL A	20147. 486	7. 592	5. 743	1. 00	0.00 H	
	ATOM	247	2HG2	VAL A	20146. 498	8. 971	6. 226	1. 00	0.00 H	
	ATOM	248	3HG2	VAL A	20145. 821	7. 726	5. 177	1. 00	0.00 H	
25	ATOM	249	N	GLY A	21144. 954	4. 234	8. 432	1. 00	0.00 N	
	ATOM	250	CA	GLY A	21144. 482	3. 538	9. 615	1. 00	0.00 C	
	ATOM	251	C	GLY A	21143. 450	2. 476	9. 287	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	252	0	GLY A	21143. 375	1. 447	9. 959	1. 00	0.000	

253 H GLY A 21145.665 3.840 7.885 1.00 0.00 H

ATOM

WO 2004/016781 PCT/JP2003/0102											
					103	10 101	1 00	0 00 11			
ATOM	254 1	HA	GLY A	21145. 323	3. 069	10. 104	1. 00	0.00 H			
ATOM	255 2	HA	GLY A	21144. 039	4. 256	10. 290	1. 00	0.00 H			
ATOM	256	N	SER A	22142. 655	2. 725	8. 253	1. 00	0.00 N			
ATOM	257	CA	SER A	22141. 623	1. 781	7. 837	1. 00	0.00 C			
ATOM	258	C	SER A	22142. 196	0. 728	6. 895	1. 00	0.00 C			
ATOM	259	0	SER A	22143. 138	0. 996	6. 147	1. 00	0.000			
ATOM	260	CB	SER A	22140. 471	2. 521	7. 154	1. 00	0.00 C			
ATOM	261	0G	SER A	22140. 308	3. 821	7. 694	1. 00	0.000			
ATOM	262	H	SER A	22142. 764	3. 562	7. 756	1. 00	0.00 H			
ATOM	263	HA	SER A	22141. 249	1. 289	8.722	1. 00	0.00 H			
ATOM	264	1HB	SER A	22140. 678	2. 607	6.098	1. 00	0.00 H			
ATOM .	265	2HB	SER A	22139. 556	1. 967	7. 298	1. 00	0.00 H			
ATOM	266	HG	SER A	22140. 349	3. 777	8.653	1. 00	0.00 H			
ATOM	267	N	LEU A	23141.624	-0. 470	6. 936	1. 00	0.00 N			
ATOM	268	CA	LEU A	23142. 078	-1. 564	6.086	1. 00	0.00 C			
ATOM	269	C	LEU A	23141. 426	-1. 492	4. 709	1. 00	0. 00 C			
ATOM	270	0	LEU A	23140. 229	-1. 231	4. 590	1. 00	0.000			
ATOM	271	CB	LEU A	23141. 763	-2. 911	6. 740	1. 00	0.00 C			
ATOM	272	CG	LEU A	23142. 577	-3. 225	7. 997	1. 00	0.00 C			
ATOM	273	CD1	LEU A	23141. 779	-4. 108	8. 943	1. 00	0.00 C			
ATOM	274	CD2	LEU A	23143. 893	-3. 892	7. 624	1. 00	0.00 C			
ATOM	275	H	LEU A	23140. 877	-0.622	7. 552	1. 00	0.00 H			
ATOM	276	HA	LEU A	23143. 148	-1. 472	5. 970	1. 00	0.00 H			
ATOM	277	1HB	LEU A	23140. 716	-2. 923	7. 003	1. 00	0.00 H			
ATOM	278	2HB	LEU A	23141. 945	-3. 691	6. 017	1. 00	0.00 H			
ATOM	279	HG	LEU A	23142. 803	-2. 303	8. 512	1. 00	0.00 H			

23141.062

23141. 259

23142. 449

8.378

9.659

9. 464

-4. 686

-3. 490

-4. 777

1.00

1.00

1.00

0.00 H

0.00 H

0.00 H

5

10

15

20

25

 ${\tt ATOM}$

 ${\tt ATOM}$

 ${\tt ATOM}$

280 1HD1 LEU A

281 2HD1 LEU A

282 3HD1 LEU A

	WO 2004/0	16/81					104		PCI	/JP2003/010
	ATOM	283	1HD2	LEU A		23143. 706	-4. 908	7. 309	1. 00	0. 00 H
	ATOM	284		LEU A		23144. 550	-3. 897	8. 481	1. 00	0. 00 H
	ATOM	285		LEU A		23144. 359	-3. 345	6. 818	1. 00	0. 00 H
	ATOM	286	N	ALA A		24142. 222	-1. 725	3. 670	1. 00	0. 00 N
5	ATOM	287	CA	ALA A		24141. 724	-1. 686	2. 301	1. 00	0. 00 C
·	ATOM	288	С	ALA A		24142. 324	-2. 812	1. 466	1. 00	0. 00 C
	ATOM	289	0	ALA A		24143. 420	-3. 294	1. 751	1. 00	0.000
	ATOM	290	СВ	ALA A		24142. 028	-0. 337	1. 667	1. 00	0. 00 C
	ATOM	291	H	ALA A	A	24143. 168	-1. 928	3. 829	1. 00	0. 00 H
10	ATOM	292	HA	ALA A	4	24140. 651	-1. 808	2. 334	1. 00	0. 00 H
	ATOM	293	1HB	ALA A	A	24141. 196	0. 333	1. 830	1. 00	0.00 H
	ATOM	294	2HB	ALA A	A	24142. 184	-0. 464	0. 606	1. 00	0.00 H
	ATOM	295	3HB	ALA A	A	24142. 919	0.079	2. 115	1. 00	0.00 H
	ATOM	296	N	GLU A	A	25141. 598	-3. 227	0. 433	1. 00	0. 00 N
15	ATOM	297	CA	GLU A	A	25142. 059	-4. 299	-0. 445	1. 00	0.00 C
	ATOM	298	C	GLU	A	25142. 225	-3. 797	-1. 876	1. 00	0.00 C
	ATOM	299	0 .	GLU .	A	25141. 447	-2. 968	-2. 348	1. 00	0.000
	ATOM	300	CB	GLU .	A	25141.075	-5. 470	-0. 414	1. 00	0. 00 C
	ATOM	301	CG	GLU .	A	25141. 514	-6. 654	-1. 260	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	302	CD	GLU	A	25140. 767	-6. 737	-2. 578	1. 00	0.00 C
	ATOM	303	0E1	GLU	A	25140. 490	-5. 674	-3. 170	1. 00	0.000
	ATOM	304	0E2	GLU	A	25140. 461	-7. 865	-3. 017	1. 00	0.000
	ATOM	305	H	GLU	A	25140. 732	-2. 805	0. 256	1. 00	0. 00 H
	ATOM	306	HA	GLU	A	25143. 017	-4. 636	-0. 081	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	307	1HB	GLU	A	25140. 965	-5. 805	0.607	1. 00	0.00 H
	ATOM	308	2HB	GLU	A	25140. 117	-5. 130	-0. 778	1. 00	0.00 H
	ATOM	309	1HG	GLU	A	25142. 569	-6. 561	-1. 469	1. 00	0.00 H
	ATOM	310	2HG	GLU	A	25141. 335	-7. 563	-0. 704	1. 00	0.00 H
	ATOM	311	l N	VAL	A	26143. 244	-4. 305	-2.560	1. 00	0.00 N

						105			
	ATOM	312	CA	VAL A	26143. 513	-3. 909	-3. 937	1. 00	0. 00 C
	ATOM	313	C	VAL A	26142. 949	-4. 926	-4. 922	1. 00	0.00 C
	ATOM	314	0	VAL A	26142.719	-6. 084	-4. 571	1. 00	0.000
	ATOM	315	CB	VAL A	26145. 024	-3. 751	-4. 191	1. 00	0.00 C
5	ATOM	316	CG1	VAL A	26145. 275	-3. 136	-5. 559	1. 00	0.00 C
	ATOM	317	CG2	VAL A	26145. 665	-2. 911	-3. 097	1. 00	0.00 C
	ATOM	318	H	VAL A	26143. 830	-4.962	-2. 129	1. 00	0.00 H
	ATOM	319	HA	VAL A	26143.039	-2. 953	-4. 109	1. 00	0.00 H
	ATOM	320	HB	VAL A	26145. 477	-4. 731	-4. 173	1. 00	0. 00 H
10	ATOM	321	1HG1	VAL A	26146. 222	-2.616	-5. 553	1. 00	0.00 H
	ATOM	322	2HG1	VAL A	26144. 484	-2. 439	-5. 792	1. 00	0. 00 H
	ATOM	323	3HG1	VAL A	26145. 299	-3. 917	-6. 305	1. 00	0. 00 H
	ATOM	324	1HG2	VAL A	26145. 381	-1. 876	-3. 223	1. 00	0. 00 H
	ATOM	325	2HG2	VAL A	26146. 740	-2. 998	-3. 157	1. 00	0.00 H
15	ATOM	326	3HG2	VAL A	26145. 330	-3. 260	-2. 131	1. 00	0.00 H
	ATOM	327	N	LYS A	27142. 727	-4. 487	-6. 157	1. 00	0.00 N
	ATOM	328	CA	LYS A	27142. 188	-5. 360	-7. 194	1. 00	0. 00 C
	ATOM	329	C	LYS A	27143. 310	-5. 966	-8. 031	1. 00	0. 00 C
	ATOM	330	0	LYS A	27143. 259	-5. 951	-9. 262	1. 00	0.000
20	ATOM	331	CB	LYS A	27141. 223	-4. 583	-8. 092	1. 00	0. 00 C
	ATOM	332	CG	LYS A	27139. 924	-4. 202	-7. 403	1. 00	0. 00 C
	ATOM	333	CD	LYS A	27139. 048	-5. 419	-7. 154	1. 00	0. 00 C
	ATOM	334	CE	LYS A	27137. 646	-5. 018	-6. 724	1. 00	0. 00 C
	ATOM	335	NZ	LYS A	27137. 102	-5. 932	-5. 682	1. 00	0. 00 N
25	MOTA	336	H	LYS A	27142. 930	-3. 554	-6. 376	1. 00	0.00 H
	ATOM	337	HA	LYS A	27141. 648	-6. 158	-6. 706	1. 00	0.00 H
	ATOM	338	3 1HB	LYS A	27141. 710	-3. 677	-8. 424	1. 00	
	ATOM	339	9 2HB						
	ATOM	340) 1HG	LYS A	27140. 152	2 -3.735	-6. 457	1. 00	0.00 H

							106			
	ATOM	341	2HG	LYS	A	27139. 387	-3. 504	-8. 030	1. 00	0.00 H
	ATOM	342	1HD	LYS	A	27138. 983	-5. 995	-8. 065	1. 00	0.00 H
	ATOM	343	2HD	LYS	A	27139. 496	-6. 019	-6. 376	1. 00	0.00 H
	ATOM	344	1HE	LYS	A	27137. 678	-4. 014	-6. 327	1. 00	0.00 H
5	ATOM	345	2HE	LYS	A	27136. 998	-5. 043	-7. 587	1. 00	0.00 H
	ATOM	346	1HZ	LYS	A	27136. 733	-6. 799	-6. 124	1. 00	0.00 H
	ATOM	347	2HZ	LYS	A	27136. 331	-5. 466	-5. 163	1. 00	0.00 H
	ATOM	348	3HZ	LYS	A	27137. 851	-6. 192	-5.007	1. 00	0.00 H
	ATOM	349	N	GLU	A	28144. 323	-6. 501	-7. 357	1. 00	0.00 N
10	ATOM	350	CA	GLU	A	28145. 457	-7. 112	-8. 038	1. 00	0. 00 C
	ATOM	351	C	GLU	A	28145. 269	-8. 622	-8. 160	1. 00	0. 00 C
	ATOM	352	0	GLU	A	28144. 303	-9. 181	-7. 640	1. 00	0.000
	ATOM	353	CB	GLU	A	28146. 756	-6.806	-7. 288	1. 00	0.00 C
	ATOM	354	CG	GLU	A	28147. 863	-6.272	-8. 182	1. 00	0.00 C
15	ATOM	355	CD	GLU	A	28149. 224	-6.837	-7. 824	1. 00	0. 00 C
	ATOM	356	0E 1	GLU	A	28149. 635	-7. 835	-8. 452	1. 00	0.000
	ATOM	357	0E2	GLU	A	28149. 878	-6. 281	-6.917	1. 00	0.000
	ATOM	358	H	GLU	A	28144. 307	-6. 483	-6.377	1. 00	0.00 H
	ATOM	359	HA	GLU	A	28145. 516	-6. 688	-9.029	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	360	1HB	GLU	A	28146. 552	-6. 068	-6.526	1. 00	0.00 H
	ATOM	361	2HB	GLU	A	28147. 110	-7. 711	-6.814	1. 00	0.00 H
	ATOM	362	1HG	GLU	A	28147. 640	-6. 533	-9. 205	1. 00	0.00 H
	ATOM	363	2HG	GLU	A	28147. 899	-5. 197	-8. 085	1. 00	0.00 H
	ATOM	364	N	ASN	A	29146. 199	-9. 275	-8. 850	1. 00	0.00 N
25	ATOM	365	CA	ASN	A	29146. 136	-10. 719	-9. 040	1. 00	0.00 C
	ATOM	366	C	ASN	A	29146. 156	-11. 446	-7. 697	1. 00	0.00 C
	ATOM	367	0	ASN	A	29145. 239	-12. 204	-7. 381	1. 00	0.000
	ATOM	368	CB	ASN	A	29147. 306	-11. 191	-9. 907	1. 00	0. 00 C
	ATOM	369	CG	ASN	A	29146. 930	-11. 306	-11. 371	1. 00	0.00 C

	WO 2004/016781		'			107		PC1/JP2003/010		
	ATOM	370	0D1	ASN	A	29146. 786 -12. 407 -	-11. 903 1.	. 00	0.000	
	ATOM	371		ASN		29146. 767 -10. 165 -	-12. 032 1	. 00	0. 00 N	
	ATOM	372	H	ASN	A	29146. 944 -8. 773	-9. 240 1	. 00	0. 00 H	
	ATOM	373	HA	ASN	A	29145. 211 -10. 947	-9. 546 1	. 00	0. 00 H	
5	ATOM	374	1HB.	ASN	A	29148. 119 -10. 486	-9. 819 1	. 00	0. 00 H	
	ATOM	375	2HB	ASN	A	29147. 635 -12. 160	-9. 561 1	. 00	0. 00 H	
	ATOM	376	1HD2	ASN	A	29146. 898 -9. 325 -	-11. 543 1	. 00	0. 00 H	
	ATOM	377	2HD2	ASN	A	29146. 524 -10. 210	-12. 979 1	. 00	0. 00 H	
	ATOM	378	N	PRO	A	30147. 206 -11. 226	-6. 887 1	. 00	0. 00 N	
10	ATOM	379	CA	PRO	A	30147. 337 -11. 863	-5. 575	. 00	0. 00 C	
	ATOM	380	C	PRO	A	30146. 420 -11. 233	-4. 529	. 00	0.00 C	
	ATOM	381	0	PRO	A	30146. 641 -10. 098	-4. 105	1. 00	0.000	
	ATOM	382	CB	PRO	A	30148. 802 -11. 621	-5. 217	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	383	CG	PRO	A	30149. 156 -10. 354	-5. 917	1. 00	0.00 C	
15	ATOM	384	CD	PRO	A	30148. 346 -10. 336	-7. 187	1. 00	0.00 C	
	ATOM	385	HA	PR0	A	30147. 149 -12. 925	-5. 631	1. 00	0.00 H	
	ATOM	386	1HB	PR0	A	30148. 902 -11. 522	-4. 145	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	387	2HB	PR0	A	30149. 404 -12. 446	-5. 567	1. 00	0.00 H	
	ATOM	388	1HG	PR0	A	30148. 897 -9. 508	-5. 296	1. 00	0.00 H	
20	ATOM	389	2HG	PR0	A	30150. 211 -10. 344	-6. 145	1. 00	0.00 H	
	ATOM	390	1HD	PR0	A	30148. 006 -9. 335	-7. 401	1. 00	0.00 H	
	ATOM	391	2HD	PRO	A	30148. 927 -10. 721	-8. 009	1. 00	0.00 H	
	ATOM	392	N	PRO	A	31145. 373 -11. 959	-4. 095	1. 00	0.00 N	
	ATOM	393	CA	PRC) A	31144. 428 -11. 455	-3. 094	1. 00	0. 00 C	
25	ATOM	394	C	PRO) A	31145. 065 -11. 310	-1. 717	1. 00	0.00 C	
	ATOM	395	0	PRO) A	31144. 943 -12. 193	-0.869	1. 00	0.000	
	ATOM	396	G CB	PRO) A		-3.065	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	397	CG CG	PRO) A			1. 00	0.00 C	
	ATOM	398	3 CD	PR() A	31145. 028 -13. 322	-4. 543	1. 00	0. 00 C	

	WO 2004/01	16781					108		PCI	/JP2003/010
	ATOM	399	НА	PRO A	Λ	31144. 003		-3. 393	1. 00	0. 00 H
		400		PRO A		31142. 960		-2. 057	1. 00	0. 00 H
	ATOM			PRO		31142. 524		-3. 721	1. 00	0. 00 H
_	ATOM		1HG	PRO		31144. 474		-2. 712	1. 00	0. 00 H
5	ATOM	403		PRO		31143. 276		-4. 011	1. 00	0. 00 H
	ATOM		1HD	PR0		31145. 892		-4. 508	1. 00	0. 00 H
	ATOM	405	2HD	PR0	A	31144. 607		-5. 536	1. 00	0. 00 H
	ATOM	406	N	PHE	A	32145. 746	-10. 189	-1. 501	1. 00	0. 00 N
	ATOM	407	CA	PHE	A	32146. 404	-9. 928	-0. 226	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	408	C	PHE	A	32145. 573	-8. 975	0.628	1. 00	0. 00 C
	ATOM	409	0	PHE	A	32144. 568	-8. 432	0. 172	1. 00	0.000
	ATOM	410	CB	PHE	A	32147. 798	-9. 342	-0. 457	1. 00	0. 00 C
	ATOM	411	CG	PHE	A	32147. 825	-8. 245	-1. 484	1. 00	0.00 C
	ATOM	412	CD1	PHE	A	32147. 160	-7. 051	-1. 259	1. 00	0.00 C
15	ATOM	413	CD2	PHE	A	32148. 516	-8. 409	-2. 674	1. 00	0.00 C
	ATOM	414	CE1	PHE	A	32147. 184	-6. 040	-2. 201	1.00	0.00 C
	ATOM	415	CE2	PHE	A	32148. 543	-7. 402	-3.620	1. 00	0.00 C
	ATOM	416	CZ	PHE	A	32147. 875	-6. 216	-3. 383	1. 00	0.00 C
	ATOM	417	H	PHE	A	32145. 807	-9. 522	-2. 217	1. 00	0.00 H
20	ATOM	418	HA	PHE	A	32146. 501	-10. 868	0. 295	1. 00	0.00 H
	ATOM	419	1HB	PHE	A	32148. 168	-8. 935	0. 471	1. 00	0.00 H
	ATOM	420	2HB	PHE	A	32148. 460	-10. 127	-0. 791	1. 00	0.00 H
	ATOM	421	HD1	PHE	A	32146. 618	-6. 912	-0. 335	1. 00	0.00 H
	ATOM	422	HD2	PHE	A	32149. 038	-9. 336	-2. 860	1. 00	0.00 H
25	ATOM	423	HE1	PHE	A	32146. 660	-5. 114	-2. 014	1. 00	0.00 H
	ATOM	424	HE2	PHE	A	32149. 085	-7. 543	-4. 543	1. 00	0.00 H
	ATOM	425	HZ	PHE	A	32147. 895	-5. 428	-4. 122	1. 00	0.00 H
	ATOM	426	N	TYR	A	33146. 003	-8. 777	1. 870	1. 00	0. 00 N
	ATOM	427	CA	TYR	A	33145. 297	-7. 889	2. 789	1. 00	0. 00 C

	WO 2004/	016781	6		109	PC	T/JP2003/010288
	ATOM	428	C	TYR A	33146. 273 -6. 965	3. 508 1. 00	0. 00 C
	ATOM	429	0	TYR A	33147. 259 -7. 417	4. 092 1. 00	0.000
	ATOM	430	CB	TYR A	33144. 502 -8. 706	3. 809 1. 00	0.00 C
	ATOM	431	CG	TYR A	33143. 206 -9. 261	3. 263 1. 00	0. 00 C
5	ATOM	432	CD1	TYR A	33142. 351 -8. 466	2. 509 1. 00	0. 00 C
	ATOM	433	CD2	TYR A	33142. 838 -10. 579	3. 501 1. 00	0.00 C
	ATOM	434	CE 1	TYR A	33141. 165 -8. 970	2. 008 1. 00	0.00 C
	ATOM	435	CE2	TYR A	33141. 655 -11. 090	3. 002 1. 00	0.00 C
	ATOM	436	CZ	TYR A	33140. 822 -10. 282	2. 257 1. 00	0.00 C
10	ATOM	437	ОН	TYR A	33139. 643 -10. 787	1. 759 1. 00	0.000
	ATOM	438	H	TYR A	33146. 811 -9. 238	2. 178 1. 00	0.00 H
	ATOM	439	HA	TYR A	33144. 613 -7. 289	2. 208 1. 00	0.00 H
	ATOM	440	1HB	TYR A	33145. 104 -9. 537	4. 143 1. 00	0.00 H
	ATOM	441	2HB	TYR A	33144. 264 -8. 077	4. 655 1. 00	0.00 H
15	ATOM	442	HD1	TYR A	33142. 623 -7. 439	2. 316 1. 00	0.00 H
	ATOM	443	HD2	TYR A	33143. 492 -11. 209	4. 086 1. 00	0.00 H
	ATOM	444	HE 1	TYR A	33140. 515 -8. 336	1. 424 1. 00	0.00 H
	ATOM	445	HE2	TYR A	33141. 386 -12. 117	3. 198 1. 00	0.00 H
	ATOM	446	HH	TYR A	33139. 504 -10. 457	0. 869 1. 00	0.00 H
20	ATOM	447	N	GLY A	34145. 993 -5. 666	3. 463 1. 00	0.00 N
	ATOM	448	CA	GLY A	34146. 856 -4. 698	4. 115 1. 00	0.00 C
	ATOM	449	C	GLY A	34146. 086 -3. 512	4. 663 1. 00	0.00 C
	ATOM	450	0	GLY A	34144. 877 -3. 403	4. 464 1. 00	0.000
	ATOM	451	H	GLY A	34145. 194 -5. 363	2. 983 1. 00	0.00 H
25	ATOM	452	1HA	GLY A	34147. 374 -5. 184	4. 928 1. 00	0.00 H
	ATOM	453	2HA	GLY A	34147. 583 -4. 342	3. 400 1. 00	0.00 H
	ATOM	454	N	VAL A	35146. 789 -2. 622	5. 357 1. 00	0.00 N
	ATOM	455	CA	VAL A	35146. 165 -1. 439	5. 937 1. 00	0.00 C
	ATOM	456	C	VAL A	35146. 791 -0. 162	5. 382 1. 00	0.00 C

	WO 2004/0	16781				110		РСТ	/JP2003/010288
	ATOM	457	0	VAL A	35147. 999	-0. 097	5. 159	1. 00	0.000
	ATOM	458	СВ	VAL A	35146. 287	-1. 437	7. 474	1. 00	0. 00 C
	ATOM	459	CG1	VAL A	35147. 746	-1. 405	7. 899	1. 00	0. 00 C
	ATOM	460	CG2	VAL A	35145. 523	-0. 263	8. 071	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	461	Н	VAL A	35147. 751	-2. 766	5. 482	1. 00	0.00 H
	ATOM	462	HA	VAL A	35145. 116	-1. 455	5. 679	1. 00	0. 00 H
	ATOM	463	НВ	VAL A	35145. 847	-2. 350	7. 849	1. 00	0. 00 H
	ATOM	464	1HG1	VAL A	35148. 023	-0. 395	8. 165	1. 00	0. 00 H
	ATOM	465	2HG1	VAL A	35148. 367	-1. 745	7. 084	1. 00	0.00 H
10	ATOM	466	3HG1	VAL A	35147. 888	-2. 052	8. 752	1. 00	0.00 H
	ATOM	467	1HG2	VAL A	35144. 502	-0. 284	7. 721	1. 00	0.00 H
	ATOM	468	2HG2	VAL A	35145. 989	0.662	7. 765	1. 00	0.00 H
	ATOM	469	3HG2	VAL A	35145. 537	-0. 335	9. 148	1. 00	0.00 H
	ATOM	470	N	ILE A	36145. 958	0.852	5. 164	1. 00	0.00 N
15	ATOM	471	CA	ILE A	36146. 430	2. 126	4. 637	1. 00	0.00 C
	ATOM	472	C	ILE A	36147. 393	2. 798	5. 611	1.00	0. 00 C
	ATOM	473	0	ILE A	36147. 154	2. 821	6.819	1. 00	0.000
	ATOM	474	CB	ILE A	36145. 259	3. 085	4. 344	1. 00	0.00 C
	ATOM	475	CG1	ILE A	36144. 203	2. 391	3. 480	1.00	0.00 C
20	ATOM	476	CG2	ILE A	36145. 765	4. 346	3. 658	1. 00	0.00 C
	ATOM	477	CD1	ILE A	36143. 021	3. 272	3. 144	1. 00	0.00 C
	ATOM	478	H	ILE A	36145. 006	0. 739	5. 363	1. 00	0.00 H
	ATOM	479	HA	ILE A	36146. 950	1. 932	3. 710	1. 00	0.00 H
	ATOM	480	HB	ILE A	36144. 813	3. 371	5. 284	1. 00	0.00 H
25	ATOM	481	1HG1	ILE A	36144. 657	2. 077	2. 552	1. 00	0.00 H
	ATOM	482	2HG1	ILE A	36143. 832	1. 522	4. 005	1. 00	0.00 H
	ATOM	483	1HG2	ILE A	36144. 985	5. 093	3. 655	1. 00	0.00 H
	ATOM	484	2HG2	ILE A	36146. 045	4. 115	2. 640	1. 00	0.00 H
	ATOM	485	3HG2	ILE A	36146. 625	4. 726	4. 190	1. 00	0.00 H

							111				
	ATOM	486	1HD1	ILE	A	36143. 302	4. 309	3. 253	1. 00	0.00 H	
	ATOM	487	2HD1	ILE	A	36142. 203	3. 047	3. 812	1. 00	0.00 H	
	ATOM	488	3HD1	ILE	A	36142. 713	3. 089	2. 125	1. 00	0.00 H	
	ATOM	489	N	ARG	A	37148. 482	3. 342	5. 078	1. 00	0.00 N	
5	ATOM	490	CA	ARG	A	37149. 482	4. 013	5. 901	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	491	C	ARG	A	37149. 654	5. 467	5. 474	1. 00	0.00 C	
	ATOM	492	0	ARG	A	37149. 380	6. 387	6. 245	1. 00	0.000	
	ATOM	493	CB	ARG	A	37150. 821	3. 279	5. 811	1. 00	0.00 C	
	ATOM	494	CG	ARG	A	37150. 720	1. 790	6. 099	1. 00	0.00 C	
10	ATOM	495	CD	ARG	A	37150. 093	1. 526	7. 458	1. 00	0.00 C	
	ATOM	496	NE	ARG	A	37150. 689	2. 353	8. 506	1. 00	0.00 N	
	ATOM	497	CZ	ARG	A	37150. 129	2. 558	9. 696	1. 00	0.00 C	
	ATOM	498	NH1	ARG	A	37148. 963	1. 999	9. 993	1. 00	0.00 N	
	ATOM	499	NH2	ARG	A	37150. 737	3. 323	10. 591	1. 00	0.00 N	
15	ATOM	500	H	ARG	A	37148. 617	3. 291	4. 109	1. 00	0.00 H	
	ATOM	501	HA	ARG	A	37149. 138	3. 991	6. 924	1. 00	0.00 H	
	ATOM	502	1HB	ARG	A	37151. 221	3. 405	4. 816	1. 00	0.00 H	
	ATOM	503	2HB	ARG	A	37151. 507	3. 716	6. 522	1. 00	0.00 H	
	ATOM	504	1HG	ARG	A	37150. 112	1. 327	5. 337	1. 00	0.00 H	
20	ATOM	505	2HG	ARG	A	37151. 712	1. 362	6.079	1. 00	0.00 H	
	ATOM	506	1HD	ARG	A	37149. 036	1. 741	7. 401	1. 00	0.00 H	
	ATOM	507	2HD	ARG	A	37150. 235	0. 486	7. 710	1. 00	0.00 H	
	ATOM	508	HE	ARG	A	37151. 550	2. 778	8. 311	1. 00	0.00 H	
	ATOM	509	1HH1	ARG	A	37148. 498	1. 422	9. 322	1. 00	0.00 H	
25	ATOM	510	2HH1	ARG	A	37148. 547	2. 158	10. 889	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	511	1HH2	ARG	A	37151.617	3. 746	10. 372	1. 00	0.00 H	
	ATOM	512	2HH2	ARG	A	37150. 318	3. 477	11. 485	1. 00	0.00 H	
	ATOM	513	N	TRP	A	38150. 112	5. 667	4. 242	1. 00	0. 00 N	
	ATOM	514	CA	TRP	A	38150. 321	7. 011	3. 714	1.00	0.00 C	

	WO 2004/0	16781				112		PCT	/JP2003/010288
	ATOM	515	c	TRP A	38149. 551	7. 213	2. 412	1. 00	0. 00 C
	ATOM	516	0	TRP A	38149. 601	6. 374	1. 511	1. 00	0.00 0
	ATOM	517	СВ	TRP A	38151. 814	7. 269	3. 486	1. 00	0.00 C
	ATOM	518	CG	TRP A	38152. 095	8. 525	2. 714	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	519	CD1	TRP A	38152. 313	9. 772	3. 226	1. 00	0.00 C
	ATOM	520	CD2	TRP A	38152. 181	8. 655	1. 290	1. 00	0.00 C
	ATOM	521	NE 1	TRP A	38152. 531	10. 669	2. 207	1. 00	0.00 N
	ATOM	522	CE2	TRP A	38152. 455	10. 006	1. 009	1. 00	0.00 C
	ATOM	523	CE3	TRP A	38152. 055	7. 758	0. 225	1. 00	0.00 C
10	ATOM	524	CZ2	TRP A	38152. 603	10. 481	-0. 292	1. 00	0. 00 C
	ATOM	525	CZ3	TRP A	38152. 202	8. 230	-1.066	1. 00	0.00 C
	ATOM	526	CH2	TRP A	38152. 474	9. 581	-1. 315	1. 00	0.00 C
	ATOM	527	H	TRP A	38150. 313	4. 895	3. 674	1. 00	0.00 H
	ATOM	528	HA	TRP A	38149. 952	7. 715	4. 446	1. 00	0.00 H
15	ATOM	529	1HB	TRP A	38152. 309	7. 350	4. 443	1. 00	0.00 H
	ATOM	530	2HB	TRP A	38152. 236	6. 439	2. 938	1. 00	0.00 H
	ATOM	531	HD1	TRP A	38152. 312	10. 006	4. 280	1. 00	0.00 H
	ATOM	532	HE1	TRP A	38152. 711	11.625	·2. 319	1. 00	0.00 H
	ATOM	533	HE3	TRP A	38151. 845	6. 713	0. 397	1. 00	0.00 H
20	ATOM	534	HZ2	TRP A	38152. 809	11. 521	-0. 501	1. 00	0.00 H
	ATOM	535	HZ3	TRP A	38152. 108	7. 552	-1. 900	1. 00	0.00 H
	ATOM	536	HH2	TRP A	38152. 582	9. 906	-2. 340	1. 00	0.00 H
	ATOM	537	N	ILE A	39148. 850	8. 337	2. 318	1. 00	0.00 N
	ATOM	538	CA	ILE A	39148. 078	8. 664	1. 126	1. 00	0.00 C
25	ATOM	539	C	ILE A	39148. 492	10. 024	0. 575	1. 00	0.00 C
	ATOM	540	0	ILE A	39148. 159	11.062	1. 146	1. 00	0.000
	ATOM	541	CB	ILE A	39146. 566	8. 679	1. 420	1. 00	0.00 C
	ATOM	542	CG1	ILE A	39146. 151	7. 396	2. 143	1. 00	0.00 C
	ATOM	543	CG2	ILE A	39145. 777	8. 844	0. 129	1. 00	0.00 C

41148. 200

41147.549

41150.896

14. 818

14. 296

12. 939

1. 00

1.00

1.00

0.00 N

0.00 H

-6.391

-2.561

ATOM

ATOM

ATOM

570

571

572

H

OE1 GLN A

NE2 GLN A

GLN A

							114			
	ATOM	573	HA	GLN	A	41151. 268	11. 065	-4. 798	1. 00	0.00 H
	ATOM	574	1HB	GLN	A	41150.707	14. 011	-5. 111	1. 00	0.00 H
	ATOM	575	2HB	GLN	A	41150. 782	12. 797	-6. 377	1. 00	0.00 H
	ATOM	576	1HG	GLN	A	41148. 673	12. 124	-6. 034	1. 00	0.00 H
5	ATOM	577	2HG	GLN	A	41148. 803	12. 265	-4. 282	1. 00	0.00 H
	ATOM	578	1HE2	GLN	A	41147. 606	13. 638	-7. 115	1. 00	0.00 H
	ATOM	579	2HE2	GLN	A	41147. 032	15. 126	-6. 451	1. 00	0.00 H
	ATOM	580	N	PRO	A	42153. 720	11. 620	-4. 817	1. 00	0.00 N
	ATOM	581	CA	PR0	A	42155. 153	11. 933	-4. 868	1. 00	0.00 C
10	ATOM	582	C	PR0	A	42155. 457	13. 100	-5. 803	1. 00	0.00 C
	ATOM	583	0	PR0	A	42154.658	13. 428	-6. 681	1. 00	0.000
	ATOM	584	CB	PR0	A	42155. 789	10. 645	-5. 399	1. 00	0.00 C
	ATOM	585	CG	PR0	A	42154. 802	9. 575	-5.083	1. 00	0. 00 C
	ATOM	586	CD	PR0	A	42153. 453	10. 221	-5. 197	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	587	HA	PR0	A	42155. 544	12. 152	-3. 885	1. 00	0.00 H
	ATOM	588	1HB	PR0	A	42155. 950	10. 733	-6. 465	1. 00	0.00 H
	ATOM	589	2HB	PR0	A	42156. 731	10. 472	-4. 900	1. 00	0.00 H
	ATOM	590	1HG	PR0	A	42154. 894	8. 767	-5. 794	1.00	0.00 H
	ATOM	591	2HG	PR0	A	42154. 961	9. 213	-4. 078	1. 00	0.00 H
20	ATOM	592	1HD	PR0	A	42153. 088	10. 159	-6. 213	1. 00	0.00 H
	ATOM	593	2HD	PRO	A	42152. 754	9. 763	-4. 513	1. 00	0.00 H
	ATOM	594	N	PRO	A	43156. 621	13. 746	-5.625	1. 00	0.00 N
	ATOM	595	CA	PRO	A	43157. 028	14. 881	-6. 457	1. 00	0.00 C
	ATOM	596	C	PRO	A	43157. 418	14. 454	-7. 866	1. 00	0.00 C
25	ATOM	597	0	PRO	A	43158. 590	14. 200	-8. 146	1. 00	0.000
	ATOM	598	CB	PRO	A	43158. 241	15. 445	-5. 719	1. 00	0.00 C
	ATOM	599	CG	PRO	A	43158. 803	14. 285	-4. 973	1. 00	0.00 C
	ATOM	600	CD	PRO	A	43157. 630	13. 420	-4. 600	1. 00	0.00 C
	ATOM	601	HA	PRO	A	43156. 254	15. 632	-6.510	1. 00	0.00 H

	WO 2004/0	16781							PCT	/JP2003/010
							115			
	ATOM			PRO A		43158. 948	15. 836	-6. 435	1. 00	0.00 H
	ATOM	603	2HB	PRO .	A	43157. 926	16. 230	-5. 048	1. 00	0.00 H
	ATOM	604	1HG	PRO .	A	43159. 487	13. 738	-5. 607	1. 00	0. 00 H
	ATOM	605	2HG	PRO.	A	43159. 311	14. 631	-4. 085	1. 00	0.00 H
5	ATOM	606	1HD	PRO.	A	43157. 903	12. 376	-4. 647	1. 00	0. 00 H
	ATOM	607	2HD	PRO .	A	43157. 273	13. 673	-3. 614	1. 00	0.00 H
	ATOM	608	N	GLY	A	44156. 432	14. 379	-8. 752	1. 00	0. 00 N
	ATOM	609	CA	GLY	A	44156.696	13. 984	-10. 122	1. 00	0. 00 C
	ATOM	610	С	GLY	A	44155. 463	13. 450	-10.820	1. 00	0.00 C
10	ATOM	611	0	GLY	A	44155. 131	13. 883	-11. 924	1. 00	0.000
	ATOM	612	H	GLY	A	44155. 517	14. 595	-8. 473	1. 00	0.00 H
	ATOM	613	1HA	GLY	A	44157. 062	14. 839	-10.667	1. 00	0.00 H
	ATOM	614	2HA	GLY	A	44157. 457	13. 216	-10. 121	1. 00	0.00 H
	ATOM	615	N	LEU	A	45154. 782	12. 507	-10. 178	1. 00	0.00 N
15	ATOM	616	CA	LEU	A	45153. 577	11. 916	-10. 749	1. 00	0.00 C
	ATOM	617	С	LEU	A	45152. 383	12. 121	-9.826	1. 00	0.00 C
	ATOM	618	0	LEU	A	45152. 330	11. 557	-8. 733	1. 00	0.000
	ATOM	619	СВ	LEU	A	45153. 789	10. 422	-11. 006	1. 00	0. 00 C
	ATOM	620	CG	LEU	A	45154. 407	9. 647	-9. 841	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	621	CD1	LEU	A	45154. 115	8. 159	-9. 974	1. 00	0.00 C
	ATOM	622	CD2	LEU	A	45155. 907	9. 898	-9. 771	1. 00	0.00 C
	ATOM	623	H	LEU	A	45155. 095	12. 205	-9. 298	1. 00	0.00 H
	ATOM	624	HA	LEU	A	45153. 380	12. 409	-11. 690	1. 00	0.00 H
	ATOM	625	1HB	LEU	A	45152. 830	9. 980	-11. 238	1. 00	0.00 H
25	ATOM	626	2HB	LEU	A	45154. 434	10. 314	-11. 865	1. 00	0.00 H
	ATOM	627	HG	LEU	A	45153. 966	9. 991	-8. 916	1. 00	0. 00 H
	ATOM	628	1HD1	LEU	A	45155. 036	7. 624	-10. 154	1. 00	0.00 H
	ATOM	629	2HD1	LEU	A	45153. 438	7. 995	-10. 800	1. 00	0.00 H
	ATOM	630	3HD1	LEU	A	45153. 663	7. 798	-9.062	1. 00	0. 00 H

	WO 2004/0.	10/81				116	PC 1/JP2003/010	<i>y</i> 2
	ATOM	631	1HD2	LEU A	45156. 426	8. 959 -9. 648	1. 00 0. 00 H	
	ATOM			LEU A	45156. 125	10. 542 -8. 932	1. 00 0. 00 H	
	ATOM	633		LEU A	45156. 236	10. 374 -10. 684	1. 00 0. 00 H	
	ATOM	634	N	ASN A	46151. 424	12. 927 -10. 269	1. 00 0. 00 N	
_			CA	ASN A	46150. 235	13. 193 -9. 470	1. 00 0. 00 K	
5	ATOM	635	CA		46149. 317	11. 976 -9. 459	1. 00 0. 00 C	
	ATOM	636		ASN A	46148. 674	11. 660 -10. 460	1. 00 0. 00 0	
	ATOM	637	0 CB	ASN A		14. 408 -10. 023	1. 00 0. 00 C	
	ATOM	638	CB	ASN A	46149. 488		1. 00 0. 00 C	
10	ATOM	639	CG	ASN A	46148. 414	14. 909 -9. 078 14. 320 -8. 976	1. 00 0. 00 0	
10	ATOM	640		ASN A	46147. 337		1. 00 0. 00 0 1. 00 0. 00 N	
	ATOM	641		ASN A	46148. 701	16. 002 -8. 381 13. 350 -11. 148	1. 00 0. 00 N 1. 00 0. 00 H	
	ATOM	642	H	ASN A	46151. 517 46150. 552	13. 403 -8. 459	1. 00 0. 00 H	
	ATOM	643	HA	ASN A	46150. 192	15. 210 -10. 193	1. 00 0. 00 H	
1 5	ATOM	644		ASN A		15. 210 -10. 195 14. 140 -10. 960	1. 00 0. 00 H	
15	ATOM	645		ASN' A	46149. 022	14. 140 -10. 900 16. 418 -8. 513	1. 00 0. 00 H	
	ATOM ·	646		ASN A	46149. 578	16. 347 -7. 762	1. 00 0. 00 H	
	ATOM	647		ASN A		10. 347 -7. 702 11. 298 -8. 318	1. 00 0. 00 H	
	ATOM	648		GLU A		11. 238 -8. 318 10. 115 -8. 169	1. 00 0. 00 K	
90	ATOM	649		GLU A		9. 726 -6. 701	1. 00 0. 00 C	
20	ATOM	650		GLU A		• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	•	
	ATOM	651		GLU A GLU A		9. 450 -6. 033 8. 945 -8. 967	1. 00 0. 00 C	
	ATOM	652		GLU A		8. 861 -8. 914		
	ATOM	653		GLU A		7. 924 -9. 962		
9.5	ATOM	654						
25	ATOM	655		GLU A				
	ATOM	656		GLU A				
	ATOM	657		GLU A				
	ATOM	658		GLU A				
	ATOM	655	HB 1HB	GLU A	47148. 602	8. 022 -8. 577	1. 00 0. 00 H	1

							11/			
	ATOM	660	2HB	GLU A		47148. 709	9. 048	-10. 001	1. 00	0.00 H
	ATOM	661	1HG	GLU A		47150. 931	9. 847	-9.076	1. 00	0.00 H
	ATOM	662	2HG	GLU A		47150. 820	8. 507	-7. 938	1. 00	0.00 H
	ATOM	663	N	VAL A		48147. 064	9. 696	-6. 203	1. 00	0.00 N
5	ATOM	664	CA	VAL A	L	48146. 817	9. 330	-4. 815	1. 00	0.00 C
	ATOM	665	С	VAL A	L	48147. 192	7. 874	-4. 570	1. 00	0.00 C
	ATOM	666	0	VAL A		48146. 430	6. 963	-4. 895	1. 00	0.000
	ATOM	667	CB	VAL A	L	48145. 342	9. 544	-4. 426	1. 00	0.00 C
	ATOM	668	CG1	VAL A	l.	48145. 152	9. 357	-2.928	1. 00	0.00 C
10	ATOM	669	CG2	VAL A	1	48144. 869	10. 922	-4. 863	1. 00	0.00 C
	ATOM	670	H	VAL A	1	48146. 305	9. 918	-6. 782	1. 00	0.00 H
	ATOM	671	HA	VAL A	ł	48147. 433	9. 961	-4. 188	1. 00	0.00 H
	ATOM	672	HB	VAL A	A	48144. 745	8. 803	-4. 936	1. 00	0.00 H
	ATOM	673	1HG1	VAL A	A	48144. 216	9. 803	-2.627	1. 00	0.00 H
15	ATOM	674	2HG1	VAL A	A	48145. 964	9. 833	-2. 401	1. 00	0.00 H
	ATOM	675	3HG1	VAL A	A	48145. 140	8. 302	-2. 696	1. 00	0.00 H
	ATOM	676	1HG2	VAL A	A	48145. 632	11. 653	-4. 636	1. 00	0.00 H
	ATOM	677	2HG2	VAL A	A	48143. 961	11. 174	-4. 33 7	1. 00	0.00 H
	ATOM	678	3HG2	VAL A	A	48144. 681	10. 918	-5. 926	1. 00	0.00 H
20	ATOM	679	N	LEU A	A	49148. 373	7. 660	-4. 000	1. 00	0.00 N
	ATOM	680	CA	LEU A	A	49148. 852	6. 313	-3. 717	1. 00	0.00 C
	ATOM	681	C	LEU A	A	49148. 792	6. 021	-2. 223	1. 00	0.00 C
	ATOM	682	0	LEU A	A	49149. 500	6. 641	-1. 431	1. 00	0.000
	ATOM	683	CB	LEU A	A	49150. 283	6. 140	-4. 227	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	684	L CG	LEU	A	49150. 454	6. 288	-5. 740	1. 00	0.00 C
	ATOM	685	CD 1	LEU .	A	49151. 838	6. 822	-6. 071	1. 00	0. 00 C
	ATOM	686	CD2	LEU .	A .	49150. 214	4. 956	-6. 434	1. 00	0.00 C
	ATOM	687	7 H	LEU	A	49148. 937	8. 425	-3. 765	1. 00	0. 00 H
	ATOM	688	B HA	LEU	A	49148. 208	5. 617	-4. 234	1. 00	0. 00 H

							118			
	ATOM	689	1HB	LEU A	A	49150. 907	6. 878	-3. 741	1. 00	0.00 H
	ATOM	690	2HB	LEU A	A	49150. 629	5. 158	-3. 942	1. 00	0.00 H
	ATOM	691	HG	LEU A	A	49149. 726	6. 995	-6. 111	1. 00	0.00 H
	ATOM	692	1HD1	LEU A	A	49151. 800	7. 900	-6. 146	1. 00	0.00 H
5	ATOM	693	2HD1	LEU A	A	49152. 169	6. 408	-7. 012	1. 00	0.00 H
	ATOM	694	3HD1	LEU A	A	49152. 530	6. 540	-5. 290	1. 00	0.00 H
	ATOM	695	1HD2	LEU A	A	49149. 181	4. 891	-6.742	1. 00	0.00 H
	ATOM	696	2HD2	LEU A	A	49150. 438	4. 149	-5. 751	1. 00	0.00 H
	ATOM	697	3HD2	LEU	A	49150. 854	4. 882	-7. 301	1. 00	0.00 H
10	ATOM	698	N	ALA A	A	50147. 943	5. 072	-1. 846	1. 00	0. 00 N
	ATOM	699	CA	ALA A	A	50147. 794	4. 702	-0. 446	1. 00	0.00 C
	ATOM	700	C	ALA	A	50148. 728	3. 553	-0.081	1. 00	0.00 C
	ATOM	701	0	ALA	A	50148. 587	2. 440	-0.588	1. 00	0.000
	ATOM	702	CB	ALA .	A	50146. 350	4. 325	-0. 152	1. 00	0.00 C
15	ATOM	703	H	ALA .	A	50147. 405	4. 613	-2.524	1. 00	0.00 H
	ATOM	704	HA	ALA .	A	50148. 047	5. 565	0. 151	1. 00	0.00 H
	ATOM	705	1HB	ALA .	A	50145. 908	3. 878	-1.029	1. 00	0.00 H
	ATOM	706	2HB	ALA	A	50145. 795	5. 211	0. 119	1. 00	0.00 H
	ATOM	707	3HB	ALA	A	50146. 321	3.620	0.666	1. 00	0.00 H
20	ATOM	708	N	GLY	A	51149. 682	3. 830	0.801	1. 00	0.00 N
	ATOM	709	CA	GLY	A	51150. 625	2. 809	1. 219	1. 00	0.00 C
	ATOM	710	C	GLY	A	51149. 976	1. 735	2. 070	1. 00	0.00 C
	ATOM	711	0	GLY	A	51149. 657	1. 965	3. 236	1. 00	0.000
	ATOM	712	H	GLY	A	51149. 746	4. 734	1. 173	1. 00	0.00 H
25	MOTA	713	1HA	GLY	A	51151. 052	2. 348	0. 341	1. 00	0.00 H
	ATOM	714	2HA	GLY	A	51151. 414	3. 275	1. 789	1. 00	0. 00 H
	ATOM	715	N	LEU	A	52149. 779	0. 557	1. 485	1. 00	0. 00 N
	ATOM	716	CA	LEU	A	52149. 164	-0. 556	2. 198	1. 00	0. 00 C
	ATOM	717	C	LEU	A	52150. 224	-1. 465	2. 808	1. 00	0. 00 C

	WU 2004/0	10/81						PCI	JF2003/0102
						119			
	ATOM	718	0	LEU A	52151. 150	-1. 902	2. 125	1. 00	0.000
	ATOM	719	CB	LEU A	52148. 265	-1. 358	1. 256	1. 00	0. 00 C
	ATOM	720	CG	LEU A	52147. 001	-0. 634	0. 792	1. 00	0. 00 C
	ATOM	721	CD1	LEU A	52146. 360	-1. 372	-0. 373	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	722	CD2	LEU A	52146. 016	-0. 493	1. 943	1. 00	0. 00 C
	ATOM	723	H	LEU A	52150.054	0. 434	0. 553	1. 00	0.00 H
	ATOM	724	HA	LEU A	52148. 559	-0. 145	2. 994	1. 00	0.00 H
	ATOM	725	1HB	LEU A	52148. 844	-1.626	0. 383	1. 00	0.00 H
	ATOM	726	2HB	LEU A	52147. 968	-2. 266	1.761	1. 00	0.00 H
10	ATOM	727	HG	LEU A	52147. 265	0. 358	0. 453	1. 00	0.00 H
	ATOM	728	1HD1	LEU A	52146.068	-2. 362	-0.055	1. 00	0.00 H
	ATOM	729	2HD1	LEU A	52147. 069	-1. 448	-1. 184	1. 00	0. 00 H
	ATOM	730	3HD1	LEU A	52145. 488	-0. 829	-0.707	1. 00	0.00 H
	ATOM	731	1HD2	LEU A	52145. 198	0. 145	1. 641	1. 00	0.00 H
15	ATOM	732	2HD2	LEU A	52146. 517	-0. 057	2. 794	1. 00	0.00 H
	ATOM	733	3HD2	LEU A	52145. 633	-1. 467	2. 211	1. 00	0.00 H
	ATOM	734	N	GLU A	53150. 082	-1. 748	4. 100	1. 00	0. 00 N
	ATOM	735	CA	GLU A	53151. 027	-2.607	4. 802	1. 00	0. 00 C
	ATOM	736	C	GLU A	53150. 520	-4. 044	4.856	1. 00	0.00 C
20	ATOM	737	0	GLU A	53149. 535	-4. 340	5. 532	1. 00	0.000
	ATOM	738	CB	GLU A	53151. 266	-2. 085	6. 221	1. 00	0.00 C
	ATOM	739	CG	GLU A	53152. 268	-2.908	7. 013	1. 00	0.00 C
	ATOM	740	CD	GLU A	53151.835	-3. 131	8. 448	1. 00	0.00 C
	ATOM	741	0E 1	GLU A	A 53151. 291	-4. 216	8. 744	1. 00	0.000
25	ATOM	742	0E2	GLU A	A 53152. 041	-2. 220	9. 279	1. 00	0.000
	ATOM	743	H	GLU A	A 53149. 323	-1. 370	4. 591	1. 00	0.00 H
	ATOM	744	HA	GLU A	A 53151.961	-2. 587	4. 259	1. 00	0.00 H
	ATOM	745	1HB	GLU A	A 53151.633	3 -1.071	6. 162	1. 00	0.00 H
	ATOM	746	2HB	GLU A	A 53150. 327	7 −2. 087	6. 756	1. 00	0.00 H

	W O 2004	/010/81				120		PCI	/JP2003/010
	ATOM	747	1HG	GLU A	53152. 382	-3. 870	6. 534	1. 00	0.00 H
	ATOM	748	2HG	GLU A	53153. 217	-2. 393	7. 013	1. 00	0.00 H
	ATOM	749	N	LEU A	54151. 200	-4. 933	4. 139	1. 00	0.00 N
	ATOM	750	CA	LEU A	54150. 817	-6. 340	4. 105	1. 00	0.00 C
5	ATOM	751	C	LEU A	54151. 111	-7. 016	5. 440	1. 00	0.00 C
	ATOM	752	0	LEU A	54152. 156	-6. 782	6.049	1. 00	0.000
	ATOM	753	СВ	LEU A	54151. 558	-7. 064	2. 979	1. 00	0.00 C
	ATOM	754	CG	LEU A	54151. 517	-6. 362	1.621	1. 00	0.00 C
	ATOM	755	CD1	LEU A	54152. 750	-6. 710	0.802	1. 00	0.00 C
10	ATOM	756	CD2	LEU A	54150. 250	-6. 737	0.867	1. 00	0.00 C
	ATOM	757	H	LEU A	54151. 976	-4. 637	3. 621	1. 00	0.00 H
	ATOM	758	HA	LEU A	54149. 755	-6. 390	3. 916	1. 00	0.00 H
	ATOM	759	1HB	LEU A	54152. 592	-7. 178	3. 272	1. 00	0.00 H
	ATOM	760	2HB	LEU A	54151. 123	-8. 046	2. 864	1. 00	0.00 H
15	ATOM	761	HG	LEU A	54151. 510	-5. 293	1. 776	1. 00	0.00 H
	ATOM	762	1HD1	LEU A	54152. 593	-6. 419	-0. 226	1. 00	0.00 H
	ATOM	763	2HD1	LEU A	54152. 926	-7. 775	0.853	1. 00	0.00 H
	ATOM	764	3HD1	LEU A	54153. 605	-6. 184	1. 199	1. 00	0.00 H
	ATOM	765	1HD2	LEU A	54150. 238	-7. 803	0.691	1. 00	0.00 H
20	ATOM	766	2HD2	LEU A	54150. 227	-6. 216	-0. 080	1. 00	0.00 H
	ATOM	767	3HD2	LEU A	54149. 386	-6. 459	1. 452	1. 00	0.00 H
	ATOM	768	N	GLU A	55150. 185	-7. 857	5. 890	1. 00	0.00 N
	ATOM	769	CA	GLU A	55150. 346	-8. 568	7. 153	1. 00	0.00 C
	ATOM	770	C	GLU A	55151. 400	-9. 662	7. 031	1. 00	0.00 C
25	ATOM	771	0	GLU A	55152. 098	-9. 977	7. 995	1. 00	0.000
	ATOM	772	CB	GLU A	55149. 013	-9. 174	7. 594	1. 00	0. 00 C
	ATOM	773	CG	GLU A	55148.076	-8. 172	8. 249	1. 00	0.00 C
	ATOM	774	CD CD	GLU A	55146. 632	-8. 363	7. 827	1. 00	0.00 C
	ATOM	775	0E	l GLU A	55145. 767	-8. 503	8. 717	1. 00	0.000

	WO 2004/0	16/81					121		PCI	JP2003/010
	ATOM	776	0E2	GLU A	A	55146. 366	-8. 371	6. 606	1. 00	0.000
	ATOM	777	H	GLU A	4	55149. 374	-8. 002	5. 359	1. 00	0.00 H
	ATOM	778	HA	GLU A	A	55150. 670	-7. 853	7. 895	1. 00	0.00 H
	ATOM	779	1HB	GLU A	A	55148. 515	-9. 588	6. 730	1. 00	0.00 H
.5	ATOM	780	2HB	GLU	A	55149. 207	-9. 967	8. 301	1. 00	0.00 H
	ATOM	781	1HG	GLU	A	55148. 139	-8. 286	9. 321	1. 00	0.00 H
	ATOM	782	2HG	GLU .	A	55148. 387	-7. 174	7. 974	1. 00	0.00 H
	ATOM	783	N	ASP .	A	56151. 511	-10. 239	5. 839	1. 00	0.00 N
	ATOM	784	CA	ASP	A	56152. 481	-11. 300	5. 590	1. 00	0.00 C
10	ATOM	785	C	ASP	A	56153.770	-10. 732	5.004	1. 00	0.00 C
	ATOM	786	0	ASP	A	56153. 744	-10.008	4.008	1. 00	0.000
	ATOM	787	CB	ASP	A	56151. 893	-12. 345	4. 642	1. 00	0.00 C
	ATOM	788	CG	ASP	A	56151. 185	-13. 464	5. 381	1. 00	0. 00 C
	ATOM	789	OD 1	ASP	A	56151. 383	-14. 640	5. 009	1. 00	0.000
15	ATOM	790	OD2	ASP	A	56150. 434	-13. 164	6. 333	1. 00	0.000
	ATOM	791	H	ASP	A	56150. 927	-9. 945	5. 109	1. 00	0.00 H
	ATOM	792	HA	ASP	A	56152. 707	-11. 770	6. 535	1. 00	0.00 H
	ATOM	793	1HB	ASP	A	56151. 181	-11.867	3. 985	1. 00	0.00 H
	ATOM	794	2HB	ASP	A	56152. 688	-12. 775	4.051	1. 00	0.00 H
20	ATOM	795	N	GLU	A	57154. 895	-11.065	5.626	1. 00	0. 00 N
	ATOM	796	CA	GLU	A	57156. 194	1 -10. 588	5. 166	1. 00	0. 00 C
	ATOM	797	C	GLU	A	57156. 577	7 -11. 245	3. 845	1. 00	0. 00 C
	ATOM	798	0	GLU	A	57157. 029	9 -12. 390	3. 817	1. 00	0.000
	ATOM	799	CB	GLU	A	57157. 267	7 -10.870	6. 220	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	800	CG	GLU	A	57157. 447	7 -9.740	7. 221	1. 00	0. 00 C
	ATOM	801	CD	GLU	A	57158. 872	2 -9.634	7. 728	1. 00	0.00 C
	ATOM	802	0E	1 GLU	A	57159. 80	5 -9.697	6. 900	1. 00	0.000
	ATOM	803	0E	2 GLU	A	57159. 05	6 -9.488	8. 955	1. 00	0.000
	ATOM	804	H H	GLU	A	57154. 85	1 -11.645	6. 416	1. 00	0. 00 H

					122			
	ATOM	805	HA	GLU A	57156. 121 -9. 522	5.016	1. 00	0. 00 H
	ATOM	806	1HB	GLU A	57156. 996 -11. 764	6. 763	1. 00	0.00 H
	ATOM	807	2HB	GLU A	57158. 211 -11. 035	5.721	1. 00	0.00 H
	ATOM	808	1HG	GLU A	57157. 181 -8. 809	6.746	1. 00	0.00 H
5	ATOM	809	2HG	GLU A	57156. 793 -9. 914	8.062	1. 00	0.00 H
	ATOM	810	N	CYS A	58156. 395 -10. 513	2. 750	1. 00	0.00 N
	ATOM	811	CA	CYS A	58156. 722 -11. 025	1. 425	1. 00	0. 00 C
	ATOM	812	C	CYS A	58158. 004 -10. 389	0.898	1. 00	0.00 C
	ATOM	813	0	CYS A	58158. 094 -9. 169	0.762	1. 00	0.000
10	ATOM	814	CB	CYS A	58155. 570 -10. 760	0. 454	1. 00	0.00 C
	ATOM	815	SG	CYS A	58154. 347 -12. 089	0. 379	1. 00	0.00 S
	ATOM	816	H	CYS A	58156. 032 -9. 607	2. 837	1. 00	0.00 H
	ATOM	817	HA	CYS A	58156. 872 -12. 091	1. 509	1. 00	0.00 H
	ATOM	818	1HB	CYS A	58155. 057 -9. 858	0.754	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	819	2HB	CYS A	58155. 972 -10. 625	-0. 540	1. 00	0.00 H
	ATOM	820	HG	CYS A	58154. 819 -12. 920	0. 284	1. 00	0. 00 H
	ATOM	821	N	ALA A	59158. 995 -11. 225	0.602	1. 00	0. 00 N
	ATOM	822	CA	ALA A	59160. 272 -10. 744	0. 090	1. 00	0.00 C
	ATOM	823	C	ALA A	59160. 092 -10. 017	-1. 238	1. 00	0.00 C
20	ATOM	824	0	ALA A	59159. 556 -10. 575	-2. 195	1. 00	0.000
	ATOM	825	CB	ALA A	59161. 246 -11. 902	-0.069	1. 00	0. 00 C
	ATOM	826	H	ALA A	59158. 864 -12. 187	0.732	1. 00	0.00 H
	ATOM	827	HA	ALA A	59160. 683 -10. 055	0.813	1. 00	0. 00 H
	ATOM	828	1HB	ALA A	59161. 919 -11. 697	-0.889	1. 00	0.00 H
25	ATOM	829	2HB	ALA A	59160. 697 -12. 809	-0. 272	1. 00	0.00 H
	ATOM	830	3HB	ALA A	59161. 814 -12. 021	0.841	1. 00	0.00 H
	ATOM	831	N	GLY A	60160. 541 -8. 767	-1. 288	1. 00	0.00 N
	ATOM	832	CA	GLY A	60160. 420 -7. 984	-2. 504	1. 00	0.00 C
	ATOM	833	C	GLY A	60159. 945 -6. 569	-2. 237	1. 00	0.00 C

WO 2004/016/81		PC1/J
	123	

			_						
	ATOM	834	0	GLY A	60160. 265	-5. 647	-2. 989	1. 00	0.000
	ATOM	835	H	GLY A	60160. 959	-8. 373	-0. 494	1. 00	0.00 H
	ATOM	836	1HA	GLY A	60161. 382	-7. 943	-2. 991	1. 00	0.00 H
	ATOM	837	2HA	GLY A	60159. 715	-8. 469	-3. 163	1. 00	0.00 H
5	ATOM	838	N	CYS A	61159. 183	-6. 395	-1. 163	1. 00	0.00 N
	ATOM	839	CA	CYS A	61158. 664	-5. 082	-0. 798	1. 00	0.00 C
	ATOM	840	C	CYS A	61159. 626	-4. 359	0. 140	1. 00	0.00 C
	ATOM	841	0	CYS A	61160. 633	-4. 922	0. 567	1. 00	0.000
	ATOM	842	CB	CYS A	61157. 293	-5. 218	-0. 136	1. 00	0.00 C
. 10	ATOM	843	SG	CYS A	61156.080	-6. 119	-1. 129	1. 00	0.00 S
	ATOM	844	H	CYS A	61158. 963	-7. 168	-0.602	1. 00	0.00 H
	ATOM	845	HA	CYS A	61158. 561	-4. 503	-1. 704	1. 00	0.00 H
	ATOM	846	1HB	CYS A	61157. 403	-5. 742	0.801	1. 00	0.00 H
	ATOM	847	2HB	CYS A	61156. 894	-4. 232	0. 055	1. 00	0.00 H
15	ATOM	848	HG	CYS A	61156. 127	-5. 787	-2. 029	1. 00	0.00 H
	ATOM	849	N	THR A	62159. 306	-3. 107	0. 457	1. 00	0.00 N
	ATOM	850	CA	THR A	62160. 142	-2. 308	1. 345	1. 00	0.00 C
	ATOM	851	C	THR A	62159. 530	-2. 225	2. 739	1. 00	0.00 C
	ATOM	852	0	THR A	62158. 568	-2. 929	3. 048	1. 00	0.000
20	ATOM	853	CB	THR A	62160. 329	-0. 902	0.774	1. 00	0.00 C
	ATOM	854	0G1	THR A	62159. 146	-0. 138	0. 925	1. 00	0.000
	ATOM	855	CG2	THR A	62160. 696	-0. 896	-0.695	1. 00	0. 00 C
	ATOM	856	H	THR A	62158. 490	-2. 714	0. 084	1. 00	0.00 H
	ATOM	857	HA	THR A	62161. 106	-2. 789	1. 416	1. 00	0.00 H
25	ATOM	858	HB	THR A	62161. 123	-0. 407	1. 314	1. 00	0.00 H
	ATOM	859	HG1	THR A	62158. 400	-0. 629	0. 572	1. 00	0.00 H
	ATOM	860	1HG2	THR A	62161. 182	0. 036	-0. 941	1. 00	0.00 H
	ATOM	861	2HG2	THR A	62159. 800	-1. 003	-1. 290	1. 00	0.00 H
	ATOM	862	3HG2	THR A	62161. 365	-1. 718	-0. 902	1. 00	0.00 H

	WO 2004/016781						PCT/JP2003/0102			/JP2003/010288
	ATOM	863	N	ASP	A	63160. 095	-1. 362	3. 578	1. 00	0.00 N
	ATOM	864	CA	ASP .	A	63159. 605	-1. 188	4. 940	1. 00	0.00 C
	ATOM	865	C	ASP .	A	63158. 822	0. 115	5. 073	1. 00	0.00 C
	ATOM	866	0	ASP .	A	63158. 815	0. 740	6. 134	1. 00	0.000
5	ATOM	867	CB	ASP .	A	63160.772	-1. 199	5. 930	1. 00	0.00 C
	ATOM	868	CG	ASP .	A	63161.778	-0. 100	5. 649	1. 00	0.00 C
	ATOM	869	OD 1	ASP .	A	63162. 909	-0. 422	5. 230	1. 00	0.000
	ATOM	870	OD2	ASP .	A	63161. 434	1. 085	5. 850	1. 00	0.000
	ATOM	871	H	ASP	A	63160.860	-0. 830	3. 272	1. 00	0.00 H
10	ATOM	872	HA	ASP	A	63158. 947	-2. 013	5. 164	1. 00	0.00 H
	ATOM	873	1HB	ASP	A	63160. 389	-1.064	6. 930	1. 00	0.00 H
	ATOM	874	2HB	ASP	A	63161. 279	-2. 151	5. 867	1. 00	0.00 H
	ATOM	875	N	GLY	A	64158. 166	0. 519	3. 991	1. 00	0.00 N
	ATOM	876	CA	GLY	A	64157. 389	1. 744	4. 009	1. 00	0.00 C
15	ATOM	877	C	GLY	A	64158. 114	2. 900	3. 347	1. 00	0.00 C
	ATOM	878	0	GLY	A	64158. 167	4. 002	3. 892	1. 00	0.000
	ATOM	879	H	GLY	A	64158. 208	-0. 020	3. 174	1. 00	0.00 H
	ATOM	880	1HA	GLY	A	64156. 457	1. 574	3. 492	1. 00	0.00 H
	ATOM	881	2HA	GLY	A	64157. 177	2. 008	5. 035	1. 00	0.00 H
20	ATOM	882	N	THR	A	65158. 674	2. 647	2. 168	1. 00	0.00 N
	ATOM	883	CA	THR	A	65159. 399	3. 675	1. 431	1. 00	0.00 C
	ATOM	884	C	THR	A	65159. 023	3. 652	-0. 047	1. 00	0.00 C
	ATOM	885	0	THR	A	65159. 172	2. 632	-0.720	1. 00	0.000
	ATOM	886	CB	THR	A	65160. 908	3. 476	1. 589	1. 00	0. 00 C
25	MOTA	887	0G1	THR	A	65161. 327	2. 287	0. 941	1. 00	0.000
	ATOM	888	CG2	THR	A	65161. 353	3. 394	3. 032	1. 00	0.00 C
	ATOM	889	H	THR	A	65158. 598	1. 748	1. 786	1. 00	0.00 H
	ATOM	890	HA	THR	A	65159. 127	4. 635	1. 845	1. 00	0.00 H

ATOM

891 HB

THR A 65161. 420

4. 310

1. 131

1. 00 0. 00 H

	ATOM	892	HG1	THR	A	65160. 733	1, 570	1. 174	1. 00	0. 00 H
	ATOM					65161. 703				0. 00 H
	ATOM		2HG2							0. 00 H
	ATOM	895	3HG2	THR	A	65162. 154			1. 00	0.00 H
5	ATOM	896	N	PHE	A	66158. 536			1. 00	0. 00 N
	ATOM	897	CA	PHE	A	66158. 138	4. 894	-1. 945	1. 00	0. 00 C
	ATOM	898	C	PHE .	A	66159. 106	5. 785	-2. 717	1. 00	0. 00 C
	ATOM	899	0 .	PHE .	A	66159. 243	6. 971	-2. 422	1. 00	0.000
	ATOM	900	СВ	PHE .	A	66156. 718	5. 452	-2. 051	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	901	CG	PHE :	A	66156. 051	5. 152	-3. 362	1. 00	0. 00 C
	ATOM	902	CD1	PHE .	A	66155. 567	6. 177	-4. 159	1. 00	0.00 C
	ATOM	903	CD2	PHE	A	66155. 908	3. 844	-3. 798	1. 00	0. 00 C
	ATOM	904	CE1	PHE	A	66154. 953	5. 903	-5. 367	1. 00	0. 00 C
	ATOM	905	CE2	PHE	A	66155. 294	3. 564	-5. 004	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	906	CZ	PHE	A	66154. 816	4. 596	-5. 790	1. 00	0.00 C
	ATOM	907	H	PHE	A	66158. 441	5. 563	0. 040	1. 00	0.00 H
	ATOM	908	HA	PHE	A	66158. 159	3. 904	-2. 374	1. 00	0.00 H
	ATOM	909	1HB	PHE	A	66156. 112	5. 028	-1. 265	1. 00	0.00 H
	ATOM	910	2HB	PHE	A	66156.752	6. 526	-1. 931	1. 00	0.00 H
20	ATOM	911	HD1	PHE	A	66155. 674	7. 200	-3. 829	1. 00	0.00 H
	MOTA	912	HD2	PHE	A	66156. 282	3. 037	-3. 185	1. 00	0.00 H
	ATOM	913	HE 1	PHE	A	66154. 579	6. 711	-5. 978	1. 00	0.00 H
	ATOM	914	HE2	PHE	A	66155. 189	2. 541	-5. 333	1. 00	0.00 H
	ATOM	915	HZ	PHE	A	66154. 337	4. 379	-6. 732	1. 00	0.00 H
25	ATOM	916	N	ARG	A	67159.776	5. 204	-3. 706	1. 00	0.00 N
	ATOM	917	CA	ARG	A	67160.732	5. 945	-4. 521	1. 00	0.00 C
	ATOM	918	C	ARG	A	67161.860	6. 505	-3. 662	1. 00	0.00 C
	ATOM	919	0	ARG	A	67162. 359	7. 602	-3. 913	1. 00	0.000
	ATOM	920	CB	ARG	A	67160. 026	7. 082	-5. 263	1. 00	0.00 C

						126				
	ATOM	921	CG	ARG A	67158.	955 6.	606	-6. 229	1. 00	0. 00 C
	MOTA	922	CD	ARG A	67158.	909 7.	468	-7. 481	1. 00	0.00 C
	MOTA	923	NE	ARG A	67160.	062 7.	236	-8. 347	1. 00	0.00 N
	ATOM	924	CZ	ARG A	67160.	434 8.	061	-9. 323	1. 00	0.00 C
5	ATOM	925	NH1	ARG A	67159.	746 9.	171	-9. 562	1. 00	0.00 N
	ATOM	926	NH2	ARG A	67161.	496 7.	775	-10.064	1. 00	0.00 N
	ATOM	927	H	ARG A	67159.	624 4.	254	-3. 893	1. 00	0.00 H
	ATOM	928	HA	ARG A	67161.	. 150 5.	261	-5. 244	1. 00	0.00 H
	ATOM	929	1HB	ARG A	67159	. 564 7.	. 736	-4. 539	1. 00	0.00 H
10	ATOM	930	2HB	ARG A	67160	. 762 7	. 642	-5.822	1. 00	0.00 H
	ATOM	931	1HG	ARG A	67159	. 166 5	. 587	-6.514	1. 00	0.00 H
	ATOM	932	2HG	ARG A	67157	. 994 6	. 651	-5. 736	1. 00	0.00 H
	ATOM	933	1HD	ARG A	67158	. 008 7	. 237	-8. 029	1. 00	0. 00 H
	ATOM	934	2HD	ARG A	67158	. 894 8	. 507	-7. 186	1. 00	0.00 H
15	ATOM	935	HE	ARG A	67160	. 588 6	. 424	-8. 193	1. 00	0.00 H
	ATOM	936	1HH1	ARG A	67158	3. 944 9	. 393	-9. 007	1. 00	0.00 H
	ATOM	937	2HH1	ARG A	67160	0. 030	. 786	-10. 297	1. 00	0.00 H
	ATOM	938	1HH2	ARG A	67162	2. 018	940	-9. 888	1. 00	0.00 H
	ATOM	939	2HH2	ARG A	67161	1. 775	3. 395	-10. 798	1. 00	0.00 H
20	ATOM	940	N	GLY A	A 68162	2. 258	5. 744	-2.648	1. 00	0. 00 N
	ATOM	941	CA	GLY A	A 68163	3. 326	3. 180	-1. 767	1. 00	0.00 C
	ATOM	942	C	GLY	A 68162	2. 888	7. 290	-0.831	1. 00	0. 00 C
	ATOM	943	0	GLY	A 68163	3. 699	8. 118	-0. 417	1. 00	0.000
	ATOM	944	H	GLY .	A 6816	1. 824	4. 879	-2. 497	1. 00	0.00 H
25	ATOM	945	1HA	GLY	A 6816	3. 660	5. 339	-1. 179	1. 00	0.00 H
	ATOM	946	2HA	GLY	A 6816	4. 150	6. 537	-2. 368	1. 00	0.00 H
	ATOM	947	N	THR	A 6916	1. 602	7. 306	-0. 497	1. 00	0.00 N
	ATOM	948	CA.	THR	A 6916	1. 057	8. 321	0. 396	1. 00	0.00 C
	ATOM	949) C	THR	A 6916	0. 168	7. 689	1. 461	1. 00	0. 00 C

							127				
	ATOM	950	0	THR A	69159	. 055	7. 247	1. 174	1. 00	0.000	
	ATOM	951	CB	THR A	69160	. 261	9. 357	-0.401	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	952	0G1	THR A	69160	. 900	9. 644	-1. 631	1. 00	0.000	
	ATOM	953	CG2	THR A	69160	. 075	10.666	0. 336	1. 00	0.00 C	
5	ATOM	954	H	THR A	69161	. 005	6.618	-0.860	1. 00	0.00 H	
	ATOM	955	HA	THR A	69161	. 886	8. 814	0.882	1. 00	0.00 H	
	ATOM	956	HB	THR A	69159	. 281	8. 955	-0.614	1. 00	0.00 H	
	ATOM	957	HG1	THR A	69161	. 773	10. 008	-1. 461	1. 00	0.00 H	
	ATOM	958	1HG2	THR A	69160	256	11. 488	-0. 340	1. 00	0.00 H	
10	ATOM	959	2HG2	THR A	69160	. 772	10. 717	1. 160	1. 00	0.00 H	
	ATOM	960	3HG2	THR A	69159	0.065	10. 725	0.714	1. 00	0.00 H	
	ATOM	961	N	ARG A	70160). 666	7. 649	2. 693	1. 00	0. 00 N	
	ATOM	962	CA	ARG A	70159	9. 916	7. 070	3. 801	1. 00	0.00 C	
	ATOM	963	C	ARG A	70158	3. 751	7. 971	4. 200	1. 00	0.00 C	
15	ATOM	964	0	ARG A	70158	8. 945	9. 137	4. 541	1. 00	0.000	
	ATOM	965	CB	ARG A	70160	0. 835	6. 844	5. 004	1. 00	0.00 C	
	ATOM	966	CG	ARG A	A 70160	0. 136	6. 206	6. 193	1. 00	0.00 C	
	ATOM	967	CD	ARG A	A 7016	0. 931	6. 397	7. 474	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	968	NE	ARG A	A 7016	2. 034	5. 445	7. 582	1. 00	0.00 N	
20	ATOM	969	CZ	ARG A	A 7016	3. 054	5. 585	8. 426	1. 00	0.00 C	
	ATOM	970	NH1	ARG A	A 7016	3. 116	6. 635	9. 235	1. 00	0.00 N	
	ATOM	971	NH2	ARG A	A 7016	4. 015	4. 673	8. 459	1. 00	0.00 N	
	ATOM	972	H	ARG A	A 7016	1. 559	8. 016	2. 860	1. 00	0.00 H	
	ATOM	973	HA	ARG A	A 7015	9. 524	6. 118	3. 476	1. 00	0.00 H	
25	ATOM	974	1HB	ARG A	A 7016	1. 649	6. 200	4. 704	1. 00	0.00 H	
	ATOM	975	2HB	ARG A	A 7016	1. 239	7. 796	5. 318	1. 00	0.00 H	
	ATOM	976	1HG	ARG	A 7015	9. 164	6. 660	6. 312	1. 00	0.00 H	
	ATOM	977	2HG	ARG	A 7016	0. 020	5. 149	6. 005	1. 00	0.00 H	
	ATOM	978	1HD	ARG	A 7016	1. 331	7. 400	7. 489	1. 00	0.00 H	

			•				128	,		
	ATOM	979	2HD	ARG	A	70160. 268	6. 263	8. 317	1. 00	0.00 H
	ATOM	980	HE	ARG	A	70162. 013	4. 661	6. 995	1. 00	0.00 H
	ATOM	981	1HH1	ARG	A	70162. 394	7. 327	9. 215	1. 00	0.00 H
	ATOM	982	2HH1	ARG	A	70163. 885	6. 734	9.866	1. 00	0.00 H
5	ATOM	983	1HH2	ARG	A	70163. 974	3. 880	7.851	1. 00	0.00 H
	ATOM	984	2HH2	ARG	A	70164. 782	4. 778	9. 092	1. 00	0.00 H
	ATOM	985	N	TYR	A	71157. 543	7. 421	4. 154	1. 00	0.00 N
	ATOM	986	CA	TYR	A	71156. 346	8. 176	4. 510	1. 00	0.00 C
	ATOM	987	C	TYR	A	71155. 852	7. 788	5. 900	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	988	0	TYR	A	71155. 446	8. 644	6. 686	1. 00	0.000
	ATOM	989	CB	TYR	A	71155. 242	7. 936	3. 479	1. 00	0. 00 C
	ATOM	990	CG	TYR	A	71155. 536	8. 538	2. 124	1. 00	0. 00 C
	ATOM	991	CD1	TYR	A	71156. 048	9. 825	2. 011	1. 00	0. 00 C
	ATOM	992	CD2	TYR	A	71155. 304	7.820	0. 958	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	993	CE 1	TYR	A	71156. 318	10. 379	0. 773	1. 00	0. 00 C
	ATOM	994	CE2	TYR	A	71155. 572	8. 367	-0. 283	1. 00	0.00 C
	ATOM	995	CZ	TYR	A	71156. 079	9. 647	-0.369	1. 00	0. 00 C
	ATOM	996	ОН	TYR	A	71156. 347	10. 193	-1. 603	1. 00	0.000
	ATOM	997	H	TYR	A	71157. 452	6. 487	3. 874	1. 00	0.00 H
20	ATOM	998	HA	TYR	A	71156. 604	9. 224	4. 511	1. 00	0. 00 H
	ATOM	999	1HB	TYR	A	71155. 106	6.873	3. 346	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1000	2HB	TYR	A	71154. 321	8. 368	3.842	1. 00	0.00 H
	ATOM	1001	HD1	TYR	A	71156. 234	10. 397	2. 908	1. 00	0.00 H
	ATOM	1002	HD2	TYR	A	71154. 906	6.819	1.029	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	1003	HE 1	TYR	A	71156. 716	11. 381	0.706	1. 00	0.00 H
	ATOM	1004	HE2	TYR	A	71155. 384	7. 793	-1. 178	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1005	HH	TYR	A	71157. 236	9. 952	-1. 874	1. 00	0.00 H
	ATOM	1006	N	PHE	A	72155. 891	6. 494	6. 197	1. 00	0.00 N
	ATOM	1007	CA	PHE	A	72155. 448	5. 993	7. 492	1. 00	0.00 C

	WO 2004	/016781				129		PCT	/JP2003/010288
	ATOM	1008	С	PHE A	72156. 433	4. 968	8. 045	1. 00	0.00 C
	ATOM	1009	0	PHE A	72157. 368	4. 556	7. 358	1. 00	0.000
	ATOM	1010	CB	PHE A	72154. 057	5. 368	7. 373	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1011	CG	PHE A	72153. 981	4. 262	6. 359	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1012	CD1	PHE A	72154. 205	2. 946	6. 733	1. 00	0.00 C
	ATOM	1013	CD2	PHE A	72153.686	4. 538	5.034	1. 00	0.00 C
	ATOM	1014	CE1	PHE A	72154. 135	1. 926	5.802	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1015	CE2	PHE A	72153.616	3. 522	4. 099	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1016	CZ	PHE A	72153. 841	2. 214	4. 484	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1017	H	PHE A	72156. 226	5. 859	5. 528	1. 00	0.00 H
	ATOM	1018	HA	PHE A	72155. 399	6. 831	8. 172	1. 00	0.00 H
	ATOM	1019	1HB	PHE A	72153. 769	4. 961	8. 330	1. 00	0.00 H
	ATOM	1020	2HB	PHE A	72153. 350	6. 133	7. 084	1. 00	0.00 H
	ATOM	1021	HD1	PHE A	72154. 434	2. 719	7. 763	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1022	HD2	PHE A	72153. 511	5. 560	4. 731	1. 00	0.00 H
	ATOM	1023	HE1	PHE A	72154. 311	0. 905	6. 106	1. 00	0.00 H
	ATOM	1024	HE2	PHE A	72153. 386	3. 751	3.069	1. 00	0.00 H
	ATOM	1025	HZ	PHE A	72153. 786	1. 419	3. 756	1. 00	0.00 H
	ATOM	1026	N	THR A	73156. 216	4. 559	9. 291	1. 00	0.00 N
20	ATOM	1027	CA	THR A	73157. 085	3. 581	9. 937	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1028	C	THR A	73156. 374	2. 242	10. 094	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1029	0	THR A	73155. 396	2. 129	10. 834	1. 00	0.000
	ATOM	1030	CB	THR A	73157. 538	4. 094	11. 304	1. 00	0.00 C
	ATOM	1031	0G1	THR A	73157. 838	5. 477	11. 247	1. 00	0.000
25	ATOM	1032	CG2	THR A	73158. 761	3. 380	11. 837	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1033	H	THR A	73155. 455	4. 923	9. 789	1. 00	0.00 H
	ATOM	1034	HA	THR A	73157. 952	3. 443	9. 309	1. 00	0.00 H
	ATOM	1035	HB	THR A	73156. 736	3. 951	12. 015	1. 00	0.00 H
	ATOM	1036	HG1	THR A	73157. 472	5. 918	12. 018	1. 00	0.00 H

	PCT	/JP :	2003
		_	

						130			
ATOM	1037	1HG2	THR A	A	73159. 373	4. 077	12. 389	1. 00	0.00 H
ATOM	1038	2HG2	THR A	Ą.	73159. 331	2. 978	11. 011	1. 00	0.00 H
ATOM	1039	3HG2	THR A	A	73158. 454	2. 575	12. 487	1. 00	0.00 H
ATOM	1040	N	CYS A	A	74156. 871	1. 227	9. 394	1. 00	0.00 N
ATOM	1041	CA	CYS	A	74156. 282	-0. 106	9. 455	1. 00	0.00 C
ATOM	1042	C	CYS	A.	74157. 366	-1. 179	9. 459	1. 00	0.00 C
ATOM	1043	0	CYS	A	74158. 558	-0.871	9. 475	1. 00	0.000
ATOM	1044	CB	CYS	A	74155. 336	-0.324	8. 272	1. 00	0. 00 C
ATOM	1045	SG	CYS	A	74153. 626	0. 165	8. 594	1. 00	0.00 S
ATOM	1046	H	CYS	A	74157. 652	1. 380	8. 821	1. 00	0.00 H
ATOM	1047	HA	CYS	A	74155. 718	-0. 177	10. 373	1. 00	0.00 H
ATOM	1048	1HB	CYS	A	74155. 688	0. 251	7. 429	1. 00	0.00 H
ATOM	1049	2HB	CYS	A	74155. 336	-1. 372	8. 011	1. 00	0.00 H
ATOM	1050	HG	CYS	A	74153. 519	0.260	9. 543	1. 00	0.00 H
ATOM	1051	N	ALA	A	75156. 944	-2. 438	9. 446	1. 00	0.00 N
ATOM	1052	CA	ALA	A	75157. 878	-3. 557	9. 448	1. 00	0.00 C
ATOM	1053	C	ALA	A	75158. 504	-3. 753	8. 071	1. 00	0.00 C
ATOM	1054	0	ALA	A	75158. 021	-3. 212	7. 077	1. 00	0.000
ATOM	1055	CB	ALA	A	75157. 177	-4. 830	9. 897	1. 00	0.00 C
ATOM	1056	H	ALA	A	75155. 981	-2.620	9. 434	1. 00	0.00 H
ATOM	1057	HA	ALA	A	75158. 661	-3. 336	10. 159	1. 00	0.00 H
ATOM	1058	1HB	ALA	A	75156. 438	-4. 588	10. 647	1. 00	0.00 H
ATOM	1059	2HB	ALA	A	75157. 902	-5. 513	10. 314	1. 00	0.00 H
ATOM	1060	3HB	ALA	A	75156. 692	-5. 292	9. 049	1. 00	0.00 H
ATOM	1061	N	LEU	A	76159. 581	-4. 530	8. 021	1. 00	0.00 N
ATOM	1062	CA	LEU	A	76160. 273	-4. 798	6. 765	1. 00	0. 00 C
ATOM	1063	C	LEU	A	76159. 514	-5. 828	5. 935	1. 00	0. 00 C
ATOM	1064	0	LEU	A	76158. 956	-6. 784	6. 473	1. 00	0.000
ATOM	1065	CB	LEU	A	76161. 695	-5. 292	7. 037	1. 00	0. 00 C
	ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM	ATOM 1038 ATOM 1039 ATOM 1040 ATOM 1041 ATOM 1042 ATOM 1043 ATOM 1044 ATOM 1045 ATOM 1046 ATOM 1047 ATOM 1048 ATOM 1050 ATOM 1051 ATOM 1052 ATOM 1053 ATOM 1054 ATOM 1055 ATOM 1055 ATOM 1056 ATOM 1057 ATOM 1058 ATOM 1059 ATOM 1060 ATOM 1061 ATOM 1063	ATOM 1038 2HG2 ATOM 1039 3HG2 ATOM 1040 N ATOM 1041 CA ATOM 1042 C ATOM 1043 O ATOM 1045 SG ATOM 1045 SG ATOM 1047 HA ATOM 1048 1HB ATOM 1049 2HB ATOM 1050 HG ATOM 1051 N ATOM 1052 CA ATOM 1053 C ATOM 1055 CB ATOM 1056 H ATOM 1057 HA ATOM 1058 1HB ATOM 1059 2HB ATOM 1060 3HB ATOM 1061 N ATOM 1062 CA ATOM 1063 C ATOM 1063 C ATOM 1064 0	ATOM 1038 2HG2 THR A ATOM 1040 N CYS A ATOM 1041 CA CYS A ATOM 1042 C CYS A ATOM 1043 O CYS A ATOM 1045 SG CYS A ATOM 1046 H CYS A ATOM 1047 HA CYS A ATOM 1049 2HB CYS A ATOM 1050 HG CYS A ATOM 1051 N ALA ATOM 1052 CA ALA ATOM 1053 C ALA ATOM 1055 CB ALA ATOM 1056 H ALA ATOM 1057 HA ALA ATOM 1058 1HB ALA ATOM 1059 2HB ALA ATOM 1059 2HB ALA ATOM 1059 2HB ALA ATOM 1050 3HB ALA ATOM 1051 N LEU ATOM 1061 N LEU ATOM 1063 C LEU ATOM 1063 C LEU ATOM 1064 O LEU	ATOM 1038 2HG2 THR A ATOM 1039 3HG2 THR A ATOM 1040 N CYS A ATOM 1041 CA CYS A ATOM 1042 C CYS A ATOM 1043 O CYS A ATOM 1045 SG CYS A ATOM 1046 H CYS A ATOM 1047 HA CYS A ATOM 1049 2HB CYS A ATOM 1050 HG CYS A ATOM 1050 HG CYS A ATOM 1051 N ALA A ATOM 1052 CA ALA A ATOM 1053 C ALA A ATOM 1055 CB ALA A ATOM 1056 H ALA A ATOM 1057 HA ALA A	ATOM 1038 2HG2 THR A 73159.331 ATOM 1039 3HG2 THR A 73158.454 ATOM 1040 N CYS A 74156.871 ATOM 1041 CA CYS A 74156.282 ATOM 1042 C CYS A 74157.366 ATOM 1043 O CYS A 74158.558 ATOM 1044 CB CYS A 74153.626 ATOM 1045 SG CYS A 74153.626 ATOM 1046 H CYS A 74153.626 ATOM 1047 HA CYS A 74155.718 ATOM 1048 HB CYS A 74155.718 ATOM 1050 HG CYS A 74155.356 ATOM 1051 N ALA A 75156.944 ATOM 1053 C ALA	ATOM 1037 1HG2 THR A 73159.373 4.077 ATOM 1038 2HG2 THR A 73159.331 2.978 ATOM 1039 3HG2 THR A 73158.454 2.575 ATOM 1040 N CYS A 74156.871 1.227 ATOM 1041 CA CYS A 74156.282 -0.106 ATOM 1042 C CYS A 74158.558 -0.871 ATOM 1043 O CYS A 74153.366 -1.179 ATOM 1045 SG CYS A 74153.626 0.165 ATOM 1046 H CYS A 74153.626 0.165 ATOM 1047 HA CYS A 74155.688 0.251 ATOM 1048 HB CYS A 74155.688 0.251 ATOM 1049 2HB CYS A 74155.688 0.251 ATOM 1050 HG CYS A 74155.588 -0.355	ATOM 1037 1HG2 THR A 73159.373 4.077 12.389 ATOM 1038 2HG2 THR A 73159.331 2.978 11.011 ATOM 1039 3HG2 THR A 73158.454 2.575 12.487 ATOM 1040 N CYS A 74156.282 -0.106 9.455 ATOM 1041 CA CYS A 74156.282 -0.106 9.455 ATOM 1043 C CYS A 74157.366 -1.179 9.459 ATOM 1044 CB CYS A 74155.336 -0.871 9.475 ATOM 1044 CB CYS A 74155.336 -0.871 9.475 ATOM 1046 H CYS A 74155.336 -0.324 8.272 ATOM 1047 HA CYS A 74155.652 1.380 8.821 ATOM 1048 IHB CYS A 74155.688 0.251 7.429 ATOM 1050 <	ATOM 1037 1HG2 THR A 73159.373 4.077 12.389 1.00 ATOM 1038 2HG2 THR A 73159.331 2.978 11.011 1.00 ATOM 1039 3HG2 THR A 73158.454 2.575 12.487 1.00 ATOM 1040 N CYS A 74156.871 1.227 9.394 1.00 ATOM 1042 C CYS A 74156.282 -0.106 9.455 1.00 ATOM 1043 O CYS A 74153.366 -1.179 9.459 1.00 ATOM 1044 CB CYS A 74153.366 -0.871 9.475 1.00 ATOM 1046 H CYS A 74153.366 0.165 8.594 1.00 ATOM 1047 HA CYS A 74153.626 0.165 8.594 1.00 ATOM 1048 HB CYS A 74153.628 0.251 7.429 1.00 ATOM<

131

				-					
	ATOM	1066	CG	LEU A	76162.712	-4. 195	7. 352	1. 00	0.00 C
	ATOM	1067	CD1	LEU A	76163.770	-4. 708	8. 317	1. 00	0.00 C
	ATOM	1068	CD2	LEU A	76163. 358	-3. 686	6. 072	1. 00	0.00 C
	ATOM	1069	H	LEU A	76159. 919	-4. 933	8. 848	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1070	HA	LEU A	76160. 323	-3.872	6. 212	1. 00	0.00 H
	ATOM	1071	1HB	LEU A	76161. 661	-5. 975	7. 874	1. 00	0.00 H
	ATOM	1072	2HB	LEU A	76162. 038	-5. 832	6. 168	1. 00	0.00 H
	ATOM	1073	HG	LEU A	76162. 204	-3. 366	7. 824	1. 00	0.00 H
	ATOM	1074	1HD1	LEU A	76164. 717	-4. 240	8. 096	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1075	2HD 1	LEU A	76163. 865	-5. 779	8. 210	1. 00	0.00 H
	ATOM	1076	3HD1	LEU A	76163. 478	-4. 472	9. 330	1. 00	0.00 H
	ATOM	1077	1HD2	LEU A	76162. 688	-3. 851	5. 241	1. 00	0.00 H
	ATOM	1078	2HD2	LEU A	76164. 282	-4. 216	5. 899	1. 00	0.00 H
	ATOM	1079	3HD2	LEU A	76163. 562	-2. 630	6. 166	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1080	N	LYS A	77159. 498	-5. 627	4. 621	1. 00	0.00 N
	ATOM	1081	CA	LYS A	77158. 807	-6. 538	3. 716	1. 00	0.00 C
	MOTA	1082	C	LYS A	77157. 311	-6. 563	4. 005	1. 00	0.00 C
	ATOM	1083	0	LYS A	77156. 676	-7. 618	3. 962	1. 00	0.000
	ATOM	1084	CB	LYS A	77159. 387	-7. 948	3. 836	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1085	CG	LYS A				1. 00	0.00 C
	ATOM	1086	CD	LYS A	77161. 469	-7. 583	2. 478	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1087	CE	LYS A	77162. 944	-7. 228	2. 570	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1088	NZ	LYS A	77163. 150	-5. 792	2. 908	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1089	H	LYS A	77159. 962	-4. 846	4. 252	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1090	HA	LYS A	77158. 960	-6. 181	2. 707	1. 00	0.00 H
	ATOM	1091	1HB	LYS A	77159. 041	-8. 389	4. 760	1. 00	0.00 H
	ATOM	1092	2HB	LYS A	77159. 033	-8. 544	3. 008	1. 00	0.00 H
	ATOM	1093	1HG	LYS A	77161. 275	-7. 299	4. 580	1. 00	0.00 H
	ATOM	1094	2HG	LYS A	77161. 235	-8. 987	4.066	1. 00	0.00 H

0.00 H

0.00 H

0.00 H

0.00 H

WO 2004/016781 PCT/JP2003/0102												
ATOM	1095 1	.HD	LYS A	77161. 351	-8. 408	1. 791	1. 00	0. 00 H				
ATOM		HD	LYS A	77160. 924	-6. 726	2. 112	1. 00	0. 00 H				
ATOM		HE	LYS A	77163. 401	-7. 837	3. 337	1. 00	0. 00 H				
ATOM	1098 2		LYS A	77163. 412	-7. 436	1. 619	1. 00	0. 00 H				
ATOM		HZ	LYS A	77163. 311	-5. 241	2. 041	1. 00	0.00 H				
ATOM		2HZ	LYS A	77163. 976	-5. 686	3. 531	1. 00	0. 00 H				
ATOM	1101 3		LYS A	77162. 312	-5. 416	3. 395	1. 00	0.00 H				
ATOM	1102	N	LYS A	78156. 750	-5. 395	4. 301	1. 00	0.00 N				
ATOM	1103	CA	LYS A	78155. 326	-5. 284	4. 597	1. 00	0.00 C				
ATOM	1104	С	LYS A	78154. 793	-3. 911	4. 198	1. 00	0.00 C				
ATOM	1105	0	LYS A	78153. 981	-3. 318	4. 908	1. 00	0.000				
ATOM	1106	СВ	LYS A	78155. 074	-5. 529	6. 086	1. 00	0.00 C				
ATOM	1107	CG	LYS A	78155. 640	-6.847	6. 590	1. 00	0.00 C				
ATOM	1108	CD	LYS A	78155. 270	-7. 094	8. 043	1. 00	0.00 C				
ATOM	1109	CE	LYS A	78154. 151	-8. 116	8. 169	1. 00	0.00 C				
ATOM	1110	NZ	LYS A	78153. 312	-7. 875	9. 376	1. 00	0.00 N				
ATOM	1111	H	LYS A	78157. 306	-4. 589	4. 318	1. 00	0.00 H				
ATOM	1112	HA	LYS A	78154. 809	-6. 038	4. 024	1. 00	0.00 H				
ATOM	1113	1HB	LYS A	78155. 525	-4. 728	6.653	1. 00	0.00 H				
ATOM	1114	2HB	LYS A	78154. 009	-5. 529	6. 264	1. 00	0.00 H				
ATOM	1115	1HG	LYS A	78155. 244	-7. 651	5. 986	1. 00	0.00 H				
ATOM	1116	2HG	LYS A	78156. 716	-6. 823	6. 500	1. 00	0. 00 H				
ATOM	1117	1HD	LYS A	78156. 139	-7. 463	8. 568	1. 00	0. 00 H				
ATOM	1118	2HD	LYS A	78154. 947	-6. 164	8. 487	1. 00	0. 00 H				
ATOM	1119	1HE	LYS A	78153. 526	-8. 055	7. 291	1. 00	0.00 H				

5

10

15

20

25

ATOM

ATOM

ATOM

ATOM

1120 2HE

1121 1HZ

1122 2HZ

1123 3HZ

LYS A

LYS A

LYS A

LYS A

78154. 586

78153. 289

78153. 703

78152. 341

-9. 102

-6.859

-8. 388

-8. 205

8. 234

9. 599

10. 191

9. 207

1.00

1. 00

1.00

1. 00

							133			
	ATOM	1124	N	ALA A	A	79155. 255	-3. 413	3.056	1. 00	0.00 N
	ATOM	1125	CA	ALA A	4	79154. 824	-2. 111	2. 561	1. 00	0.00 C
	ATOM	1126	С	ALA A	A	79154. 652	-2. 129	1. 047	1. 00	0.00 C
	ATOM	1127	0	ALA A	A	79155. 630	-2. 201	0. 301	1. 00	0.000
5	ATOM	1128	CB	ALA A	A	79155. 822	-1. 036	2. 968	1. 00	0.00 C
	ATOM	. 1129	H	ALA A	A	79155. 901	-3. 932	2. 534	1. 00	0.00 H
	ATOM	1130	HA	ALA	A	79153. 874	-1. 878	3. 019	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1131	1HB	ALA	A	79155. 857	-0. 270	2. 207	1. 00	0.00 H
	ATOM	1132	2HB	ALA .	A	79156. 801	-1. 477	3. 080	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1133	ЗНВ	ALA .	A	79155. 515	-0. 597	3. 906	1. 00	0.00 H
	ATOM	1134	N	LEU .	A	80153. 404	-2.063	0. 597	1. 00	0.00 N
	ATOM	1135	CA	LEU .	A	80153. 103	-2.072	-0.829	1. 00	0.00 C
	ATOM	1136	C	LEU	A	80152. 276	-0.851	-1. 218	1. 00	0.00 C
	ATOM	1137	0	LEU	A	80151. 095	-0.756	-0. 884	1. 00	0.000
15	ATOM	1138	CB	LEU	A	80152. 352	-3. 352	-1. 205	1. 00	0.00 C
	ATOM	1139	CG	LEU	A	80151. 922	-3. 444	-2. 670	1. 00	0.00 C
	ATOM	1140	CD1	LEU	A	80153. 135	-3. 587	-3. 575	1. 00	0.00 C
	ATOM	1141	CD2	LEU	A	80150.964	-4. 609	-2.871	1. 00	0.00 C
	ATOM	1142	H	LEU	A	80152.667	-2.007	1. 240	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1143	HA	LEU	A	80154. 039	-2. 044	-1. 367	1. 00	0.00 H
	ATOM	1144	1HB	LEU	A	80152. 990	-4. 195	-0. 985	1. 00	0.00 H
	ATOM	1145	2HB	LEU	A	80151. 468	-3. 420	-0. 589	1. 00	0.00 H
	ATOM	1146	HG	LEU	A	80151. 406	-2. 535	-2. 944	1. 00	0.00 H
	ATOM	1147	1HD1	LEU	A	80152. 858	-4. 131	-4. 466	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1148	2HD1	LEU	A	80153. 913	-4. 124	-3. 052	1. 00	0.00 H
	ATOM	1149	3HD1	LEU	A	80153. 497	-2. 607	-3.850	1. 00	0.00 H
	ATOM	1150	1HD2	LEU	A	80151. 527	-5. 499	-3. 113	1. 00	0.00 H
	ATOM	1151	2HD2	LEU	A	80150. 285	-4. 382	-3.679	1. 00	0.00 H
	ATOM	1152	3HD2	LEU	A	80150. 403	-4. 774	-1. 963	1. 00	0.00 H

							134			
	ATOM	1153	N	PHE A		81152. 905	0. 081	-1.927	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1154	CA	PHE A		81152. 227	1. 297	-2.362	1. 00	0.00 C
	ATOM	1155	C	PHE A		81151. 405	1. 041	-3.622	1.00	0.00 C
	ATOM	1156	0	PHE A		81151. 884	0. 420	-4. 571	1. 00	0.000
5	ATOM	1157	CB	PHE A	·	81153. 246	2. 408	-2.621	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1158	CG	PHE A	L	81153. 856	2. 967	-1. 367	1. 00	0.00 C
	ATOM	1159	CD1	PHE A	L.	81153. 201	3. 948	-0. 640	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1160	CD2	PHE A		81155. 084	2. 511	-0.916	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1161	CE1	PHE A	l.	81153.759	4. 463	0. 514	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1162	CE2	PHE A	1	81155. 649	3. 023	0. 237	1. 00	0.00 C
	ATOM	1163	CZ	PHE A	1	81154. 985	4. 000	0. 953	1. 00	0.00 C
	ATOM	1164	H	PHE A	1	81153. 846	-0.052	-2. 164	1. 00	0.00 H
	ATOM	1165	HA	PHE A	1	81151.563	1. 607	-1. 570	1. 00	0.00 H
	ATOM	1166	1HB	PHE A	A	81154. 045	2. 019	-3. 234	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1167	2HB	PHE A	A	81152. 759	3. 218	-3. 145	1. 00	0.00 H
	ATOM	1168	HD1	PHE	A	81152. 243	4. 310	-0. 982	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1169	HD2	PHE A	A	81155. 604	1. 747	-1. 476	1. 00	0.00 H
	ATOM	1170	HE1	PHE A	A	81153. 240	5. 228	1.072	1. 00	0.00 H
	ATOM	1171	HE2	PHE A	A	81156.607	2. 659	0. 578	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1172	HZ	PHE A	A	81155. 424	4. 401	1.854	1. 00	0.00 H
	ATOM	1173	N	VAL A	A	82150. 167	1. 524	-3.623	1. 00	0.00 N
	ATOM	1174	CA	VAL A	A	82149. 280	1. 347	-4. 765	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1175	C	VAL A	A	82148. 315	2. 521	-4. 898	1. 00	0.00 C
	ATOM	1176	0	VAL A	A	82148. 180	3. 332	-3. 983	1. 00	0.000
25	ATOM	1177	CB	VAL A	A	82148. 470	0.042	-4. 652	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1178	CG1	VAL	A	82149. 379	-1. 166	-4. 809	1. 00	0.00 C
	ATOM	1179	CG2	VAL	A	82147. 724	-0. 010	-3. 327	1. 00	0.00 C
	ATOM	1180	H	VAL	A	82149. 843	2. 010	-2.836	1. 00	0.00 H
	ATOM	1181	HA	VAL .	A	82149. 889	1. 292	-5.656	1. 00	0.00 H

•	

	ATOM	1182	HB	VAL A	82147. 742	0. 022	-5. 450	1. 00	0.00 H
	ATOM	1183	1HG1	VAL A	82150. 018	-1. 028	-5. 668	1. 00	0.00 H
	ATOM	1184	2HG1	VAL A	82148. 779	-2. 054	-4. 947	1. 00	0.00 H
	ATOM	1185	3HG1	VAL A	82149. 987	-1. 278	-3. 923	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1186	1HG2	VAL A	82147. 242	-0. 971	-3. 223	1. 00	0.00 H
	ATOM	1187	2HG2	VAL A	82146. 979	0. 771	-3. 303	1. 00	0.00 H
	ATOM	1188	3HG2	VAL A	82148. 422	0. 131	-2. 515	1. 00	0.00 H
	ATOM	1189	N	LYS A	83147. 645	2. 602	-6. 043	1. 00	0.00 N
	ATOM	1190	CA	LYS A	83146. 693	3. 677	-6. 295	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	1191	C	LYS A	83145. 494	3. 573	-5. 358	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1192	0	LYS A	83144. 809	2. 552	-5. 318	1. 00	0.000
	ATOM	1193	CB	LYS A	83146. 223	3. 638	-7. 751	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1194	CG	LYS A	83147. 353	3. 770	-8. 758	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1195	CD	LYS A	83146. 881	3. 453	-10. 168	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1196	CE	LYS A	83147. 739	4. 151	-11. 212	1. 00	0.00 C
	ATOM	1197	NZ	LYS A	83148. 766	3. 239	-11. 787	1. 00	0.00 N
	ATOM	1198	H	LYS A	83147. 796	1. 924	-6. 735	1. 00	0.00 H
	ATOM	1199	HA	LYS A	83147. 196	4. 615	-6. 114	1. 00	0.00 H
	ATOM	1200	1HB	LYS A	83145. 717	2. 701	-7. 929	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1201	2HB	LYS A	83145. 528	4. 449	-7. 914	1. 00	0.00 H
	ATOM	1202	1HG	LYS A	83147. 728	4. 782	-8. 734	1. 00	0.00 H
	ATOM	1203	2HG	LYS A	83148. 143	3. 085	-8. 489	1. 00	0.00 H
	ATOM	1204	1HD	LYS A	83146. 938	2. 386	-10. 325	1. 00	0.00 H
	ATOM	1205	2HD	LYS A	83145. 858	3. 782	-10. 277	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1206	1HE	LYS A	83147. 099	4. 504	-12. 007	1. 00	0.00 H
	ATOM	1207	2HE	LYS A	83148. 234	4. 991	-10. 749	1. 00	0.00 H
	ATOM	1208	1HZ	LYS A	83148. 971	2. 466	-11. 121	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1209	2HZ	LYS A	83149. 645	3. 761	-11. 974	1. 00	0.00 H
	ATOM	1210	3HZ	LYS A	83148. 422	2. 831	-12. 680	1. 00	0.00 H

ATOM

1239

H

LYS A

85143. 471

5. 458

-5.982

1.00

0.00 H

						137		,	
	ATOM	1240	HA	LYS A	85140. 670	5. 213	-5. 811	1. 00	0.00 H
	ATOM	1241	1HB	LYS A	85140. 702	5. 500	-8. 269	1. 00	0.00 H
	ATOM	1242	2HB	LYS A	85141. 690	6. 691	-7. 433	1. 00	0.00 H
	ATOM	1243	1HG	LYS A	85143. 602	4. 949	-7. 909	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1244	2HG	LYS A	85142. 509	4. 449	-9. 200	1. 00	0.00 H
	ATOM	1245	1HD	LYS A	85142. 570	6. 576	-10. 214	1. 00	0.00 H
	ATOM	1246	2HD	LYS A	85143. 289	7. 323	-8. 786	1. 00	0.00 H
	ATOM	1247	1HE	LYS A	85145. 335	6. 008	-9. 154	1. 00	0.00 H
	ATOM	1248	2HE	LYS A	85144. 613	5. 314	-10.605	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1249	1HZ	LYS A	85146. 175	7. 409	-10. 708	1. 00	0.00 H
	ATOM	1250	2HZ	LYS A	85144. 728	8. 229	-10. 401	1. 00	0.00 H
	ATOM	1251	3HZ	LYS A	85144. 863	7. 236	-11. 763	1. 00	0.00 H
	ATOM	1252	N	SER A	86142. 277	2. 559	-6. 753	1. 00	0.00 N
	ATOM	1253	CA	SER A	86142. 146	1. 139	-7. 057	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1254	C	SER A	86142. 102	0. 309	-5. 777	1. 00	0.00 C
	ATOM	1255	0	SER A	86142. 605	-0. 814	-5. 737	1. 00	0.000
	ATOM	1256	CB	SER A	86143. 308	0. 676	-7. 938	1. 00	0.00 C
	ATOM	1257	0G	SER A	86143. 567	1. 608	-8. 973	1. 00	0.000
	ATOM	1258	H	SER A	86143. 165	2. 928	-6. 563	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1259	HA	SER A	86141. 220	0. 999	-7. 594	1. 00	0.00 H
	ATOM	1260	1HB	SER A	86144. 197	0. 572	-7. 334	1. 00	0.00 H
	ATOM	1261	2HB	SER A	86143. 062	-0. 278	-8. 382	1. 00	0.00 H
	ATOM	1262	HG	SER A	86143.066	1. 365	-9. 755	1. 00	0.00 H
	ATOM	1263	N	CYS A	87141. 498	0. 868	-4. 734	1. 00	0.00 N
25	ATOM	1264	CA	CYS A	87141. 387	0. 180	-3. 453	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1265	C	CYS A	87139. 928	-0. 097	-3. 109	1. 00	0.00 C
	ATOM	1266	0	CYS A	87139. 021	0. 538	-3. 648	1. 00	0.000
	ATOM	1267	CB	CYS A	87142. 036	1. 012	-2.345	1. 00	0.00 C
	ATOM	1268	SG	CYS A	87143. 843	1. 034	-2. 401	1. 00	0. 00 S

	WO 2004/016/81					138			PC 1/JP2003/010		
	ATOM	1269	Н	CYS	Λ	87141. 116	1. 766	-4. 828	1. 00	0. 00 H	
	ATOM		HA	CYS		87141. 110	-0. 761	-3. 537		0. 00 H	
		1270							1. 00		
	ATOM	1271	1HB	CYS		87141. 693	2. 032	-2. 424	1. 00	0. 00 H	
_	ATOM	1272		CYS		87141. 740	0. 613	-1. 386	1. 00	0.00 H	
5	ATOM	1273	HG	CYS		87144. 122	0. 522	-3. 164	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1274	N	ARG		88139. 706	-1. 049	-2. 208	1. 00	0. 00 N	
	ATOM	1275	CA	ARG		88138. 356	-1. 408	-1. 793	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	1276	С	ARG	A	88138. 267	-1. 531	-0. 272	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	1277	0	ARG	A	88139. 211	-1. 983	0. 376	1. 00	0.000	
10	ATOM	1278	CB	ARG	A	88137. 932	-2. 723	-2. 448	1. 00	0.00 C	
	ATOM	. 1279	CG	ARG	A	88137. 230	-2. 538	-3. 784	1. 00	0.00 C	
	ATOM	1280	CD	ARG	A	88135. 718	-2.566	-3. 627	1. 00	0.00 C	
	ATOM	1281	NE	ARG	A	88135. 059	-3. 157	-4. 789	1. 00	0.00 N	
	ATOM	1282	CZ	ARG	A	88135.003	-2. 577	-5. 985	1. 00	0.00 C	
15	ATOM	1283	NH1	ARG	A	88135. 566	-1. 391	-6. 183	1. 00	0.00 N	
	ATOM	1284	NH2	ARG	A	88134. 382	-3. 184	-6. 987	1. 00	0.00 N	
	ATOM	1285	H	ARG	A	88140. 470	-1.520	-1.812	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1286	HA	ARG	A	88137. 691	-0.623	-2. 119	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	1287	1HB	ARG	A	88138. 810	-3. 332	-2. 608	1. 00	0. 00 H	
20	ATOM	1288	2HB	ARG	A	88137. 260	-3. 244	-1. 782	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1289	1HG	ARG	A	88137. 521	-1. 587	-4. 204	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1290	2HG	ARG	A	88137. 529	-3. 335	-4. 449	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1291	1HD	ARG	A	88135. 471	-3. 146	-2.750	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1292	2HD	ARG	A	88135. 364	-1. 553	-3. 501	1. 00	0.00 H	
25	ATOM	1293	HE	ARG	A	88134. 634	-4. 033	-4. 672	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1294	1HH1	ARG	A	88136. 035	-0. 928	-5. 431	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1295	2HH1	ARG	A	88135. 520	-0. 961	-7. 084	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1296	1HH2	ARG	A	88133. 956	-4. 077	-6. 844	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1297	2HH2	ARG	A	88134. 340	-2. 748	-7. 887	1. 00	0.00 H	

				,			139			
	ATOM	1298	N	PRO A		89137. 126	-1. 131	0.319	1. 00	0.00 N
	ATOM	1299	CA	PRO A		89136. 924	-1. 201	1.769	1. 00	0.00 C
	ATOM	1300	C	PRO A		89137. 168	-2. 603	2. 320	1. 00	0.00 C
	ATOM	1301	0	PRO A		89136. 530	-3. 566	1. 898	1. 00	0.000
5	ATOM	1302	CB	PRO A		89135. 455	-0. 807	1. 948	1. 00	0.00 C
	ATOM	1303	CG	PRO A		89135. 126	-0. 003	0. 740	1. 00	0.00 C
	ATOM	1304	CD	PRO A	L	89135. 949	-0. 581	-0. 377	1. 00	0.00 C
	ATOM	1305	HA	PRO A	L	89137. 555	-0. 497	2. 291	1. 00	0.00 H
	ATOM	1306	1HB	PRO A		89134. 846	-1. 698	2. 009	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1307	2HB	PRO A	L	89135. 343	-0. 225	2. 851	1. 00	0.00 H
	ATOM	1308	1HG	PRO A	L	89134. 074	-0. 091	0. 515	1. 00	0.00 H
	ATOM	1309	2HG	PRO A	1	89135. 390	1. 031	0. 903	1. 00	0.00 H
	ATOM	1310	1HD	PRO A	1	89135. 401	-1. 361	-0.886	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1311	2HD	PRO A	1	89136. 239	0. 195	-1.072	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	1312	N	ASP A	I	90138. 095	-2. 707	3. 267	1. 00	0.00 N
	ATOM	1313	CA	ASP A	ł	90138. 422	-3. 991	3. 877	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1314	C	ASP A	A	90137. 795	-4. 110	5. 262	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1315	0	ASP A	4	90138. 296	-3. 540	6. 232	1. 00	0.000
	ATOM	1316	CB	ASP A	4	90139. 940	-4. 160	3. 977	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	1317	CG	ASP A	A	90140. 365	-5. 614	3. 896	1. 00	0.00 C
	ATOM	1318	OD 1	ASP A	A	90139. 547	-6. 492	4. 244	1. 00	0.000
	ATOM	1319	0D2	ASP A	A	90141. 516	-5. 873	3. 485	1. 00	0.000
	ATOM	1320	H	ASP A	A	90138. 570	-1. 902	3. 563	1. 00	0.00 H
	ATOM	1321	HA	ASP A	A	90138. 023	-4. 769	3. 245	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	1322	1HB	ASP A	A	90140. 410	-3. 622	3. 168	1. 00	0.00 H
	ATOM	1323	2HB	ASP A	A	90140. 279	-3. 756	4. 919	1. 00	0.00 H
	ATOM	1324	N	SER A	A	91136. 695	-4. 850	5. 346	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1325	CA	SER .	A	91135. 997	-5. 042	6. 613	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1326	C	SER	A	91136. 378	-6. 376	7. 247	1. 00	0.00 C

	ATOM	1327	0	SER A	91135. 575	-6. 993	7. 947	1. 00	0.000
	ATOM	1328	CB	SER A	91134. 485	-4. 978	6. 401	1. 00	0.00 C
	ATOM	1329	0G	SER A	91133. 828	-4. 483	7. 554	1. 00	0.000
	ATOM	1330	H	SER A	91136. 343	-5. 278	4. 537	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1331	HA	SER A	91136. 293	-4. 243	7. 277	1. 00	0.00 H
	ATOM	1332	1HB	SER A	91134. 267	-4. 326	5. 569	1. 00	0.00 H
	ATOM	1333	2HB	SER A	91134. 112	-5. 970	6. 187	1. 00	0.00 H
	ATOM	1334	HG	SER A	91133. 100	-5.065	7. 784	1. 00	0.00 H
	ATOM	1335	N	ARG A	92137. 608	-6. 815	6. 999	1. 00	0.00 N
10	ATOM	1336	CA	ARG A	92138. 093	-8. 076	7. 546	1. 00	0.00 C
	ATOM	1337	C	ARG A	92138. 164	-8. 018	9. 069	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1338	0	ARG A	92137. 993	-9. 030	· 9. 748	1. 00	0.000
	ATOM	1339	CB	ARG A	92139. 471	-8. 409	6. 972	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1340	CG	ARG A	92139. 416	-9. 230	5. 695	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1341	CD	ARG A	92139. 022	-10.671	5. 976	1. 00	0.00 C
	ATOM	1342	NE	ARG A	92137. 589	-10.891	5. 797	1. 00	0.00 N
	ATOM	1343	CZ	ARG A	92137. 005	-11. 048	4. 612	1. 00	0.00 C
	ATOM	1344	NH 1	ARG A	92137. 727	-11.011	3. 498	1. 00	0.00 N
	ATOM	1345	NH2	ARG A	92135. 696	-11. 243	4. 538	1. 00	0.00 N
20	ATOM	1346	H	ARG A	92138. 202	-6.278	6. 434	1. 00	0.00 H
	ATOM	1347	HA	ARG A	92137. 398	-8. 851	7. 260	1. 00	0.00 H
	ATOM	1348	1HB	ARG A	92139. 992	-7. 486	6. 760	1. 00	0.00 H
	ATOM	1349	2HB	ARG A	92140. 030	-8. 966	7. 709	1. 00	0.00 H
	ATOM	1350	1HG	ARG A	92138. 688	-8. 792	5. 028	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1351	2HG	ARG A	92140. 390	-9. 216	5. 227	1. 00	0.00 H
	MOTA	1352	1HD	ARG A	92139. 562	-11. 318	5. 300	1. 00	0.00 H
	ATOM	1353	2HD	ARG A	92139. 290	-10. 912	6. 994	1. 00	0.00 H
	ATOM	1354	HE	ARG A	92137. 032	-10. 923	6. 603	1. 00	0.00 H
	ATOM	1355	1HH1	ARG A	92138. 714	-10. 864	3. 546	1. 00	0.00 H

				•			141		•	
	ATOM	1356	2HH1	ARG A	A	92137. 282 -	-11. 130	2. 611	1. 00	0.00 H
	ATOM	1357	1HH2	ARG A	A	92135. 147	-11. 273	5. 374	1. 00	0.00 H
	ATOM	1358	2HH2	ARG A	A	92135. 256	-11. 362	3. 648	1. 00	0.00 H
	ATOM	1359	N	PHE	A	93138. 419	-6. 825	9. 599	1. 00	0.00 N
5	ATOM	1360	CA	PHE	A	93138. 513	-6. 636	11. 042	1. 00	0.00 C
	ATOM	1361	C	PHE .	A	93137. 293	-5. 889	11. 574	1. 00	0.00 C
	ATOM	1362	0	PHE	A	93137. 385	-5. 153	12. 557	1. 00	0.000
	ATOM	1363	CB	PHE	A	93139. 788	-5. 868	11. 393	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1364	CG	PHE .	A	93141. 045	-6.662	11. 179	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1365	CD1	PHE	A	93141. 370	-7. 144	9. 921	1. 00	0.00 C
	ATOM	1366	CD2	PHE	A	93141. 902	-6. 927	12. 236	1. 00	0.00 C
	ATOM	1367	CE 1	PHE	A	93142. 526	-7. 875	9. 721	1. 00	0.00 C
	ATOM	1368	CE2	PHE	A	93143. 059	-7. 658	12. 041	1. 00	0.00 C
	ATOM	1369	CZ	PHE	A	93143. 371	-8. 132	10. 782	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1370	H	PHE	A	93138. 546	-6. 056	9. 006	1. 00	0.00 H
	ATOM	1371	HA	PHE	A	93138. 552	-7. 611	11. 502	1. 00	0.00 H
	ATOM	1372	1 HB	PHE	A	93139. 848	-4. 982	10. 780	1. 00	0.00 H
	ATOM	1373	2HB	PHE	A	93139. 751	-5. 578	12. 433	1. 00	0.00 H
	ATOM	1374	HD 1	PHE	A	93140. 710	-6. 943	9. 090	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1375	HD2	PHE	A	93141. 658	-6. 557	13. 220	1. 00	0.00 H
	ATOM	1376	HE 1	PHE	A	93142. 768	-8. 246	8. 735	1. 00	0.00 H
	ATOM	1377	HE2	PHE	A	93143. 718	-7. 857	12. 873	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1378	HZ	PHE	A	93144. 275	-8. 704	10. 629	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1379	N	ALA	A	94136. 153	-6. 084	10. 920	1. 00	0. 00 N
25	ATOM	1380	CA	ALA	A	94134. 917	-5. 429	11. 329	1. 00	0.00 C
	ATOM	1381	C	ALA	A	94134. 552	-5. 791	12. 766	1. 00	0.00 C
	ATOM	1382	0	ALA	A	94134. 390	-6. 965	13. 099	1. 00	0.000
	ATOM	1383	CB	ALA	A	94133. 784	-5. 803	10. 384	1. 00	0.00 C
	MOTA	1384	Н	ALA	A	94136. 142	-6. 682	10. 143	1. 00	0.00 H

1411 2HB

1412

HG

1413 1HD1 LEU A

LEU A

LEU A

96129.341

96128.817

96128. 625

-6.295

-3.364

-5.066

15. 812

15. 399

13. 328

1.00

1.00

1.00

0.00 H

0.00 H

0.00 H

ATOM

ATOM

ATOM

	WO 2004/0	010/81		.					PC1/	J <i>P2</i> 003/010.
				,			143		•	
	ATOM	1414	2HD1	LEU	A	96127. 538	-3. 698	13. 573	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1415	3HD1	LEU	A	96127. 048	-5. 315	14. 077	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1416	1HD2	LEU	A	96127. 130	-5. 641	16. 431	1. 00	0.00 H
	ATOM	1417	2HD2	LEU	A	96126. 618	-3. 960	16. 283	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1418	3HD2	LEU	A	96127. 903	-4. 395	17. 410	1. 00	0.00 H
	ATOM	1419	N	GLN	A	97130. 339	-4. 769	19. 079	1. 00	0.00 N
	ATOM	1420	CA	GLN	A	97130. 002	-5. 290	20. 398	1. 00	0.00 C
	MOTA	1421	C	GLN	A	97130. 929	-6. 442	20. 781	1. 00	0.00 C
	ATOM	1422	0	GLN	A	97131. 595	-7. 024	19. 925	1. 00	0.000
10	ATOM	1423	CB	GLN	A	97128. 547	-5. 759	20. 427	1. 00	0.00 C
	ATOM	1424	CG	GLN	A	97127. 566	-4. 676	20. 847	1. 00	0.00 C
	ATOM	1425	CD	GLN	A	97126. 204	-4. 841	20. 203	1. 00	0.00 C
	ATOM	1426	0E1	GLN	A	97126. 054	-4. 681	18. 992	1. 00	0.000
	ATOM	1427	NE2	GLN	A	97125. 201	-5. 162	21. 013	1. 00	0.00 N
15	ATOM	1428	H	GLN	A	97130. 611	-3. 831	18. 990	1. 00	0.00 H
	ATOM	1429	HA	GLN	A	97130. 127	-4. 490	21. 112	1. 00	0.00 H
	ATOM	1430	1HB	GLN	A	97128. 271	-6. 100	19. 441	1. 00	0.00 H
	ATOM	1431	2HB	GLN	A	97128. 459	-6. 583	21. 121	1. 00	0.00 H
	ATOM	1432	1HG	GLN	A	97127. 447	-4. 713	21. 920	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1433	2HG	GLN	A	97127. 970	-3. 714	20. 564	1. 00	0.00 H
	ATOM	1434	1HE2	GLN	A	97125. 395	-5. 274	21. 967	1. 00	0.00 H
	ATOM	1435	2HE2	GLN	A	97124. 310	-5. 275	20.622	1. 00	0.00 H
	ATOM	1436	N	PRO	A	98130. 983	-6. 785	22. 080	1. 00	0.00 N
	ATOM	1437	CA	PRO	A	98131. 833	-7. 874	22. 573	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	1438	C	PRO	A	98131. 336	-9. 245	22. 127	1. 00	0.00 C
	ATOM	1439	0	PRO	A	98130. 179	-9. 599	22. 350	1. 00	0.000
	MOTA	1440	CB	PRO	A	98131. 737	-7. 739	24. 095	1. 00	0.00 C
	ATOM	1441	CG	PRO	A	98130. 430	-7. 067	24. 333	1. 00	0.00 C
	MOTA	1442	CD	PRO	A	98130. 221	-6. 142	23. 166	1. 00	0.00 C

PCT/J

							177			
	ATOM	1443	HA	PRO .	A	98132. 859	-7. 746	22. 261	1. 00	0.00 H
	ATOM	1444	1HB	PRO.	A	98131. 767	-8. 720	24. 548	1. 00	0.00 H
	ATOM	1445	2HB	PRO	A	98132. 560	-7. 142	24. 459	1. 00	0.00 H
	ATOM	1446	1HG	PRO	A	98129. 641	-7. 804	24. 375	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1447	2HG	PRO	A	98130. 469	-6. 504	25. 254	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1448	1HD	PRO	A	98129. 171	-6.080	22. 917	1. 00	0.00 H
	ATOM	1449	2HD	PRO	A	98130. 617	-5. 162	23. 386	1. 00	0.00 H
	ATOM	1450	N	SER	A	99132. 218	-10.012	21. 495	1. 00	0.00 N
	ATOM	1451	CA	SER	A	99131. 868	-11. 344	21. 017	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	1452	C	SER	A	99132. 957	-12. 352	21. 371	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1453	0	SER	A	99132. 687	-13. 383	21. 987	1. 00	0.000
	ATOM	1454	CB	SER	A	99131. 648	-11. 324	19. 503	1. 00	0. 00 C
·	ATOM	1455	0G	SER	A	99132. 444	-10. 328	18. 884	1. 00	0.000
	ATOM	1456	H	SER	A	99133. 126	-9. 673	21. 346	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1457	HA	SER	A	99130. 950	-11. 639	21. 502	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1458	1HB	SER	A	99131. 914	-12. 287	19. 091	1. 00	0.00 H
	ATOM	1459	2HB	SER	A	99130. 608	-11. 119	19. 296	1. 00	0.00 H
	ATOM	1460	HG	SER	A	99131. 881	-9. 611	18. 582	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1461	N	GLY	A	100134. 190	-12. 047	20. 978	1. 00	0. 00 N
20	ATOM	1462	CA	GLY	A	100135. 300	-12. 936	21. 263	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1463	C	GLY	A	100135. 839	-12.759	22. 670	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1464	0	GLY	A	100135. 168	-12. 182	23. 525	1. 00	0.000
	ATOM	1465	H	GLY	A	100134. 346	-11. 212	20. 491	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1466	1HA	GLY	A	100134. 970	-13. 957	21. 141	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	1467	2HA	GLY	A	100136. 095	-12. 740	20. 557	1. 00	0.00 H
	ATOM	1468	N	PRO	A	101137. 062	-13. 248	22. 942	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1469	CA	PRO	A	101137. 680	-13. 133	24. 267	1. 00	.0. 00 C
	ATOM	1470) C	PR0	A	101138. 074	-11. 697	24. 600	1. 00	0.00 C
	ATOM	1471	0	PR0	A	101137. 812	2 -11. 210	25. 698	1. 00	0.000

							145			
	ATOM	1472	CB	PRO	A	101138. 926	3 -14. 015	24. 156	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1473	CG	PR0	A	101139. 252	2 -14. 029	22. 703	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1474	CD	PRO	A	101137. 934	1 -13. 949	21. 982	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1475	HA	PRO	A	101137. 033	2 -13. 516	25. 041	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1476	1HB	PR0	A	101139. 72	3 -13. 586	24. 738	1. 00	0.00 H
	ATOM	1477	2HB	PR0	A	101138. 70	1 -15.007	24. 519	1. 00	0.00 H
	ATOM	1478	1HG	PR0	A	101139. 86	7 -13. 176	22. 456	1. 00	0.00 H
	ATOM	1479	2HG	PR0	A	101139. 76	2 -14. 947	22. 450	1. 00	0.00 H
	ATOM	1480	1HD	PR0	A	101138. 03	7 -13. 382	21.069	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1481	2HD	PRO	A	101137. 55	3 -14. 940	21. 773	1. 00	0.00 H
	ATOM	1482	N	SER	A	102138. 70	4 -11.024	23. 642	1. 00	0.00 N
	ATOM	1483	CA	SER	A	102139. 13	3 -9.644	23. 833	1. 00	0.00 C
	ATOM	1484	C	SER	A	102139. 03	8 -8.858	22. 530	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1485	0	SER	A	102140. 03	8 -8.608	21. 865	1. 00	0.000
15	ATOM	1486	CB	SER	A	102140. 56	9 -9.602	24. 359	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1487	0G	SER	A	102140.65	2 -10. 160	25. 659	1. 00	0.000
	ATOM	1488	H	SER	A	102138.88	5 -11.467	22. 786	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1489	HA	SER	A	102138. 47	9 -9.192	24. 564	1. 00	0.00 H
	ATOM	1490	1HB	SER	A	102141. 20	9 -10. 168	23. 699	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1491	2HB	SER	A	102140. 90	7 -8. 577	24. 398	1. 00	0.00 H
	ATOM	1492	HG	SER	A	102140.08	3 -9.667	26. 256	1. 00	0.00 H
	ATOM	1493	N	SER	A	103137. 81	3 -8.469	22. 171	1. 00	0.00 N
	ATOM	1494	CA	SER	A	103137. 57	5 -7.710	20. 947	1. 00	0.00 C
	ATOM	1495	C	SER	A	103137. 85	3 -8.562	19. 712	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1496	0	SER	A	103136. 93	2 -8. 955	18. 997	1. 00	0.000
	ATOM	1497	CB	SER	A	103138. 44	4 -6. 450	20. 921	1. 00	0.00 C
	ATOM	1498	0G	SER	A	103137. 70	3 -5. 328	20. 472	1. 00	0.000
	ATOM	1499	H	SER	A	103137. 05	1 -8.699	22. 744	1. 00	0.00 H
	ATOM	1500	HA	SER	A	103136. 53	5 -7.417	20. 938	1. 00	0.00 H

			•			146			
ATOM	1501	1HB	SER	A	103138. 809	-6. 246	21. 917	1. 00	0.00 H
ATOM	1502	2HB	SER	A	103139. 280	-6. 603	20. 256	1. 00	0.00 H
ATOM	1503	HG	SER	A	103137. 240	-5. 554	19.662	1. 00	0.00 H
ATOM	1504	N	GLY .	A	104139. 130	-8. 843	19. 468	1. 00	0.00 N
ATOM	1505	CA	GLY .	A	104139. 505	-9. 647	18. 319	1. 00	0.00 C
ATOM	1506	C	GLY .	A	104140. 109	-8. 818	17. 205	1. 00	0.00 C
ATOM	1507	0	GLY	A	104141. 142	-8. 158	17. 448	1. 00	0.000
ATOM	1508	OXT	GLY	A	104139. 552	-8. 828	16. 087	1. 00	0.000
ATOM	1509	H	GLY .	A	104139. 822	-8. 504	20. 073	1. 00	0.00 H
ATOM	1510	1HA	GLY	A	104140. 225	-10. 388	18. 633	1. 00	0.00 H
ATOM	1511	2HA	GLY	A	104138. 626	-10. 150	17. 943	1. 00	0.00 H
TER	1512	GLY	A 104						

15 立体構造座標表 3

ENDMDL

5

10

ATOM 1	N	GLY A	1125. 212	27. 334	-8. 433	1. 00	0.00 N
ATOM 2	CA	GLY A	1126. 127	26. 226	-8.041	1. 00	0.00 C
ATOM 3	C	GLY A	1126. 734	25. 523	-9. 238	1. 00	0.00 C
ATOM 4	0	GLY A	1126. 538	24. 322	-9. 426	1. 00	0.000
ATOM 5	1H	GLY A	1125. 466	27. 688	-9. 377	1. 00	0.00 H
ATOM 6	2H	GLY A	1125. 283	28. 114	-7. 751	1. 00	0.00 H
ATOM 7	3H	GLY A	1124. 229	26. 994	-8. 455	1. 00	0.00 H
ATOM 8	1HA	GLY A	1126. 923	26. 630	-7. 432	1. 00	0.00 H
ATOM 9	2HA	GLY A	1125. 572	25. 506	-7. 457	1. 00	0.00 H
ATOM10	N	SER A	2127. 472	26. 272	-10. 049	1. 00	0.00 N
ATOM11	CA	SER A	2128. 110	25. 713	-11. 236	1. 00	0. 00 C
ATOM12	C	SER A	2129. 203	24. 723	-10. 851	1. 00	0.00 C
ATOM13	0	SER A	2129. 120	23. 536	-11. 169	1. 00	0.00 0
ATOM14	СВ	SER A	2128. 700	26. 831	-12. 098	1. 00	0.00 C
	ATOM 2 ATOM 3 ATOM 4 ATOM 5 ATOM 6 ATOM 7 ATOM 8 ATOM 9 ATOM10 ATOM11 ATOM12 ATOM13	ATOM 2 CA ATOM 3 C ATOM 4 O ATOM 5 1H ATOM 6 2H ATOM 7 3H ATOM 8 1HA ATOM 9 2HA ATOM10 N ATOM11 CA ATOM12 C ATOM13 O	ATOM 2 CA GLY A ATOM 3 C GLY A ATOM 4 O GLY A ATOM 5 1H GLY A ATOM 6 2H GLY A ATOM 7 3H GLY A ATOM 8 1HA GLY A ATOM 9 2HA GLY A ATOM10 N SER A ATOM11 CA SER A ATOM12 C SER A ATOM13 O SER A	ATOM 2 CA GLY A 1126. 127 ATOM 3 C GLY A 1126. 734 ATOM 4 O GLY A 1126. 538 ATOM 5 1H GLY A 1125. 466 ATOM 6 2H GLY A 1125. 283 ATOM 7 3H GLY A 1124. 229 ATOM 8 1HA GLY A 1126. 923 ATOM 9 2HA GLY A 1125. 572 ATOM10 N SER A 2127. 472 ATOM11 CA SER A 2128. 110 ATOM12 C SER A 2129. 203 ATOM13 O SER A 2129. 120	ATOM 2 CA GLY A 1126. 127 26. 226 ATOM 3 C GLY A 1126. 734 25. 523 ATOM 4 O GLY A 1126. 538 24. 322 ATOM 5 1H GLY A 1125. 466 27. 688 ATOM 6 2H GLY A 1125. 283 28. 114 ATOM 7 3H GLY A 1124. 229 26. 994 ATOM 8 1HA GLY A 1126. 923 26. 630 ATOM 9 2HA GLY A 1125. 572 25. 506 ATOM10 N SER A 2127. 472 26. 272 ATOM11 CA SER A 2128. 110 25. 713 ATOM12 C SER A 2129. 203 24. 723 ATOM13 O SER A 2129. 120 23. 536	ATOM 2 CA GLY A 1126. 127 26. 226 -8. 041 ATOM 3 C GLY A 1126. 734 25. 523 -9. 238 ATOM 4 O GLY A 1126. 538 24. 322 -9. 426 ATOM 5 1H GLY A 1125. 466 27. 688 -9. 377 ATOM 6 2H GLY A 1125. 283 28. 114 -7. 751 ATOM 7 3H GLY A 1124. 229 26. 994 -8. 455 ATOM 8 1HA GLY A 1126. 923 26. 630 -7. 432 ATOM 9 2HA GLY A 1125. 572 25. 506 -7. 457 ATOM10 N SER A 2127. 472 26. 272 -10. 049 ATOM11 CA SER A 2128. 110 25. 713 -11. 236 ATOM12 C SER A 2129. 203 24. 723 -10. 851 ATOM13 O SER A 2129. 120 23. 536 -11. 169	ATOM 2 CA GLY A 1126. 127 26. 226 -8. 041 1. 00 ATOM 3 C GLY A 1126. 734 25. 523 -9. 238 1. 00 ATOM 4 O GLY A 1126. 538 24. 322 -9. 426 1. 00 ATOM 5 1H GLY A 1125. 466 27. 688 -9. 377 1. 00 ATOM 6 2H GLY A 1125. 283 28. 114 -7. 751 1. 00 ATOM 7 3H GLY A 1124. 229 26. 994 -8. 455 1. 00 ATOM 8 1HA GLY A 1126. 923 26. 630 -7. 432 1. 00 ATOM 9 2HA GLY A 1125. 572 25. 506 -7. 457 1. 00 ATOM10 N SER A 2127. 472 26. 272 -10. 049 1. 00 ATOM11 CA SER A 2128. 110 25. 713 -11. 236 1. 00 ATOM12 C SER A 2129. 203 24. 723 -10. 851 1. 00 ATOM13 O SER A 2129. 120 23. 536 -11. 169 1. 00

,	147

	ATOM15	0G	SER A	2127. 762	27. 284 -13. 059	1. 00	0.000
	ATOM16	H	SER A	2127. 592	27. 223 -9. 846	1. 00	0.00 H
	ATOM17	HA	SER A	2127. 354	25. 193 -11. 805	1. 00	0.00 H
	ATOM18	1HB	SER A	2128. 978	27. 662 -11. 466	1. 00	0.00 H
5	ATOM19	2HB	SER A	2129. 575	26. 461 -12. 613	1. 00	0.00 H
	ATOM20	HG	SER A	2127. 770	28. 243 -13. 087	1. 00	0.00 H
	ATOM21	N	SER A	3130. 228	25. 217 -10. 164	1. 00	0.00 N
	ATOM22	CA	SER A	3131. 338	24. 374 -9. 734	1. 00	0.00 C
	ATOM23	C	SER A	3130. 855	23. 274 -8. 795	1. 00	0.00 C
10	ATOM24	0	SER A	3130. 082	23. 528 -7. 871	1. 00	0.000
	ATOM25	CB	SER A	3132. 408	25. 220 -9. 040	1. 00	0.00 C
	ATOM26	0G	SER A	3132. 727	26. 369 -9. 806	1. 00	0.000
	ATOM27	H	SER A	3130. 237	26. 171 -9. 939	1. 00	0.00 H
	ATOM28	HA	SER A	3131.767	23. 918 -10. 613	1. 00	0.00 H
15	ATOM29	1HB	SER A	3132.043	25. 537 -8. 075	1. 00	0.00 H
	ATOM30	2HB	SER A	3133. 302	24. 629 -8. 910	1. 00	0.00 H
	ATOM31	HG	SER A	3132.091	27. 063 -9. 621	1. 00	0.00 H
	ATOM32	N	GLY A	4131. 315	22. 051 -9. 038	1. 00	0.00 N
	ATOM33	CA	GLY A	4130. 919	20. 931 -8. 206	1. 00	0.00 C
20	ATOM34	C	GLY A	4130. 532	19. 711 -9. 020	1. 00	0.00 C
	ATOM35	0	GLY A	4129.678	19. 791 -9. 902	1. 00	0.000
	ATOM36	H	GLY A	4131. 929	21. 908 -9. 789	1.00	0.00 H
	ATOM37	1HA	GLY A	4131.742	20. 670 -7. 557	1. 00	0.00 H
	ATOM38	2HA	GLY A	4130.076	21. 227 -7. 599	1. 00	0.00 H
25	ATOM39	N	SER A	5131. 165	18. 580 -8. 724	1.00	0.00 N
	ATOM40	CA	SER A	5130. 883	17. 339 -9. 436	1. 00	0.00 C
	ATOM41	C	SER A	5129. 775	16. 553 -8. 741	1. 00	0.00 C
	ATOM42	0	SER A	5129. 529	16. 730 -7. 548	1. 00	0.000
	ATOM43	CB	SER A	5132. 147	16. 483 -9. 532	1. 00	0.00 C

•	

	ATOM44	0G	SER A	5132. 417	15. 830 -8. 304	1.00	0.000
	ATOM45	H	SER A	5131.837	18. 580 -8. 011	1. 00	0.00 H
	ATOM46	HA	SER A	5130. 555	17. 595 -10. 432	1. 00	0.00 H
	ATOM47	1HB	SER A	5132. 015	15. 736 -10. 300	1. 00	0.00 H
5	ATOM48	2HB	SER A	5132. 987	17. 113 -9. 784	1. 00	0.00 H
	ATOM49	HG	SER A	5132.762	14. 951 -8. 477	1. 00	0.00 H
	ATOM50	N	SER A	6129. 109	15. 685 -9. 496	1. 00	0.00 N
	ATOM51	CA	SER A	6128.028	14. 872 -8. 952	1. 00	0.00 C
	ATOM52	C	SER A	6128. 579	13. 712 -8. 129	1. 00	0.00 C
10	ATOM53	0	SER A	6129. 231	12. 814 -8. 662	1. 00	0.000
	ATOM54	CB	SER A	6127. 146	14. 337 -10. 081	1. 00	0.00 C
	ATOM55	0G	SER A	6126. 755	15. 378 -10. 960	1. 00	0.000
	ATOM56	H	SER A	6129. 352	15. 588 -10. 440	1. 00	0.00 H
	ATOM57	HA	SER A	6127. 431	15. 502 -8. 309	1. 00	0.00 H
15	ATOM58	1HB	SER A	6127. 695	13. 597 -10. 644	1. 00	0.00 H
	ATOM59	2HB	SER A	6126. 260	13. 885 -9. 661	1. 00	0.00 H
	ATOM60	HG	SER A	6127. 535	15. 778 -11. 351	1. 00	0.00 H
	ATOM61	N	GLY A	7128. 313	13. 737 -6. 827	1. 00	0.00 N
	ATOM62	CA	GLY A	7128. 790	12. 683 -5. 952	1. 00	0. 00 C
20	ATOM63	C	GLY A	7127. 664	11. 816 -5. 421	1. 00	0.00 C
	ATOM64	0	GLY A	7127. 124	12. 079 -4. 346	1. 00	0.000
	ATOM65	H	GLY A	7127. 788	14. 478 -6. 458	1. 00	0.00 H
	ATOM66	1HA	GLY A	7129. 481	12. 060 -6. 499	1. 00	0.00 H
	ATOM67	2HA	GLY A	7129. 308	13. 130 -5. 116	1. 00	0.00 H
25	ATOM68	N	LEU A	8127. 309	10. 783 -6. 177	1. 00	0.00 N
	ATOM69	CA	LEU A	8126. 240	9. 875 -5. 777	1. 00	0.00 C
	ATOM70	C	LEU A	8126. 566	9. 201 -4. 447	1. 00	0.00 C
	ATOM71	0	LEU A	8125. 679	8. 948 -3. 633	1. 00	0.000
	ATOM72	CB	LEU A	8126. 012	8. 815 -6. 857	1.00	0.00 C

4	
\	

	ATOM73	CG	LEU	A	8125. 799	9. 364 -8. 267	1. 00	0.00 C	
	ATOM74	CD1	LEU	A	8126. 357	8. 401 -9. 305	1. 00	0.00 C	
	ATOM75	CD2	LEU .	A	8124. 323	9. 626 -8. 520	1. 00	0.00 C	
	ATOM76	H	LEU .	A	8127. 778	10. 626 -7. 023	1. 00	0.00 H	
5	ATOM77	HA	LEU	A	8125. 338	10. 456 -5. 659	1. 00	0.00 H	
	ATOM78	1HB	LEU	A	8126. 869	8. 158 -6. 872	1. 00	0.00 H	
	ATOM79	2HB	LEU	A	8125. 141	8. 237 -6. 589	1.00	0.00 H	
	ATOM80	HG	LEU	A	8126. 328	10. 302 -8. 366	3 1.00	0.00 H	
	ATOM81	1HD1	LEU	A	8125. 688	7. 560 -9. 412	1.00	0.00 H	
10	ATOM82	2HD1	LEU	A	8127. 328	8. 051 -8. 98	5 1.00	0.00 H	
	ATOM83	3HD1	LEU	A	8126. 453	8. 909 -10. 25	3 1.00	0.00 H	
	ATOM84	1HD2	LEU	A	8124. 119	9. 548 -9. 57	3 1.00	0.00 H	
	ATOM85	2HD2	LEU	A	8124. 069	10. 618 -8. 17	7 1.00	0.00 H	
	ATOM86	3HD2	LEU	A	8123. 731	8. 897 -7. 98	6 1.00	0.00 H	
15	ATOM87	N	ALA	A	9127. 846	8. 913 -4. 23	6 1.00	0.00 N	
	ATOM88	CA	ALA	A	9128. 291	8. 269 -3. 00	7 1.00	0.00 C	
	ATOM89	C	ALA	A	9129. 810	8. 310 -2. 88	4 1.00	0.00 C	
	ATOM90	0	ALA	A	9130. 425	7. 393 -2. 33	9 1.00	0.000	
	ATOM91	CB	ALA	A	9127. 794	6. 833 -2. 95	5 1.00	0.00 C	
20	ATOM92	H	ALA	A	9128. 507	9. 141 -4. 92	4 1.00	0.00 H	
	ATOM93	HA	ALA	A	9127. 858	8. 805 -2. 17	5 1.00	0.00 H	
	ATOM94	1HB	ALA	A	9128. 506	6. 225 -2. 41	5 1.00	0.00 H	
	ATOM95	2HB	ALA	A	9127. 686	6. 452 -3. 96		0.00 H	
	ATOM96	3HB	ALA	A	9126. 839	6. 800 -2. 45	2 1.00	0.00 H	
25	ATOM97	N	MET	A	10130. 412	9. 381 -3. 39		0.00 N	
	ATOM98	CA	MET	A	10131. 861	9. 542 -3. 34	1 1.00	0. 00 C	
	ATOM99	C	MET	A	10132. 281	10. 879 -3. 94		0.00 C	
	ATOM	100	0	N	MET A 10132			1. 00 0. 00	
	ATOM	101	CB	N	MET A 10132	. 550 8. 392	-4. 080	1. 00 0. 00	C

12136. 731 12. 015 -4. 090

130

ATOM

C

PRO A

1. 00

0.00 C

	ATOM	131	0	PRO	A	12137. 651	12. 234	-4. 879	1. 00	0.000
	ATOM	132	CB	PR0	A	12136.677	12. 999	-1. 785	1. 00	0.00 C
	ATOM	133	CG	PRO	A	12135. 676	12. 124	-1. 112	1. 00	0.00 C
	ATOM	134	CD	PRO	A	12134. 349	12. 402	-1. 774	1. 00	0.00 C
5	ATOM	135	HA	PRO	A	12136. 461	14. 089	-3.621	1. 00	0.00 H
	ATOM	136	1HB	PRO	A	12137.659	12. 549	-1. 788	1. 00	0.00 H
	ATOM	137	2HB	PRO	A	12136. 720	13. 974	-1. 323	1. 00	0.00 H
	ATOM	138	1HG	PR0	A	12135. 949	11. 087	-1. 246	1. 00	0.00 H
	ATOM	139	2HG	PRO	A	12135. 627	12. 365	-0.061	1. 00	0.00 H
10	ATOM	140	1HD	PRO	A	12133. 815	11. 479	-1. 940	1. 00	0.00 H
	ATOM	141	2HD	PRO	A	12133. 761	13. 074	-1. 167	1. 00	0.00 H
	ATOM	142	N	GLY	A	13136. 173	10. 818	-3. 944	1. 00	0.00 N
	ATOM	143	CA	GLY	A	13136. 632	9. 684	-4. 726	1. 00	0. 00 C
	ATOM	144	C	GLY	A	13136. 975	8. 487	-3.862	1. 00	0.00 C
15	ATOM	145	0	GLY	A	13137. 982	7. 818	-4. 091	1. 00	0.000
	ATOM	146	H	GLY	A	13135. 443	10. 703	-3. 300	1. 00	0.00 H
	ATOM	147	1HA	GLY	A	13135. 855	9. 402	-5. 421	1. 00	0.00 H
	ATOM	148	2HA	GLY	A	13137. 510	9. 976	-5. 283 ·	1. 00	0.00 H
	ATOM	149	N	ASN	A	14136. 136	8. 216	-2.867	1. 00	0.00 N
20	ATOM	150	CA	ASN	A	14136. 356	7. 092	-1.966	1. 00	0. 00 C
	ATOM	151	C	ASN	A	14135. 123	6. 196	-1. 901	1. 00	0. 00 C
	ATOM	152	0	ASN	A	14133. 991	6. 673	-1. 989	1. 00	0.000
	ATOM	153	CB	ASN	A	14136. 708	7. 595	-0.565	1. 00	0.00 C
	ATOM	154	CG	ASN	A	14138. 013	8. 366	-0.540	1. 00	0.00 C
25	ATOM	155	0D1	ASN	A	14138. 027	9. 590	-0.676	1. 00	0.000
	ATOM	156	ND2	ASN	A	14139. 119	7. 653	-0.365	1. 00	0.00 N
	ATOM	157	Н	ASN	A	14135. 350	8. 787	-2. 737	1. 00	0.00 H
	ATOM	158	HA	ASN	A	14137. 185	6. 515	-2.350	1. 00	0.00 H
	ATOM	159	1HB	ASN	A	14135. 920	8. 245	-0. 214	1.00	0.00 H

ATOM

ATOM

HIS A

HD1 HIS A

16132. 765

16130. 238

3.700

4. 780

3.616

2.945

1.00

1.00

187 2HB

188

0.00 H

0.00 H

						100			
	ATOM	189	HD2	HIS A	16131. 487	1. 267	1. 110	1. 00	0.00 H
	ATOM	190	HE1	HIS A	16128. 141	3. 684	2. 094	1. 00	0.00 H
	ATOM	191	HE2	HIS A	16128. 912	1. 519	1. 063	1. 00	0.00 H
	ATOM	192	N	GLY A	17135. 256	5. 187	3. 127	1. 00	0.00 N
5	ATOM	193	CA	GLY A	17136. 143	5. 884	4. 039	1. 00	0.00 C
	ATOM	194	C	GLY A	17137. 538	5. 294	4. 059	1. 00	0.00 C
	ATOM	195	0	GLY A	17138. 056	4. 942	5. 119	1. 00	0.000
	ATOM	196	H	GLY A	17135. 544	4. 345	2. 716	1. 00	0.00 H
	ATOM	197	1HA	GLY A	17136. 206	6. 921	3. 740	1. 00	0.00 H
10	ATOM	198	2HA	GLY A	17135. 728	5. 835	5. 036	1. 00	0.00 H
	ATOM	199	N	LEU A	18138. 149	5. 184	2. 883	1. 00	0.00 N
	ATOM	200	CA	LEU A	18139. 492	4. 631	2. 770	1. 00	0.00 C
	ATOM	201	C	LEU A	18140. 541	5. 657	3. 188	1. 00	0.00 C
	ATOM	202	0	LEU A	18140. 936	6. 512	2. 396	1. 00	0.000
15	ATOM	203	CB	LEU A	18139. 758	4. 170	1. 335	1. 00	0. 00 C
	ATOM	204	CG	LEU A	18138. 859	3.033	0.845	1. 00	0.00 C
	ATOM	205	CD1	LEU A	18138. 767	3. 043	-0. 673	1. 00	0.00 C
	ATOM	206	CD2	LEU A	18139. 378	1.691	1. 341	1. 00	0. 00 C
	ATOM	207	H	LEU A	18137. 684	5. 482	2. 074	1. 00	0.00 H
20	ATOM	208	HA	LEU A	18139. 558	3. 778	3. 429	1. 00	0.00 H
	ATOM	209	1HB	LEU A	18139. 624	5. 016	0. 677	1. 00	0.00 H
	ATOM	210	2HB	LEU A	18140. 784	3. 841	1. 268	1. 00	0.00 H
	ATOM	211	HG	LEU A	18137. 863	3. 174	1. 239	1. 00	0. 00 H
	ATOM	212	1HD1	LEU A	18139. 705	3. 382	-1. 088	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	213	2HD 1	LEU A	18137. 975	3. 707	-0. 982	1. 00	0. 00 H
	ATOM	214	3HD1	LEU A	18138. 559	2. 043	-1. 028	1. 00	0. 00 H
	ATOM	215	1HD2	2 LEU A	18139. 928	1. 837	2. 260	1. 00	0. 00 H
	ATOM	216	2HD2	2 LEU A	18140. 029	1. 260	0. 596	1. 00	0. 00 H
	ATOM	217	3HD2	LEU A	18138. 546	1. 028	1. 521	1. 00	0.00 H

	WO 2004/016781)		154			PCT/JP2003/010288		
	ATOM	218	N	GLU A	19140. 986	5. 564	4. 436	1. 00	0. 00 N		
	ATOM	219	CA	GLU A	19141. 989	6. 485	4. 959	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	220	С	GLU A	19143. 037	5. 739	5. 779	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	221	0	GLU A	19142. 979	4. 517	5. 913	1. 00	0.000		
5	ATOM	222	СВ	GLU A	19141. 325	7. 562	5. 819	1. 00	0.00 C		
	ATOM	223	CG	GLU A	19140. 463	7. 001	6. 937	1. 00	0.00 C		
	ATOM	224	CD	GLU A	19139. 402	7. 979	7. 402	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	225	0E1	GLU A	19139. 434	8. 369	8. 589	1. 00	0.000		
	ATOM	226	0E2	GLU A	19138. 541	8. 356	6. 581	1. 00	0.000		
10	ATOM	227	H	GLU A	19140. 633	4. 861	5.019	1. 00	0.00 H		
	ATOM	228	HA	GLU A	19142. 476	6. 957	4. 119	1. 00	0.00 H		
	ATOM	229	1HB	GLU A	19142. 094	8. 179	6. 260	1. 00	0.00 H		
	ATOM	230	2HB	GLU A	19140. 701	8. 176	5. 186	1. 00	0.00 H		
	ATOM	231	1HG	GLU A	19139. 974	6. 106	6. 584	1.00	0.00 H		
15	ATOM	232	2HG	GLU A	19141. 098	6. 756	7. 776	1. 00	0.00 H		
	ATOM	233	N	VAL A	20143. 994	6. 483	6.324	1. 00	0.00 N		
	ATOM	234	CA	VAL A	20145. 055	5. 891	7. 131	1. 00	0.00 C		
	ATOM	235	С	VAL A	20144. 481	5. 136	8. 326	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	236	0	VAL A	20143. 631	5. 653	9. 050	1. 00	0.000		
20	ATOM	237	СВ	VAL A	20146. 037	6. 964	7. 639	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	238	CG1	VAL A	20147. 209	6. 320	8. 365	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	239	CG2	VAL A	20146. 525	7. 828	6. 485	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	240	H	VAL A	20143. 987	7. 452	6. 181	1. 00	0. 00 H		
	ATOM	241	HA	VAL A	20145. 601	5. 198	6. 508	1. 00	0. 00 H		
25	ATOM	242	HB	VAL A	20145. 515	7. 600	8. 339	1. 00	0.00 H		
	ATOM			VAL A		6. 958	8. 284	1. 00	0.00 H		
	ATOM				20147. 425	5. 361	7. 919	1. 00	0.00 H		
	ATOM			VAL A		6. 185	9. 406	1. 00	0.00 H		
	ATOM	246	1HG2	VAL A	20145. 737	8. 499	6. 179	1. 00	0.00 H		

								_		
	ATOM	247	2HG2	VAL A	A	20146. 802	7. 196	5. 655	1. 00	0.00 H
	ATOM	248	3HG2	VAL A	A	20147. 384	8. 402	6.803	1. 00	0.00 H
	ATOM	249	N	GLY A	A	21144. 950	3. 908	8. 525	1. 00	0.00 N
	ATOM	250	CA	GLY A	A	21144. 472	3. 102	9. 631	1. 00	0.00 C
5	ATOM	251	C	GLY	A	21143. 364	2. 152	9. 221	1. 00	0.00 C
	ATOM	252	0	GLY	A	21143. 223	1.069	9. 789	1. 00	0.000
	ATOM	253	H	GLY	A	21145. 627	3. 547	7. 913	1. 00	0.00 H
	ATOM	254	1HA	GLY .	A	21145. 296	2. 526	10. 025	1. 00	0.00 H
	ATOM	255	2HA	GLY .	A	21144. 102	3. 757	10. 406	1. 00	0.00 H
10	ATOM	256	N	SER .	A	22142. 573	2. 559	8. 232	1. 00	0.00 N
	ATOM	257	CA	SER	A	22141. 471	1. 736	7. 747	1. 00	0.00 C
	ATOM	258	C	SER	A	22141. 972	0.673	6. 775	1. 00	0.00 C
	ATOM	259	0	SER	A	22142. 811	0. 948	5. 916	1. 00	0.000
	ATOM	260	CB	SER	A	22140. 417	2. 611	7. 066	1. 00	0.00 C
15	ATOM	261	0G	SER	A	22139. 648	3. 320	8. 022	1. 00	0.000
	ATOM	262	H	SER	A	22142. 735	3. 432	7. 820	1. 00	0.00 H
	ATOM	263	HA	SER	A	22141. 024	1. 246	8. 598	1. 00	0.00 H
	ATOM	264	1HB	SER	A	22140. 907	3. 322	6. 417	1. 00	0. 00 H
	ATOM	265	2HB	SER	A	22139.756	1. 986	6. 482	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	266	HG	SER	A	22140. 233	3. 756	8. 644	1. 00	0.00 H
	ATOM	267	N	LEU	A	23141. 454	-0. 542	6. 915	1. 00	0. 00 N
	ATOM	268	CA	LEU	A	23141. 848	-1. 647	6. 049	1. 00	0.00 C
	ATOM	269	C	LEU	A	23141. 271	-1. 474	4. 649	1. 00	0.00 C
	ATOM	270	0	LEU	A	23140. 212	-0. 873	4. 474	1. 00	0.000
25	ATOM	271	CB	LEU	A	23141. 386	-2. 979	6. 644	1. 00	0.00 C
	ATOM	272	CG	LEU	A	23142. 034	-3. 354	7. 977	1. 00	0.00 C
	ATOM	273	CD1	LEU	A	23141. 095	-4. 216	8. 805	1. 00	0. 00 C
	ATOM	274	CD2	LEU	A	23143. 354	-4. 074	7. 743	1. 00	0.00 C
	ATOM	275	H	LEU	A	23140. 789	-0.700	7.620	1. 00	0.00 H

							•			
	ATOM	276	HA	LEU A	A	23142. 926	-1. 648	5. 984	1. 00	0.00 H
	ATOM	277	1HB	LEU A	A	23140. 316	-2. 931	6. 788	1. 00	0.00 H
	ATOM	278	2HB	LEU A	A	23141. 602	-3. 761	5. 932	1. 00	0.00 H
	ATOM	279	HG	LEU A	A	23142. 239	-2. 452	8. 537	1. 00	0.00 H
5	MOTA	280	1HD1	LEU A	A	23140. 088	-3. 834	8.720	1. 00	0.00 H
	ATOM	281	2HD1	LEU A	A	23141. 402	-4. 193	9. 840	1. 00	0.00 H
	ATOM	282	3HD1	LEU A	A	23141. 125	-5. 232	8. 442	1. 00	0.00 H
	ATOM	283	1HD2	LEU A	Ą	23143. 989	-3. 950	8. 607	1. 00	0.00 H
	ATOM	284	2HD2	LEU A	A	23143. 843	-3. 657	6.874	1. 00	0.00 H
10	ATOM	285	3HD2	LEU A	A	23143. 167	-5. 125	7. 581	1. 00	0.00 H
	ATOM	286	N	ALA A	A	24141. 975	-2. 007	3. 654	1. 00	0.00 N
	ATOM	287	CA	ALA A	A	24141. 532	-1. 911	2. 269	1. 00	0. 00 C
	ATOM	288	C	ALA .	A	24142. 129	-3. 030	1. 423	1. 00	0. 00 C
	ATOM	289	0	ALA	A	24142. 995	-3. 774	1. 883	1. 00	0.000
15	ATOM	290	CB	ALA .	A	24141. 902	-0. 554	1. 689	1. 00	0.00 C
	ATOM	291	H	ALA .	A	24142. 811	-2. 474	3. 858	1. 00	0.00 H
	ATOM	292	HA	ALA .	A	24140. 455	-1. 999	2. 256	1. 00	0.00 H
	ATOM	293	1HB	ALA .	A	24142. 966	-0. 395	1. 797	1. 00	0.00 H
	ATOM	294	2HB	ALA .	A	24141. 367	0. 221	2. 216	1. 00	0.00 H
20	ATOM	295	3HB	ALA .	A	24141. 638	-0. 525	0.642	1. 00	0.00 H
	ATOM	296	N	GLU	A	25141.660	-3. 144	0. 185	1. 00	0. 00 N
	ATOM	297	CA	GLU	A	25142. 147	-4. 174	-0.726	1. 00	0. 00 C
	ATOM	298	C	GLU	A	25142. 482	-3. 580	-2.090	1. 00	0.00 C
	ATOM	299	0	GLU	A	25141. 969	-2.524	-2. 461	1. 00	0.000
25	ATOM	300	CB	GLU	A	25141. 105	-5. 282	-0.880	1. 00	0.00 C
	ATOM	301	CG	GLU	A	25141. 622	-6. 505	-1.622	1. 00	0.00 C
	ATOM	302	CD	GLU	A	25140. 539	-7. 537	-1.869	1. 00	0. 00 C
	ATOM	303	0E1	GLU	A	25139. 448	-7. 152	-2.336	1. 00	0.000
	ATOM	304	0E2	GLU	A	25140. 785	-8. 732	-1.597	1. 00	0.000

							157)	
	ATOM	305	H	GLU A	1	25140. 969	-2. 522	-0. 124	1. 00	0.00 H
	ATOM	306	HA	GLU A	A	25143. 047	-4. 594	-0. 299	1. 00	0.00 H
	ATOM	307	1HB	GLU A	A	25140. 778	-5. 594	0. 100	1. 00	0.00 H
	ATOM	308	2HB	GLU A	A	25140. 258	-4.890	-1. 424	1. 00	0.00 H
5	ATOM	309	1HG	GLU A	A	25142. 022	-6. 190	-2. 575	1. 00	0.00 H
	ATOM	310	2HG	GLU A	A	25142. 407	-6.960	-1. 035	1. 00	0.00 H
	ATOM	311	N	VAL A	A	26143. 346	-4. 266	-2.833	1. 00	0.00 N
	ATOM	312	CA	VAL A	A	26143. 749	-3.806	-4. 157	1. 00	0.00 C
	ATOM	313	C	VAL A	A	26143. 397	-4. 834	-5. 227	1. 00	0.00 C
10	ATOM	314	0	VAL A	A	26143. 403	-6. 038	-4. 971	1. 00	0.000
	ATOM	315	CB	VAL A	A	26145. 261	-3. 520	-4. 216	1. 00	0. 00 C
	ATOM	316	CG1	VAL A	A	26145. 630	-2.857	-5. 534	1. 00	0. 00 C
	ATOM	317	CG2	VAL A	A	26145. 688	-2.657	-3. 038	1. 00	0. 00 C
	ATOM	318	H	VAL A	A	26143.721	-5. 100	-2. 482	1. 00	0.00 H
15	ATOM	319	HA	VAL .	A	26143. 221	-2. 886	-4. 366	1. 00	0.00 H
	ATOM	320	HB	VAL .	A	26145. 788	-4. 461	-4. 153	1. 00	0.00 H
	ATOM	321	1HG1	VAL .	A	26144. 767	-2. 343	-5. 931	1. 00	0.00 H
	ATOM	322	2HG1	VAL	A	26145. 957	-3.609	-6. 236	1. 00	0.00 H
	ATOM	323	3HG1	VAL	A	26146. 427	-2. 146	-5. 370	1. 00	0.00 H
20	ATOM	324	1HG2	VAL	A	26145. 118	-1. 739	-3. 039	1. 00	0.00 H
	ATOM	325	2HG2	VAL	A	26146. 740	-2. 427	-3. 122	1. 00	0.00 H
	ATOM	326	3HG2	VAL	A	26145. 508	-3. 190	-2. 117	1. 00	0.00 H
	ATOM	327	N	LYS	A	27143. 090	-4. 350	-6. 425	1. 00	0.00 N
	ATOM	328	CA	LYS	A	27142. 735	-5. 226	-7. 536	1. 00	0.00 C
25	ATOM	329	С	LYS	A	27143. 971	-5. 609	-8. 343	1. 00	0.00 C
	ATOM	330	0	LYS	A	27144. 276	-4. 991	-9.362	1. 00	0.000
	ATOM	331	CB	LYS	A	27141. 708	-4. 544	-8. 443	1. 00	0. 00 C
	ATOM	332	CG	LYS	A	27140. 274	-4. 963	-8. 160	1. 00	0.00 C
	ATOM	333	CD	LYS	A	27139. 289	-4. 199	-9.032	1. 00	0. 00 C

							158			
	ATOM	334	CE	LYS A	l	27138. 175	-5. 101	-9. 536	1. 00	0.00 C
	ATOM	335	NZ	LYS A	l	27138. 653	-6. 038	-10. 591	1. 00	0.00 N
	ATOM	336	H	LYS A	l	27143. 103	-3. 380	-6. 567	1. 00	0.00 H
	ATOM	337	HA	LYS A	I	27142. 297	-6. 123	-7. 123	1. 00	0.00 H
5	ATOM	338	1HB	LYS A	I	27141. 781	-3. 475	-8. 309	1. 00	0.00 H
	ATOM	339	2HB	LYS A	A	27141. 934	-4. 786	-9. 470	1. 00	0.00 H
	ATOM	340	1HG	LYS A	ł	27140. 171	-6. 019	-8. 360	1. 00	0.00 H
	ATOM	341	2HG	LYS A	A	27140. 050	-4. 766	-7. 122	1. 00	0.00 H
	ATOM	342	1HD	LYS A	4	27138. 855	-3. 399	-8. 451	1. 00	0. 00 H
10	ATOM	343	2HD	LYS A	A	27139. 818	-3. 785	-9. 879	1. 00	0.00 H
	ATOM	344	1HE	LYS A	A	27137. 790	-5. 675	-8. 707	1. 00	0.00 H
	ATOM	345	2HE	LYS A	A	27137. 388	-4. 486	-9. 945	1. 00	0.00 H
	ATOM	346	1HZ	LYS A	A	27139. 312	-5. 550	-11. 231	1. 00	0.00 H
	ATOM	347	2HZ	LYS A	A	27137. 849	-6. 394	-11. 145	1. 00	0.00 H
15	ATOM	348	3HZ	LYS A	A	27139. 145	-6. 845	-10. 156	1. 00	0. 00 H
	ATOM	349	N	GLU A	A	28144. 679	-6. 635	-7. 880	1. 00	0. 00 N
	ATOM	350	CA	GLU A	A	28145. 883	-7. 101	-8. 559	1. 00	0.00 C
	ATOM	351	C	GLU A	A	28145. 850	-8. 615	-8. 743	1. 00	0. 00 C
	ATOM	352	0	GLU A	A	28144. 881	-9. 276	-8. 371	1. 00	0.000
20	ATOM	353	CB	GLU A	A	28147. 129	-6. 694	-7. 770	1. 00	0. 00 C
	ATOM	354	CG	GLU .	A	28148. 209	-6. 054	-8. 627	1. 00	0. 00 C
	ATOM	355	CD	GLU .	A	28147. 852	-4. 643	-9. 054	1. 00	0. 00 C
	ATOM	356	0E1	GLU .	A	28147. 828	-4. 382	-10. 276	1. 00	0.000
	ATOM	. 357	0E2	GLU .	A	28147. 598	-3. 801	-8. 168	1. 00	0.000
25	ATOM	358	H	GLU	A	28144. 386	-7. 089	-7.063	1. 00	0. 00 H
	ATOM	359	HA	GLU	A	28145. 915	-6. 634	-9. 532	1. 00	0.00 H
	ATOM	360	·1HB	GLU	A	28146. 842	-5. 989	-7. 005	1. 00	0. 00 H
	ATOM	361	2HB	GLU	A	28147. 548	-7. 573	-7. 299	1. 00	0. 00 H
	ATOM	362	1HG	GLU	A	28149. 127	-6. 021	-8.060	1. 00	0. 00 H

	WO 2004/0.	16/81				159)		PCT	/JP2003/010
	ATOM	363	2HG	GLU	A			. 511 1.	. 00	0. 00 H
	ATOM	364	N	ASN	A	29146. 918 -9	. 159 -9	. 319 1.	. 00	0. 00 N
	ATOM	365	CA	ASN	A	29147. 013 -10	. 595 -9	. 551 1.	. 00	0. 00 C
	ATOM	366	C	ASN	A	29147. 022 -11	. 360 -8	. 230 1.	. 00	0. 00 C
5	ATOM	367	0	ASN	A	29146. 158 -12	2. 203 -7	. 987 1	. 00	0.000
	ATOM	368	CB	ASN	A	29148. 275 -10	. 920 -10	. 354 1	. 00	0. 00 C
	ATOM	369	CG	ASN	A	29147. 996 -11	. 056 -11	. 838 1	. 00	0.00 C
	ATOM	370	OD 1	ASN	A	29147. 912 -12	2. 164 -12	. 367 1	. 00	0.000
	ATOM ·	371	ND2	ASN	A	29147. 853 -9	0. 925 -12	. 519 1	. 00	0.00 N
10	ATOM	372	H	ASN	A	29147. 660 -8	3. 580 -9	. 594 1	. 00	0.00 H
	ATOM	373	HA	ASN	A	29146. 146 -10). 896 <i>-</i> 10	. 121 1	. 00	0.00 H
	ATOM	374	1HB	ASN	A	29148. 997 -10). 130 -10	214 1	. 00	0.00 H
	ATOM	375	2HB	ASN	A	29148. 691 -11	1.852 -9	9. 998 1	. 00	0.00 H
	ATOM	376	1HD2	ASN	A	29147. 934 -9	9. 078 -12	2. 031 1	. 00	0.00 H
15	ATOM	377	2HD2	ASN	A	29147. 672 -9	9. 983 -13	3. 480 1	. 00	0. 00 H
	ATOM	378	N	PRO	A	30148. 002 -1	1. 075 -7	7. 356 1	. 00	0.00 N
	ATOM	379	CA	PRO	A	30148. 120 -1	1. 741 -6	6. 056 1	. 00	0.00 C
	ATOM	380	C	PR0	A	30147. 114 -1	1. 205 -	5. 038 1	. 00	0. 00 C
	ATOM	381	0	PRO	A	30147. 237 -10	0. 072 -4	4. 573 1	. 00	0.000
20	ATOM	382	CB	PRO	A	30149. 546 -1	1. 404 -	5. 625 1	. 00	0.00 C
	ATOM	383	CG	PRO	A	30149. 829 -1	0. 088 -0	3. 263 1	. 00	0. 00 C
	ATOM	384	CD	PRO	A	30149. 076 -1	0. 083 –	7. 567	l. 00	0.00 C
	ATOM	385	HA	PRO	A	30148. 011 -1	2. 810 -	6. 147	1. 00	0. 00 H
	ATOM	386	1HB	PRO	A	30149. 593 -1	1. 340 -	4. 546	1. 00	0.00 H
25	ATOM	387	2HB	PRO	A	30150. 223 -1	2. 167 -	5. 977	l. 00	0.00 H
	ATOM	388	1HG	PRO	A	30149. 481 -	9. 289 -	5. 626	1. 00	0.00 H
	ATOM	389	2HG	PRO	A	30150. 890 -	9. 989 -	6. 444	1. 00	0.00 H
	ATOM	390	1HD	PRO	A	30148. 662 -	9. 105	7. 757	1. 00	0.00 H
	ATOM	391	2HD	PRO) A	30149. 722 -1	0. 382 -	8. 377	1. 00	0.00 H

							160			
	ATOM	392	N	PRO	A	31146. 100	-12. 014	-4.676	1. 00	0.00 N
	ATOM	393	CA	PRO	A	31145. 077	-11. 606	-3. 707	1. 00	0.00 C
	ATOM	394	C	PR0	A	31145. 637	-11. 476	-2. 293	1. 00	0.00 C
	ATOM	395	0	PRO	A	31145. 647	-12. 440	-1. 529	1. 00	0.000
5	ATOM	396	CB	PRO	A	31144. 050	-12. 738	-3. 773	1. 00	0.00 C
	ATOM	397	CG	PRO	A	31144. 818	-13. 920	-4. 250	1. 00	0.00 C
	ATOM	398	CD	PRO	A	31145. 872	-13. 382	-5. 177	1. 00	0.00 C
	ATOM	399	HA	PRO	A	31144. 611	-10. 675	-3. 994	1. 00	0.00 H
	ATOM	400	1HB	PRO	A	31143. 633	-12. 906	-2.791	1. 00	0.00 H
10	ATOM	401	2HB	PR0	A	31143. 263	-12. 474	-4. 464	1. 00	0.00 H
	ATOM	402	1HG	PRO	A	31145. 278	-14. 423	-3. 411	1. 00	0.00 H
	ATOM	403	2HG	PRO	A	31144. 163	-14. 596	-4. 779	1. 00	0.00 H
	ATOM	404	1HD	PRO	A	31146. 773	-13. 973	-5. 109	1. 00	0.00 H
	ATOM	405	2HD	PRO	A	31145. 507	-13. 363	-6. 193	1. 00	0.00 H
15	ATOM	406	N	PHE	A	32146. 101	-10. 278	-1. 955	1. 00	0.00 N
	ATOM	407	CA	PHE	A	32146. 662	-10.020	-0.634	1. 00	0.00 C
	ATOM	408	C	PHE	A	32145. 773	-9.069	0. 160	1. 00	0.00 C
	ATOM	409	0	PHE	A	32144. 803	-8. 524	-0.368	1. 00	0.000
	ATOM	410	CB	PHE	A	32148. 070	-9. 434	-0.760	1. 00	0.00 C
20	ATOM	411	CG	PHE	A	32148. 162	-8. 301	-1. 742	1. 00	0. 00 C
	ATOM	412	CD1	PHE	A	32148. 899	-8. 435	-2.907	1. 00	0.00 C
	ATOM	413	CD2	PHE	A	32147. 511	-7. 102	-1. 499	1. 00	0.00 C
	ATOM	414	CE1	PHE	A	32148. 985	-7. 394	-3. 813	1. 00	0.00 C
	ATOM	415	CE2	PHE	A	32147. 593	-6. 057	-2. 400	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	416	CZ	PHE	A	32148. 331	-6. 203	-3. 558	1. 00	0. 00 C
	ATOM	417	H	PHE	A	32146. 065	-9. 548	-2.609	1. 00	0.00 H
	ATOM	418	HA	PHE	A	32146. 721	-10. 962	-0. 109	1. 00	0.00 H
	ATOM	419	1HB	PHE	A	32148. 386	-9.064	0. 204	1. 00	0.00 H
	ATOM	420	2HB	PHE	A	32148. 748	-10. 211	-1. 083	1. 00	0.00 H

						161			
	ATOM	421	HD1	PHE A	32149. 409	-9. 365	-3. 107	1. 00	0.00 H
	ATOM	422	HD2	PHE A	32146. 933	-6. 987	-0. 593	1. 00	0.00 H
	ATOM	423	HE 1	PHE A	32149. 563	-7. 510	-4. 717	1. 00	0.00 H
	ATOM	424	HE2	PHE A	32147. 082	-5. 128	-2. 199	1. 00	0.00 H
5	ATOM	425	HZ	PHE A	32148. 397	-5. 389	-4. 264	1. 00	0.00 H
	ATOM	426	N	TYR A	33146. 109	-8. 875	1. 431	1. 00	0.00 N
	ATOM	427	CA	TYR A	33145. 340	-7. 989	2. 298	1. 00	0.00 C
	ATOM	428	C	TYR A	33146. 263	-7. 088	3. 112	1. 00	0.00 C
	ATOM	429	0	TYR A	33147. 282	-7. 538	3. 635	1. 00	0.000
10	ATOM	430	CB	TYR A	33144. 448	-8. 807	3. 236	1. 00	0. 00 C
	ATOM	431	CG	TYR A	33143. 132	-9. 218	2. 616	1. 00	0.00 C
	ATOM	432	CD1	TYR A	33142. 336	-8. 293	1. 954	1. 00	0.00 C
	ATOM	433	CD2	TYR A	33142. 687	-10. 531	2. 692	1. 00	0. 00 C
	ATOM	434	CE1	TYR A	33141. 131	-8.664	1. 386	1. 00	0.00 C
15	ATOM	435	CE2	TYR A	33141. 485	-10. 911	2. 126	1. 00	0. 00 C
	ATOM	436	CZ	TYR A	33140. 711	-9. 974	1. 474	1. 00	0. 00 C
	ATOM	437	ОН	TYR A	33139. 514	-10. 348	0. 910	1. 00	0.000
	ATOM	438	H	TYR A	33146. 892	-9. 337	1. 795	1. 00	0. 00 H
	ATOM	439	HA	TYR A	33144. 715	-7. 371	1. 670	1. 00	0.00 H
20	ATOM	440	1HB	TYR A	33144. 972	-9. 705	3. 527	1. 00	0.00 H
	ATOM	441	2HB	TYR A	33144. 233	-8. 221	4. 117	1. 00	0. 00 H
	ATOM	442	HD 1	I TYR A	33142. 667	-7. 267	1. 885	1. 00	0.00 H
	ATOM	443	HD	2 TYR A	33143. 295	-11. 264	3. 203	1. 00	0.00 H
	ATOM	444	HE	1 TYR A	33140. 527	-7. 930	0.875	1. 00	0.00 H
25	ATOM	445	HE	2 TYR A	33141. 156	-11. 937	2. 196	1. 00	0.00 H
	ATOM	446	HH	TYR A	33139. 057	-10. 955	1. 498	1. 00	0.00 H
	ATOM	447	N	GLY A	34145. 899	-5. 814	3. 214	1. 00	0.00 N
	ATOM	448	CA	GLY A	34146. 705	-4. 871	3. 966	1. 00	0.00 C
	ATOM	449	C	GLY A	34145. 905	-3. 675	4. 442	1. 00	0.00 C

	WO 2004 /0	16781				162		РСТ	/JP2003/010288
	ATOM	450	0	GLY A	34144. 740	-3. 513	4. 077	1. 00	0.000
	ATOM	451	H	GLY A	34145. 075	-5. 513	2. 776	1. 00	0.00 H
	ATOM	452	1HA	GLY A	34147. 123	-5. 375	4. 825	1. 00	0.00 H
	ATOM	453	2HA	GLY A	34147. 511	-4. 524	3. 338	1. 00	0.00 H
5	ATOM	454	N	VAL A	35146. 531	-2. 835	5. 261	1. 00	0.00 N
	ATOM	455	CA	VAL A	35145. 870	-1. 647	5. 789	1. 00	0.00 C
	ATOM	456	C	VAL A	35146. 552	-0.375	5. 292	1. 00	0.00 C
	ATOM	457	0	VAL A	35147. 766	-0. 345	5. 095	1. 00	0.000
	ATOM	458	CB	VAL A	35145. 861	-1. 649	7. 330	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	459	CG1	VAL A	35147. 281	-1. 641	7. 878	1. 00	0.00 C
	ATOM	460	CG2	VAL A	35145. 069	-0. 464	7. 864	1. 00	0.00 C
	ATOM	461	H	VAL A	35147. 459	-3.018	5. 515	1. 00	0.00 H
	ATOM	462	HA	VAL A	35144. 846	-1. 653	5. 443	1. 00	0.00 H
	ATOM	463	HB	VAL A	35145. 378	-2.556	7. 665	1. 00	0.00 H
15	ATOM	464	1HG1	VAL A	35147. 861	-0.890	7. 361	1. 00	0.00 H
	ATOM	465	2HG1	VAL A	35147. 730	-2.611	7. 726	1. 00	0.00 H
	ATOM .	466	3HG1	VAL A	35147. 259	-1. 415	8. 934	1.00	0.00 H
	ATOM	467	1HG2	VAL A	35144. 397	-0. 107	7. 098	1.00	0.00 H
	ATOM	468	2HG2	VAL A	35145. 749	0.326	8. 144	1. 00	0.00 H
20	ATOM	469	3HG2	VAL A	35144. 500	-0.772	8.729	1.00	0.00 H
	ATOM	470	N	ILE A	36145. 761	0.675	5. 093	1.00	0.00 N
	ATOM	471	CA	ILE A	36146. 289	1. 949	4. 620	1.00	0. 00 C
	ATOM	472	C	ILE A	36147. 261	2. 548	5. 632	1. 00	0. 00 C
	ATOM	473	0	ILE A	36147. 108	2. 361	6.840	1. 00	0.000
25	ATOM	474	CB	ILE A	36145. 160	2. 962	4. 345	1. 00	0. 00 C
	ATOM	475	CG1	ILE A	36144. 100	2. 342	3. 431	1. 00	0. 00 C
	ATOM	476	CG2	ILE A	36145. 726	4. 232	3. 724	1. 00	0. 00 C
	ATOM	477	CD1	ILE A	36142. 962	3. 283	3. 101	1. 00	0.00 C
	ATOM	478	H	ILE A	36144. 801	0. 591	5. 268	1. 00	0.00 H

							105			
	ATOM	479	HA	ILE	A	36146. 816	1. 768	3. 695	1. 00	0.00 H
	ATOM	480	HB	ILE	A	36144. 704	3. 224	5. 288	1. 00	0.00 H
	ATOM	481	1HG1	ILE	A	36144. 564	2. 046	2. 502	1. 00	0.00 H
	ATOM	482	2HG1	ILE	A	36143. 683	1. 472	3.913	1. 00	0.00 H
5	ATOM	483	1HG2	ILE	A	36146. 440	4. 677	4. 402	1. 00	0.00 H
	ATOM	484	2HG2	ILE	A	36144. 923	4. 930	3. 538	1. 00	0.00 H
	ATOM	485	3HG2	ILE	A	36146. 216	3. 989	2. 794	1. 00	0.00 H
	ATOM	486	1HD1	ILE	A	36143. 360	4. 209	2.712	1. 00	0.00 H
	ATOM	487	2HD1	ILE	A	36142. 390	3. 485	3. 995	1. 00	0.00 H
10	ATOM	488	3HD1	ILE	A	36142. 321	2. 827	2. 360	1. 00	0. 00 H
	ATOM	489	N	ARG	A	37148. 260	3. 266	5. 132	1. 00	0.00 N
	ATOM	490	CA	ARG	A	37149. 257	3. 890	5. 993	1. 00	0.00 C
	ATOM	491	С	ARG	A	37149. 449	5. 360	5.629	1. 00	0.00 C
	ATOM	492	0	ARG	A	37149. 125	6. 251	6. 413	1. 00	0.000
15	ATOM	493	CB	ARG	A	37150. 590	3. 149	5. 885	1. 00	0.00 C
	ATOM	494	CG	ARG	A	37150. 463	1. 645	6.063	1. 00	0.00 C
	ATOM	495	CD	ARG	A	37150. 492	1. 254	7. 532	1. 00	0.00 C
	ATOM	496	NE	ARG	A	37149. 280	1. 671	8. 234	1. 00	0.00 N
	ATOM	497	CZ	ARG	A	37149. 190	1. 779	9. 558	1. 00	0.00 C
20	ATOM	498	NH1	ARG	A	37150. 236	1. 502	10. 326	1. 00	0.00 N
	ATOM	499	NH2	ARG	A	37148. 049	2. 166	10. 114	1. 00	0.00 N
	ATOM	500	H	ARG	A	37148. 330	3. 378	4. 161	1. 00	0.00 H
	ATOM	501	HA	ARG	A	37148. 903	3. 828	7. 011	1. 00	0.00 H
	ATOM	502	1HB	ARG	A	37151. 018	3. 340	4. 912	1. 00	0.00 H
25	ATOM	503	2HB	ARG	A	37151. 261	3. 524	6.644	1. 00	0.00 H
	ATOM	504	1HG	ARG	A	37149. 529	1. 318	5. 633	1. 00	0.00 H
	ATOM	505	2HG	ARG	A	37151. 286	1. 161	5. 556	1. 00	0.00 H
	ATOM	506	1HD	ARG	A	37150. 587	0. 181	7. 604	1. 00	0.00 H
	ATOM	507	2HD	ARG	A	37151. 345	1. 722	7. 999	1. 00	0.00 H

38152. 519

9. 986

-1.984

1. 00

0.00 H

HH2 TRP A

MOTA

536

	•	010.01				165			,
	ATOM	537	N	ILE A	39148. 726	8. 338	2. 631	1. 00	0.00 N
	ATOM	538	CA	ILE A	39147. 967	8. 719	1. 446	1. 00	0.00 C
	ATOM	539	C	ILE A	39148. 411	10. 088	0. 940	1. 00	0.00 C
	ATOM	540	0	ILE A	39148. 093	11. 113	1. 541	1. 00	0.000
5	ATOM	541	CB	ILE A	39146. 454	8. 753	1. 731	1. 00	0. 00 C
	ATOM	542	CG1	ILE A	39146. 012	7. 460	2. 417	1. 00	0. 00 C
	ATOM	543	CG2	ILE A	39145. 675	8. 969	0. 442	1. 00	0. 00 C
	ATOM	544	CD1	ILE A	39144. 676	7. 574	3. 117	1. 00	0.00 C
	ATOM	545	H	ILE A	39148. 697	8. 917	3. 421	1. 00	0.00 H
10	ATOM	546	HA	ILE A	39148. 154	7. 983	0.677	1. 00	0.00 H
	ATOM	547	HB	ILE A	39146. 253	9. 587	2. 386	1. 00	0.00 H
	ATOM	548	1HG1	ILE A	39145. 933	6. 677	1. 678	1. 00	0.00 H
	ATOM	549	2HG1	ILE A	39146. 751	7. 181	3. 154	1. 00	0.00 H
	ATOM	550	1HG2	ILE A	39144. 625	8. 799	0.623	1. 00	0.00 H
15	ATOM	551	2HG2	ILE A	39146. 028	8. 278	-0. 310	1. 00	0.00 H
	ATOM	552	3HG2	ILE A	39145. 822	9. 982	0. 098	1. 00	0.00 H
	ATOM	553	1HD1	ILE A	39144. 179	8. 477	2. 800	1. 00	0.00 H
	ATOM	554	2HD1	ILE A	39144. 830	7. 604	4. 186	1. 00	0.00 H
	ATOM	555	3HD1	ILE A	39144. 064	6. 719	2.866	1. 00	0.00 H
20	ATOM	556	N	GLY A	40149. 152	10. 097	-0. 164	1. 00	0.00 N
	ATOM	557	CA	GLY A	40149. 630	11. 349	-0.720	1. 00	0. 00 C
	ATOM	558	C	GLY A	40150. 140	11. 202	-2. 140	1. 00	0.00 C
	ATOM	559	0	GLY A	40149. 996	10. 144	-2. 755	1. 00	0.000
	ATOM	560	H	GLY A	40149. 379	9. 250	-0. 599	1. 00	0.00 H
25	ATOM	561	1HA	GLY A	40148. 823	12.064	-0. 713	1. 00	0.00 H
	ATOM	562	2HA	GLY A	40150. 431	11. 721	-0. 100	1. 00	0.00 H
	ATOM	563	N	GLN A	41150. 738	12. 268	-2. 659	1. 00	0.00 N
	ATOM	564	CA	GLN A	41151. 275	12. 266	-4. 014	1. 00	0. 00 C
	ATOM	565	C	GLN A	41152.744	12. 682	-4. 013	1. 00	0.00 C

	WU 2004/	010/81						PCI	JF 2003/010
						166		•	
	ATOM	566	0	GLN A	41153. 073	13. 816	-3. 661	1. 00	0.000
	ATOM	567	CB	GLN A	41150. 463	13. 213	-4. 899	1. 00	0. 00 C
	ATOM	568	CG	GLN A	41148. 960	13. 014	-4. 785	1. 00	0. 00 C
	ATOM	569	CD	GLN A	41148. 199	14. 324	-4. 770	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	570	0E1	GLN A	41148. 192	15. 042	-3. 770	1. 00	0.000
	ATOM	571	NE2	GLN A	41147. 550	14. 643	-5. 884	1. 00	0.00 N
	ATOM	572	H	GLN A	41150. 820	13. 080	-2. 117	1. 00	0.00 H
	ATOM	573	HA	GLN A	41151. 192	11. 264	-4. 405	1. 00	0.00 H
	ATOM	574	1HB	GLN A	41150. 692	14. 230	-4. 618	1. 00	0.00 H
10	ATOM	575	2HB	GLN A	41150.750	13. 060	-5. 927	1. 00	0.00 H
	ATOM	576	1HG	GLN A	41148. 623	12. 428	-5.626	1. 00	0.00 H
	ATOM	577	2HG	GLN A	41148. 750	12. 481	-3.869	1. 00	0.00 H
	ATOM	578	1HE2	GLN A	41147. 599	14. 024	-6.642	1. 00	0.00 H
	ATOM	579	2HE2	GLN A	41147. 049	15. 485	-5.903	1. 00	0.00 H
15	ATOM	580	N	PRO A	42153. 655	11. 772	-4. 405	1. 00	0. 00 N
	ATOM	581	CA	PRO A	42155. 092	12. 061	-4. 440	1. 00	0.00 C
	ATOM	582	C	PRO A	42155. 420	13. 259	-5. 326	1. 00	0.00 C
	ATOM	583	0	PRO A	42154. 629	13. 637	-6. 191	1. 00	0.000
	ATOM	584	CB	PRO A	42155. 706	10. 783	-5. 022	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	585	CG	PRO A	42154. 698	9. 719	-4. 754	1. 00	0. 00 C
	ATOM	586	CD.	PRO A	42153. 361	10. 395	-4. 841	1. 00	0.00 C
	ATOM	587	HA	PRO A	42155. 484	12. 233	-3. 448	1. 00	0.00 H
	ATOM	588	1HB	PRO A	42155. 874	10. 911	-6. 081	1. 00	0.00 H
	ATOM	589	2HB	PRO A	42156. 642	10. 573	-4. 526	1. 00	0.00 H
25	ATOM	590	1HG	PRO A	42154.776	8. 942	-5. 499	1. 00	0. 00 H
	ATOM	591	2HG	PRO A	42154. 848	9. 311	-3. 765	1. 00	0. 00 H
	ATOM	592	1HD	PRO A	42152. 996	10. 381	-5. 857	1. 00	0. 00 H
	ATOM	593	2HD	PRO A	42152. 653	9. 922	-4. 176	1. 00	0. 00 H

ATOM 594 N PRO A 43156.595 13.876 -5.121 1.00 0.00 N

	WO 2004	/016781)		167		PCT	/JP2003/010288
	ATOM	595	CA	PRO A	43157. 024	15. 037	-5. 905	1. 00	0. 00 C
	ATOM	596	С	PRO A	43157. 402	14. 663	-7. 333	1. 00	0. 00 C
	ATOM	597	0	PRO A	43158. 567	14. 392	-7. 627	1. 00	0.00 0
	ATOM	598	СВ	PRO A	43158. 249	15. 545	-5. 146	. 1. 00	0.00 C
5	ATOM	599	CG	PRO A	43158. 788	14. 344	-4. 449	1. 00	0. 00 C
	ATOM	600	CD	PRO A	43157. 597	13. 489	-4. 110	1. 00	0.00 C
	ATOM	601	HA	PRO A	43156. 264	15. 804	-5. 924	1. 00	0.00 H
	ATOM	602	1HB	PRO A	43158. 965	15. 950	-5. 847	1. 00	0.00 H
	ATOM	603	2HB	PRO A	43157. 951	16. 307	-4. 443	1. 00	0.00 H
10	ATOM	604	1HG	PRO A	43159. 457	13. 808	-5. 107	1. 00	0.00 H
	ATOM	605	2HG	PRO A	43159. 304	14. 642	-3. 549	1. 00	0.00 H
	ATOM	606	1HD	PRO - A	43157. 847	12. 442	-4. 196	1. 00	0.00 H
	ATOM	607	2HD	PRO A	43157. 244	13. 713	-3. 114	1. 00	0.00 H
	ATOM	608	N	GLY A	44156. 412	14. 650	-8. 219	1. 00	0.00 N
15	ATOM	609	CA	GLY A	44156.666	14. 309	-9. 605	1. 00	0.00 C
	ATOM	610	C	GLY A	44155. 424	13. 817	-10.320	1. 00	0.00 C
	ATOM	611	0	GLY A	44155. 089	14. 302	-11. 401	1. 00	0.000
	ATOM	612	H	GLY A	44155. 503	14. 876	-7. 929	1. 00	0.00 H
	ATOM	613	1HA	GLY A	44157. 039	15. 183	-10. 117	1. 00	0.00 H
20	ATOM	614	2HA	GLY A	44157. 418	13. 535	-9. 641	1. 00	0.00 H
	ATOM	615	N	LEU A	45154. 738	12. 852	-9. 716	1. 00	0.00 N
	ATOM	616	CA	LEU A	45153. 525	12. 298	-10. 306	1. 00	0.00 C
	ATOM	617	C	LEU A	45152. 337	12. 469	-9. 368	1. 00	0.00 C
	ATOM	618	0	LEU A	45152. 290	11. 867	-8. 297	1. 00	0.000
25	ATOM	619	CB	LEU A	45153. 722	10. 815	-10.630	1. 00	0.00 C
	ATOM	620	CG	LEU A	45154. 338	9. 984	-9. 503	1. 00	0.00 C
	ATOM	621	CD1	LEU A	45154. 029	8. 505	-9. 697	1. 00	0.00 C
	ATOM	622	CD2	LEU A	45155. 842	10. 216	-9. 432	1. 00	0.00 C
	ATOM	623	H	LEU A	45155.053	12. 507	-8. 852	1. 00	0.00 H

							168		
	ATOM	624	HA	LEU	A	45153.326	12. 833 -11. 222	1. 00	0.00 H
	ATOM	625	1HB	LEU .	A	45152.760	10. 391 -10. 877	1. 00	0.00 H
	ATOM	626	2HB	LEU .	A	45154. 364	10. 739 -11. 495	1. 00	0.00 H
	ATOM	627	HG	LEU .	A	45153. 907	10. 292 -8. 561	1. 00	0.00 H
5	ATOM	628	1HD1	LEU .	A	45153. 531	8. 361 -10. 644	1. 00	0.00 H
	ATOM	629	2HD1	LEU	A	45153. 386	8. 164 -8. 898	1. 00	0.00 H
	ATOM	630	3HD1	LEU	A	45154. 949	7. 939 -9. 684	1. 00	0.00 H
	ATOM	631	1HD2	LEU	A	45156.072	10. 818 -8. 566	1. 00	0.00 H
	ATOM	632	2HD2	LEU	A	45156. 170	10. 728 -10. 324	1. 00	0.00 H
10	ATOM	633	3HD2	LEU	A	45156. 351	$9.\ 266 -9.\ 355$	1. 00	0.00 H
	ATOM	634	N	ASN	A	46151. 375	13. 292 -9. 776	1. 00	0.00 N
	ATOM	635	CA	ASN	A	46150. 192	13. 528 -8. 962	1. 00	0.00 C
	ATOM	636	C	ASN	A	46149. 268	12. 316 -9. 000	1. 00	0.00 C
•	ATOM	637	0	ASN	A	46148. 624	12. 044 -10. 013	1. 00	0.000
15	ATOM	638	CB	ASN	A	46149. 446	14. 769 -9. 454	1. 00	0. 00 C
	ATOM	639	CG	ASN	A	46148. 709	15. 484 -8. 339	1. 00	0. 00 C
	ATOM	640	OD1	ASN	A	46147. 479	15. 539 -8. 328	1. 00	0.000
	ATOM	641	ND2	ASN	A	46149. 460	16. 036 -7. 393	1. 00	0.00 N
	ATOM	642	H	ASN	A	46151. 462	13. 744 -10. 641	1. 00	0.00 H
20	ATOM	643	HA	ASN	A	46150. 513	13. 691 -7. 944	1. 00	0.00 H
	ATOM	644	1HB	ASN	A	46150. 154	15. 457 -9. 891	1. 00	0.00 H
	ATOM	645	2HB	ASN	A	46148. 727	14. 474 -10. 206	1. 00	0.00 H
	ATOM	646	1HD2	ASN	A	46150. 433	15. 953 -7. 468	1. 00	0. 00 H
	ATOM	647	2HD2	ASN	A	46149. 009	16. 505 -6. 660	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	648	N	GLU	A	47149. 212	11. 591 -7. 889	1. 00	0. 00 N
	ATOM	649	CA	GLU	A	47148. 370	10. 404 -7. 789	1. 00	0. 00 C
	ATOM	650	С	GLU	A	47148. 235	9. 958 -6. 339	1. 00	0.00 C
	ATOM	651	0	GLU	A	47149. 230	9. 655 -5. 679	1. 00	0.000
	ATOM	652	CB	GLU	A	47148. 948	9. 266 -8. 634	1. 00	0. 00 C

				•		169		,	
	ATOM	653	CG	GLU A	47150. 467	9. 182	-8. 595	1. 00	0.00 C
	ATOM	654	CD	GLU A	47151. 033	8. 332	-9. 715	1. 00	0.00 C
	ATOM	655	0E1	GLU A	47151. 096	8. 825	-10. 861	1. 00	0.000
	ATOM	656	0E2	GLU A	47151. 415	7. 173	-9. 446	1. 00	0.000
5	ATOM	657	H	GLU A	47149. 752	11. 859	-7. 117	1. 00	0.00 H
	ATOM	658	HA	GLU A	47147. 392	10.660	-8. 167	1. 00	0.00 H
	ATOM	659	1HB	GLU A	47148. 550	8. 329	-8. 275	1. 00	0.00 H
	ATOM	660	2HB	GLU A	47148. 645	9. 405	-9.662	1. 00	0.00 H
	ATOM	661	1HG	GLU A	47150. 872	10. 179	-8. 681	1. 00	0.00 H
10	ATOM	662	2HG	GLU A	47150. 768	8. 755	-7.650	1. 00	0.00 H
	ATOM	663	N	VAL A	48147. 003	9. 912	-5. 846	1. 00	0.00 N
	ATOM	664	CA	VAL A	48146. 751	9. 495	-4. 473	1. 00	0. 00 C
	ATOM	665	C	VAL A	48147. 166	8. 044	-4. 268	1. 00	0. 00 C
	ATOM	666	0	VAL A	48146. 436	7. 121	-4. 633	1. 00	0.000
15	ATOM	667	CB	VAL A	48145. 266	9. 655	-4. 096	1. 00	0. 00 C
	ATOM	668	CG1	VAL A	48145. 057	9. 375	-2. 616	1. 00	0.00 C
	ATOM	669	CG2	VAL A	48144. 768	11. 047	-4. 457	1. 00	0.00 C
	ATOM	670	H	VAL A	48146. 248	10. 161	-6. 418	1. 00	0.00 H
	ATOM	671	HA	VAL A	48147. 340	10. 123	-3. 819	1. 00	0.00 H
20	ATOM	672	HB	VAL A	48144. 693	8. 934	-4. 661	1. 00	0.00 H
	ATOM	673	1HG1	VAL A	48145. 200	8. 321	-2. 425	1. 00	0.00 H
	ATOM	674	2HG1	VAL A	48144. 055	9. 659	-2. 334	1. 00	0.00 H
	ATOM	675	3HG1	VAL A	48145. 769	9. 945	-2. 037	1. 00	0.00 H
	ATOM	676	1HG2	VAL A	48145. 443	11. 500	-5. 168	1. 00	0.00 H
25	ATOM	677	2HG2	VAL A	48144. 724	11.656	-3. 566	1. 00	0.00 H
	ATOM	678	3HG2	VAL A	48143. 783	10. 975	-4. 893	1. 00	0.00 H
	ATOM	679	N	LEU A	49148. 343	7. 846	-3. 684	1. 00	0.00 N
	ATOM	680	CA	LEU A	49148. 856	6. 506	-3. 434	1. 00	0.00 C
	ATOM	681	C	LEU A	49148. 772	6. 164	-1. 953	1. 00	0.00 C

	WO 2004/016781			•			PCT/JP2003/01			
	A TOM	eon		וות ז		40140 490	170	1 104	1 00	0 00 0
	ATOM	682	0		A	49149. 439	6. 784	-1. 124	1. 00	0.000
	ATOM	683	CB		A	49150. 304	6. 392	-3. 915	1. 00	0. 00 C
	ATOM	684	CG	LEU		49150. 503	6. 575	-5. 421	1. 00	0.00 C
	ATOM	685	CD1	LEU	A	49151. 948	6. 937	-5. 729	1. 00	0.00 C
5	ATOM	686	CD2	LEU	A	49150. 097	5. 313	-6. 168	1. 00	0.00 C
	ATOM	687	H	LEU	A	49148. 880	8. 621	-3. 416	1. 00	0.00 H
	ATOM	688	HA	LEU	A	49148. 246	5. 808	-3. 988	1. 00	0.00 H
	ATOM	689	1HB	LEU	A	49150. 892	7. 140	-3. 402	1. 00	0.00 H
	ATOM	690	2HB	LEU	A	49150.677	5. 416	-3.642	1. 00	0.00 H
10	ATOM	691	HG	LEU	A	49149. 875	7. 384	-5. 765	1. 00	0.00 H
	ATOM	692	1HD1	LEU	A	49151. 984	7. 547	-6. 619	1. 00	0.00 H
	ATOM	693	2HD1	LEU	A	49152. 519	6. 035	-5.886	1.00	0.00 H
	ATOM	694	3HD1	LEU	A	49152. 366	7. 487	-4. 898	1. 00	0.00 H
	ATOM	695	1HD2	LEU	A	49149. 362	4. 774	-5. 589	1. 00	0.00 H
15	ATOM	696	2HD2	LEU	A	49150. 966	4. 689	-6.318	1. 00	0.00 H
	ATOM	697	3HD2	LEU	A	49149. 676	5. 581	-7. 125	1. 00	0.00 H
	ATOM	698	N	ALA	A	50147. 948	5. 176	-1. 625	1. 00	0.00 N
	ATOM	699	CA	ALA	A	50147. 780	4. 758	-0. 242	1. 00	0. 00 C
	ATOM	700	С	ALA	A	50148. 746	3. 631	0. 112	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	701	0	ALA	A	50148. 657	2. 531	-0. 433	1. 00	0.000
	ATOM	702	СВ	ALA	A	50146. 342	4. 325	0. 007	1. 00	0.00 C
	ATOM	703	H	ALA	A	50147. 443	4. 719	-2. 329	1. 00	0.00 H
	ATOM	704	HA	ALA	A	50147. 989	5. 610	0. 387	1. 00	0.00 H
	ATOM	705	1HB	ALA	A	50145. 712	4. 691	-0. 789	1. 00	0.00 H
25	ATOM	706	2HB	ALA	A	50146. 003	4. 728	0. 949	1. 00	0.00 H
	ATOM	707	3HB	ALA	A	50146. 292	3. 246	0. 039	1. 00	0.00 H
	ATOM	708	N	GLY	A	51149. 668	3. 914	1. 025	1. 00	0. 00 N
	ATOM	709	CA	GLY	A	51150. 637	2. 915	1. 434	1. 00	0. 00 C
	ATOM	710	С	GLY	A		1. 789	2. 232	1. 00	0. 00 C
	-				_	- · ·	2	-		

	WO 2004/0	016781				171	PCT/JP2003/010288			
	ATOM	711	0	GLY A	51149. 679	1. 961	3. 406	1. 00	0.000	
	ATOM	712	H	GLY A	51149. 691	4. 808	1. 425	1. 00	0.00 H	
	ATOM	713	1HA	GLY A	51151. 104	2. 499	0. 553	1. 00	0.00 H	
	ATOM	714	2HA	GLY A	51151. 396	3. 391	2. 039	1. 00	0.00 H	
5	ATOM	715	N	LEU A	52149. 848	0. 634	1. 596	1. 00	0.00 N	
	ATOM	716	CA	LEU A	52149. 257	-0. 524	2. 256	1. 00	0.00 C	
	ATOM	717	C	LEU A	52150. 331	-1. 381	2. 919	1. 00	0.00 C	
	ATOM	718	0	LEU A	52151. 450	-1. 488	2. 418	1. 00	0.000	
	ATOM	719	CB	LEU A	52148. 468	-1. 365	1. 248	1. 00	0.00 C	
10	ATOM	720	CG	LEU A	52147. 201	-0.702	0.703	1. 00	0.00 C	
	ATOM	721	CD1	LEU A	52146. 592	-1. 549	-0. 403	1. 00	0.00 C	
	ATOM	722	CD2	LEU A	52146. 196	-0. 478	1. 823	1. 00	0.00 C	
	ATOM	723	H	LEU A	52150. 133	0. 558	0.662	1. 00	0.00 H	
	ATOM	724	HA	LEU A	52148. 581	-0. 163	3.016	1. 00	0.00 H	
15	ATOM	725	1HB	LEU A	52149. 119	-1. 592	0. 416	1. 00	0.00 H	
	ATOM	726	2HB	LEU A	52148. 187	-2. 291	1. 726	1. 00	0.00 H	
	ATOM	727	HG	LEU A	52147. 458	0. 260	0. 284	1. 00	0.00 H	
	ATOM	728	1HD1	LEU A	52146. 403	-2.546	-0.032	1. 00	0.00 H	
	ATOM	729	2HD1	LEU A	52147. 276	-1. 599	-1. 237	1. 00	0.00 H	
20	ATOM	730	3HD1	LEU A	52145. 663	-1. 103	-0. 726	1. 00	0.00 H	
	ATOM	731	1HD2	LEU A	52146. 362	-1. 202	2. 607	1. 00	0.00 H	
	ATOM	732	2HD2	LEU A	52145. 194	-0. 592	1. 434	1. 00	0.00 H	
	ATOM	733	3HD2	LEU A	52146. 316	0. 519	2. 220	1. 00	0.00 H	
	ATOM	734	N	GLU A	53149. 982	-1. 988	4. 049	1. 00	0.00 N	
25	ATOM	735	CA	GLU A	53150. 916	-2. 836	4. 781	1. 00	0.00 C	
	ATOM	736	C	GLU A	53150. 448	-4. 287	4. 782	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	737	0	GLU A	53149. 515	-4. 649	5. 499	1. 00	0.000	
	ATOM	738	CB	GLU A	53151. 069	-2. 336	6. 219	1. 00	0.00 C	

GLU A 53152. 057 -3. 146

7. 042

1.00 0.00 C

739

CG

ATOM

								_		
	ATOM	740	CD	GLU A	L	53151. 571	-3. 395	8. 457	1. 00	0.00 C
	ATOM	741	0E1	GLU A	L	53151. 282	-4. 563	8. 789	1. 00	0.000
	ATOM	742	0E2	GLU A	L	53151. 482	-2. 420	9. 234	1. 00	0.000
	ATOM	743	H	GLU A	1	53149. 075	-1.864	4. 398	1. 00	0.00 H
5	ATOM	744	HA	GLU A	1	53151. 874	-2. 779	4. 286	1. 00	0.00 H
	ATOM	745	1HB	GLU A	I	53151. 407	-1. 311	6. 198	1. 00	0.00 H
	ATOM	746	2HB	GLU A	A	53150. 107	-2. 379	6. 707	1. 00	0.00 H
	ATOM	747	1HG	GLU A	I	53152. 212	-4. 099	6. 560	1. 00	0.00 H
	ATOM	748	2HG	GLU A	A	53152. 994	-2. 610	7. 088	1. 00	0.00 H
10	ATOM	749	N	LEU A	A	54151. 103	-5. 114	3. 974	1. 00	0.00 N
	ATOM	750	CA	LEU A	4	54150. 754	-6. 527	3. 881	1. 00	0.00 C
	ATOM	751	C	LEU A	A	54151. 046	-7. 247	5. 194	1. 00	0.00 C
	ATOM	752	0	LEU A	A	54152. 057	-6. 982	5.846	1. 00	0.000
	ATOM	753	CB	LEU A	A	54151. 524	-7. 191	2. 739	1. 00	0.00 C
15	ATOM	754	CG	LEU A	A	54151. 324	-6. 552	1. 364	1. 00	0.00 C
	ATOM	755	CD1	LEU A	A	54152. 297	-7. 140	0. 354	1. 00	0.00 C
	ATOM	756	CD2	LEU	A	54149. 889	-6. 740	0. 895	1. 00	0.00 C
	ATOM	757	H	LEU .	A	54151. 838	-4. 767	3. 426	1. 00	0.00 H
	ATOM	758	HA	LEU .	A	54149. 696	-6. 594	3. 676	1. 00	0.00 H
20	ATOM	759	1HB	LEU .	A	54152. 578	-7. 160	2. 978	1. 00	0.00 H
	ATOM	760	2HB	LEU .	A	54151. 219	-8. 225	2. 679	1. 00	0.00 H
	ATOM	761	HG	LEU	A	54151. 517	-5. 492	1. 435	1. 00	0.00 H
	ATOM	762	1HD1	LEU	A	54152. 308	-8. 216	0. 449	1. 00	0. 00 H
	ATOM	763	2HD1	LEU	A	54153. 288	-6. 753	0.542	1. 00	0.00 H
25	ATOM	764	3HD1	LEU	A	54151. 988	-6.870	-0.644	1. 00	0.00 H
	ATOM	765	1HD2	LEU	A	54149. 541	-7. 721	1. 183	1. 00	0.00 H
	ATOM	766	2HD2	LEU	A	54149. 846	-6.644	-0. 180	1. 00	0.00 H
	ATOM	767	3HD2	LEU	A	54149. 260	-5. 988	1. 349	1. 00	0.00 H
	ATOM	768	N	GLU	A	55150. 156	-8. 157	5. 576	1.00	0.00 N

	WO 2004/0)16781			173	PCT/JP2003/01028	8
	ATOM	769	CA	GLU A	55150. 320 -8. 914	6. 811 1. 00 0. 00 C	
	ATOM	770	C	GLU A	55151. 395 -9. 986	6. 655 1. 00 0. 00 C	
	ATOM	771	0	GLU A	55152. 090 -10. 325	7. 612 1. 00 0. 00 0	
	ATOM	772	CB	GLU A	55148. 994 -9. 562	7. 217 1. 00 0. 00 C	
5	ATOM	773	CG	GLU A	55147. 871 -8. 562	7. 436 1. 00 0. 00 C	
	ATOM	774	CD	GLU A	55147. 824 -8. 042	8. 859 1. 00 0. 00 C	
	ATOM	775	0E1	GLU A	55146. 921 -8. 458	9. 615 1. 00 0. 00 0	
	ATOM	776	0E2	GLU A	55148. 691 -7. 217	9. 219 1. 00 0. 00 0	
	ATOM	777	H	GLU A	55149. 372 -8. 323	5. 014 1. 00 0. 00 H	
10	ATOM	778	HA	GLU A	55150. 625 -8. 225	7. 584 1. 00 0. 00 H	
	ATOM	779	1HB	GLU A	55148. 689 -10. 248	6. 441 1. 00 0. 00 H	
	ATOM	780	2HB	GLU A	55149. 142 -10. 112	8. 134 1. 00 0. 00 H	
	ATOM	781	1HG	GLU A	55148. 015 -7. 726	6. 769 1. 00 0. 00 H	
	ATOM	782	2HG	GLU A	55146. 930 -9. 042	7. 213 1. 00 0. 00 H	
15	ATOM	783	N	ASP A	56151. 525 -10. 513	5. 442 1. 00 0. 00 N	
	ATOM	784	CA	ASP A	56152. 516 -11. 547	5. 161 1. 00 0. 00 C	
	ATOM	785	C	ASP A	56153. 811 -10. 931	4. 642 1. 00 0. 00 C	
	ATOM	786	0	ASP A	56153. 807 -10. 183	3. 665 1. 00 0. 00 0	
	ATOM	787	CB	ASP A	56151. 967 -12. 544	4. 140 1. 00 0. 00 C	
20	ATOM	788	CG	ASP A	56152. 412 -13. 965	4. 423 1. 00 0. 00 C	
	ATOM	789	OD 1	ASP A	56153. 373 -14. 428	3. 773 1. 00 0. 00 0	
	ATOM	790	OD2	ASP A	56151. 800 -14. 618	5. 295 1. 00 0. 00 0	
	ATOM	791	H	ASP A	56150. 941 -10. 202	4. 719 1. 00 0. 00 H	
	ATOM	792	HA	ASP A	56152. 723 -12. 067	6. 085 1. 00 0. 00 H	
25	ATOM	793	1HB	ASP A	56150. 887 -12. 516	4. 162 1. 00 0. 00 H	
	ATOM	794	2HB	ASP A	56152. 310 -12. 268	3. 155 1. 00 0. 00 H	
	ATOM	795	N	GLU A	57154. 919 -11. 252	5. 303 1. 00 0. 00 N	
	ATOM	796	CA	GLU A	57156. 222 -10. 731	4. 908 1. 00 0. 00 C	

797 C GLU A 57156. 628 -11. 260 3. 536 1. 00 0. 00 C

ATOM

	1110111		•	0.0				
	ATOM	799	CB	GLU A	57157. 282 -11. 108	5. 946	1. 00	0.00 C
	ATOM	800	CG	GLU A	57157. 377 -10. 126	7. 102	1. 00	0.00 C
	ATOM	801	CD	GLU A	57158. 593 -10. 371	7. 975	1. 00	0.00 C
5	ATOM	802	0E1	GLU A	57158. 766 -11. 514	8. 445	1. 00	0.000
	ATOM	803	0E2	GLU A	57159. 372 -9. 418	8. 188	1. 00	0.000
	ATOM	804	H	GLU A	57154. 858 -11. 854	6.074	1. 00	0.00 H
	ATOM	805	HA	GLU A	57156. 148 -9. 655	4. 858	1. 00	0.00 H
	ATOM	806	1HB	GLU A	57157. 044 -12. 082	6. 347	1. 00	0.00 H
10	ATOM	807	2HB	GLU A	57158. 245 -11. 154	5. 460	1. 00	0.00 H
	ATOM	808	1HG	GLU A	57157. 436 -9. 124	6. 703	1. 00	0.00 H
	ATOM	809	2HG	GLU A	57156. 490 -10. 219	7. 711	1. 00	0.00 H
	ATOM	810	N	CYS A	58156. 432 -10. 439	2. 510	1. 00	0. 00 N
	ATOM	811	CA	CYS A	58156. 777 -10. 825	1. 146	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	812	C	CYS A	58158. 157 -10. 301	0.765	1. 00	0. 00 C
	ATOM	813	0	CYS A	58158. 426 -9. 103	0. 859	1. 00	0.000
	ATOM	814	CB	CYS A	58155. 730 -10. 297	0. 164	1. 00	0.00 C
	ATOM	815	SG	CYS A	58155. 833 -11. 026	-1. 487	1. 00	0.00 S
	ATOM	816	H	CYS A	58156. 047 -9. 553	2. 673	1. 00	0.00 H
20	ATOM	817	HA	CYS A	58156. 789 -11. 903	1. 100	1. 00	0.00 H
	ATOM	818	1HB	CYS A	58154. 745 -10. 506	0. 553	1. 00	0. 00 H
	ATOM	81.9	2HB	CYS A	58155. 851 -9. 229	0.060	1. 00	0. 00 H
	ATOM	820	HG	CYS A	58155. 366 -10. 449	-2. 096	1. 00	0.00 H
	ATOM	821	N	ALA A	59159. 031 -11. 207	0. 335	1. 00	0.00 N
25	ATOM	822	CA	ALA A	59160. 383 -10. 836	-0.060	1. 00	0. 00 C
	ATOM	823	C	ALA A	59160. 374 -10. 001	-1. 337	1. 00	0. 00 C
	ATOM	824	0	ALA A	59160. 036 -10. 496	-2. 411	1. 00	0.000
	ATOM	825	CB	ALA A	59161. 238 -12. 081	-0. 249	1. 00	0. 00 C
	ATOM	826	H	ALA A	59158. 758 -12. 146	0. 282	1. 00	0. 00 H

	WO 2004/0.	16/81					175		PCI	JP2003/010
	ATOM	827	HA	ALA A	A	59160. 815	-10. 250	0. 738	1. 00	0.00 H
	ATOM	828	1HB	ALA .	A	59161. 020	-12. 524	-1. 210	1. 00	0.00 H
	ATOM	829	2HB	ALA .	A	59161. 015	-12. 792	0. 533	1. 00	0.00 H
	ATOM	830	ЗНВ	ALA .	A	59162. 282	-11. 811	-0. 205	1. 00	0.00 H
5	ATOM	831	N	GLY	A	60160. 746	-8. 732	-1. 209	1. 00	0.00 N
	ATOM	832	CA	GLY	A	60160. 773	-7. 848	-2.360	1. 00	0.00 C
	ATOM	833	C	GLY	A	60160. 174	-6. 487	-2.062	1. 00	0.00 C
	ATOM	834	0	GLY	A	60160. 550	-5. 488	-2. 673	1. 00	0.000
	ATOM	835	H	GLY	A	60161.005	-8. 392	-0. 328	1. 00	0.00 H
10	ATOM	836	1HA	GLY	A	60161.797	-7. 717	-2. 677	1. 00	0.00 H
	ATOM	837	2HA	GLY	A	60160. 215	-8. 306	-3. 165	1. 00	0.00 H
	ATOM	838	N	CYS	A	61159. 239	-6. 449	-1. 118	1. 00	0.00 N
	ATOM	839	CA	CYS	A	61158. 586	-5. 201	-0. 739	1. 00	0.00 C
	ATOM	840	C	CYS	A	61159.505	-4. 349	0. 132	1. 00	0.00 C
15	ATOM	841	0	CYS	A	61160.621	-4. 755	0. 456	1. 00	0.000
	ATOM	842	СВ	CYS	A	61157. 281	-5. 490	0. 005	1. 00	0.00 C
	ATOM	843	SG	CYS	A	61156. 114	-6. 515	-0.920	1. 00	0.00 S
	ATOM	844	H	CYS	A	61158. 981	-7. 280	-0.667	1. 00	0.00 H
	ATOM	845	HA	CYS	A	61158.361	-4. 657	-1. 644	1. 00	0.00 H
20	ATOM	846	1HB	CYS	A	61157. 507	-6.002	0. 928	1. 00	0.00 H
	ATOM	847	2HB	CYS	A	61156. 791	-4. 554	0. 230	1. 00	0.00 H
	ATOM	848	HG	CYS	A	61155.351	-6. 675	-0.360	1. 00	0.00 H
	ATOM	849	N	THR	A	62159.026	-3. 168	0.508	1. 00	0.00 N
	ATOM	850	CA	THR	A	62159. 805	-2. 260.	1. 342	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	851	C	THR	A	62159. 217	-2. 171	2. 746	1. 00	0.00 C
	ATOM	852	0	THR	A	62158. 231	-2. 839	3. 059	1. 00	0.000
	ATOM	853	CB	THR	A	62159. 854	-0. 868	0. 708	1. 00	0.00 C
	ATOM	854	0G1	THR	A	62158. 550	-0. 421	0. 380	1. 00	0.000
	ATOM	855	CG2	THR	A	62160. 689	-0.814	-0. 553	1. 00	0.00 C

	WO 2004/0	16781				176	PCT	PCT/JP2003/010288		
	ATOM	856	H	THR A	62158. 130	-2. 901	0. 218	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	857	HA	THR A	62160. 810	-2. 650	1. 410	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	858	НВ	THR A	62160. 282	-0. 176	1. 418	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	859	HG1	THR A	62158. 188	-0. 974	-0. 315	1. 00	0. 00 H	
5	ATOM	860	1HG2	THR A	62160. 904	-1. 819	-0. 886	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	861	2HG2	THR A	62161. 615	-0. 296	-0. 349	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	862	3HG2	THR A	62160. 144	-0. 288	-1. 323	1. 00	0.00 H	
	ATOM	863	N	ASP A	63159. 827	-1. 342	3. 587	1. 00	0.00 N	
	ATOM	864	CA	ASP A	63159. 363	-1. 166	4. 958	1. 00	0.00 C	
10	ATOM	865	C	ASP A	63158. 671	0. 182	5. 130	1. 00	0.00 C	
	ATOM	866	0	ASP A	63158.779	0.818	6. 178	1. 00	0.000	
	ATOM	867	CB	ASP A	63160. 536	-1. 278	5. 934	1. 00	0.00 C	
	ATOM	868	CG	ASP A	63161. 601	-0. 229	5. 680	1. 00	0.00 C	
	ATOM	869	OD 1	ASP A	63162. 691	-0. 596	5. 192	1. 00	0.000	
15	ATOM	870	0D2	ASP A	63161. 345	0. 958	5. 968	1. 00	0.000	
	ATOM	871	H	ASP A	63160. 608	-0. 838	3. 278	1. 00	0.00 H	
	ATOM	872	HA	ASP A	63158. 653	-1. 952	5. 171	1. 00	0.00 H	
	ATOM	873	1HB	ASP A	63160. 170	-1. 156	6. 942	1. 00	0.00 H	
	ATOM	874	2HB	ASP A	63160. 987	-2. 255	5. 834	1. 00	0.00 H	
20	ATOM	875	N	GLY A	64157. 960	0. 612	4. 093	1. 00	0.00 N	
	ATOM	876	CA	GLY A	64157. 260	1. 882	4. 148	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	877		GLY A			3. 440	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	878		GLY A			3.956	1. 00	0.000	
	ATOM	879		GLY A			3. 282	1. 00	0.00 H	
25	ATOM		1HA	GLY A			3. 687	1. 00	0.00 H	
	ATOM		2HA	GLY A			5. 183	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	882		THR A			2. 253	1. 00	0.00 N	
	ATOM	883		THR A			1. 472	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	884	C	THR A	65158.845	3. 638	0.009	1. 00	0. 00 C	

								_		
	ATOM	885	0	THR A		65158. 797	2. 578	-0. 614	1. 00	0.000
	ATOM	886	CB	THR A		65160.778	3. 398	1. 578	1. 00	0.00 C
	ATOM	887	0G1	THR A		65161.034	2. 006	1. 641	1. 00	0.000
	ATOM	888	CG2	THR A		65161. 415	4. 039	2: 791	1. 00	0.00 C
5	ATOM	889	H	THR A		65158. 406	1. 784	1. 894	1. 00	0.00 H
	ATOM	890	HA	THR A	L	65159.064	4. 645	1. 877	1. 00	0.00 H
	ATOM	891	HB	THR A		65161. 266	3. 793	0.700	1. 00	0.00 H
	ATOM	892	HG1	THR A	L	65160. 910	1. 618	0. 773	1. 00	0.00 H
	ATOM	893	1HG2	THR A	L	65162. 234	3. 423	3. 135	1. 00	0.00 H
10	ATOM	894	2HG2	THR A	L	65160.681	4. 133	3. 577	1. 00	0.00 H
	ATOM	895	3HG2	THR A	1	65161. 788	5. 018	2. 527	1. 00	0.00 H
	ATOM	896	N	PHE A	1	66158. 530	4. 811	-0. 533	1. 00	0.00 N
	ATOM	897	CA	PHE A	I	66158. 103	4. 921	-1. 923	1. 00	0.00 C
	ATOM	898	C	PHE A	I	66159.010	5. 872	-2.697	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	899	0	PHE A	I	66159. 157	7. 039	-2. 334	1. 00	0.000
	ATOM	900	CB	PHE A	Į	66156.655	5. 406	-1. 996	1. 00	0.00 C
	ATOM	901	CG	PHE A	I	66155.978	5. 083	-3. 298	1. 00	0.00 C
	ATOM	902	CD1	PHE A	A	66155.722	3. 769	-3.654	1. 00	0.00 C
	ATOM	903	CD2	PHE A	4	66155. 598	6. 094	-4. 166	1. 00	0.00 C
20	ATOM	904	CE 1	PHE A	4	66155. 100	3. 468	-4. 851	1. 00	0.00 C
	ATOM	905	CE2	PHE A	A	66154. 976	5. 801	-5. 364	1. 00	0.00 C
	ATOM	906	CZ	PHE A	A	66154.726	4. 486	-5. 707	1. 00	0.00 C
	ATOM	907	H	PHE A	A	66158. 588	5. 621	0. 015	1. 00	0.00 H
	ATOM	908	HA	PHE A	A	66158. 168	3. 939	-2. 369	1.00	0.00 H
25	ATOM	909	1HB	PHE I	A	66156.086	4. 943	-1. 204	1. 00	0.00 H
	ATOM	910	2HB	PHE A	A	66156. 635	6. 478	-1. 867	1. 00	0.00 H
	ATOM	911	HD 1	PHE	A.	66156.014	2. 973	-2. 985	1. 00	0.00 H
	ATOM	912	HD2	PHE	A	66155. 792	7. 123	-3. 898	1. 00	0.00 H
	ATOM	913	HE 1	PHE	A	66154. 907	2. 440	-5. 117	1. 00	0.00 H

10 15 -5.657**ATOM** 932 2HG ARG A 67157. 792 6.629 1.00 0.00 H -7.32220 ATOM 933 1HD ARG A 67157. 253 8.045 1.00 0.00 H ARG A--6.675ATOM 934 2HD 67158. 585 9. 003 1.00 0.00 H HE ARG A -8.6570.00 H ATOM 935 67159.396 7. 087 1.00 **ATOM** 936 1HH1 ARG A -8.1290.00 H 67158. 168 10. 311 1. 00 937 2HH1 ARG A **ATOM** 67158.771 10. 921 -9.6341.00 0.00 H **ATOM** 938 1HH2 ARG A 67160. 188 7.888 - 10.6370.00 H 25 1.00 ATOM 939 2HH2 ARG A 9.546 - 11.0580.00 H 67159. 917 1.00 ATOM GLY A -2.783940 N 68162. 100 5. 902 1.00 0.00 N -1.942ATOM CA GLY A 68163. 216 1.00 0.00 C 941 6. 295 ATOM 942 C GLY A 68162. 847 -0.9631.00 0.00 C 7. 392

	WO 2004/0	16/81					179		PC1/	JP2003/0102
	ATOM	943	0	GLY A	A	68163. 696	8. 189	-0. 564	1. 00	0.000
	ATOM	944	H	GLY A	A	68161.641	5. 052	-2. 619	1. 00	0.00 H
	ATOM	945	1HA	GLY A	A	68163. 556	5. 433	-1. 389	1. 00	0.00 H
	ATOM	946	2HA	GLY A	A	68164. 020	6. 645	-2. 572	1. 00	0.00 H
5	ATOM	947	N	THR	A	69161. 577	7. 433	-0.576	1. 00	0.00 N
	ATOM	948	CA	THR	A	69161. 096	8. 441	0.363	1. 00	0.00 C
	ATOM	949	C	THR	A	69160. 235	7. 806	1. 449	1. 00	0. 00 C
	ATOM	950	0	THR	A	69159. 141	7. 310	1. 178	1. 00	0.000
	ATOM	951	СВ	THR .	A	69160. 297	9. 515	-0. 375	1. 00	0.00 C
10	ATOM	952	0G1	THR	A	69160. 987	9. 948	-1. 533	1. 00	0.000
	ATOM	953	CG2	THR	A	69160. 010	10. 737	0. 472	1. 00	0. 00 C
	ATOM	954	H	THR	A	69160. 947	6. 771	-0. 928	1. 00	0.00 H
	ATOM	955	HA	THR	A	69161. 957	8. 900	0.825	1. 00	0.00 H
	ATOM	956	HB	THR	A	69159. 349	9. 096	-0. 682	1. 00	0.00 H
15	ATOM	957	HG1	THR	A	69161. 176	9. 193	-2.095	1. 00	0.00 H
	ATOM	958	1HG2	THR	A	69159. 249	11. 336	-0.006	1. 00	0.00 H
	ATOM	959	2HG2	THR	A	69160. 913	11. 319	0. 579	1. 00	0.00 H
	ATOM	960	3HG2	THR	A	69159. 665	10. 425	1. 447	1. 00	0.00 H
	ATOM	961	N	ARG	A	70160. 735	7. 825	2. 680	1. 00	0. 00 N
20	ATOM	962	CA	ARG	A	70160. 011	7. 251	3. 809	1. 00	0.00 C
	ATOM	963	С	ARG	A	70158. 731	8. 032	4. 087	1. 00	0.00 C
	ATOM	964	0	ARG	A	70158. 765	9. 242	4. 308	1. 00	0.000
	ATOM	965	CB	ARG	A	70160. 897	7. 239	5. 057	1. 00	0.00 C
	ATOM	966	CG	ARG	A	70160. 228	6. 616	6. 272	1. 00	0.00 C
25	ATOM	967	CD	ARG	A	70160. 684	7. 279	7. 561	1. 00	0.00 C
	ATOM	968	NE	ARG	A	70162. 045	6. 890	7. 924	1. 00	0.00 N
	ATOM	969	CZ	ARG	A	70162. 802	7. 562	8. 789	1. 00	0.00 C
	ATOM	970	NH 1	ARG	A	70162. 336	8. 654	9. 381	1. 00	0.00 N
	ATOM	971	NH2	ARG	A	70164. 028	7. 139	9.064	1. 00	0.00 N

	WO 2004/ 0	016781			:	180		PCT/	JP2003/010288
	ATOM	972	H	ARG A	70161. 612	8. 235	2. 834	1. 00	0.00 H
	ATOM	973	HA	ARG A	70159. 751	6. 235	3. 553	1. 00	0.00 H
	ATOM	974	1HB	ARG A	70161. 795	6. 681	4. 842	1. 00	0.00 H
	ATOM	975	2HB	ARG A	70161. 166	8. 256	5. 303	1. 00	0.00 H
5	ATOM	976	1HG	ARG A	70159. 158	6. 731	6. 180	1. 00	0.00 H
	ATOM	977	2HG	ARG A	70160. 477	5. 566	6. 309	1. 00	0.00 H
1	ATOM	978	1HD	ARG A	70160.650	8. 351	7. 431	1. 00	0.00 H
	ATOM	979	2HD	ARG A	70160. 013	6. 992	8. 356	1. 00	0.00 H
	ATOM	980	HE	ARG A	70162. 414	6. 086	7. 502	1. 00	0.00 H
10	ATOM	981	1HH 1	ARG A	70161. 412	8. 979	9. 178	1. 00	0.00 H
	ATOM	982	2HH 1	ARG A	70162. 909	9. 154	10. 030	1. 00	0.00 H
	ATOM	983	1HH2	ARG A	70164. 384	6. 316	8. 621	1. 00	0.00 H
	ATOM	984	2HH2	ARG A	70164. 597	7. 643	9. 714	1. 00	0.00 H
	ATOM	985	N	TYR A	71157. 602	7. 330	4. 076	1. 00	0.00 N
15	ATOM	986	CA	TYR A	71156. 310	7. 957	4. 327	1. 00	0.00 C
	ATOM	987	С	TYR A	71155. 770	7. 560	5. 696	1. 00	0. 00 C
	ATOM	988	0	TYR A	71155. 270	8. 400	6. 446	1. 00	0.000
	ATOM	989	СВ	TYR A	71155. 309	7. 566	3. 238	1. 00	0.00 C
	ATOM	990	CG	TYR A	71155. 424	8. 400	1. 981	1. 00	0.00 C
20	ATOM	991	CD1	TYR A	71155. 529	9. 784	2. 050	1. 00	0. 00 C
	ATOM	992	CD2	TYR A	71155. 426	7. 802	0. 727	1. 00	0. 00 C
	ATOM	993	CE1	TYR A	71155. 635	10. 548	0. 905	1. 00	0. 00 C
	ATOM	994	CE2	TYR A	71155. 532	8. 561	-0. 424	1. 00	0. 00 C
	ATOM	995	CZ	TYR A	71155. 635	9. 933	-0. 330	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	996	ОН	TYR A	71155. 740	10. 691	-1. 473	1. 00	0.000
	ATOM	997	H	TYR A	71157. 639	6. 368	3. 893	1. 00	0.00 H
	ATOM	998	B HA	TYR A	71156. 451	9. 028	4. 306	1. 00	0. 00 H
	ATOM	999) 1HB	TYR A	71155. 468	6. 533	2. 966	1. 00	0.00 H

 ${\tt ATOM}$

1000 2HB

TYR A

71154. 306

3.623

1.00

0.00 H

7. 681

							181			
	ATOM	1001	HD1	TYR	A	71155. 529	10. 262	3. 018	1. 00	0.00 H
	ATOM	1002	HD2	TYR	A	71155. 344	6. 728	0.657	1. 00	0.00 H
	ATOM	1003	HE1	TYR	A	71155. 716	11. 623	0. 978	1. 00	0.00 H
	ATOM	1004	HE2	TYR	A	71155. 531	8. 078	-1. 390	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1005	НН	TYR	A	71156. 629	10.616	-1. 827	1. 00	0.00 H
	ATOM	1006	N	PHE	A	72155. 873	6. 274	6.017	1. 00	0.00 N
	ATOM	1007	CA	PHE	A	72155. 395	5. 765	7. 298	1. 00	0.00 C
	ATOM	1008	C	PHE	A	72156. 315	4. 669	7. 825	1. 00	0.00 C
	ATOM	1009	0	PHE	A	72157. 106	4. 095	7. 077	1. 00	0.000
10	ATOM	1010	CB	PHE	A	72153. 969	5. 226	7. 156	1. 00	0.00 C
	ATOM	1011	CG	PHE	A	72153. 833	4. 157	6. 110	1. 00	0.00 C
	ATOM	1012	CD1	PHE	A	72153. 929	2. 818	6. 453	1. 00	0.00 C
	ATOM	1013	CD2	PHE	A	72153. 609	4. 491	4. 785	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1014	CE1	PHE	A	72153. 804	1. 832	5. 493	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1015	CE2	PHE	A	72153. 483	3. 510	3.820	1. 00	0.00 C
	ATOM	1016	CZ	PHE	A	72153. 581	2. 178	4. 174	1. 00	0.00 C
	ATOM	1017	H	PHE	A	72156. 281	5. 653	5. 379	1. 00	0.00 H
	ATOM	1018	HA	PHE	A	72155. 392	6. 585	8. 001	1. 00	0.00 H
	ATOM	1019	1HB	PHE	A	72153. 655	4. 809	8. 101	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1020	2HB	PHE	A	72153. 311	6. 039	6.890	1. 00	0.00 H
	ATOM	1021	HD1	PHE	A	72154. 104	2. 546	7. 484	1. 00	0.00 H
	ATOM	1022	HD2	PHE	A	72153. 533	5. 532	4. 507	1. 00	0.00 H
	ATOM	1023	HE 1	PHE	A	72153. 881	0. 792	5. 773	1. 00	0.00 H
	ATOM	1024	HE2	PHE	A	72153. 309	3. 784	2. 789	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1025	HZ	PHE	A	72153. 483	1. 410	3. 423	1. 00	0.00 H
	ATOM	1026	N	THR	A	73156. 207	4. 384	9. 119	1. 00	0.00 N
	ATOM	1027	CA	THR	. A	73157. 029	3. 357	9. 747	1. 00	0.00 C
	ATOM	1028	C	THR	A	73156. 250	2. 054	9. 899	1. 00	0.00 C
	ATOM	1029	0	THR	A	73155. 248	1. 997	10. 611	1. 00	0.000

	WO 2004	1/016781							PCI	JP2003/010
							182			
	ATOM	1030	CB	THR	A	73157. 520	3. 832	11. 114	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1031	0G1	THR	A	73156. 507	4. 562	11. 785	1. 00	0.000
	ATOM	1032	CG2	THR	A	73158. 746	4. 716	11. 036	1. 00	0.00 C
	ATOM	1033	H	THR	A	73155. 558	4. 877	9.665	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1034	HA	THR	A	73157. 882	3. 180	9. 110	1. 00	0.00 H
	ATOM	1035	HB	THR	A	73157.771	2. 969	11. 716	1. 00	0.00 H
	ATOM	1036	HG1	THR	A	73156. 474	4. 291	12. 706	1. 00	0.00 H
	ATOM	1037	1HG2	THR	A	73159. 529	4. 199	10. 501	1. 00	0.00 H
	ATOM	1038	2HG2	THR	A	73159. 086	4. 949	12. 034	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1039	3HG2	THR	A	73158. 498	5. 630	10. 517	1. 00	0.00 H
	ATOM	1040	N	CYS	A	74156.717	1. 009	9. 222	1. 00	0.00 N
	ATOM	1041	CA	CYS	A	74156. 065	-0. 294	9. 281	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1042	C	CYS	A	74157. 095	-1. 417	9. 320	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1043	0	CYS	A	74158. 301	-1. 169	9. 289	1. 00	0.000
15	ATOM	1044	CB	CYS	A	74155. 136	-0. 478	8. 080	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1045	SG	CYS	A	74153. 445	0.096	8. 360	1. 00	0.00 S
	ATOM	1046	H	CYS	A	74157. 521	1. 117	8. 670	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1047	HA	CYS	A	74155. 478	-0. 329	10. 188	1. 00	0.00 H
	ATOM	1048	1HB	CYS	A	74155. 534	0. 072	7. 241	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	1049	2HB	CYS	Α	74155. 091	-1. 527	7. 828	1. 00	0.00 H
	ATOM	1050	HG	CYS	A	74153. 194	-0. 147	9. 254	1. 00	0.00 H
	MOTA	1051	N	ALA	A	75156. 613	-2. 654	9. 386	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1052	CA	ALA	A	75157. 492	-3. 816	9. 428	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1053	C	ALA	A	75158. 208	-4. 011	8. 096	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1054	0	ALA	A	75157. 739	-3. 552	7. 055	1. 00	0.000
	ATOM	1055	CB	ALA	A	75156. 700	-5.062	9. 791	1. 00	0.00 C
	ATOM	1056	Н	ALA	A A	75155. 642	-2. 787	9. 407	1. 00	0.00 H
	ATOM	1057	/ HA	AL/	A A	75158. 229	-3. 648	10. 200	1. 00	0.00 H

ATOM 1058 1HB ALA A 75157. 137 -5. 921 9. 302 1. 00 0. 00 H

	• = = = =						183			
	ATOM	1059	2HB	ALA	A	75155. 676	-4. 945	9. 467	1. 00	0.00 H
	ATOM	1060	ЗНВ	ALA	A	75156. 725	-5. 206	10.861	1. 00	0.00 H
	ATOM	1061	N	LEU	A	76159. 347	-4. 695	8. 137	1. 00	0.00 N
	ATOM	1062	CA	LEU	A	76160. 129	-4. 952	6. 933	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1063	C	LEU	A	76159. 419	-5. 953	6. 027	1. 00	0.00 C
	ATOM	1064	0	LEU	A	76158. 846	-6. 934	6. 499	1. 00	0.000
	MOTA	1065	CB	LEU	A	76161.518	-5. 476	7. 303	1. 00	0.00 C
	ATOM	1066	CG	LEU	A	76162. 487	-4. 420	7. 837	1. 00	0.00 C
	ATOM	1067	CD1	LEU	A	76163. 413	-5. 024	8. 882	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1068	CD2	LEU	A	76163. 291	-3. 812	6. 698	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1069	H	LEU	A	76159. 669	-5. 036	8. 997	1. 00	0.00 H
	ATOM	1070	HA	LEU	A	76160. 236	-4. 017	6. 402	1. 00	0.00 H
	ATOM	1071	1HB	LEU	A	76161. 401	-6. 242	8. 056	1. 00	0.00 H
	ATOM	1072	2HB	LEU	A	76161. 956	-5. 923	6. 425	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1073	HG	LEU	A	76161. 923	-3. 629	8. 309	1. 00	0.00 H
	ATOM	1074	1HD1	LEU	A	76163. 579	-6.067	8. 655	1. 00	0.00 H
	ATOM	1075	2HD1	LEU	A	76162. 961	-4. 934	9. 858	1. 00	0.00 H
	ATOM	1076	3HD1	LEU	A	76164. 357	-4. 499	8. 873	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1077	1HD2	LEU	A	76162. 802	-2. 913	6. 350	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	1078	2HD2	LEU	A	76163. 359	-4. 522	5. 886	1. 00	0.00 H
	ATOM	1079	3HD2	LEU	A	76164. 284	-3. 568	7. 046	1. 00	0.00 H
	ATOM	1080	·N	LYS	A	77159. 463	-5. 699	4. 723	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1081	CA	LYS	A	77158. 826		3. 751	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1082	C	LYS	A	77157. 321		3. 991	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1083	0	LYS	A	77156. 714	-7. 719	3. 867	1. 00	0.000
	ATOM	1084	CB	LYS	A	77159. 436	-7. 980	3. 821	1. 00	0.00 C
	ATOM	1085	CG	LYS	A	77160. 953		3. 712	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1086	CD	LYS	A	77161. 411	-7. 675	2. 296	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1087	CE	LYS	A	77162. 908	-7. 415	2. 240	1. 00	0. 00 C

						184		,		
	ATOM	1088	NZ	LYS A	77163. 667	-8. 625	1. 820	1. 00	0.00 N	
	ATOM	1089	H	LYS A	77159. 937	-4. 902	4. 408	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1090	HA	LYS A	77159. 002	-6. 168	2. 768	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1091	1HB	LYS A	77159. 163	-8. 433	4.762	1. 00	0.00 H	
5	ATOM	1092	2HB	LYS A	77159. 036	-8. 576	3.014	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1093	1HG	LYS A	77161. 357	-7. 245	4. 383	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1094	2HG	LYS A	77161. 319	-8. 966	3. 991	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	1095	1HD	LYS A	77161. 177	-8. 513	1. 658	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1096	2HD	LYS A	77160. 888	-6. 797	1. 945	1. 00	0.00 H	
10	ATOM	1097	1HE	LYS A	77163. 096	-6.620	1. 534	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1098	2HE	LYS A	77163. 244	-7. 112	3. 221	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1099	1HZ	LYS A	77163. 116	-9. 483	2. 031	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1100	2HZ	LYS A	77164. 572	-8. 674	2. 329	1. 00	0.00 H	
	MOTA	1101	3HZ	LYS A	77163. 857	-8. 590	0. 798	1. 00	0.00 H	
15	ATOM	1102	N	LYS A	78156. 724	-5. 518	4. 334	1. 00	0.00 N	
	ATOM	1103	CA	LYS A	78155. 290	-5. 455	4. 591	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	1104	C	LYS A	78154. 730	-4. 086	4. 219	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	1105	0	LYS A	78153. 888	-3. 534	4. 928	1. 00	0.000	
	ATOM	1106	CB	LYS A	78155. 001	-5. 755	6.063	1. 00	0.00 C	
20	ATOM	1107	CG	LYS A	78155. 529	-7. 104	6. 524	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	1108	CD	LYS A	78155. 130	-7. 398	7. 961	1. 00	0.00 C	
	ATOM	1109	CE	LYS A	78153. 930	-8. 331	8. 026	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	1110	NZ	LYS A	78152. 998	-7. 961	9. 126	1. 00	0.00 N	
	ATOM	1111	H	LYS A	78157. 261	-4. 702	4. 417	1. 00	0.00 H	
25	ATOM	1112	HA	LYS A	78154. 811	-6. 205	3. 980	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1113	1HB	LYS A	78155. 457	-4. 988	6. 671	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1114	2HB	LYS A	78153. 932	-5. 739	6. 219	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1115	1HG	LYS A	78155. 126	-7. 875	5. 884	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	1116	2HG	LYS A	78156. 607	-7. 101	6. 452	1. 00	0.00 H	

	., .)			185			
	ATOM	1117	1HD	LYS	A	78155. 962	-7. 864	8. 468	1. 00	0.00 H
	ATOM	1118	2HD	LYS	A	78154. 879	-6. 470	8. 452	1. 00	0.00 H
	ATOM	1119	1HE	LYS	A	78153. 401	-8. 283	7. 086	1. 00	0.00 H
	ATOM	1120	2HE	LYS	A	78154. 283	-9. 339	8. 188	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1121	1HZ	LYS	A	78152. 591	-8. 817	9. 553	1. 00	0.00 H
	ATOM	1122	2HZ	LYS	A	78152. 225	-7. 371	8. 757	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1123	3HZ	LYS	A	78153. 505	-7. 426	9.860	1. 00	0.00 H
	ATOM	1124	N	ALA	A	79155. 202	-3. 543	3. 101	1. 00	0.00 N
	ATOM	1125	CA	ALA	A	79154. 749	-2. 238	2. 635	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1126	C	ALA	A	79154. 591	-2. 223	1. 118	1. 00	0.00 C
	ATOM	1127	0	ALA	A	79155. 576	-2. 254	0. 381	1. 00	0.000
	ATOM	1128	CB	ALA	A	79155. 718	-1. 153	3. 077	1. 00	0.00 C
	ATOM	1129	H	ALA	A	79155. 872	-4. 031	2. 578	1. 00	0.00 H
	ATOM	1130	HA	ALA	A	79153. 789	-2. 038	3. 088	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1131	1HB	ALA	A	79155. 189	-0. 216	3. 177	1. 00	0.00 H
	ATOM	1132	2HB	ALA	A	79156. 501	-1. 048	2. 341	1. 00	0.00 H
	ATOM	1133	3HB	ALA	A	79156. 152	-1. 425	4. 029	1. 00	0.00 H
	ATOM	1134	N	LEU	A	80153. 345	-2. 174	0. 658	1. 00	0.00 N
	ATOM	1135	CA	LEU	A	80153. 058	-2. 154	-0. 771	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	1136	C	LEU	A	80152. 216	-0. 937	-1. 140	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1137	0	LEU	A	80151. 022	-0.882	-0. 847	1. 00	0.000
	ATOM	1138	CB	LEU	A	80152. 330	-3. 434	-1. 184	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1139	CG	LEU	A	80151. 917	-3. 501	-2.655	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1140	CD1	LEU	A	80153. 133	-3. 730	-3. 540	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	1141	CD2	LEU	A	80150. 885	-4. 597	-2.871	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1142	H	LEU	A	80152. 600	-2. 151	1. 295	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1143	HA	LEU	A	80153. 998	-2. 100	-1. 298	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1144	1HB	LEU	A	80152. 976	-4. 275	-0. 975	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1145	2HB	LEU	A	80151. 439	-3. 528	-0. 580	1. 00	0.00 H

	186
--	-----

	ATOM	1146	HG	LEU	A	80151. 471	-2. 559	-2. 939	1. 00	0.00 H
	ATOM	1147	1HD1	LEU	A	80153. 887	-4. 268	-2. 984	1. 00	0.00 H
	ATOM	1148	2HD1	LEU	A	80153. 531	-2. 777	-3. 858	1. 00	0.00 H
	ATOM	1149	3HD1	LEU	A	80152. 845	-4. 307	-4. 407	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1150	1HD2	LEU	A	80149. 893	-4. 181	-2. 770	1. 00	0.00 H
	ATOM	1151	2HD2	LEU	A	80151. 027	-5. 374	-2. 134	1. 00	0.00 H
	ATOM	1152	3HD2	LEU	A	80151. 002	-5. 012	-3.860	1. 00	0.00 H
	ATOM	1153	N	PHE	A	81152. 848	0. 039	-1. 786	1. 00	0.00 N
	ATOM	1154	CA	PHE	A	81152. 157	1. 256	-2. 195	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	1155	C	PHE	A	81151. 307	1. 009	-3. 437	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1156	0	PHE	A	81151. 705	0. 267	-4. 335	1. 00	0.000
	ATOM	1157	CB	PHE	A	81153. 167	2. 373	-2. 469	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1158	CG	PHE	A	81153. 932	2. 803	-1. 249	1. 00	0.00 C
	ATOM	1159	CD1	PHE	A	81153. 577	3. 955	-0.564	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1160	CD2	PHE	A	81155. 004	2. 057	-0. 788	1. 00	0.00 C
	ATOM	1161	CE1	PHE	A	81154. 278	4. 354	0. 558	1. 00	0.00 C
	ATOM	1162	CE2	PHE	A	81155. 708	2. 451	0. 334	1. 00	0.00 C
	ATOM	1163	CZ	PHE	A	81155. 345	3. 600	1. 008	1. 00	0.00 C
	ATOM	1164	H	PHE	A	81153. 800	-0.062	-1. 991	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1165	HA	PHE	A	81151. 511	1. 559	-1. 385	1. 00	0.00 H
	ATOM	1166	1HB	PHE	A	81153. 881	2. 030	-3. 203	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1167	2HB	PHE	A	81152. 644	3. 235	-2.856	1. 00	0.00 H
	ATOM	1168	HD1	PHE	A	81152. 742	4. 544	-0. 915	1. 00	0.00 H
	ATOM	1169	HD2	PHE	A	81155. 289	1. 158	-1. 315	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1170	HE 1	PHE	A	81153. 992	5. 253	1. 082	1. 00	0.00 H
	ATOM	1171	HE2	PHE	A	81156. 543	1. 860	0. 683	1. 00	0.00 H
	ATOM	1172	HZ	PHE	A	81155. 895	3. 910	1. 884	1. 00	0.00 H
	ATOM	1173	N	VAL	A	82150. 136	1. 635	-3. 480	1. 00	0.00 N
	ATOM	1174	CA	VAL	A	82149. 229	1. 481	-4. 612	1.00	0.00 C

							187		,	
	ATOM	1175	C	VAL	A	82148. 290	2. 677	-4. 731	1. 00	0.00 C
	ATOM	1176	0	VAL	A	82148. 185	3. 490	-3. 813	1. 00	0.000
	ATOM	1177	CB	VAL	A	82148. 392	0. 195	-4. 492	1. 00	0.00 C
	ATOM	1178	CG1	VAL	A	82149. 267	-1.034	-4. 677	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1179	CG2	VAL	A	82147. 673	0. 150	-3. 151	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1180	H	VAL	A	82149. 874	2. 213	-2. 734	1. 00	0.00 H
	ATOM	1181	HA	VAL	A	82149. 826	1. 414	-5. 510	1. 00	0.00 H
	ATOM	1182	HB	VAL	A	82147. 648	0. 200	-5. 274	1. 00	0.00 H
	ATOM	1183	1HG1	VAL	A	82149. 980	-1. 095	-3.866	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1184	2HG1	VAL	A	82149. 796	-0.961	-5. 616	1. 00	0.00 H
	ATOM	1185	3HG1	VAL	A	82148. 650	-1. 920	-4. 680	1. 00	0.00 H
	ATOM	1186	1HG2	VAL	A	82146. 739	-0. 382	-3. 261	1. 00	0.00 H
	ATOM	1187	2HG2	VAL	A	82147. 476	1. 157	-2. 815	1. 00	0.00 H
	ATOM	1188	3HG2	VAL	A	82148. 293	-0. 357	-2. 428	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1189	N	LYS	A	83147. 610	2. 775	-5.868	1. 00	0.00 N
	ATOM	1190	CA	LYS	A	83146. 677	3. 871	-6. 108	1. 00	0. 00 C
	MOTA	1191	C	LYS	A	83145. 454	3. 754	-5. 206	1. 00	0.00 C
	ATOM	1192	0	LYS	A	83144. 760	2. 738	-5. 212	1. 00	0.000
	ATOM	1193	CB	LYS	A	83146. 244	3. 888	-7. 574	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1194	CG	LYS	A	83147. 383	4. 164	-8. 542	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1195	CD	LYS	A	83147. 037	3. 716	-9. 953	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1196	CE	LYS	A	83147. 527	4. 712	-10. 991	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1197	NZ	LYS	A	83147. 970	4. 039	-12. 243	1. 00	0.00 N
	ATOM	1198	H	LYS	A	83147. 736	2. 095	-6. 562	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1199	HA	LYS	A	83147. 188	4. 796	-5. 882	1. 00	0.00 H
	ATOM	1200	1HB	LYS	A	83145. 815	2. 929	-7. 822	1. 00	0.00 H
	ATOM	1201	2HB	LYS	A	83145. 494	4. 653	-7. 708	1. 00	0.00 H
	ATOM	1202	1HG	LYS	A	83147. 585	5. 225	-8. 552	1. 00	0.00 H
	ATOM	1203	2HG	LYS	A	83148. 262	3. 631	-8. 210	1. 00	0.00 H

4	

							100			
	ATOM	1204	1HD	LYS A	L	83147. 501	2. 760	-10. 141	1. 00	0.00 H
	ATOM	1205	2HD	LYS A	L	83145. 964	3. 620	-10. 037	1. 00	0.00 H
	ATOM	1206	1HE	LYS A	1	83146. 723	5. 394	-11. 225	1. 00	0.00 H
	ATOM	1207	2HE	LYS A	1	83148. 356	5. 266	-10. 576	1. 00	0.00 H
5	MOTA	1208	1HZ	LYS A	1	83147. 466	3. 137	-12. 361	1. 00	0.00 H
	ATOM	1209	2HZ	LYS A	I	83148. 992	3. 849	-12. 204	1. 00	0.00 H
	ATOM	1210	3HZ	LYS A	I	83147. 773	4. 646	-13.064	1. 00	0.00 H
	ATOM	1211	N	LEU A	A	84145. 197	4. 803	-4. 432	1. 00	0.00 N
	ATOM	1212	CA	LEU A	A	84144. 059	4. 823	-3. 523	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	1213	C	LEU A	A	84142. 750	4. 654	-4. 288	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1214	0	LEU A	A	84141. 796	4. 062	-3. 782	1. 00	0.000
	ATOM	1215	CB	LEU A	A	84144. 039	6. 133	-2. 733	1. 00	0.00 C
	ATOM	1216	CG	LEU 1	A	84142. 825	6. 326	-1. 822	1. 00	0.00 C
	ATOM	1217	CD1	LEU A	A	84142. 924	5. 419	-0. 605	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1218	CD2	LEU A	A	84142. 705	7. 781	-1. 396	1. 00	0.00 C
	ATOM	1219	H	LEU A	A	84145. 789	5. 582	-4. 474	1. 00	0.00 H
	ATOM	1220	HA	LEU .	A	84144. 169	3. 999	-2. 834	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1221	1HB	LEU .	A	84144. 931	6. 175	-2. 125	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1222	2HB	LEU .	A	84144. 066	6. 952	-3. 437	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1223	HG	LEU	A	84141. 930	6. 059	-2. 365	1. 00	0.00 H
	ATOM	1224	1HD1	LEU	A	84141. 946	5. 308	-0. 159	1. 00	0.00 H
	ATOM	1225	2HD1	LEU	A	84143. 600	5. 855	0. 115	1. 00	0.00 H
	ATOM	1226	3HD1	LEU	A	84143. 294	4. 450	-0. 906	1. 00	0.00 H
	ATOM	1227	1HD2	LEU	A	84143. 646	8. 115	-0. 986	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1228	2HD2	LEU	A	84141. 931	7. 874	-0. 648	1. 00	0.00 H
	ATOM	1229	3HD2	LEU	A	84142. 451	8. 386	-2. 254	1. 00	0.00 H
	ATOM	1230	N	LYS	A	85142. 712	5. 177	-5. 508	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1231	CA	LYS	A	85141. 521	5. 083	-6. 343	1. 00	0.00 C
	ATOM	1232	C	LYS	A	85141. 210	3. 630	-6. 689	1. 00	0. 00 C

5 10 -9.9271.00 0.00 H 1245 1HD LYS A 85142. 156 6. 754 **ATOM** 6.470 - 10.0861.00 0.00 H 1246 2HD LYS A 85143.890 ATOM 0.00 H **ATOM** 1247 1HE LYS A 85142.358 4.003 - 10.1291.00 15 0.00 H 1248 2HE LYS A 85141.869 5. 116 -11. 406 1.00 ATOM 3.427 - 11.5991.00 0.00 H 1249 1HZ LYS A 85143. 929 ATOM 1250 2HZ 4.815 -11.058 1.00 0.00 H LYS A 85144. 729 ATOM ATOM 1251 3HZ LYS A 85143.810 4. 869 -12. 477 1.00 0.00 H SER A 2. 794 -6.7051.00 0.00 N 20 **ATOM** 1252 N 86142. 243 -7.0191. 00 0.00 C ATOM 1253 CA SER A 86142. 077 1. 380 0.00 C -5.7471.00 **ATOM** 1254 C SER A 86142.051 0. 539 -5. 743 1.00 0.000ATOM 1255 0 SER A 86142.486 -0.6130.00 C **ATOM** 1256 SER A 86143. 205 0. 904 -7.9361.00 CB 0.000 -9.0381.00 25 ATOM 1257 0G SER A 86143. 371 1. 779 0.00 H 3. 136 -6.5001. 00 ATOM 1258 SER A 86143. 139 H 0.00 H ATOM -7.5331.00 1259 HA SER A 86141. 134 1. 264 ATOM -7.3780.00 H 86144. 128 0.869 1.00 1260 1HB SER A -0.083-8. 308 1.00 0.00 H **ATOM** 1261 2HB 86142. 972 SER A

	WO 2004	1/016/81				190		PCI	JP2003/0102
	ATOM	1262	HG	SER A	86142. 512	1. 998	-9. 406	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1263	N	CYS A	87141. 537	1. 122	-4. 669	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1264	CA	CYS A	87141. 454	0. 427	-3. 390	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1265	С	CYS A	87140. 001	0. 231	-2. 970	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1266	0	CYS A	87139. 186	1. 148	-3.073	1. 00	0.000
	ATOM	1267	СВ	CYS A	87142. 207	1. 208	-2.311	1. 00	0.00 C
	ATOM	1268	SG	CYS A	87144. 005	1. 180	-2.501	1. 00	0.00 S
	ATOM	1269	H	CYS A	87141. 206	2. 042	-4. 735	1. 00	0.00 H
	ATOM	1270	HA	CYS A	87141. 916	-0. 542	-3.508	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1271	1HB	CYS A	87141. 891	2. 239	-2. 337	1. 00	0.00 H
	ATOM	1272	2HB	CYS A	87141. 972	0. 788	-1. 344	1. 00	0.00 H
	ATOM	1273	HG	CYS A	87144. 394	1. 095	-1.627	1. 00	0.00 H
	ATOM	1274	N	ARG A	88139. 683	-0.971	-2. 498	1. 00	0.00 N
	ATOM	1275	CA	ARG A	88138. 328	-1. 288	-2.063	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1276	C	ARG A	88138. 292	-1. 575	-0.563	1. 00	0.00 C
	ATOM	1277	0	ARG A	88139. 234	-2. 142	-0.010	1. 00	0.000
	ATOM	1278	CB	ARG A	88137. 790	-2. 492	-2. 839	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1279	CG	ARG A	88136. 954	-2. 109	-4. 051	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1280	CD	ARG A	88135. 509	-2. 558	-3. 902	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1281	NE	ARG A	88135. 240	-3. 791	-4. 638	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1282	CZ	ARG A	88134. 146	-4. 531	-4. 470	1. 00	0.00 C
	ATOM	1283	NH 1	ARG A	88133. 219	-4. 168	-3. 594	1. 00	0.00 N
	ATOM	1284	NH2	2 ARG A	88133. 980	-5. 638	-5. 181	1. 00	0.00 N
	ATOM	1285	H	ARG A	88140. 377	-1. 660	-2. 441	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	1286	HA	ARG A	88137. 706	-0. 430	-2. 269	1. 00	0.00 H
	ATOM	1287	1HB	ARG A	88138. 623	-3. 088	-3. 178	1. 00	0.00 H
	ATOM	1288	2HB	ARG A	88137. 176	-3. 087	-2. 178	1. 00	0.00 H
	ATOM	1289	1HG	ARG A	88136. 976	-1. 035	-4. 167	1. 00	0.00 H
	ATOM	1290	2HG	ARG A	88137. 378	-2. 575	-4. 929	1. 00	0.00 H

ATOM

	WO 2004/016781		N.			PCT/JP2003/0			JP2003/0102	
				,			191)	
	ATOM	1291	1HD	ARG	A	88135. 304	-2. 724	-2.854	1. 00	0.00 H
	ATOM	1292	2HD	ARG	A	88134. 862	-1. 778	-4. 275	1. 00	0.00 H
	ATOM	1293	HE	ARG	A	88135. 910	-4. 082	-5. 292	1. 00	0.00 H
	ATOM	1294	1HH1	ARG	A	88133. 338	-3. 334	-3.054	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1295	2HH1	ARG	A	88132. 399	-4. 728	-3. 472	1. 00	0.00 H
	ATOM	1296	1HH2	ARG	A	88134. 676	-5. 917	-5. 843	1. 00	0.00 H
	ATOM	1297	2HH2	ARG	A	88133. 159	-6. 194	-5. 055	1. 00	0.00 H
	ATOM	1298	N	PRO	A	89137. 198	-1. 187	0. 118	1. 00	0.00 N
	ATOM	1299	CA	PRO	A	89137. 048	-1. 408	1. 560	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1300	C	PRO	A	89137. 285	-2.863	1. 950	1. 00	0.00 C
	ATOM	1301	0	PRO	A	89136. 808	-3. 781	1. 282	1. 00	0.000
	ATOM	1302	CB	PR0	A	89135. 594	-1. 013	1. 832	1. 00	0.00 C
	ATOM	1303	CG	PRO	A	89135. 252	-0.054	0.744	1. 00	0.00 C
	ATOM	1304	CD	PR0	A	89136. 026	-0.505	-0. 463	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1305	HA	PRO	A	89137. 710	-0.771	2. 128	1. 00	0.00 H
	ATOM	1306	1HB	PRO	A	89134. 967	-1. 892	1. 797	1. 00	0.00 H
	ATOM	1307	2HB	PRO	A	89135. 520	-0. 549	2. 803	1. 00	0.00 H
	ATOM	1308	1HG	PRO	A	89134. 191	-0.090	0. 545	1. 00	0.00 H
	ATOM	1309	2HG	PRO	A	89135. 548	0. 945	1. 028	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1310	1HD	PRO	A	89135. 436	-1. 189	-1.056	1. 00	0.00 H
	ATOM	1311	2HD	PRO	A	89136. 329	0.346	-1. 055	1. 00	0.00 H
	ATOM	1312	N	ASP	A	90138. 026	-3.066	3. 035	1. 00	0.00 N
	ATOM	1313	CA	ASP	Ą	90138. 326	-4. 409	3. 514	1. 00	0.00 C
	ATOM	1314	C	ASP	A	90137. 405	-4. 795	4. 667	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1315	0	ASP	A	90137. 387	-4. 137	5. 706	1. 00	0.000
	ATOM	1316	CB	ASP	A	90139. 786	-4. 499	3.961	1. 00	0.00 C
	ATOM	1317	CG	ASP	A	90140. 288	-5. 929	4. 013	1. 00	0.00 C
	ATOM	1318	0D1	ASP	A	90139. 463	-6.840	4. 238	1. 00	0.000

1319 OD2 ASP A 90141.506 -6.138 3.828 1.00 0.00 0

	WO 2004	I/016781				PCT/JP2003/010288
					192	0.505 1.00 0.00 H
	ATOM	1320	H	ASP A	90138. 378 -2. 294	3. 525 1. 00 0. 00 H
	ATOM	1321	HA	ASP A	90138. 167 -5. 097	2. 696 1. 00 0. 00 H
	ATOM	1322	1HB	ASP A	90140. 403 -3. 947	3. 268 1. 00 0. 00 H
	AŤOM	1323	2HB	ASP A	90139. 881 -4. 067	4. 946 1. 00 0. 00 H
5	ATOM	1324	N	SER A	91136. 640 -5. 865	4. 475 1. 00 0. 00 N
	ATOM	1325	CA	SER A	91135. 716 -6. 338	5. 498 1. 00 0. 00 C
	ATOM	1326	C	SER A	91136. 321 -7. 495	6. 286 1. 00 0. 00 C
	ATOM	1327	0	SER A	91135. 606 -8. 375	6. 764 1. 00 0. 00 0
	ATOM	1328	CB	SER A	91134. 396 -6. 776	4.860 1.00 0.00 C
10	ATOM	1329	0G	SER A	91133. 310 -6. 584	5. 749 1. 00 0. 00 0
	ATOM	1330	H	SER A	91136. 699 -6. 348	3. 624 1. 00 0. 00 H
	ATOM	1331	HA	SER A	91135. 523 -5. 519	6. 175 1. 00 0. 00 H
	ATOM	1332	1HB	SER A	91134. 221 -6. 196	3. 966 1. 00 0. 00 H
	MOTA	1333	2HB	SER A	91134. 454 -7. 824	4.603 1.00 0.00 H
15	ATOM	1334	HG	SER A	91133. 107 -7. 412	6. 191 1. 00 0. 00 H
	ATOM	1335	N	ARG A	92137. 643 -7. 487	6. 418 1. 00 0. 00 N
	ATOM	1336	CA	ARG A	92138. 345 -8. 536	7. 149 1. 00 0. 00 C
	ATOM	1337	С	ARG A	92137. 999 -8. 490	8. 633 1. 00 0. 00 C
	ATOM	1338	0	ARG A	92137. 991 -9. 519	9. 310 1. 00 0. 00 0
20	ATOM	1339	CB	ARG A	92139. 856 -8. 395	6. 960 1. 00 0. 00 C
	ATOM	1340	CG	ARG A	92140. 387 -9. 117	5. 733 1. 00 0. 00 C
	ATOM	1341	CD	ARG A	92140. 922 -10. 495	6. 085 1. 00 0. 00 C
	ATOM	1342	NE	ARG A	92139. 849 -11. 470	6. 267 1. 00 0. 00 N
	ATOM	1343	CZ	ARG A	92140. 030 -12. 682	6. 784 1. 00 0. 00 C
25	ATOM	1344	NH 1	ARG A	92141. 238 -13. 075	7. 169 1. 00 0. 00 N
	ATOM	1345	NH2	ARG A	92138. 999 -13. 508	6. 915 1. 00 0. 00 N
	ATOM	1346	H	ARG A	92138. 160 -6. 758	6. 014 1. 00 0. 00 H

-9. 488

-7. 347

1347

1348 1HB

ATOM

 ${\tt ATOM}$

HA

ARG A

ARG A

92138. 029

92140.099

6.747

6.869

1. 00

1.00

0.00 H

0.00 H

	WO 2004	7016781		100	P	C1/JP2003/010
	4 m 0 1 f	10.40 0110	ADC A	193	7 991 1 00	n 0 0 0 U
	ATOM	1349 2HB	ARG A	92140. 355 -8. 796	7. 831 1. 00	
	ATOM	1350 1HG	ARG A	92139. 586 -9. 225	5. 016 1. 00	
	ATOM	1351 2HG	ARG A	92141. 183 -8. 530		
	ATOM	1352 1HD	ARG A	92141. 568 -10. 830	5. 287 1. 0	
5	ATOM	1353 2HD	ARG A	92141. 491 -10. 423	7. 001 1. 0	0 0.00 H
	ATOM	1354 HE	ARG A	92138. 947 -11. 206	5. 990 1. 0	0 0.00 H
	ATOM	1355 1HH	1 ARG A	92142. 019 -12. 458	7. 074 1. 0	0 0.00 H
	ATOM	1356 2HH	1 ARG A	92141. 367 -13. 988	7. 557 1. 0	0 0.00 H
	ATOM	1357 1HH	2 ARG A	92138. 087 -13. 217	6. 626 1. 0	0 0.00 H
10	ATOM	1358 2HH	2 ARG A	92139. 135 -14. 418	7. 303 1. 0	0 0.00 H
	ATOM	1359 N	PHE A	93137. 713 -7. 293	9. 133 1. 0	0 0.00 N
	ATOM	1360 CA	PHE A	93137. 366 -7. 114	10.538 1.0	0 0.00 C
	ATOM	1361 C	PHE A	93136. 006 -6. 439	10. 683 1. 0	0 0.00 C
	ATOM	1362 0	PHE A	93135. 761 -5. 713	3 11.646 1.0	0.000
15	ATOM	1363 CE	PHE A	93138. 437 -6. 284	1 11. 248 1. 0	0.00 C
	ATOM	1364 CO	PHE A	93139. 732 -7. 019	9 11.447 1.0	00 0.00 C
	ATOM	1365 CI	1 PHE A	93140. 508 -7. 389	9 10.360 1.0	00 0.00 C
	ATOM	1366 CI	2 PHE A	93140. 173 -7. 340) 12. 721 1. (00 0.00 C
	ATOM	1367 CF	E1 PHE A	93141. 701 -8. 064	4 10.540 1.0	00 0.00 C
20	ATOM	1368 CI	E2 PHE A	93141. 365 -8. 01	5 12. 907 1. 0	00 0.00 C
	ATOM	1369 CZ	Z PHE A	93142. 129 -8. 37	8 11.815 1.0	00 0.00 C
	ATOM	1370 H	PHE A	93137. 736 -6. 51	1 8. 543 1. (00 0.00 H
	ATOM	1371 H	A PHE A	93137. 320 -8. 09	1 10. 995 1. (00 0.00 H
	ATOM	1372 1H	B PHE A	93138. 644 -5. 40	0 10.663 1.	00 0.00 H
25	ATOM	1373 2H	B PHE A	93138.069 -5.98	9 12. 219 1.	00 0.00 H
	ATOM	1374 H	O1 PHE A	93140. 174 -7. 14	3 9. 362 1.	00 0.00 H
	ATOM	1375 H	D2 PHE A	93139. 576 -7. 05	7 13. 575 1.	00 0.00 H
	ATOM	1376 H	E1 PHE A	93142. 296 -8. 34	7 9. 684 1.	00 0.00 H
	ATOM	1377 H	E2 PHE A	93141. 697 -8. 26	0 13. 905 1.	00 0.00 H

CD1 LEU A 96129. 872 -6. 756

1406

ATOM

7. 782

1.00

0.00 C

				,		195			
	ATOM	1407 C	D2 L	EU A	96128. 074	-7. 403	6. 170	1. 00	0.00 C
	ATOM	1408 H	[L	EU A	96129. 818	-9. 273	10.663	1. 00	0.00 H
	ATOM	1409 H	IA L	EU A	96127. 459	-7.624	10.049	1. 00	0.00 H
	ATOM	1410 1H	B I	EU A	96129. 204	-9. 186	8. 209	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1411 2H	IB I	LEU A	96127. 483	-9. 158	7. 881	1. 00	0.00 H
	ATOM	1412 I	HG I	LEU A	96127. 785	-6.556	8. 093	1. 00	0.00 H
	ATOM	1413 1I	HD1 I	LEU A	96130. 148	-6. 210	6.893	1. 00	0.00 H
	ATOM	1414 21	HD1 I	LEU A	96130. 546	-7. 589	7. 917	1. 00	0.00 H
	ATOM	1415 3	HD1	LEU A	96129. 932	-6. 102	8. 639	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1416 1	HD2	LEU A	96128. 564	-6.626	5.603	1. 00	0.00 H
	ATOM	1417 2	HD2	LEU A	96127. 003	-7. 305	6.063	1. 00	0.00 H
	ATOM	1418 3	HD2	LEU A	96128. 385	-8. 368	5.800	1. 00	0.00 H
	ATOM	1419	N	GLN A	97126. 757	-9. 711	11. 559	1. 00	0.00 N
	ATOM	1420	CA	GLN A	97125. 947	-10. 790	12. 110	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1421	C	GLN A	97124. 516	-10. 728	11. 576	1. 00	0.00 C
	ATOM	1422	0	GLN A	97124. 045	-11.665	10. 932	1. 00	0.000
	ATOM	1423	CB	GLN A	97125. 941	-10. 721	13. 640	1. 00	0.00 C
	ATOM	1424	CG	GLN A	97126. 526	-11. 955	14. 306	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1425	CD	GLN A	97127. 328	-11.623	15. 549	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1426	0E1	GLN A	97128. 215	-10. 768	15. 519	1. 00	0.000
	ATOM	1427	NE2	GLN A	97127. 020	-12. 297	16. 650	1. 00	0.00 N
	ATOM	1428	H	GLN A	97127. 004	-8. 958	12. 134	1. 00	0.00 H
	ATOM	1429	HA	GLN A	97126. 390	-11. 726	11. 804	1. 00	0.00 H
	ATOM	1430	1HB	GLN A	97126. 519	-9.863	13. 952	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1431	2HB	GLN A	97124. 924	1 -10.602	13. 982	1. 00	0.00 H
	ATOM	1432	1HG	GLN A	97125. 719	9 -12.616	14. 585	1. 00	0.00 H
	ATOM	1433	2HG	GLN A	97127. 173	3 -12. 457	13. 601	1. 00	0.00 H
	ATOM	1434	1HE2	GLN A	97126. 303	3 -12.963	16. 600	1. 00	0.00 H
	ATOM	1435	2HE2	GLN A	A 97127. 523	3 -12. 101	17. 468	1. 00	0.00 H

						196			
	ATOM	1436	N	PRO A	98123. 805	-9. 618	11. 839	1. 00	0.00 N
	ATOM	1437	CA	PRO A	98122. 423	-9. 441	11. 383	1. 00	0.00 C
	ATOM	1438	C	PRO A	98122. 336	-9. 185	9. 882	1. 00	0.00 C
	ATOM	1439	0	PRO A	98121. 504	-9. 772	9. 190	1.00	0.000
5	ATOM	1440	CB	PRO A	98121. 948	-8. 215	12. 163	1. 00	0.00 C
	ATOM	1441	CG	PRO A	98123. 189	-7. 437	12. 434	1. 00	0.00 C
	ATOM	1442	CD	PRO A	98124. 289	-8. 450	12.603	1. 00	0.00 C
	ATOM	1443	HA	PRO A	98121. 811	-10. 293	11. 637	1. 00	0.00 H
	ATOM	1444	1HB	PRO A	98121. 251	-7. 650	11. 562	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1445	2HB	PRO A	98121. 472	-8. 530	13. 079	1. 00	0.00 H
	ATOM	1446	1HG	PRO A	98123. 404	-6. 786	11.600	1. 00	0.00 H
	ATOM	1447	2HG	PRO A	98123. 070	-6.861	13. 341	1. 00	0.00 H
	ATOM	1448	1HD	PRO A	98125. 213	-8. 076	12. 188	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1449	2HD	PRO A	98124. 416	-8. 700	13.646	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1450	N	SER A	99123. 200	-8. 306	9. 385	1. 00	0.00 N
	ATOM	1451	CA	SER A	99123. 219	-7. 974	7. 965	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1452	C.	SER A	99121. 874	-7. 407	7. 521	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1453	0	SER A	99121. 020	-7. 091	8. 348	1. 00	0.000
	ATOM	1454	CB	SER A	99123. 566	-9. 211	7. 134	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	1455	0G	SER A	99124. 331	-8. 862	5. 994	1. 00	0.000
	ATOM	1456	H	SER A	99123. 840	-7. 871	9. 986	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1457	HA	SER A	99123. 981	-7. 223	7. 811	1. 00	0. 00 H
	MOTA	1458	1HB	SER A	99124. 136	-9. 899	7. 738	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1459	2HB	SER A	99122. 654	-9. 689	6. 808	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	1460	HG	SER A	99124. 982	-9. 547	5. 823	1. 00	0.00 H
	ATOM	1461	N	GLY A	100121. 693	-7. 282	6. 210	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1462	CA	. GLY A	100120. 450	-6. 753	5. 680	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1463	C	GLY A	100119. 356	-7. 803	5. 611	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1464	0	GLY A	100119.639	-8. 982	5. 399	1. 00	0.000

		.,010.01				197			,02 2000,020
	ATOM	1465	Н	GLY A	100122. 411	-7. 550	5. 597	1. 00	0.00 H
	ATOM	1466	1HA	GLY A	100120. 118	-5. 944	6. 312	1. 00	0.00 H
	ATOM	1467	2HA	GLY A	100120. 628	-6. 370	4. 686	1. 00	0.00 H
	ATOM	1468	N	PRO A	101118. 085	-7. 404	5. 789	1. 00	0.00 N
5	ATOM	1469	CA	PRO A	101116. 952	-8. 333	5. 743	1. 00	0.00 C
	ATOM	1470	C	PRO A	101116. 660	-8. 821	4. 328	1. 00	0.00 C
	ATOM	1471	0	PRO A	101116. 427	-8. 023	3. 421	1. 00	0.000
	ATOM	1472	CB	PRO A	101115. 786	-7. 494	6. 269	1. 00	0.00 C
	ATOM	1473	CG	PRO A	101116. 154	-6. 088	5. 942	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	1474	CD	PRO A	101117. 653	-6.016	6.049	1. 00	0.00 C
	ATOM	1475	HA	PRO A	101117. 110	-9. 182	6. 391	1. 00	0.00 H
	ATOM	1476	1HB	PRO A	101114. 873	-7. 791	5. 773	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1477	2HB	PRO A	101115. 686	-7. 638	7. 335	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1478	1HG	PRO A	101115. 838	-5. 850	4. 937	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1479	2HG	PRO A	101115. 696	-5. 414	6.650	1. 00	0.00 H
	ATOM	1480	1HD	PRO A	101118. 052	-5. 343	5. 304	1. 00	0.00 H
	ATOM	1481	2HD	PRO A	101117. 947	-5. 701	7. 039	1. 00	0.00 H
	ATOM	1482	N	SER A	102116.674	-10. 138	4. 148	1. 00	0.00 N
	ATOM	1483	CA	SER A	102116. 412	-10. 733	2. 842	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1484	C	SER A	102116. 109	-12. 222	2. 974	1. 00	0.00 C
	ATOM	1485	0	SER A	A 102114. 991	-12. 664	2. 712	1. 00	0.000
	ATOM	1486	CB	SER A	A 102117. 608	-10. 524	1. 913	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1487	0G	SER A	A 102118. 116	-9. 206	2. 023	1. 00	0.000
	ATOM	1488	H	SER	A 102116.867	-10. 723	4. 910	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1489	HA	SER	A 102115. 549	-10. 239	2. 421	1. 00	0.00 H
	ATOM	1490	1HB	SER .	A 102118.391	-11. 220	2. 174	1. 00	0.00 H
	ATOM	1491	2HB	SER	A 102117. 301	-10. 695	0. 891	1. 00	0.00 H
	ATOM	1492	HG	SER	A 102117. 394	1 -8. 577	1. 950	1. 00	
	ATOM	1493	N	SER	A 103117.113	3 -12. 991	3. 383	1. 00	0. 00 N

WO 2004/016781				198		PC	Г/ЈР2003/010288	}
ATOM	1494	CA	SER A	103116. 954 -14. 431	3. 549	1. 00	0.00 C	

	ATOM	1494	CA	SER A	A	103116. 954	-14. 431	3. 549	1. 00	0.00 C
	ATOM	1495	C	SER	A	103116. 257	-14. 753	4. 867	1. 00	0.00 C
	ATOM	1496	0	SER .	A	103115. 461	-15. 689	4. 948	1. 00	0.000
	ATOM	1497	CB	SER .	A	103118. 316	-15. 125	3. 496	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1498	0G	SER	A	103119. 347	-14. 261	3. 943	1. 00	0.000
	ATOM	1499	H	SER	A	103117. 982	-12. 580	3. 576	1. 00	0.00 H
	ATOM	1500	HA	SER	A	103116. 344	-14. 793	2. 735	1. 00	0.00 H
	ATOM	1501	1HB	SER	A	103118. 297	-15. 999	4. 129	1. 00	0.00 H
	ATOM	1502	2HB	SER	A	103118. 528	-15. 422	2. 480	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1503	HG	SER	A	103,119. 084	-13. 850	4. 770	1. 00	0.00 H
	ATOM	1504	N	GLY	A	104116. 563	-13. 971	5.898	1. 00	0.00 N
	ATOM	1505	CA	GLY	A	104115. 957	-14. 190	7. 198	1. 00	0.00 C
	ATOM	1506	C	GLY	A	104116. 797	-13. 632	8. 330	1. 00	0.00 C
	ATOM	1507	0	GLY	A	104116. 544	1 -12. 483	8.749	1. 00	0.000
15	ATOM	1508	OXT	GLY	A	104117. 710	-14. 346	8.800	1. 00	0.000
	ATOM	1509	H	GLY	A	104117. 204	1 -13. 241	5. 775	1. 00	0.00 H
	ATOM	1510	1HA	GLY	A	104114. 988	3 -13.713	7. 216	1. 00	0.00 H
	ATOM	1511	2HA	GLY	A	104115. 828	3 -15. 251	7. 349	1. 00	0.00 H
	TER	1512	GLY	A 104	1					

ENDMDL

20

立体構造座標表 4

	ATOM	1	N	GLY A	1121.720	20. 634 -14. 920	1. 00	0.00 N
	ATOM	2	CA	GLY A	1122. 817	20. 620 -15. 926	1. 00	0.00 C
25	ATOM	3	C	GLY A	1124. 008	19. 798 -15. 473	1. 00	0.00 C
	ATOM	4	0	GLY A	1124. 328	18. 773 -16. 074	1. 00	0.000
	ATOM	5	1H	GLY A	1121. 802	19. 811 -14. 289	1. 00	0.00 H
	ATOM	6	2H	GLY A	1120. 797	20. 600 -15. 398	1. 00	0.00 H
	ATOM	7	3H	GLY A	1121.770	21. 502 -14. 350	1. 00	0.00 H

					199		•
	ATOM 8 1	HA	GLY A	1122. 439	20. 205 -16. 849	1.00	0.00 H
	ATOM 9,2	2HA	GLY A	1123. 140	21. 634 -16. 106	1.00	0.00 H
	ATOM10	N	SER A	2124. 667	20. 251 -14. 411	1.00	0.00 N
	ATOM11	CA	SER A	2125. 830	19. 552 -13. 878	1.00	0.00 C
5	ATOM12	C	SER A	2125. 464	18. 765 -12. 623	1. 00	0.00 C
	ATOM13	0	SER A	2126. 259	18. 661 -11. 690	1.00	0.000
	ATOM14	CB	SER A	2126. 948	20. 547 -13. 561	1. 00	0.00 C
	ATOM15	0G	SER A	2126. 520	21. 513 -12. 617	1.00	0.000
	ATOM16	H	SER A	2124. 363	21. 075 -13. 976	1. 00	0.00 H
10	ATOM17	HA	SER A	2126. 177	18. 862 -14. 633	1.00	0.00 H
	ATOM18	1HB	SER A	2127. 796	20. 015 -13. 156	1.00	0.00 H
	ATOM19	2HB	SER A	2127. 243	21. 054 -14. 469	1. 00	0.00 H
	ATOM20	HG	SER A	2126. 598	22. 391 -12. 998	1.00	0.00 H
	ATOM21	N	SER A	3124. 255	18. 213 -12. 610	1.00	0.00 N
15	ATOM22	CA	SER A	3123. 782	17. 436 -11. 469	1. 00	0.00 C
	ATOM23	C	SER A	3123. 253	16. 078 -11. 920	1. 00	0.00 C
	ATOM24	0	SER A	3123. 214	15. 780 -13. 113	1. 00	0.000
	ATOM25	CB	SER A	3122. 690	18. 201 -10. 721	1. 00	0.00 C
	ATOM26	0G	SER A	3122. 954	19. 592 -10. 713	1. 00	0.000
20	ATOM27	H	SER A	3123. 666	18. 332 -13. 384	1. 00	0. 00 H
	ATOM28	HA	SER A	3124. 619	17. 280 -10. 805	1. 00	0.00 H
	ATOM29	1HB	SER A	3121. 739	18. 031 -11. 206	1. 00	0.00 H
	ATOM30	2HB	SER A	3122. 641	17. 848 -9. 701	1. 00	0.00 H
	ATOM31	HG	SER A	3123. 781	19. 758 -10. 252	1. 00	0.00 H
25	ATOM32	N	GLY A	4122. 847	15. 258 -10. 956	1. 00	0. 00 N
	ATOM33	CA	GLY A	4122. 325	13. 942 -11. 272	1. 00	0.00 C
	ATOM34	C	GLY A	4121. 131	13. 570 -10. 416	1. 00	0. 00 C
	ATOM35	0	GLY A	4120. 014	13. 442 -10. 917	1. 00	0.000
	ATOM36	H	GLY A	4122. 901	15. 549 -10. 021	1. 00	0.00 H

			_					
	ATOM37	1HA	GLY A	4122. 029	13. 925 -	12. 310	1.00	0.00 H
	ATOM38	2HA	GLY A	4123. 105	13. 211 -	11. 120	1.00	0.00 H
	ATOM39	N	SER A	5121. 366	13. 394	-9. 120	1. 00	0.00 N
	ATOM40	CA	SER A	5120. 300	13. 034	-8. 191	1. 00	0.00 C
5	ATOM41	C	SER A	5120.725	13. 292	-6. 750	1.00	0.00 C
	ATOM42	0	SER A	5121. 804	13. 829	-6. 496	1. 00	0.000
	ATOM43	CB	SER A	5119. 918	11. 564	-8. 367	1.00	0.00 C
	ATOM44	0G	SER A	5118.602	11. 319	-7. 902	1. 00	0.000
	ATOM45	H	SER A	5122. 278	13. 510	-8. 780	1. 00	0.00 H
10	ATOM46	HA	SER A	5119. 443	13.650	-8. 417	1.00	0.00 H
	ATOM47	1HB	SER A	5119. 969	11. 303	-9. 414	1. 00	0.00 H
	ATOM48	2HB	SER A	5120.605	10. 946	-7. 809	1. 00	0.00 H
	ATOM49	HG	SER A	5117. 985	11. 880	-8. 377	1.00	0.00 H
	ATOM50	Ŋ	SER A	6119.871	12. 904	-5. 808	1. 00	0.00 N
15	ATOM51	CA	SER A	6120. 158	13.094	-4. 391	1.00	0.00 C
	ATOM52	C	SER A	6120.904	11. 891	-3.822	1.00	0.00 C
	ATOM53	0	SER A	6120.766	10.772	-4. 314	1. 00	0.000
	ATOM54	CB	SER A	6118.860	13. 318	-3. 612	1. 00	0.00 C
	ATOM55	- 0G	SER A	6118. 541	14. 697	-3. 538	1. 00	0.000
20	ATOM56	H	SER A	6119. 027	12. 481	-6. 073	1. 00	0.00 H
	ATOM57	HA	SER A	6120. 782	13. 969	-4. 293	1. 00	0.00 H
	ATOM58	1HB	SER A	6118.052	12. 801	-4. 106	1. 00	0.00 H
	ATOM59	2HB	SER A	6118. 975	12. 933	-2. 609	1. 00	0.00 H
	ATOM60	HG	SER A	6118. 107	14. 880	-2.702	1. 00	0.00 H
25	ATOM61	N	GLY A	7121. 697	12. 132	-2. 782	1. 00	0.00 N
	ATOM62	CA	GLY A	7122. 455	11. 059	-2. 163	1. 00	0.00.C
	ATOM63	C	GLY A	7123. 939	11. 360	-2. 100	1. 00	0.00 C
	ATOM64	0	GLY A	7124. 349	12. 392	-1. 568	1. 00	0.000
	ATOM65	H	GLY A	7121. 768	13. 044	-2. 433	1. 00	0.00 H

WO 2004/016781		PCT/JP2003/010288
	201	

						201			
	ATOM66	1HA	GLY	A	7122. 086	10. 908	-1. 159	1. 00	0. 00 H
	ATOM67	2HA	GLY	A	7122. 306	10. 153	-2. 730	1. 00	0.00 H
	ATOM68	N	LEU	A	8124. 747	10. 455	-2. 645	1.00	0.00 N
	ATOM69	CA	LEU	A	8126. 195	10.628	-2. 648	1. 00	0.00 C
5	ATOM70	C	LEU	A	8126. 735	10. 727	-1. 225	1. 00	0.00 C
	ATOM71	0	LEU	A	8126. 956	11. 822	-0. 708	1. 00	0.000
	ATOM72	CB	LEU	A	8126. 578	11. 881	-3. 439	1. 00	0. 00 C
	ATOM73	CG	LEU	A	8126. 391	11. 771	-4. 954	1. 00	0. 00 C
	ATOM74	CD1	LEU	A	8125. 132	12. 503	-5. 392	1. 00	0.00 C
10	ATOM75	CD2	LEU	A	8127. 609	12. 320	-5. 684	1. 00	0.00 C
	ATOM76	H	LEU	A	8124. 360	9.653	-3. 053	1. 00	0.00 H
	ATOM77	HA	LEU	A	8126. 631	9. 764	-3. 127	1. 00	0.00 H
	ATOM78	1HB	LEU	A	8125. 979	12. 704	-3.080	1. 00	0.00 H
	ATOM79	2HB	LEU	A	8127. 617	12. 101	-3. 241	1. 00	0. 00 H
15	ATOM80	HG	LEU	A	8126. 281	10. 731	-5. 222	1. 00	0.00 H
•	ATOM81	1HD1	LEU	A	8125. 389	13. 502	-5. 716	1. 00	0.00 H
	ATOM82	2HD1	LEU	A	8124. 442	12. 560	-4. 564	1. 00	0.00 H
	ATOM83	3HD1	LEU	A	8124.669	11. 968	-6. 208	1. 00	0.00 H
	ATOM84	1HD2	LEU	A	8127. 471	12. 206	-6. 749	1. 00	0.00 H
20	ATOM85	2HD2	LEU	A	8128. 489	11. 776	-5. 375	1. 00	0.00 H
	ATOM86	3HD2	LEU	A	8127. 731	13. 366	-5. 447	1. 00	0.00 H
	ATOM87	N	ALA	A	9126. 946	9. 575	-0. 597	1. 00	0.00 N
	ATOM88	CA	ALA	A	9127. 461	9. 530	0.766	1. 00	0.00 C
	ATOM89	С	ALA	A	9128. 987	9. 538	0. 777	1. 00	0.00 C
25	ATOM90	0	ALA	A	9129. 620	8. 618	1. 295	1. 00	0.000
	ATOM91	CB	ALA	A	9126. 930	8. 302	1. 490	1. 00	0.00 C
	ATOM92	Н	ALA	A	9126. 752	8. 734	-1.062	1. 00	0.00 H
	ATOM93	HA	ALA	A	9127. 103	10. 408	1. 285	1. 00	0.00 H
	ATOM94	1HB	ALA	. A	9126. 984	7. 446	0.834	1. 00	0.00 H

	WO 2004/016781				202							PC1/JP2003/010			
	ATOM95	2HB	ALA	Δ 0	125	902	8	470	1	778	1. 00	0. 00	Н		
	ATOM96		ALA					119		372	1. 00	0. 00			
	ATOM97	N	MET			571		584		201	1. 00	0. 00			
	ATOM98	CA	MET			. 023		712		145	1. 00	0. 00			
5	ATOM99	C	MET			. 429				337	1. 00	0. 00			
อ		100	0	MET		. 423 10132.					405	1. 00	0. 00	n 1	n
	ATOM		CB			10132.			645		779	1. 00	0. 0		
	ATOM	101		MET							083	1. 00	0. 0		
	ATOM	102	CG	MET		10130.			478				0. 0		
1.0	ATOM	103	SD	MET		10131.			566		535	1. 00			
10	ATOM	104	CE	MET		10131.			954		404	1. 00	0. 0		
	ATOM	105	H	MET		10129.			286		194	1. 00	0. 0		
	ATOM	106	HA	MET		10131.			564		143	1. 00	0. 0		
	ATOM	107		MET		10132.			913		014	1. 00	0. 0		
. -	ATOM		2HB	MET		10131.			697		261	1. 00	0. 0		
15	ATOM		1HG	MET		10130.			517		075	1. 00	0. 0		
	ATOM		2HG	MET		10130.			259		. 151	1. 00	0. 0		
	ATOM	111		MET		10130.			653		. 838	1. 00	0. 0		
	ATOM		2HE	MET		10131.			279		. 186	1. 00	0. 0		
	ATOM		3HE			10131			76		. 711	1. 00	0. 0		
20	ATOM		N			11131							0. 0	_	
	ATOM	115				11131			. 53		. 093	1. 00	0. 0		
	ATOM	116		PRO		11132			. 73		. 102	1. 00	0. 0		
	ATOM	117		PRO		11133			. 329		. 090	1. 00	0. 0		
	ATOM	118	CB	PRO) A	11130	. 94		. 35		. 283	1. 00	0. 0		
25	ATOM	119) CG	PRO) A	11129	. 96	6 14	. 47	9 1	. 987	1. 00	0. 0		
	ATOM	120) CD	PRO) A	11130	. 40	2 13	. 06	3 1	. 735	1. 00	0. (0(C
	ATOM	121	l HA	PRO) A	11130	. 93	1 14	. 84	0 -0	. 803	1. 00	0. (0(H
	ATOM	122	2 1HB	PRO) A	11131	. 77	8 15	. 61	0 1	. 923	1. 00	0. (00	H
	ATOM	123	3 2HB	PRO) A	11130	. 47	6 16	. 25	8 0	. 923	1. 00	0. (00	H

	ATOM	124 1	HG	PRO A	11129. 982	14. 690	3. 045	1. 00	0.00 H
	ATOM	125 2	2HG	PRO A	11128. 975	14. 641	1. 587	1. 00	0.00 H
	ATOM	126 1	HD	PRO A	11131. 065	12. 727	2. 519	1.00	0.00 H
	ATOM	127 2	2HD	PRO A	11129. 544	12. 412	1. 659	1. 00	0.00 H
5	ATOM	128	N	PRO A	12133. 779	14. 235	0. 835	1. 00	0.00 N
	ATOM	129	CA	PRO A	12135. 238	14. 369	0. 742	1. 00	0.00 C
	ATOM	130	C	PRO A	12135. 783	13. 801	-0.562	1. 00	0.00 C
	ATOM	131	0	PRO A	12136. 871	14. 169	-1.006	1. 00	0.000
	ATOM	132	CB	PRO A	12135. 755	13. 558	1. 934	1. 00	0.00 C
10	ATOM	133	CG	PRO A	12134. 615	13. 509	2. 890	1. 00	0.00 C
	ATOM	134	CD	PRO A	12133. 371	13. 501	2. 049	1.00	0. 00 C
	ATOM	135	HA	PRO A	12135. 546	15. 399	0.841	1. 00	0.00 H
	ATOM	136	1HB	PRO A	12136. 037	12. 568	1. 604	1. 00	0.00 H
	ATOM	137	2HB	PRO A	12136. 611	14. 055	2. 366	1. 00	0.00 H
15	ATOM	138	1HG	PRO A	12134. 672	12. 609	3. 484	1. 00	0.00 H
	ATOM	139	2HG	PRO A	12134. 632	14. 382	3. 526	1. 00	0.00 H
	ATOM	140	1HD	PRO A	12133. 084	12. 488	1. 809	1. 00	0.00 H
	ATOM	141	2HD	PRO A	12132. 570	14. 012	2. 558	1. 00	0.00 H
	ATOM	142	N	GLY A	13135. 020	12. 900	-1. 175	1. 00	0.00 N
20	ATOM	143	CA	GLY A	13135. 443	12. 293	-2. 423	1. 00	0.00 C
	ATOM	144	C	GLY A	13135. 739	10. 814	-2. 278	1. 00	0. 00 C
	ATOM	145	0	GLY A	13135. 196	10. 149	-1. 395	1. 00	0.000
	ATOM	146	H	GLY A	13134. 162	12. 644	-0.774	1. 00	0.00 H
	ATOM	147	1HA	GLY A	13134. 662	12. 423	-3. 156	1. 00	0.00 H
25	ATOM	148	2HA	GLY A	13136. 335	12. 795	-2.771	1. 00	0.00 H
	ATOM	149	N	ASN A	14136. 601	10. 296	-3. 147	1. 00	0.00 N
	ATOM	150	CA	ASN A	14136. 968	8. 885	-3. 112	1. 00	0.00 C
	ATOM	151	C	ASN A	14135. 742	7. 999	-3. 313	1. 00	0.00 C
	ATOM	152	0	ASN A	14134. 635	8. 494	-3. 530	1. 00	0.000

PC	T/JP2003/01028

	ATOM	153	CB	ASN A	14137. 644	8. 545	-1. 783	1. 00	0.00 C
	ATOM	154	CG	ASN A	14138. 954	9. 284	-1. 595	1. 00	0.00 C
	ATOM	155	OD 1	ASN A	14139. 305	10. 161	-2. 385	1. 00	0.000
	ATOM	156	ND2	ASN A	14139. 687	8. 933	-0. 545	1. 00	0.00 N
5	ATOM	157	H	ASN A	14137. 000	10.876	-3.828	1. 00	0.00 H
	ATOM	158	HA	ASN A	14137. 664	8. 704	-3. 917	1. 00	0.00 H
	ATOM	159	1HB	ASN A	14136. 983	8. 810	-0. 971	1. 00	0.00 H
	ATOM	160	2HB	ASN A	14137. 842	7. 484	-1. 747	1. 00	0.00 H
	ATOM	161	1HD2	ASN A	14139. 345	8. 227	0.043	1. 00	0.00 H
10	ATOM	162	2HD2	ASN A	14140. 538	9. 395	-0. 399	1. 00.	0.00 H
	ATOM	163	N	SER A	15135. 948	6. 689	-3. 242	1. 00	0.00 N
	ATOM	164	CA	SER A	15134. 858	5. 734	-3. 416	1. 00	0.00 C
	ATOM	165	C	SER A	15133. 890	5. 791	-2.239	1. 00	0. 00 C
	ATOM	166	0	SER A	15132. 711	6. 101	-2. 407	1. 00	0.000
15	ATOM	167	CB	SER A	15135. 414	4. 317	-3.566	1. 00	0. 00 C
	ATOM	168	0G	SER A	15136. 208	3. 959	-2. 448	1. 00	0.000
	ATOM	169	H	SER A	15136. 852	6. 355	-3.068	1. 00	0.00 H
	ATOM	170	HA	SER A	15134. 326	5. 999	-4. 317	1. 00	0.00 H
	ATOM	171	1HB	SER A	15134. 595	3. 618	-3. 647	1. 00	0.00 H
20	ATOM	172	2HB	SER A	15136. 023	4. 263	-4. 456	1. 00	0.00 H
	ATOM	173	HG	SER A	15137. 082	3. 698	-2. 747	1. 00	0.00 H
	ATOM	174	N	HIS A	16134. 398	5. 491	-1. 048	1. 00	0.00 N
	ATOM	175	CA	HIS A	16133. 578	5. 509	0. 159	1. 00	0.00 C
	ATOM	176	C	HIS A	16134. 260	6. 307	1. 267	1. 00	0.00 C
25	ATOM	177	0	HIS A	16133. 836	7. 413	1. 599	1. 00	0.000
	ATOM	178	CB	HIS A	16133. 304	4. 080	0. 634	1. 00	0.00 C
	ATOM	179	CG	HIS A	16131. 900	3. 624	0. 378	1. 00	0.00 C
	ATOM	180	ND	1 HIS A	16131. 007	3. 335	1. 388	1. 00	0.00 N
	ATOM	181	CD	2 HIS A	16131. 237	3. 409	-0. 782	1. 00	0.00 C

	WO 2004/	016781		•	2	205		PCT/JP2003/010288			
	ATOM	182	CE1	HIS A	16129. 855	2. 961	0.860	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	183	NE2	HIS A	16129. 968	2. 997	-0. 455	1. 00	0.00 N		
	ATOM	184	H	HIS A	16135. 345	5. 253	-0.978	1. 00	0.00 H		
	ATOM	185	HA	HIS A	16132. 640	5. 984	-0.086	1. 00	0.00 H		
5	ATOM	186	1HB	HIS A	16133. 970	3. 403	0. 122	1. 00	0. 00 H		
	ATOM	187	2HB	HIS A	16133. 485	4. 019	1. 698	1. 00	0.00 H		
	ATOM	188	HD1	HIS A	16131. 190	3. 395	2. 350	1. 00	0.00 H		
	ATOM	189	HD2	HIS A	16131. 632	3. 536	-1. 780	1. 00	0.00 H		
	ATOM	190	HE1	HIS A	16128. 971	2. 675	1. 411	1. 00	0.00 H		
10	ATOM	191	HE2	HIS A	16129. 289	2. 685	-1. 088	1. 00	0.00 H		
	ATOM	192	N	GLY A	17135. 318	5. 736	1.834	1. 00	0.00 N		
	ATOM	193	CA	GLY A	17136. 041	6. 408	2. 898	1. 00	0.00 C		
	ATOM	194	C	GLY A	17137. 368	5. 742	3. 205	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	195	0	GLY A	17137. 614	5. 325	4. 336	1. 00	0.000		
15	ATOM	196	H	GLY A	17135. 609	4. 853	1. 527	1. 00	0.00 H		
	ATOM	197	1HA	GLY A	17136. 223	7. 431	2. 604	1. 00	0.00 H		
	ATOM	198	2HA	GLY A	17135. 433	6. 403	3. 791	1. 00	0.00 H		
	ATOM	199	N	LEU A	18138. 224	5. 641	2. 194	1. 00	0.00 N		
	ATOM	200	CA	LEU A	18139. 533	5. 020	2. 360	1. 00	0. 00 C		
20	ATOM	201	С	LEU A	18140. 585	6. 058	2. 735	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	202	0	LEU A	18140. 997	6. 868	1. 904	1. 00	0.000		
	MOTA	203	CB	LEU A	18139. 946	4. 299	1. 074	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	204	CG	LEU A	18138. 884	3. 370		1. 00	0. 00 C		
	ATOM	205	CD1	LEU A	18139. 224	3. 020	•	1. 00	0. 00 C		
25	ATOM	206	CD2	LEU A	18138. 754	2. 110	1. 325	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	207	H	LEU A		5. 991		1. 00	0.00 H		
	ATOM	208	HA	LEU A				1. 00	0.00 H		
	ATOM	209	1HB	LEU A	18140. 195	5. 046	0. 333	1. 00	0.00 H		

210 2HB

ATOM

LEU A 18140. 828

3. 714

1. 282

1.00

0.00 H

			•		200			
ATOM	211	HG	LEU A	18137. 929	3. 877	0. 487	1. 00	0.00 H
ATOM	212	1HD 1	LEU A	18140. 293	3. 082	-1.099	1. 00	0.00 H
ATOM	213	2HD1	LEU A	18138. 731	3. 712	-1.622	1. 00	0.00 H
ATOM	214	3HD 1	LEU A	18138. 890	2. 015	-1. 171	1. 00	0.00 H
ATOM	215	1HD2	LEU A	18139. 718	1. 634	1. 411	1. 00	0.00 H
ATOM	216	2HD2	LEU A	18138. 058	1. 432	0.852	1. 00	0.00 H
ATOM	217	3HD2	LEU A	18138. 390	2. 369	2. 308	1. 00	0.00 H
ATOM	218	N	GLU A	19141. 017	6. 028	3. 992	1. 00	0.00 N
ATOM	219	CA	GLU A	19142. 022	6. 965	4. 478	1. 00	0.00 C
ATOM	220	C	GLU A	19143. 071	6. 248	5. 321	1. 00	0.00 C
ATOM	221	0	GLU A	19143. 018	5. 031	5. 491	1. 00	0.000
ATOM	222	CB	GLU A	19141. 360	8. 074	5. 299	1. 00	0.00 C
ATOM	223	CG	GLU A	19140. 503	7. 556	6. 441	1. 00	0. 00 C
ATOM	224	CD	GLU A	19139. 214	8. 339	6.604	1. 00	0. 00 C
ATOM	225	0E 1	GLU A	19138. 659	8. 787	5. 579	1. 00	0.000
ATOM	226	0E2	GLU A	19138. 761	8. 502	7. 756	1. 00	0.000
ATOM	227	H	GLU A	19140. 651	5. 358	4. 607	1. 00	0. 00 H
ATOM	228	HA	GLU A	19142. 506	7. 405	3. 619	1. 00	0.00 H
ATOM	229	1HB	GLU A	19142. 132	8. 706	5. 714	1. 00	0.00 H
ATOM	230	2HB	GLU A	19140. 735	8. 664	4. 646	1. 00	0.00 H
ATOM	. 231	1HG	GLU A	19140. 256	6. 523	6. 249	1. 00	0.00 H
ATOM	232	2HG	GLU A	19141. 068	7. 626	7. 359	1. 00	0. 00 H
ATOM	233	N	VAL A	20144. 023	7. 011	5. 846	1. 00	0. 00 N
MOTA	234	CA	VAL A	20145. 085	6. 447	6. 672	1. 00	0. 00 C
ATOM	235	C	VAL A	20144. 518	5. 816	7. 939	1. 00	0. 00 C
ATOM	236	0	VAL A	20143. 685	6. 411	8. 621	1. 00	0.000
ATOM	237	CB	VAL A	20146. 122	7. 518	7. 065	1. 00	0. 00 C
ATOM	238	CG1	VAL A	A 20147. 296	6. 884	7. 795	1. 00	0.00 C
ATOM	239	CG2	VAL A	A 20146. 598	8. 279	5. 835	1. 00	0.00 C
	ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM	ATOM 213 ATOM 214 ATOM 214 ATOM 215 ATOM 216 ATOM 216 ATOM 217 ATOM 218 ATOM 220 ATOM 221 ATOM 221 ATOM 222 ATOM 223 ATOM 224 ATOM 225 ATOM 225 ATOM 226 ATOM 227 ATOM 228 ATOM 228 ATOM 230 ATOM 231 ATOM 231 ATOM 231 ATOM 233 ATOM 234 ATOM 235 ATOM 236 ATOM 237 ATOM 237 ATOM 238	ATOM 212 1HD1 ATOM 213 2HD1 ATOM 214 3HD1 ATOM 215 1HD2 ATOM 216 2HD2 ATOM 216 2HD2 ATOM 218 N ATOM 219 CA ATOM 220 C ATOM 221 O ATOM 222 CB ATOM 223 CG ATOM 224 CD ATOM 225 OE1 ATOM 226 OE2 ATOM 227 H ATOM 228 HA ATOM 229 1HB ATOM 230 2HB ATOM 231 1HG ATOM 232 2HG ATOM 233 N ATOM 234 CA ATOM 235 C ATOM 236 O ATOM 237 CB ATOM 237 CB ATOM 237 CB	ATOM 212 1HD1 LEU A ATOM 213 2HD1 LEU A ATOM 214 3HD1 LEU A ATOM 215 1HD2 LEU A ATOM 216 2HD2 LEU A ATOM 217 3HD2 LEU A ATOM 218 N GLU A ATOM 219 CA GLU A ATOM 221 O GLU A ATOM 222 CB GLU A ATOM 223 CG GLU A ATOM 224 CD GLU A ATOM 224 CD GLU A ATOM 225 OE1 GLU A ATOM 227 H GLU A ATOM 228 HA GLU A ATOM 231 1HG GLU A ATOM 231 1HG GLU A <t< td=""><td>ATOM 212 1HD1 LEU A 18140. 293 ATOM 213 2HD1 LEU A 18138. 731 ATOM 214 3HD1 LEU A 18138. 890 ATOM 215 1HD2 LEU A 18138. 058 ATOM 216 2HD2 LEU A 18138. 390 ATOM 217 3HD2 LEU A 18138. 390 ATOM 218 N GLU A 19141. 017 ATOM 219 CA GLU A 19142. 022 ATOM 220 C GLU A 19143. 071 ATOM 221 O GLU A 19143. 071 ATOM 222 CB GLU A 19140. 503 ATOM 223 CG GLU A 19140. 503 ATOM 224 CD GLU A 19138. 659 ATOM 225 OE1 GLU A 19138. 659 ATOM 226 OE2 GLU A 19138. 761 ATOM 227 H GLU A 19140. 651 ATOM 228 HA GLU A 19142. 506 ATOM 229 1HB GLU A 19142. 132 ATOM 230 2HB GLU A 19140. 735 ATOM 231 1HG GLU A 19140. 256 ATOM 232 2HG GLU A 19141. 068 ATOM 233 N VAL A 20144. 023 ATOM 234 CA VAL A 20144. 023 ATOM 235 C VAL A 20144. 518 ATOM 236 O VAL A 20144. 518 ATOM 237 CB VAL A 20144. 518 ATOM 237 CB VAL A 20146. 122 ATOM 237 CB VAL A 20146. 122 ATOM 237 CB VAL A 20146. 122</td><td>ATOM 211 HG LEU A 18137. 929 3. 877 ATOM 212 1HD1 LEU A 18140. 293 3. 082 ATOM 213 2HD1 LEU A 18138. 731 3. 712 ATOM 214 3HD1 LEU A 18138. 890 2. 015 ATOM 215 1HD2 LEU A 18138. 890 2. 015 ATOM 216 2HD2 LEU A 18138. 058 1. 432 ATOM 217 3HD2 LEU A 18138. 058 1. 432 ATOM 217 3HD2 LEU A 18138. 390 2. 369 ATOM 218 N GLU A 19141. 017 6. 028 ATOM 219 CA GLU A 19142. 022 6. 965 ATOM 220 C GLU A 19143. 071 6. 248 ATOM 221 O GLU A 19143. 071 6. 248 ATOM 222 CB GLU A 19140. 503 7. 556 ATOM 223 CG GLU A 19140. 503 7. 556 ATOM 224 CD GLU A 19138. 659 8. 787 ATOM 225 OE1 GLU A 19138. 659 8. 787 ATOM 226 OE2 GLU A 19140. 651 5. 358 ATOM 227 H GLU A 19140. 651 5. 358 ATOM 228 HA GLU A 19140. 651 5. 358 ATOM 229 1HB GLU A 19140. 651 5. 358 ATOM 229 1HB GLU A 19140. 735 8. 664 ATOM 230 2HB GLU A 19140. 735 8. 664 ATOM 231 1HG GLU A 19140. 735 8. 664 ATOM 232 2HG GLU A 19140. 256 6. 523 ATOM 232 2HG GLU A 19140. 256 6. 523 ATOM 233 N VAL A 20144. 023 7. 011 ATOM 234 CA VAL A 20144. 023 7. 011 ATOM 235 C VAL A 20144. 518 5. 816 ATOM 236 O VAL A 20144. 518 5. 816 ATOM 237 CB VAL A 20144. 518 5. 816 ATOM 237 CB VAL A 20144. 518 5. 816 ATOM 237 CB VAL A 20144. 518 5. 816</td><td>ATOM 211 HG LEU A 18137. 929 3.877 0.487 ATOM 212 1HD1 LEU A 18140. 293 3.082 -1.099 ATOM 213 2HD1 LEU A 18138. 731 3.712 -1.622 ATOM 214 3HD1 LEU A 18138. 890 2.015 -1.171 ATOM 215 1HD2 LEU A 18138. 058 1.432 0.852 ATOM 216 2HD2 LEU A 18138. 390 2.369 2.308 ATOM 218 N GLU A 19141. 017 6.028 3.992 ATOM 219 CA GLU A 19142. 022 6.965 4.478 ATOM 221 C GLU A 19143. 018 5.031 5.491 ATOM 221 C GLU A 19143. 018 5.031 5.491 ATOM 222 CB GLU A 19140. 503 7.556 6.441 ATOM 224 C</td><td>ATOM 211 HG LEU A 18137. 929 3.877 0.487 1.00 ATOM 212 1HD1 LEU A 18140. 293 3.082 -1.099 1.00 ATOM 213 2HD1 LEU A 18138. 731 3.712 -1.622 1.00 ATOM 214 3HD1 LEU A 18138. 890 2.015 -1.171 1.00 ATOM 216 2HD2 LEU A 18138. 390 2.369 2.308 1.00 ATOM 217 3HD2 LEU A 18138. 390 2.369 2.308 1.00 ATOM 219 CA GLU A 19141. 017 6.028 3.992 1.00 ATOM 219 CA GLU A 19142. 022 6.965 4.478 1.00 ATOM 221 C GLU A 19143. 018 5.031 5.491 1.00 ATOM 222 CB</td></t<>	ATOM 212 1HD1 LEU A 18140. 293 ATOM 213 2HD1 LEU A 18138. 731 ATOM 214 3HD1 LEU A 18138. 890 ATOM 215 1HD2 LEU A 18138. 058 ATOM 216 2HD2 LEU A 18138. 390 ATOM 217 3HD2 LEU A 18138. 390 ATOM 218 N GLU A 19141. 017 ATOM 219 CA GLU A 19142. 022 ATOM 220 C GLU A 19143. 071 ATOM 221 O GLU A 19143. 071 ATOM 222 CB GLU A 19140. 503 ATOM 223 CG GLU A 19140. 503 ATOM 224 CD GLU A 19138. 659 ATOM 225 OE1 GLU A 19138. 659 ATOM 226 OE2 GLU A 19138. 761 ATOM 227 H GLU A 19140. 651 ATOM 228 HA GLU A 19142. 506 ATOM 229 1HB GLU A 19142. 132 ATOM 230 2HB GLU A 19140. 735 ATOM 231 1HG GLU A 19140. 256 ATOM 232 2HG GLU A 19141. 068 ATOM 233 N VAL A 20144. 023 ATOM 234 CA VAL A 20144. 023 ATOM 235 C VAL A 20144. 518 ATOM 236 O VAL A 20144. 518 ATOM 237 CB VAL A 20144. 518 ATOM 237 CB VAL A 20146. 122 ATOM 237 CB VAL A 20146. 122 ATOM 237 CB VAL A 20146. 122	ATOM 211 HG LEU A 18137. 929 3. 877 ATOM 212 1HD1 LEU A 18140. 293 3. 082 ATOM 213 2HD1 LEU A 18138. 731 3. 712 ATOM 214 3HD1 LEU A 18138. 890 2. 015 ATOM 215 1HD2 LEU A 18138. 890 2. 015 ATOM 216 2HD2 LEU A 18138. 058 1. 432 ATOM 217 3HD2 LEU A 18138. 058 1. 432 ATOM 217 3HD2 LEU A 18138. 390 2. 369 ATOM 218 N GLU A 19141. 017 6. 028 ATOM 219 CA GLU A 19142. 022 6. 965 ATOM 220 C GLU A 19143. 071 6. 248 ATOM 221 O GLU A 19143. 071 6. 248 ATOM 222 CB GLU A 19140. 503 7. 556 ATOM 223 CG GLU A 19140. 503 7. 556 ATOM 224 CD GLU A 19138. 659 8. 787 ATOM 225 OE1 GLU A 19138. 659 8. 787 ATOM 226 OE2 GLU A 19140. 651 5. 358 ATOM 227 H GLU A 19140. 651 5. 358 ATOM 228 HA GLU A 19140. 651 5. 358 ATOM 229 1HB GLU A 19140. 651 5. 358 ATOM 229 1HB GLU A 19140. 735 8. 664 ATOM 230 2HB GLU A 19140. 735 8. 664 ATOM 231 1HG GLU A 19140. 735 8. 664 ATOM 232 2HG GLU A 19140. 256 6. 523 ATOM 232 2HG GLU A 19140. 256 6. 523 ATOM 233 N VAL A 20144. 023 7. 011 ATOM 234 CA VAL A 20144. 023 7. 011 ATOM 235 C VAL A 20144. 518 5. 816 ATOM 236 O VAL A 20144. 518 5. 816 ATOM 237 CB VAL A 20144. 518 5. 816 ATOM 237 CB VAL A 20144. 518 5. 816 ATOM 237 CB VAL A 20144. 518 5. 816	ATOM 211 HG LEU A 18137. 929 3.877 0.487 ATOM 212 1HD1 LEU A 18140. 293 3.082 -1.099 ATOM 213 2HD1 LEU A 18138. 731 3.712 -1.622 ATOM 214 3HD1 LEU A 18138. 890 2.015 -1.171 ATOM 215 1HD2 LEU A 18138. 058 1.432 0.852 ATOM 216 2HD2 LEU A 18138. 390 2.369 2.308 ATOM 218 N GLU A 19141. 017 6.028 3.992 ATOM 219 CA GLU A 19142. 022 6.965 4.478 ATOM 221 C GLU A 19143. 018 5.031 5.491 ATOM 221 C GLU A 19143. 018 5.031 5.491 ATOM 222 CB GLU A 19140. 503 7.556 6.441 ATOM 224 C	ATOM 211 HG LEU A 18137. 929 3.877 0.487 1.00 ATOM 212 1HD1 LEU A 18140. 293 3.082 -1.099 1.00 ATOM 213 2HD1 LEU A 18138. 731 3.712 -1.622 1.00 ATOM 214 3HD1 LEU A 18138. 890 2.015 -1.171 1.00 ATOM 216 2HD2 LEU A 18138. 390 2.369 2.308 1.00 ATOM 217 3HD2 LEU A 18138. 390 2.369 2.308 1.00 ATOM 219 CA GLU A 19141. 017 6.028 3.992 1.00 ATOM 219 CA GLU A 19142. 022 6.965 4.478 1.00 ATOM 221 C GLU A 19143. 018 5.031 5.491 1.00 ATOM 222 CB

	WO 2004/0	016781			207		PCT/JP2003/010288			
	ATOM	240 H	VAL A	20144. 013	7. 976	5. 675	1. 00 0. 00 H			
	ATOM	241 HA	VAL A	20145. 587	5. 685	6. 095	1. 00 0. 00 H			
	ATOM	242 HB	VAL A	20145. 648	8. 220	7. 734	1.00 0.00 H			
	ATOM	243 1HG	1 VAL A	20148. 120	7. 582	7. 825	1.00 0.00 H			
5	ATOM	244 2HG	1 VAL A	20147. 602	5. 988	7. 276	1.00 0.00 H			
	ATOM	245 ЗНО	1 VAL A	20147. 000	6. 632	8.802	1.00 0.00 H			
	ATOM	246 1HC	2 VAL A	20146. 673	9. 330	6.069	1.00 0.00 H			
	ATOM	247 2HC	2 VAL A	20145. 893	8. 139	5.029	1. 00 0. 00 H			
	ATOM	248 3HC	2 VAL A	20147. 567	7. 907	5. 535	1. 00 0. 00 H			
10	ATOM	249 N	GLY A	21144. 974	4. 607	8. 247	1. 00 0. 00 N			
	ATOM	250 CA	GLY A	21144. 501	3. 914	9. 431	1. 00 0. 00 C			
	ATOM	251 C	GLY A	21143. 495	2. 828	9. 106	1. 00 0. 00 C			
	ATOM	252 0	GLY A	21143. 520	1. 751	9. 699	1. 00 0. 00 0			
	ATOM	253 H	GLY A	21145. 639	4. 181	7. 665	1. 00 0. 00 H			
15	ATOM	254 1H	A GLY A	21145. 347	3. 468	9. 935	1. 00 0. 00 H			
	ATOM	255 2H	A GLY A	21144. 040	4. 631	10. 093	1. 00 0. 00 H			
	ATOM	256 N	SER A	22142. 605	3. 114	8. 159	1. 00 0. 00 N			
	ATOM	257 C	A SER A	22141. 584	2. 153	7. 757	1. 00 0. 00 C			
	ATOM	258 C	SER A	22142. 168	1. 099	6.821	1. 00 0. 00 C			
20	ATOM	259 0	SER A	22143. 084	1. 379	6. 049	1. 00 0. 00 0			
	ATOM	260 C	B SER A	22140. 421	2. 872	7. 070	1. 00 0. 00 C			
	ATOM	261 0	G SER A	22139. 627	3. 571	8. 012	1. 00 0. 00 0			
	ATOM	262 H	SER A	22142. 636	3. 990	7. 723	1. 00 0. 00 H			
	ATOM	263 H	A SER A	22141. 218	1. 664	8. 647	1.00 0.00 H			
25	ATOM	264 1H	B SER A	22140. 810	3. 578	6. 352	1. 00 0. 00 H			
	ATOM	265 2H	B SER A	22139. 803	2. 146	6. 563	1. 00 0. 00 H			
	ATOM	266 H			4. 251	7. 562	1. 00 0. 00 H			
	ATOM	267 N			-0. 115	6. 897	1. 00 0. 00 N			
	ATOM	268 C	A LEU A	23142. 098	-1. 212	6. 057	1. 00 0. 00 C			

	WO 2004/016781)		208			PCT/JP2003/010288		
	ATOM	269	C	LEU A	23141. 431	-1. 171	4. 687	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	270	0	LEU A	23140. 263	-0. 802	4. 564	1. 00	0.000		
	ATOM	271	СВ	LEU A	23141. 820	-2. 555	6. 734	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	272	CG	LEU A	23142. 685	-2. 855	7. 958	1. 00	0. 00 C		
5	ATOM	273	CD1	LEU A	23141. 930	-3. 730	8. 945	1. 00	0.00 C		
	ATOM	274	CD2	LEU A	23143. 986	-3. 523	7. 539	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	275	H	LEU A	23140. 904	-0. 277	7. 533	1. 00	0.00 H		
	ATOM	276	HA	LEU A	23143. 165	-1. 098	5. 928	1. 00	0.00 H		
	ATOM	277	1HB	LEU A	23140. 783	-2. 572	7. 039	1. 00	0.00 H		
10	ATOM	278	2HB	LEU A	23141. 978	-3. 339	6. 009	1. 00	0.00 H		
	ATOM	279	HG	LEU A	23142. 929	-1. 927	8. 454	1. 00	0.00 H		
	ATOM	280	1HD1	LEU A	23142. 506	-3. 832	9.853	1. 00	0.00 H		
	ATOM	281	2HD1	LEU A	23141. 767	-4. 705	8. 511	1. 00	0.00 H		
	ATOM	282	3HD1	LEU A	23140. 977	-3. 276	9. 173	1. 00	0.00 H		
15	ATOM	283	1HD2	LEU A	23144. 455	-2. 941	6. 758	1. 00	0.00 H		
	ATOM	284	2HD2	LEU A	23143. 779	-4. 517	7. 171	1. 00	0. 00 H		
	ATOM	285	3HD2	LEU A	23144. 650	-3. 584	8. 389	1. 00	0.00 H		
	ATOM	286	N	ALA A	24142. 180	-1. 554	3. 658	1. 00	0.00 N		
	ATOM	287	CA	ALA A	24141. 661	-1. 562	2. 296	1. 00	0. 00 C		
20	ATOM	288	С	ALA A	24142. 228	-2. 732	1. 500	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	289	0	ALA A	24143. 420	-3. 033	1. 583	1. 00	0.000		
	ATOM	290	CB	ALA A	24141. 979	-0. 245	1. 603	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	291	H	ALA A	24143. 104	-1. 837	3. 819	1. 00	0.00 H		
	ATOM	292	HA	ALA A	24140. 587	-1. 663	2. 349	1. 00	0.00 H		
25	ATOM	293	1HB	ALA A	24142. 874	-0. 358	1. 009	1. 00	0.00 H		
	ATOM	294	2HB	ALA A	24142. 134	0. 524	2. 345	1. 00	0.00 H		
	ATOM	295	3HB	ALA A	24141. 155	0. 033	0.962	1. 00	0.00 H		
	ATOM	296	N	GLU A	25141. 369	-3. 388	0. 727	1. 00	0.00 N		
	ATOM	297	CA	GLU A	25141. 786	-4. 526	-0.084	1. 00	0. 00 C		

10 0.00 H ATOM 309 1HG GLU A 25142. 322 -6.906-0.7711.00 -7.7980.092 1.00 0.00 H ATOM 310 2HG GLU A 25141.069

ATOM 311 N VAL A 26143.013 -4.472-2.1751.00 0.00 N 26143.234 VAL A -4.159-3.5821.00 0.00 C ATOM 312 CA

15

20

25

ATOM 0.00 C 313 C VAL A 26142.875 -5.344-4.4701.00

-6.498-4.1060.000 **ATOM** 314 0 VAL A 26143.102 1.00

ATOM 315 CBVAL A 26144.698 -3.759-3.844 1.00 0.00 C

ATOM 316 CG1 VAL A 26144. 864 -3.239-5.2631.00 0.00 C

ATOM 317 CG2 VAL A 26145. 159 -2.722-2.8301.00 0.00 C

318 H VAL A 26143. 712 -4.941-1.6741.00 0. 00 H ATOM

0.00 H 319 HA VAL A 26142.602 -3.322-3.8401.00 ATOM

320 HB VAL A 26145. 315 -4.638-3. 733 0.00 H ATOM 1.00

321 1HG1 VAL A 0.00 H ATOM 26143. 919 -2.852-5.6181.00

ATOM 0.00 H 322 2HG1 VAL A 26145. 187 -4.044-5.9071.00

ATOM 0.00 H 323 3HG1 VAL A 26145. 602 -2.450-5.2741.00

ATOM 324 1HG2 VAL A 0.00 H 26145. 819 -2.017-3.3121.00

ATOM 325 2HG2 VAL A -3.214-2.0260.00 H 26145. 683 1.00

ATOM 326 3HG2 VAL A 26144. 300 -2.200-2.4341.00 $0.00~\mathrm{H}$

GLU A

GLU A

GLU A

28146. 634

28147. 639

28148. 605

ATOM

ATOM

ATOM

353

354

355

CB

CG

CD

-6.845

-7.782

-7.057

-6. 857

-6.209

-5.292

0.00 C

0.00 C

0.00 C

1.00

1.00

1.00

			-	211		
	ATOM	356 OE1	GLU A	28148. 525 -4. 063	-7. 264 1. 0	0 0.00 0
	ATOM	357 OE2	GLU A	28149. 440 -5. 803	-6. 282 1. 0	0.000
	ATOM	358 H	GLU A	28144. 179 -6. 982	-5. 849 1. 0	0.00 H
	ATOM	359 HA	GLU A	28145. 331 -6. 931	-8. 542 1. 0	00 0.00 H
5	ATOM	360 1HB	GLU A	28146. 346 -6. 129	-6. 102 1. 0	00 0.00 H
	ATOM	361 2HB	GLU A	28147. 116 -7. 689	-6. 354 1. 0	00 0.00 H
	ATOM	362 1HG	GLU A	28148. 206 -6. 984	-8. 275 1. (00 - 0. 00 H
	ATOM	363 2HG	GLU A	28147. 103 -5. 631	-8. 521 1. (00 0.00 H
	ATOM	364 N	ASN A	29146. 495 -9. 387	-8. 282 1.	00 0.00 N
10	ATOM	365 CA	ASN A	29146. 661 -10. 823	-8. 467 1.	00 0.00 C
	ATOM	366 C	ASN A	29146. 743 -11. 539	-7. 120 1.	00 0.00 C
	ATOM	367 0	ASN A	29145. 928 -12. 410	-6. 820 1.	00 0.00 0
	ATOM	368 CB	ASN A	29147. 918 -11. 112	-9. 291 1.	00 0.00 C
	ATOM	369 CG	ASN A	29147. 608 -11. 324	-10. 760 1.	00 0.00 C
15	ATOM	370 OD	I ASN A	29147. 598 -12. 454	-11. 248 1.	00 0.00 0
	ATOM	371 ND	2 ASN A	29147. 356 -10. 233	-11. 475 1.	00 0.00 N
	ATOM	372 H	ASN A	29147. 192 -8. 780	-8. 608 1.	00 0.00 H
	ATOM	373 HA	ASN A	29145. 798 -11. 190	-9. 003 1.	00 0.00 H
	ATOM	374 1HB	ASN A	29148. 598 -10. 277		00 0.00 H
20	ATOM	375 2HB	ASN A	29148. 395 -12. 002		00 0.00 H
	ATOM	376 1HD	2 ASN A			00 0.00 H
	ATOM	377 2HD	2 ASN A			00 0.00 H
	ATOM	378 N	PRO A	30147. 733 -11. 175		00 0.00 N
	ATOM	379 CA	PRO A	30147. 919 -11. 784		00 0.00 C
25	ATOM	380 C	PRO A			00 0.00 C
	ATOM	381 0	PRO A			00 0.00 0
	ATOM	382 CB	PRO A			00 0.00 C
	ATOM	383 CG	PRO A	30149. 544 -10. 067		00 0.00 C
	ATOM	384 CD	PRO A	30148. 751 -10. 141	-6.565 1.	00 0.00 C

						212			,	
	ATOM	385	HA	PRO A	1	30147. 855 -12. 8	60 -5.	014	1. 00	0.00 H
	ATOM	386	1HB	PRO A	A	30149. 419 -11. 2	65 -3.	521	1. 00	0.00 H
	ATOM	387	2HB	PRO A	A	30150. 040 -12. 1	15 -4.	942	1. 00	0.00 H
	ATOM	388	1HG	PRO A	A	30149. 181 -9. 2	261 -4.	667	1. 00	0.00 H
5	ATOM	389	2HG	PRO A	A	30150. 593 -9. 9	127 −5.	506	1. 00	0.00 H
	ATOM	390	1HD	PRO A	A	30148. 285 -9. 1	91 -6.	775	1. 00	0.00 H
	MOTA	391	2HD	PRO A	A	30149. 386 -10. 4	139 -7.	385	1. 00	0.00 H
	ATOM	392	N	PRO A	A	31145. 956 -12. 0)87 -3.	514	1. 00	0. 00 N
	ATOM	393	CA	PRO A	A	31144. 946 -11. 6	687 −2 .	529	1. 00	0.00 C
10	ATOM	394	C	PRO .	A	31145. 541 -11.	190 -1.	138	1. 00	0.00 C
	ATOM	395	0	PRO.	A	31145. 621 -12.	431 -0.	349	1. 00	0.000
	ATOM	396	CB	PRO.	A	31143. 962 -12. 8	857 -2.	529	1. 00	0. 00 C
	ATOM	397	CG	PRO.	A	31144. 764 -14. 0	027 -2.	981	1. 00	0.00 C
	ATOM	398	CD	PRO	A	31145. 771 -13.	483 -3.	957	1. 00	0.00 C
15	ATOM	399	HA	PR0	A	31144. 436 -10.	783 –2.	831	1. 00	0.00 H
	ATOM	400	1HB	PR0	A	31143. 574 -13.	006 -1.	531	1. 00	0.00 H
	ATOM	401	2HB	PR0	A	31143. 149 -12.	649 -3.	209	1. 00	0. 00 H
	ATOM	402	1HG	PRO	A	31145. 264 -14.	4 79 −2.	137	1. 00	0.00 H
	ATOM	403	2HG	PR0	A	31144. 123 -14.	746 -3.	468	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	404	1HD	PR0	A	31146. 697 -14.	035 -3.	889	1. 00	0. 00 H
	ATOM	405	2HD	PRO	A	31145. 380 -13.	519 -4.	963	1. 00	0. 00 H
	ATOM	406	N	PHE	A	32145. 954 -10.	262 -0.	844	1. 00	0. 00 N
	ATOM	407	CA	PHE	A	32146. 541 -9.	942 0.	452	1. 00	0. 00 C
	ATOM	408	С	PHE	A	32145. 685 -8.	925 1.	201	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	409	0	PHE	A	32144. 726 -8.	383 0	652	1. 00	0.000
	ATOM	410	CB	PHE	A	32147. 959 -9.	398 0	. 273	1. 00	0. 00 C
	ATOM	411	CG	PHE	A	32148. 045 -8.	250 -0	. 693	1. 00	0. 00 C
	ATOM	412	CD1	PHE	A	32148. 676 -8.	404 -1	. 917	1. 00	0. 00 C
	ATOM	413	CD2	PHE	A	32147. 495 -7.	019 -0	. 376	1. 00	0.00 C

							213			
	ATOM	414	CE1	PHE A	L	32148. 757	-7. 350	-2. 808	1. 00	0.00 C
	ATOM	415	CE2	PHE A	L	32147. 573	-5. 962	-1. 262	1. 00	0.00 C
	ATOM	416	CZ	PHE A	l	32148. 205	-6. 127	-2. 480	1. 00	0.00 C
	ATOM	417	H	PHE A	1	32145. 862	-9. 553	-1. 515	1. 00	0.00 H
5	ATOM	418	HA	PHE A	l	32146. 585	-10. 853	1. 030	1. 00	0.00 H
	ATOM	419	1 HB	PHE A	A	32148. 329	-9.056	1. 228	1. 00	0.00 H
	ATOM	420	2HB	PHE A	A	32148. 597	-10. 190	-0. 093	1. 00	0.00 H
	ATOM	421	HD1	PHE A	A	32149. 108	-9. 360	-2. 174	1. 00	0.00 H
	ATOM	422	HD2	PHE A	A	32147. 001	-6. 889	0. 575	1. 00	0.00 H
10	ATOM	423	HE1	PHE A	A	32149. 252	-7. 482	-3. 758	1. 00	0.00 H
	ATOM	424	HE2	PHE	A	32147. 140	-5. 006	-1. 004	1. 00	0.00 H
	ATOM	425	HZ	PHE	A	32148. 266	-5. 302	-3. 174	1. 00	0.00 H
	ATOM	426	N	TYR	A	33146. 038	-8. 673	2. 456	1. 00	0.00 N
	ATOM	427	CA	TYR.	A	33145. 302	-7. 722	3. 281	1. 00	0.00 C
15	ATOM	428	C	TYR .	A	33146. 253	-6. 758	3. 983	1. 00	0.00 C
	ATOM	429	0	TYR	A	33147. 107	-7. 174	4. 765	1. 00	0.000
	ATOM	430	CB	TYR	A	33144. 453	-8. 462	4. 315	1. 00	0. 00 C
	ATOM	431	CG	TYR	A	33143. 141	-8. 978	3. 767	1. 00	0. 00 C
	ATOM	432	CD1	TYR	A	33142. 756	-10. 298	3. 963	1. 00	0. 00 C
20	MOTA	433	CD2	TYR	A	33142. 290	-8. 145	3. 051	1. 00	0.00 C
	ATOM	434	CE1	TYR	A	33141. 559	-10. 773	3. 462	1. 00	0. 00 C
	ATOM	435	CE2	TYR	A	33141. 092	-8. 612	2. 547	1. 00	0.00 C
	ATOM	436	CZ	TYR	A	33140. 731	-9. 927		1. 00	0. 00 C
	ATOM	437	OH	TYR	A	33139. 538	-10. 397	2. 256	1. 00	0.000
25	ATOM	438	H	TYR	A	33146. 812	-9. 137	2. 838	1. 00	0.00 H
	ATOM	439	HA	TYR	A	33144. 650	-7. 156		1. 00	0.00 H
	ATOM	440	1HB	TYR	A	33145. 010	-9. 308		1. 00	0.00 H
	ATOM		2HB	TYR						0.00 H
	ATOM	442	HD1	TYR	A	33143. 406	-10. 958	4. 516	1. 00	0.00 H

35145.810

36145.971

36146. 429

0. 992

1.073

2. 321

7.536

5. 176

4. 577

1. 00

1.00

1.00

0.00 H

0.00 N

0.00 C

ATOM

ATOM

ATOM

469 3HG2 VAL A

ILE A

ILE A

N

CA

470

471

	WO 2004/0)16781)		215		PCT/JP2003/010288			
	ATOM	472	C	ILE A	36147. 374	3. 064	5. 516	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	473	0	ILE A	36147. 092	3. 216	6. 705	1. 00	0.000		
	ATOM	474	CB	ILE A	36145. 246	3. 243	4. 222	1. 00	0.00 C		
	ATOM	475	CG1	ILE A	36144. 208	2. 484	3. 392	1. 00	0.00 C		
5	ATOM	476	CG2	ILE A	36145. 738	4. 471	3. 468	1. 00	0.00 C		
	ATOM	477	CD1	ILE A	36142. 999	3. 317	3. 025	1. 00	0.00 C		
	ATOM	478	H	ILE A	36145. 024	0.971	5. 403	1. 00	0.00 H		
	ATOM	479	HA	ILE A	36146. 957	2. 080	3. 666	1. 00	0.00 H		
	ATOM	480	HB	ILE A	36144. 788	3. 577	5. 141	1. 00	0.00 H		
10	ATOM	481	1HG1	ILE A	36144. 667	2. 145	2. 476	1. 00	0.00 H		
	ATOM	482	2HG1	ILE A	36143. 863	1. 628	3. 955	1. 00	0.00 H		
	ATOM	483	1HG2	ILE A	36145. 851	5. 295	4. 157	1. 00	0.00 H		
	ATOM	484	2HG2	ILE A	36145. 022	4. 736	2. 703	1. 00	0. 00 H		
	ATOM	485	3HG2	ILE A	36146. 690	4. 253	3. 008	1. 00	0.00 H		
15	ATOM	486	1HD1	ILE A	36143. 202	4. 357	3. 236	1. 00	0.00 H		
	ATOM	487	2HD1	ILE A	36142. 148	2. 992	3. 605	1. 00	0.00 H		
	ATOM	488	3HD1	ILE A	36142. 786	3. 198	1. 974	1. 00	0.00 H		
	ATOM	489	N	ARG A	37148. 499	3. 521	4. 974	1. 00	0.00 N		
	ATOM	490	CA	ARG A	37149. 487	4. 246	5. 763	1. 00	0. 00 C		
20	ATOM	491	С	ARG A	37149.637	5. 680	5. 265	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	492	0	ARG A	37149. 354	6. 632	5. 992	1. 00	0.000		
	ATOM	493	CB	ARG A	37150. 838	3. 530	5. 706	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	494	CG	ARG A	37150. 753	2. 046	6. 021	1. 00	0. 00 C		
	ATOM	495	CD	ARG A	37150. 195	1. 803	7. 414	1. 00	0. 00 C		
25	ATOM	496	NE	ARG A	37151. 099	2. 281	8. 457	1. 00	0.00 N		
	ATOM	497	CZ	ARG A	37150. 986	1. 952	9. 743	1. 00	0.00 C		
	ATOM	498	NH1	ARG A	37150. 012	1. 148	10. 146	1. 00	0.00 N		
	ATOM	499	NH2	ARG A	37151. 853	2. 429	10. 626	1. 00	0.00 N		
	ATOM	500	H	ARG A	37148. 667	3. 368	4. 021	1. 00	0.00 H		

4. 123

4. 142

1.00

1.00

7. 879

7. 560

0.00 H

0.00 H

ATOM

ATOM

528

529

HA

1HB

TRP A

TRP A

38149.888

38152. 250

			_						
	ATOM	530	2HB	TRP A	38152. 198	6. 566	2. 690	1. 00	0.00 H
	ATOM	531	HD1	TRP A	38152. 198	10. 204	3. 831	1. 00	0.00 H
	ATOM	532	HE 1	TRP A	38152. 577	11. 718	1. 783	1. 00	0.00 H
	ATOM	533	HE3	TRP A	38151. 825	6. 687	0. 140	1. 00	0.00 H
5	ATOM	534	HZ2	TRP A	38152. 699	11. 454	-1.027	1. 00	0.00 H
	ATOM	535	HZ3	TRP A	38152. 087	7. 398	-2. 200	1. 00	0.00 H
	ATOM	536	HH2	TRP A	38152. 516	9. 733	-2. 771	1. 00	0.00 H
	ATOM	537	N	ILE A	39148. 781	8. 374	1. 963	1. 00	0.00 N
	ATOM	538	CA	ILE A	39148. 004	8. 624	0.756	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	539	C	ILE A	39148. 406	9. 950	0. 121	1. 00	0. 00 C
	ATOM	540	0	ILE A	39148. 069	11. 019	0.631	1. 00	0.000
	ATOM	541	CB	ILE A	39146. 492	8. 645	1.051	1. 00	0. 00 C
	ATOM	542	CG1	ILE A	39146. 088	7. 406	1. 853	1. 00	0. 00 C
	ATOM	543	CG2	ILE A	39145. 699	8. 725	-0. 245	1. 00	0.00 C
15	ATOM	544	CD1	ILE A	39144. 772	7. 560	2. 583	1. 00	0. 00 C
	ATOM	545	H	ILE A	39148. 776	9. 043	2.680	1. 00	0.00 H
	ATOM	546	HA	ILE A	39148. 205	7. 824	0.056	1. 00	0.00 H
	ATOM	547	HB	ILE A	39146. 274	9. 527	1. 633	1. 00	0. 00 H
	ATOM	548	1HG1	ILE A	39145. 997	6. 564	1. 182	1. 00	0.00 H
20	ATOM	549	2HG1	ILE A	39146. 852	7. 195	2. 587	1. 00	0. 00 H
	ATOM	550	1HG2	ILE A	39144. 687	9. 034	-0.029	1. 00	0. 00 H
	ATOM	551	2HG2	ILE A	39145. 686	7. 756	-0. 720	1. 00	0. 00 H
	ATOM	552	3HG2	ILE A	39146. 162	9. 443	-0. 905	1. 00	0.00 H
	ATOM	553	1HD1	ILE A	39144. 751	8. 514	3. 089	1. 00	0.00 H
25	ATOM	554	2HD1	ILE A	39144. 666	6. 766	3. 306	1. 00	0.00 H
	ATOM	555	3HD1	ILE A	39143. 960	7. 512	1. 874	1. 00	0.00 H
	ATOM	556	N	GLY A	40149. 135	9. 876	-0. 987	1. 00	0.00 N
	ATOM	557	CA	GLY A	40149. 575	11. 083	-1. 663	1. 00	0. 00 C
	ATOM	558	C	GLY A	40150. 097	10. 816	-3.060	1. 00	0.00 C

	WO 2004	1/016/81				218		PCI	/JP2003/0102
	ATOM	559	0	GLY A	40149. 921	9. 724	-3. 600	1. 00	0. 00 0
	ATOM	560		GLY A	40149. 378	8. 997	-1. 348		0. 00 H
	ATOM			GLY A	40148. 745	11. 769	-1. 727	1. 00	0. 00 H
	ATOM			GLY A	40150. 359	11. 540	-1. 079	1. 00	0. 00 H
5	ATOM	563		GLN A	41150. 741	11. 820	-3. 644	1. 00	0. 00 N
J	ATOM	564		GLN A	41151. 294		-4. 987	1. 00	0. 00 C
	ATOM	565		GLN A	41152. 768		-5. 001	1. 00	0. 00 C
	ATOM	566	0	GLN A	41153. 105		-4. 749	1. 00	0.000
	ATOM	567	СВ	GLN A	41150. 504		-5. 956	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	568	CG	GLN A	41148. 998		-5. 849	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	569	CD	GLN A	41148. 246		-5. 972	1. 00	0. 00 C
	ATOM	570	0E 1				-5. 040	1. 00	0.000
	ATOM	571	NE2			13. 933	-7. 125	1. 00	0.00 N
	ATOM	572	H	GLN A	41150. 847	12. 665	-3. 160	1. 00	0.00 H
15	ATOM	573	HA	GLN A	41151. 205	10. 672	-5. 295	1. 00	0.00 H
	ATOM	574	1HB	GLN A	41150. 737	13. 616	-5. 753	1. 00	0.00 H
	ATOM	575	2HB	GLN A	41150. 804	12. 344	-6. 964	1. 00	0.00 H
	ATOM	576	1HG	GLN A	41148. 670	11. 741	-6. 637	1. 00	0.00 H
	ATOM	577	2HG	GLN A	41148. 76	7 11. 960	-4. 891	1. 00	0.00 H
20	ATOM	578	1HE2	GLN A	41147. 68	9 13. 246	-7. 822	1. 00	0.00 H
	ATOM	579	2HE2	GLN A	41147. 13	5 14. 773	-7. 233	1. 00	0.00 H
	ATOM	580	N	PRO A	42153. 67	4 11. 150	-5. 295	1. 00	0.00 N
	ATOM	581	CA	PRO A	42155. 11	5 11. 422	-5. 336	1. 00	0. 00 C
	ATOM	582	C	PRO A	A 42155. 46	8 12. 529	-6. 324	1. 00	0.00 C
25	ATOM	583	0	PRO .	A 42154. 69	6 12. 830	-7. 233	1. 00	0.000
	ATOM	584	CB	PRO.	A 42155.72	3 10.089	-5. 787	1. 00	0. 00 C
	ATOM	585	CG	PRO.	A 42154.69	9 9.066	-5. 440	1. 00	0. 00 C
	ATOM	586	CD	PRO	A 42153.37	9. 743	-5. 609	1. 00	0.00 C
	ATOM	587	HA	PR0	A 42155. 49	5 11.680	-4. 358	1. 00	0.00 H

				,		219			
	ATOM	588	1HB	PRO A	42155. 909	10. 118	-6.851	1. 00	0.00 H
	ATOM	589	2HB	PRO A	42156. 648	9. 915	-5. 259	1. 00	0.00 H
	ATOM	590	1HG	PRO A	42154. 778	8. 222	-6. 110	1. 00	0.00 H
	ATOM	591	2HG	PRO A	42154. 830	8. 746	-4. 416	1. 00	0.00 H
5	ATOM	592	1HD	PRO A	42153.021	9. 641	-6.626	1. 00	0.00 H
	ATOM	593	2HD	PRO A	42152.648	9. 341	-4. 916	1. 00	0.00 H
	ATOM	594	N	PRO A	43156. 647	13. 151	-6. 158	1. 00	0.00 N
	ATOM	595	CA	PRO A	43157. 102	14. 228	-7.040	1. 00	0.00 C
	ATOM	596	C	PRO A	43157. 497	13. 719	-8. 421	1. 00	0.00 C
10	ATOM	597	0	PRO A	43158.662	13. 408	-8.668	1. 00	0.000
	ATOM	598	CB	PRO A	43158. 322	14. 792	-6.312	1. 00	0.00 C
	ATOM	599	CG	PRO A	43158. 835	13. 657	-5. 497	1. 00	0.00 C
	ATOM	600	CD	PRO A	43157. 629	12. 850	-5. 098	1. 00	0.00 C
	ATOM	601	HA	PRO A	43156. 351	14. 999	-7. 142	1. 00	0.00 H
15	ATOM	602	1HB	PRO A	43159. 052	15. 121	-7. 037	1. 00	0.00 H
	ATOM	603	2HB	PRO A	43158. 023	15. 622	-5, 691	1. 00	0.00 H
	ATOM	604	1HG	PRO A	43159. 510	13. 056	-6. 088	1. 00	0.00 H
	ATOM	605	2HG	PRO A	43159. 339	14. 035	-4. 619	1. 00	0.00 H
	ATOM	606	1HD	PRO A	43157. 869	11. 797	-5. 082	1. 00	0.00 H
20	ATOM	607	2HD	PRO A	43157. 264	13. 170	-4. 134	1. 00	0.00 H
	ATOM	608	N	GLY A	44156. 521		-9. 317	1. 00	0.00 N
	ATOM	609	CA	GLY A	44156. 790	13. 162	-10. 661	1. 00	0. 00 C
	ATOM	610	С	GLY A	44155. 552		-11. 346		0. 00 C
	ATOM	611	0	GLY A	44155. 237		-12. 471		0.000
25	ATOM	612	H	GLY A	44155. 610		-9. 064		0.00 H
	ATOM	613	1HA	GLY A	44157. 183	13. 980	-11. 245	1. 00	0. 00 H
	ATOM	614	2HA	GLY A	44157. 532		-10. 613		0. 00 H
	ATOM	615	N	LEU A	45154. 848		-10. 670		
	ATOM	616	CA.	LEU A	45153. 637	11. 131	-11. 224	1. 00	0. 00 C

						220		
	ATOM	617	C	LEU A	45152. 440	11. 401 -10. 319	1. 00	0.00 C
	ATOM	618	0	LEU A	45152. 369	10.888 -9.203	1. 00	0.000
•	ATOM	619	CB	LEU A	45153. 820	9. 623 -11. 409	1. 00	0.00 C
	ATOM	620	CG	LEU A	45154. 384	8. 886 -10. 192	1. 00	0.00 C
5	ATOM	621	CD1	LEU A	45154. 025	7. 407 -10. 247	1. 00	0. 00 C
	ATOM	622	CD2	LEU A	45155. 893	9. 072 -10. 107	1. 00	0.00 C
	ATOM	623	H	LEU A	45155. 148	11. 452 -9. 775	1. 00	0.00 H
	ATOM	624	HA	LEU A	45153. 455	11. 583 -12. 186	1. 00	0.00 H
	ATOM	625	1HB	LEU A	45152.860	9. 192 -11. 653	1. 00	0.00 H
10	ATOM	626	2HB	LEU A	45154. 490	9. 462 -12. 240	1. 00	0.00 H
	ATOM	627	HG	LEU A	45153.945	9. 301 -9. 295	1. 00	0. 00 H
	ATOM	628	1HD1	LEU A	45153. 490	7. 134 -9. 349	1. 00	0.00 H
	ATOM	629	2HD1	LEU A	45154. 928	6. 819 -10. 320	1. 00	0.00 H
	ATOM	630	3HD1	LEU A	45153. 402	7. 218 -11. 108	1. 00	0.00 H
15	ATOM	631	1HD2	LEU A	45156. 162	9. 381 -9. 108	1. 00	0. 00 H
	ATOM	632	2HD2	LEU A	45156. 205	9. 827 -10. 813	1. 00	0. 00 H
	ATOM	633	3HD2	LEU A	45156. 385	8. 138 -10. 339	1. 00	0.00 H
	ATOM	634	N	ASN A	46151. 505	12. 210 -10. 803	1. 00	0. 00 N
	ATOM	635	CA	ASN A	46150. 318	12. 539 -10. 025	1. 00	0.00 C
20	ATOM	636	С	ASN A	46149. 367	11. 349 -9. 971	1. 00	0. 00 C
	ATOM	637	0	ASN A				0.000
	ATOM	638	CB	ASN A				
	ATOM	639		ASN A				
	ATOM	640		ASN A				
25	ATOM	641	ND2	2 ASN A				
	ATOM	642	H	ASN A				
	ATOM	643		ASN A				
	ATOM		1HB	ASN A				
	ATOM	645	2HB	ASN A	46148. 889	13. 411 -11. 361	1. 00	0.00 H

						221				
	ATOM	646	1HD2	ASN A	46150. 602	15. 015	-8.696	1. 00	0.00 H	
	ATOM	647	2HD2	ASN A	46149. 188	15. 690	-7. 970	1. 00	0.00 H	
	ATOM	648	N	GLU A	47149. 285	10. 721	-8.804	1. 00	0.00 N	
	ATOM	649	CA	GLU A	47148. 415	9. 568	-8.612	1. 00	0.00 C	
5	ATOM	650	C	GLU A	47148. 262	9. 248	-7. 130	1. 00	0.00 C	
	ATOM	651	0	GLU A	47149. 245	8. 978	-6. 440	1. 00	0.000	
	ATOM	652	СВ	GLU A	47148. 970	8. 349	-9. 354	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	653	CG	GLU A	47150. 485	8. 230	-9. 290	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	654	CD	GLU A	47151. 036	7. 254	-10. 311	1. 00	0. 00 C	
10	ATOM	655	0E1	GLU A	47151. 168	7. 641	-11. 491	1. 00	0.000	
	ATOM	656	0E2	GLU A	47151. 336	6. 103	-9. 930	1. 00	0.000	
	ATOM	657	H	GLU A	47149. 824	11. 041	-8. 052	1. 00	0.00 H	
	ATOM	658	HA	GLU A	47147. 445	9. 813	-9. 017	1. 00	0.00 H	
	ATOM	659	1HB	GLU A	47148. 543	7. 455	-8. 923	1. 00	0.00 H	
15	ATOM	660	2HB	GLU A	47148. 680	8. 411	-10. 392	1. 00	0.00 H	
	ATOM	661	1HG	GLU A	47150. 917	9. 201	-9. 474	1. 00	0.00 H	
	ATOM	662	2HG	GLU A	47150. 767	7. 894	-8. 303	1. 00	0.00 H	
	ATOM	663	N	VAL A	48147. 026	9. 273	-6. 644	1. 00	0. 00 N	
	ATOM	664	CA	VAL A	48146. 758	8. 977	-5. 243	1. 00	0. 00 C	
20	ATOM	665	C	VAL A	48147. 120	7. 533	-4. 918	1. 00	0. 00 C	
	MOTA	666	0	VAL A	48146. 338	6. 615	-5. 169	1. 00	0.000	
	ATOM	667	CB	VAL A	48145. 279	9. 219	-4. 888	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	668	G CG1	VAL A	48145. 066	9. 114	-3. 386	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	669	CG2	VAL A	48144. 820	10. 574	-5. 405	1. 00	0. 00 C	
25	ATOM	670) H	VAL A	48146. 280	9. 489	-7. 241	1. 00	0.00 H	
	ATOM	67	1 HA	VAL A	48147. 366	9. 636	-4. 640	1. 00	0.00 H	
	ATOM	672	2 HB	VAL A	48144. 684	8. 455	-5. 368	1. 00	0. 00 H	
	ATOM	673	3 1HG	VAL A	48145. 014	8. 072	-3. 102	1. 00	0.00 H	
	ATOM	674	4 2HG	I VAL A	48144. 142	9. 606	-3. 117	1. 00	0.00 H	

							222			
	ATOM	675	3HG1	VAL	A	48145. 889	9. 587	-2.872	1. 00	0.00 H
	ATOM	676	1HG2	VAL	A	48144. 651	10. 515	-6. 470	1. 00	0.00 H
	ATOM	677	2HG2	VAL	A	48145. 580	11. 314	-5. 202	1.00	0.00 H
	ATOM	678	3HG2	VAL	A	48143. 903	10.857	-4. 910	1.00	0.00 H
5	ATOM	679	N	LEU	A	49148. 309	7. 339	-4. 362	1.00	0.00 N
	ATOM	680	CA	LEU	A	49148. 777	6. 005	-4. 005	1. 00	0.00 C
	ATOM	681	C	LEU	A	49148. 742	5. 809	-2. 496	1. 00	0.00 C
	ATOM	682	0	LEU	A	49149. 455	6. 486	-1.756	1. 00	0.000
	ATOM	683	CB	LEU	A	49150. 197	5. 781	-4. 528	1. 00	0.00 C
10	ATOM	684	CG	LEU	A	49150. 343	5. 837	-6.050	1. 00	0.00 C
	ATOM	685	CD1	LEU	A	49151.745	6. 281	-6. 435	1. 00	0.00 C
	ATOM	686	CD2	LEU	A	49150. 022	4. 483	-6.664	1. 00	0.00 C
	ATOM	687	H	LEU	A	49148. 888	8. 110	-4. 186	1. 00	0.00 H
	ATOM	688	HA	LEU	A	49148. 115	5. 287	-4. 466	1. 00	0.00 H
15	ATOM	689	1HB	LEU	A	49150. 840	6. 535	-4. 097	1. 00	0.00 H
	ATOM	690	2HB	LEU	A	49150. 532	4.812	-4. 192	1. 00	0. 00 H
	ATOM	691	HG	LEU	A	49149. 643	6. 559	-6. 446	1. 00	0. 00 H
	ATOM	692	1HD1	LEU	A	49151. 964	7. 230	-5. 968	1. 00	0.00 H
	ATOM	693	2HD1	LEU	A	49151. 808	6. 384	-7. 507	1. 00	0.00 H
20	ATOM	694	3HD1	LEU	A	49152. 461	5. 543	-6. 102	1. 00	0.00 H
	ATOM	695	1HD2	LEU	A	49149. 950	4. 582	-7. 737	1. 00	0.00 H
	ATOM	696	2HD2	LEU	A	49149. 083	4. 122	-6. 272	1. 00	0.00 H
	ATOM	697	3HD2	LEU	A	49150. 807	3. 782	-6. 420	1. 00	0.00 H
	ATOM	698	N	ALA	A	50147. 908	4. 880	-2. 044	1. 00	0.00 N
25	ATOM	699	CA	ALA	A	50147. 783	4. 602	-0.621	1. 00	0. 00 C
	ATOM	700) C	ALA	A	50148. 733	3. 488	-0. 195	1. 00	0.00 C
	ATOM	701	0	ALA	A	50148. 596	2. 343	-0. 625	1. 00	0.000
	ATOM	702	CB	AL/	A A	50146. 347	4. 234	-0. 280	1. 00	0.00 C
	ATOM	703	3 H	AL/	A A	50147. 363	4. 374	-2. 682	1. 00	0.00 H

						223			
	ATOM	704	HA	ALA A	50148. 036	5. 505	-0. 086	1. 00	0.00 H
	ATOM	705	1HB	ALA A	50146. 227	3. 162	-0. 329	1. 00	0.00 H
	ATOM	706	2HB	ALA A	50145. 677	4. 704	-0. 985	1. 00	0.00 H
	ATOM	707	ЗНВ	ALA A	50146. 115	4. 577	0.718	1. 00	0.00 H
5	ATOM	708	N	GLY A	51149. 697	3. 832	0. 653	1. 00	0.00 N
	ATOM	709	CA	GLY A	51150.656	2. 850	1. 123	1. 00	0.00 C
	ATOM	710	C	GLY A	51150. 023	1. 805	2. 019	1. 00	0. 00 C
	ATOM	711	0	GLY A	51149. 665	2. 092	3. 162	1. 00	0.000
	ATOM	712	H	GLY A	51149. 757	4. 759	0.962	1. 00	0.00 H
10	ATOM	713	1HA	GLY A	51151. 098	2. 357	0. 270	1. 00	0.00 H
	ATOM	714	2HA	GLY A	51151. 434	3. 357	1. 674	1. 00	0.00 H
	ATOM	715	N	LEU A	52149. 882	0. 589	1. 501	1. 00	0.00 N
	ATOM	716	CA	LEU A	52149. 286	-0.502	2. 264	1. 00	0.00 C
	ATOM	717	C	LEU A	52150. 362	-1. 350	2. 933	1. 00	0.00 C
15	ATOM	718	0	LEU A	52151. 348	-1. 734	2. 303	1. 00	0.000
	ATOM	719	CB	LEU A	52148. 423	-1. 376	1. 353	1. 00	0. 00 C
	ATOM	720	CG	LEU A	52147. 132	-0.721	0.860	1. 00	0.00 C
	ATOM	721	CD1	LEU A	52146. 434	-1.615	-0. 154	1. 00	0.00 C
	ATOM	722	CD2	LEU A	52146. 209	-0. 418	2. 031	1. 00	0.00 C
20	ATOM	723	H	LEU A	52150. 186	0. 422	0. 585	1. 00	0.00 H
	ATOM	724	HA	LEU A	52148. 660	-0.067	3.029	1. 00	0. 00 H
	ATOM	725	1HB	LEU A	52149. 014	-1. 654	0. 492	1. 00	0.00 H
	ATOM	726	2HB	LEU A	52148. 162	-2. 274	1. 893	1. 00	0.00 H
	ATOM	727	HG	LEU A	52147. 372	0. 212	0. 373	1. 00	0.00 H
25	ATOM	728	1HD1	LEU A	52147. 160	-2. 260	-0.625	1. 00	0.00 H
	ATOM	729	2HD1	LEU A	52145. 957	-1. 002	-0. 905	1. 00	0.00 H
	ATOM	730	3HD1	LEU A	52145. 689	-2. 215	0. 348	1. 00	0.00 H
	ATOM	731	1HD2	LEU A	52146. 708	0. 245	2. 721	1. 00	0.00 H
	ATOM	732	2HD2	LEU A	52145. 955	-1. 339	2. 536	1. 00	0.00 H

					:	224			
	ATOM	733	3HD2	LEU A	52145. 308	0.053	1. 666	1. 00	0.00 H
	ATOM	734	N	GLU A	53150. 166	-1. 641	4. 216	1. 00	0.00 N
	ATOM	735	CA	GLU A	53151. 119	-2. 445	4. 972	1. 00	0. 00 C
	ATOM	736	C	GLU A	53150. 624	-3. 880	5. 117	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	737	0	GLU A	53149. 715	-4. 158	5. 899	1. 00	0.000
	ATOM	738	CB	GLU A	53151. 353	-1.830	6. 353	1. 00	0.00 C
	ATOM	739	CG	GLU A	53152. 363	-2. 593	7. 195	1. 00	0. 00 C
	ATOM	740	CD	GLU A	53151. 997	-2. 614	8.666	1. 00	0.00 C
	ATOM	741	0E1	GLU A	53152. 380	-3. 580	9. 360	1. 00	0.000
10	ATOM	742	0E2	GLU A	53151. 327	-1.665	9. 126	1. 00	0.000
	ATOM	743	H	GLU A	53149. 362	-1. 306	4. 663	1. 00	0. 00 H
	ATOM	744	HA	GLU A	53152. 053	-2. 451	4. 428	1. 00	0.00 H
	ATOM	745	1HB	GLU A	53151. 710	-0.819	6. 229	1. 00	0.00 H
	ATOM	746	2HB	GLU A	53150. 414	-1. 808	6. 887	1. 00	0.00 H
15	ATOM	747	1HG	GLU A	53152. 415	-3. 610	6. 838	1. 00	0.00 H
	ATOM	748	2HG	GLU A	53153. 330	-2. 124	7.086	1. 00	0.00 H
	ATOM	749	N	LEU A	54151. 229	-4. 789	4. 359	1. 00	0.00 N
	ATOM	750	CA	LEU A	54150. 850	-6. 196	4. 403	1. 00	0. 00 C
	ATOM	751	C	LEU A	54151. 179	-6.805	5. 763	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	752	0	LEU A	54152. 268	-6. 599	6. 300	1. 00	0.000
	ATOM	753	CB	LEU A	54151. 564	-6. 973	3. 296	1. 00	0. 00 C
	ATOM	754	CG	LEU A	54151. 397	-6. 396	1. 889	1. 00	0.00 C
	ATOM	755	CD 1	LEU A	54152. 493	-6. 907	0. 968	1. 00	0. 00 C
	ATOM	756	CD2	LEU A	54150. 025	-6. 742	1. 331	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	757	H	LEU A	54151. 948	-4. 506	3. 755	1. 00	0. 00 H
	ATOM	758	HA	LEU A	54149. 784	-6. 257	4. 244	1. 00	0.00 H
	ATOM	759	1HB	LEU A	54152. 618	-7. 003	3. 529	1. 00	0.00 H
	ATOM	760	2HB	LEU A	54151. 183	-7. 984	3. 293	1. 00	0.00 H
	ATOM	761	HG	LEU A	54151. 478	-5. 319	1. 938	1. 00	0.00 H

5

10

15

20

25

ATOM

1.00 0.00 0

5. 355

	WO 2004	/016781		\				PCT	T/JP2003/010
				•		225			
	ATOM	762 1H	ID1 LE	EU A	54153. 458	-6. 635	1. 372		0. 00 H
	ATOM	763 2F	HD1 LE	EU A	54152. 376	-6. 467	-0. 011		0.00 H
	ATOM	764 3H	HD1 LI	EU A	54152. 426	-7. 982	0. 891	1. 00	0.00 H
	ATOM	765 II	HD2 LI	EU A	54149. 885	-7. 812	1. 357	1. 00	0.00 H
	ATOM	766 21	HD2 L	EU A	54149. 953	-6. 394	0. 312	1. 00	0.00 H
	ATOM	767 3	HD2 L	EU A	54149. 262	-6. 266	1. 929	1. 00	0.00 H
	ATOM	768	N G	LU A	55150. 231	-7. 556	6. 314	1. 00	0.00 N
	ATOM	769	CA G	LU A	55150. 420	-8. 196	7. 610	1. 00	0. 00 C
	ATOM	770	C G	LU A	55151. 540	-9. 230	7. 551	1. 00	0.00 C
	ATOM	771	0 G	LU A	55152. 232	-9. 466	8. 542	1. 00	0.000
	ATOM	772	CB G	LU A	55149. 120	-8. 861	8.068	1. 00	0. 00 C
	ATOM	773	CG G	GLU A	55148. 144	-7. 900	8. 725	1. 00	0. 00 C
	ATOM	774	CD (GLU A	55148. 143	-8. 013	10. 237	1. 00	0.00 C
	ATOM	775	0E1 (GLU A	55149. 238	3 -7. 979	10. 837	1. 00	0.000
	ATOM	776	0E2 (GLU A	55147.046	8 -8. 137	10. 823	1. 00	0.000
	ATOM	777	H (GLU A	55149. 38	ō −7. 684	5. 837	1. 00	0.00 H
	ATOM	778	HA	GLU A	55150. 69	0 -7.429	8. 321	1. 00	0.00 H
	ATOM	779	1HB	GLU A	55148.63	5 -9.303	7. 210	1. 00	0.00 H
	ATOM	780	2HB	GLU A	55149. 35	8 -9.639	8. 778	1. 00	0.00 H
	ATOM	781	1HG	GLU A	55148. 41	5 -6.890	8. 457	1. 00	0.00 H
	ATOM	782	2HG	GLU A	55147. 14	8 -8. 113	8. 362	1. 00	0.00 H
	ATOM	783	N	ASP A	56151.71	3 -9.843	6. 385	1. 00	0.00 N
	ATOM	784	CA	ASP A	56152. 74	8 -10.852	6. 199	1. 00	0.00 C
	ATOM	785	C	ASP A	56153.97	2 -10. 256	5. 509	1. 00	0. 00 C
,	ATOM	786	0	ASP A	56153.85	57 - 9. 318	3 4. 722	1. 00	0.000
	ATOM	787	CB	ASP A	A 56152. 20	7 -12. 024	5.379	1.00	0. 00 C
	ATOM	788	CG	ASP A	A 56152. 75	59 <i>-</i> 13. 358	5. 842	2 1.00	0.00 C
	ATOM	789	0D1	ASP	A 56152. 1	12 -14.00	7 6.689	9 1.00	0.000

790 OD2 ASP A 56153.839 -13.754

					226			
	ATOM	791	H	ASP A	56151. 130 -9. 612	5. 632	1. 00	0.00 H
	ATOM	792	HA	ASP A	56153. 040 -11. 212	7. 174	1. 00	0.00 H
	ATOM	793	1HB	ASP A	56151. 131 -12. 052	5. 468	1. 00	0.00 H
	ATOM	794	2HB	ASP A	56152. 474 -11. 884	4. 341	1. 00	0.00 H
5	ATOM	795	N	GLU A	57155. 142 -10. 810	5.811	1. 00	0.00 N
	ATOM	796	CA	GLU A	57156. 387 -10. 334	5. 219	1. 00	0.00 C
	ATOM	797	C	GLU A	57156. 650 -11. 019	3.882	1. 00	0.00 C
	ATOM	798	0	GLU A	57156. 986 -12. 203	3. 836	1. 00	0.000
	ATOM	799	CB	GLU A	57157. 558 -10. 584	6. 172	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	800	CG	GLU A	57157. 490 -9. 760	7. 448	1. 00	0. 00 C
	ATOM	801	CD	GLU A	57158. 429 -10. 272	8. 522	1. 00	0. 00 C
	ATOM	802	0E1	GLU A	57159. 608 -10. 536	8. 205	1. 00	0.000
	ATOM	803	0E2	GLU A	57157. 985 -10. 409	9. 682	1. 00	0.000
	ATOM	804	H	GLU A	57155. 169 <i>-</i> 11. 556	6. 445	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	805	HA	GLU A	57156. 291 -9. 272	5. 053	1. 00	0.00 H
	ATOM	806	1HB	GLU A	57157. 567 -11. 629	6. 445	1. 00	0. 00 H
	ATOM	807	2HB	GLU A	57158. 480 -10. 345	5. 663	1. 00	0.00 H
	ATOM	808	1HG	GLU A	57157. 756 -8. 740	7. 216	1. 00	0. 00 H
	ATOM	809	2HG	GLU A	57156. 480 -9. 791	7. 828	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	810	N	CYS A	58156. 495 -10. 269	2. 797	1. 00	0. 00 N
	ATOM	811	CA	CYS A	58156. 716 -10. 804		1. 00	0. 00 C
	ATOM	812	С	CYS A			1. 00	0. 00 C
	ATOM	813	0	CYS A			1. 00	0.000
	ATOM	814	CB	CYS A		0. 554	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	815	SG	CYS A		0. 653	1. 00	0. 00 S
	ATOM	816	H	CYS A		2. 898	1. 00	0. 00 H
	ATOM	817	HA	CYS A			1. 00	0. 00 H
	ATOM		1HB	CYS A			1. 00	0.00 H
	ATOM	819	2HB	CYS A	58155. 861 -10. 447	-0. 472	1. 00	0.00 H

					•	221			
	ATOM	820	HG	CYS A	58154. 554 -	12. 533	0.888	1. 00	0.00 H
	ATOM	821	N	ALA A	59158. 726 -	11. 089	0. 133	1. 00	0.00 N
	ATOM	822	CA	ALA A	59159. 972 -	10. 677	-0.502	1. 00	0.00 C
	ATOM	823	C	ALA A	59159. 708	-9. 725	-1.664	1. 00	0.00 C
5	ATOM	824	0	ALA A	59159. 129 -	-10. 113	-2.678	1. 00	0.000
	ATOM	825	CB	ALA A	59160. 747 -	-11. 895	-0. 981	1. 00	0.00 C
	ATOM	826	H	ALA A	59158. 418 -	-12. 014	0.026	1. 00	0.00 H
	ATOM	827	HA	ALA A	59160. 570 -	-10. 168	0. 239	1. 00	0.00 H
	ATOM	828	1HB	ALA A	59161. 352 -	-11. 625	-1. 834	1. 00	0.00 H
10	ATOM	829	2HB	ALA A	59160. 054 -	-12. 674	-1. 265	1. 00	0.00 H
	ATOM	830	ЗНВ	ALA A	59161.385	-12. 252	-0. 186	1. 00	0.00 H
	ATOM	831	N	GLY A	60160. 136	-8. 476	-1.508	1. 00	0. 00 N
	ATOM	832	CA	GLY A	60159. 937	-7. 489	-2.551	1. 00	0. 00 C
	ATOM	833	C	GLY A	60159. 402	-6. 175	-2. 012	1. 00	0.00 C
15	ATOM	834	0	GLY A	60159. 649	-5. 115	-2. 587	1. 00	0.000
	ATOM	835	H	GLY A	60160. 591	-8. 225	-0. 677	1. 00	0. 00 H
	ATOM	836	1HA	GLY A	60160.880	-7. 305	-3. 044	1. 00	0. 00 H
	ATOM	837	2HA	GLY A	60159. 236	-7. 880	-3. 274	1. 00	0. 00 H
	ATOM	838	N	CYS A	61158. 669	-6. 247	-0. 907	1. 00	0.00 N
20	ATOM	839	CA	CYS A	61158. 098	-5. 055	-0. 290	1. 00	0.00 C
	ATOM	840	C	CYS A	61159. 175	-4. 242	0. 422	1. 00	0. 00 C
	ATOM	841	0	CYS A	61160. 259	-4. 749	0.712	1. 00	0.000
	ATOM	842	CB	CYS A	61156. 999	-5. 444	0. 700	1. 00	0. 00 C
	ATOM	843	SG	CYS A	61155.806	-6. 635	0. 046	1. 00	0. 00 S
25	ATOM	844	H	CYS A	61158. 508	-7. 121	-0. 495	1. 00	0.00 H
	MOTA	845	HA	CYS A	61157.667	-4. 450	-1. 074	1. 00	0.00 H
	ATOM	846	1HB	CYS A	61157. 452	-5. 882	1. 576	1. 00	0.00 H
	ATOM	847	2HB	CYS A	61156. 453	-4. 556	0. 988	1. 00	0. 00 H
	ATOM	848	HG	CYS A	61156. 257	-7. 181	-0.602	1. 00	0.00 H

	WO 2004/	016781				228		PCT/	JP2003/010288
	ATOM	849	N	THR A	62158. 869	-2. 979	0. 700	1. 00	0. 00 N
	ATOM	850	CA	THR A	62159. 811	-2. 096	1. 378	1. 00	0. 00 C
	ATOM	851	С	THR A	62159. 450	-1. 944	2. 852	1. 00	0. 00 C
	ATOM	852	0	THR A	62158. 508	-2. 571	3. 338	1. 00	0.00 0
5	ATOM	853	СВ	THR A	62159. 834	-0. 725	0. 702	1. 00	0.00 C
	ATOM	854	0G1	THR A	62158. 569	-0. 422	0. 140	1. 00	0.00 0
	ATOM	855	CG2	THR A	62160. 865	-0. 617	-0. 400	1. 00	0.00 C
	ATOM	856	H	THR A	62157. 989	-2. 632	0. 443	1. 00	0.00 H
	ATOM	857	HA	THR A	62160. 793	-2. 540	1. 305	1. 00	0.00 H
10	ATOM	858	HB	THR A	62160.063	0. 027	1. 444	1. 00	0.00 H
	ATOM	859	HG1	THR A	62158. 577	0. 476	-0. 200	1. 00	0.00 H
	ATOM	860	1HG2	THR A	62161. 107	0. 422	-0.567	1. 00	0.00 H
	ATOM	861	2HG2	THR A	62160. 466	-1. 044	-1. 309	1. 00	0.00 H
	ATOM	862	3HG2	THR A	62161.757	-1. 153	-0. 112	1. 00	0.00 H
15	ATOM	863	N	ASP A	63160. 204	-1. 108	3. 557	1. 00	0.00 N
	ATOM	864	CA	ASP A	63159. 963	-0. 873	4. 977	1. 00	0.00 C
	ATOM	865	C	ASP A	63159. 263	0. 463	5. 197	1. 00	0.00 C
	ATOM	866	0	ASP A	63159. 501	1. 144	6. 194	1. 00	0.000
	ATOM	867	CB	ASP A	63161. 283	-0. 905	5. 752	1. 00	0.00 C
20	ATOM	868	CG	ASP A	63162. 354	-0. 050	5. 104	1. 00	0.00 C
	ATOM	869	OD 1	ASP A	63163. 372	-0. 615	4. 652	1. 00	0.000
	ATOM	870	0D2	ASP A	63162. 175	1. 185	5. 048	1. 00	0.000
	ATOM	871	H	ASP A	63160. 940	-0. 637	3. 114	1. 00	0.00 H
	ATOM	872	HA	ASP A	63159. 324	-1. 665	5. 339	1. 00	0.00 H
25	ATOM	873	1HB	ASP A	63161. 114	-0. 538	6. 753	1. 00	0. 00 H
	ATOM	874	2HB	ASP A	63161.640	-1. 922	5. 800	1.00	0.00 H

N

CA

C

875

876

877

ATOM

ATOM

ATOM

GLY A

GLY A

64158. 398

64157.676

GLY A 64158. 318

4. 258

4. 367

3. 562

1.00

1.00

1.00

0.00 N

0.00 C

0.00 C

0.833

2. 087

3. 199

	WO 2004/016781				:	PCT/JP2003/010288			
	ATOM	878	0	GLY A	64158. 413	4. 336	4. 025	1. 00	0.000
	ATOM	879	H	GLY A	64158. 249	0. 250	3. 485	1. 00	0.00 H
	ATOM	880	1HA	GLY A	64156. 666	1. 940	4. 016	1. 00	0.00 H
	ATOM	881	2HA	GLY A	64157. 644	2. 382	5. 406	1. 00	0.00 H
5	ATOM	882	N	THR A	65158. 763	2. 871	2. 353	1. 00	0.00 N
	ATOM	883	CA	THR A	65159. 400	3. 850	1. 481	1. 00	0.00 C
	ATOM	884	С	THR A	65159. 035	3. 600	0.022	1. 00	0.00 C
	ATOM	885	0	THR A	65159. 312	2. 531	-0. 524	1. 00	0.000
	ATOM	886	CB	THR A	65160. 919	3. 805	1. 652	1. 00	0.00 C
10	ATOM	887	0G1	THR A	65161. 395	2. 473	1. 559	1. 00	0.000
	ATOM	888	CG2	THR A	65161.390	4. 368	2. 976	1. 00	0.00 C
	ATOM	889	H	THR A	65158.659	1. 948	2. 040	1. 00	0.00 H
	ATOM	890	HA	THR A	65159. 044	4. 829	1. 766	1. 00	0.00 H
	ATOM	891	HB	THR A	65161.377	4. 385	0.865	1. 00	0.00 H
15	ATOM	892	HG1	THR A	65161.050	2. 065	0.762	1. 00	0.00 H
	ATOM	893	1HG2	THR A	65160. 959	5. 348	3. 123	1. 00	0. 00 H
	ATOM	894	2HG2	THR A	65162. 466	4. 445	2. 972	1. 00	0.00 H
	ATOM	895	3HG2	THR A	65161.078	3. 714	3. 777	1. 00	0.00 H
	ATOM	896	N	PHE A	66158. 411	4. 591	-0.606	1. 00	0.00 N
20	ATOM	897	CA	PHE A	66158. 008	4. 479	-2. 003	1. 00	0. 00 C
	ATOM	898	С	PHE A	66159. 094	5. 022	-2. 927	1. 00	0.00 C
	ATOM	899	0	PHE A	66159. 201	6. 230	-3. 130	1. 00	0.000
	ATOM	900	CB	PHE A	66156. 697	5. 230	-2. 241	1. 00	0. 00 C
	ATOM	901	CG	PHE A	66156. 012	4. 848	-3. 522	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	902	CD1	PHE A	66155. 529	5. 822	-4. 381	1. 00	0. 00 C
	ATOM	903	CD2	PHE A	66155. 849	3. 516	-3.865	1. 00	0. 00 C
	ATOM	904	CE1	PHE A	66154. 899	5. 474	-5. 560	1. 00	0. 00 C
	ATOM	905	CE2	PHE A	66155. 218	3. 161	-5. 042	1. 00	0.00 C

906 CZ PHE A 66154.742 4.141 -5.892 1.00 0.00 C

ATOM

5

10

WO 2004	/016781				230		PCT	T/ JP2 003/0102
ATOM	907	H	PHE A	66158. 218	5. 419	-0. 118	1. 00	0.00 H
ATOM	908	HA	PHE A	66157. 857	3. 432	-2. 220	1. 00	0. 00 H
ATOM	909	1HB	PHE A	66156.019	5. 023	-1. 427	1. 00	0.00 H
ATOM	910	2HB	PHE A	66156. 900	6. 290	-2. 274	1. 00	0.00 H
ATOM	911	HD1	PHE A	66155. 652	6.864	-4. 124	1. 00	0.00 H
ATOM	912	HD2	PHE A	66156. 220	2. 748	-3. 202	1. 00	0.00 H
ATOM	913	HE1	PHE A	66154. 528	6. 242	-6. 223	1. 00	0.00 H
ATOM	914	HE2	PHE A	66155. 098	2. 119	-5. 299	1. 00	0.00 H
ATOM	915	HZ	PHE A	66154. 250	3. 867	-6.812	1. 00	0.00 H
ATOM	916	N	ARG A	67159. 896	4. 119	-3. 483	1. 00	0.00 N
ATOM	917	CA	ARG A	67160. 973	4. 509	-4. 386	1. 00	0.00 C
ATOM	918	C	ARG A	67161.960	5. 438	-3. 686	1. 00	0.00 C
ATOM	919	0	ARG A	67162. 592	6. 281	-4. 322	1. 00	0.000
ATOM	920	CB	ARG A	67160. 404	5. 194	-5.629	1. 00	0. 00 C
ATOM	921	CG	ARG A	67159. 247	4. 438	-6. 263	1. 00	0.00 C
ATOM	922	CD	ARG A	67158. 335	5. 371	-7. 047	1. 00	0. 00 C
ATOM	923	NE	ARG A	67158. 608	5. 327	-8. 481	1. 00	0.00 N
ATOM	924	CZ	ARG A	67158. 258	4. 314	-9. 271	1. 00	0.00 C
ATOM	925	NH 1	ARG A	67157. 622	3. 261	-8. 771	1. 00	0.00 N
ATOM	926	NH2	ARG A	67158. 544	4. 354	-10. 566	1. 00	0.00 N
ATOM	927	H	ARG A	67159. 759	3. 170	-3. 282	1. 00	0.00 H
ATOM	928	HA	ARG A	67161. 493	3. 612	-4. 686	1. 00	0.00 H
ATOM	929	1HB	ARG A	67160. 055	6. 179	-5. 355	1. 00	0.00 H

ATOM ATOM ATOM **ATOM** ATOM 15 ATOM ATOM ATOM ATOM 20 ATOM ATON ATON ATON 0.00 H 1.00 930 2HB ARG A 67161. 188 5. 290 -6.365ATOM 0.00 H -6.9351.00 67159.642 3.691 25 ATOM 931 1HG ARG A 0.00 H 1.00 -5.48467158.673 3.959 ATOM 932 2HG ARG A 1.00 0.00 H -6.87667157.310 5.077 ATOM 933 1HD ARG A 0.00 H 6.380 -6.6911.00 934 2HD 67158.483 ARG A **ATOM** 0.00 H 1.00 67159.077 6.091 -8.876ARG A ${\tt ATOM}$ 935 HE

						231			
	ATOM	936	IHH1	ARG A	67157. 403	3. 225	-7. 795	1. 00	0.00 H
	ATOM	937	2HH1	ARG A	67157. 361	2. 504	-9. 370	1. 00	0.00 H
	ATOM	938	1HH2	ARG A	67159.022	5. 145 -	-10. 947	1. 00	0.00 H
	ATOM	939	2HH2	ARG A	67158. 282	3. 594	-11. 159	1. 00	0.00 H
5	ATOM	940	N	GLY A	68162.086	5. 279	-2. 372	1. 00	0.00 N
	ATOM	941	CA	GLY A	68162. 998	6. 111	-1.610	1. 00	0. 00 C
	ATOM	942	C	GLY A	68162. 279	7. 180	-0.808	1. 00	0. 00 C
	ATOM	943	0	GLY A	68162. 795	7. 658	0. 202	1. 00	0.000
	ATOM	944	H	GLY A	68161. 558	4. 591	-1. 917	1. 00	0.00 H
10	ATOM	945	1HA	GLY A	68163. 558	5. 485	-0. 931	1. 00	0. 00 H
	ATOM	946	2HA	GLY A	68163. 686	6. 590	-2. 291	1. 00	0. 00 H
	ATOM	947	N	THR A	69161. 086	7. 556	-1. 260	1. 00	0. 00 N
	ATOM	948	CA	THR A	69160. 299	8. 575	-0. 576	1. 00	0. 00 C
	ATOM	949	C	THR A	69159. 624	8. 002	0.666	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	950	0	THR A	69158. 538	7. 428	0. 585	1. 00	0.000
	ATOM	951	CB	THR A	69159. 245	9. 152	-1. 523	1. 00	0. 00 C
	ATOM	952	0G1	THR A	69159. 760	9. 271	-2. 836	1. 00	0.000
	MOTA	953	CG2	THR A	69158. 746	10. 518	-1. 101	1. 00	0.00 C
	ATOM	954	H	THR A	69160. 728	7. 138	-2. 070	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	955	HA	THR A	69160. 969	9. 365	-0. 275	1. 00	0. 00 H
	ATOM	956	HB	THR A	69158. 396	8. 484		1. 00	0. 00 H
	ATOM	957	HG1	THR A				1. 00	0. 00 H
	ATOM	958	1HG2	THR A			-1. 285		0.00 H
	ATOM	959	2HG2	THR A		11. 280	-1. 670	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	960	3HG2	THR A		10. 663	-0. 048		0. 00 H
	ATOM	961	N	ARG A		8. 161			0. 00 N
	ATOM	962	CA	ARG A					
	ATOM	963	С	ARG A					
	ATOM	964	0	ARG A	70158. 554	9. 692	3. 554	1. 00	0.000

					4	232			
	ATOM	965	CB A	ARG A	70160. 806	7. 716	4. 166	1. 00	0. 00 C
	ATOM	966	CG .	ARG A	70160. 332	7. 181	5. 508	1. 00	0.00 C
	ATOM	967	CD .	ARG A	70160. 920	7. 975	6. 663	1. 00	0.00 C
	ATOM	968	NE .	ARG A	70162. 233	7. 472	7.062	1. 00	0.00 N
5	ATOM	969	CZ	ARG A	70163. 084	8. 150	7. 828	1. 00	0. 00 C
	ATOM	970	NH1	ARG A	70162. 766	9. 356	8. 281	1. 00	0.00 N
	ATOM	971	NH2	ARG A	70164. 258	7. 619	8. 143	1. 00	0.00 N
	ATOM	972	H	ARG A	70161. 137	8. 627	1. 813	1. 00	0.00 H
	ATOM	973	HA	ARG A	70159. 444	6. 631	2. 921	1. 00	0.00 H
10	ATOM	974	1HB	ARG A	70161. 659	7. 134	3. 851	1. 00	0.00 H
	ATOM	975	2HB	ARG A	70161. 112	8. 743	4. 300	1. 00	0.00 H
	ATOM	976	1HG	ARG A	70159. 255	7. 245	5. 551	1. 00	0.00 H
	ATOM	977	2HG	ARG A	70160. 636	6. 149	5. 600	1. 00	0.00 H
	ATOM	978	1HD	ARG A	70161.017	9. 007	6. 361	1. 00	0.00 H
15	ATOM	979	2HD	ARG A	70160. 248	7. 909	7. 506	1. 00	0.00 H
	ATOM	980	HE	ARG A	70162. 494	6. 584	6. 741	1. 00	0.00 H
	ATOM	981	1HH1	ARG A	70161. 882	9. 762	8. 048	1. 00	0.00 H
	ATOM	982	2HH1	ARG A	70163. 409	9. 859	8. 857	1. 00	0.00 H
	ATOM	983	1HH2	ARG A	70164. 503	6. 711	7. 805	1. 00	0.00 H
20	ATOM	984	2HH2	ARG A	70164. 898	8. 127	8. 720	1. 00	0.00 H
	ATOM	985	N	TYR A	71157. 426	7. 760	3. 799	1. 00	0.00 N
	ATOM	986	CA	TYR A	71156. 189	8. 408	4. 220	1. 00	0.00 C
	ATOM	987	C	TYR A	71155. 841	8. 032	5. 657	1. 00	0. 00 C
	ATOM	988	0	TYR A	71155. 425	8. 880	6. 447	1. 00	0.000
25	ATOM	989	CB	TYR A	71155. 042	8. 019	3. 287	1. 00	0. 00 C
	ATOM	990) CG	TYR A	71155. 198	8. 551	1. 879	1. 00	0. 00 C
	ATOM	991	CD	1 TYR A	A· 71155. 353	7. 686	0. 804	1. 00	
	ATOM	992	2 CD	2 TYR A	A 71155. 192	9. 917	1. 628	1. 00	0.00 C
	ATOM	993	3 CE	1 TYR A	A 71155. 496	8. 168	-0. 485	1. 00	0. 00 C

					•	233			
	ATOM	994	CE2	TYR A	71155. 334	10. 406	0. 343	1. 00	0.00 C
	ATOM	995	CZ	TYR A	71155. 486	9. 528	-0.709	1. 00	0. 00 C
	ATOM	996	OH	TYR A	71155. 628	10. 012	-1. 989	1. 00	0.000
	ATOM	997	H	TYR A	71157. 456	6. 783	3. 735	1. 00	0.00 H
5	ATOM	998	HA	TYR A	71156. 339	9. 476	4. 167	1. 00	0.00 H
	ATOM	999	1HB	TYR A	71154. 983	6. 943	3. 229	1. 00	0.00 H
	ATOM	1000	2HB	TYR A	71154. 116	8. 405	3. 687	1. 00	0.00 H
	ATOM	1001	HD1	TYR A	71155. 360	6.621	0. 982	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1002	HD2	TYR A	71155. 073	10.603	2. 454	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1003	HE 1	TYR A	71155. 615	7. 480	-1. 308	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1004	HE2	TYR A	71155. 326	11. 472	0. 168	1. 00	0.00 H
	ATOM	1005	HH	TYR A	71154. 788	10. 360	-2. 295	1. 00	0.00 H
	ATOM	1006	N	PHE A	72156.013	6. 757	5. 987	1. 00	0.00 N
	ATOM	1007	CA	PHE A	72155. 716	6. 268	7. 329	1. 00	0.00 C
15	MOTA	1008	C	PHE A	72156. 781	5. 282	7. 797	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1009	0	PHE A	72157. 740	5. 001	7. 079	1. 00	0.000
	ATOM	1010	CB	PHE A	72154. 339	5. 603	7. 358	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1011	CG	PHE A	72154. 122	4. 623	6. 241	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1012	CD1	PHE A	72154. 270	3. 261	6. 457	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	1013	CD2	PHE A	72153. 771	5. 062	4. 974	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1014	CE 1	PHE A	72154. 071	2. 357	5. 431	1. 00	0.00 C
	ATOM	1015	CE2	PHE A	72153. 570	4. 163	3. 944	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1016	CZ	PHE A	72153. 720	2. 809	4. 173	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1017	H	PHE A	72156. 346	6. 129	5. 313	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1018	HA	PHE A	72155. 710	7. 117	7. 997	1. 00	0.00 H
	ATOM	1019	1HB	PHE A	72154. 223	5. 072	8. 291	1. 00	0.00 H
	ATOM	1020	2HB	PHE A	72153. 578	6. 365	7. 285	1. 00	0.00 H
	ATOM	1021	HD	1 PHE A	72154. 543	2. 908	7. 440	1. 00	0.00 H
	ATOM	1022	HD	2 PHE A	72153. 653	6. 120	4. 795	1. 00	0.00 H

	WO 200	4/016781			2	34		PCT	/ JP2 003/010
	ATOM	1023	HE1	PHE A	72154. 190	1. 300	5. 612	1. 00	0.00 H
	ATOM	1024	HE2	PHE A	72153. 297	4. 519	2.962	1. 00	0.00 H
	ATOM	1025	HZ	PHE A	72153. 564	2. 104	3. 370	1. 00	0.00 H
	ATOM	1026	N	THR A	73156. 605	4. 760	9. 007	1. 00	0.00 N
5	ATOM	1027	CA	THR A	73157. 551	3. 805	9. 573	1. 00	0.00 C
	ATOM	1028	C	THR A	73156. 871	2. 469	9.856	1. 00	0.00 C
	ATOM	1029	0	THR A	73156. 113	2. 338	10. 817	1. 00	0.000
	ATOM	1030	CB	THR A	73158. 162	4. 361	10.860	1. 00	0.00 C
	MOTA	1031	0G1	THR A	73157. 244	5. 211	11. 525	1. 00	0.000
10	ATOM	1032	CG2	THR A	73159. 432	5. 152	10.626	1. 00	0.00 C
	ATOM	1033	H	THR A	73155. 821	5. 023	9. 533	1. 00	0.00 H
	ATOM	1034	HA	THR A	73158. 337	3. 648	8. 850	1. 00	0.00 H
	ATOM	1035	НВ	THR A	73158. 401	3. 539	11. 518	1. 00	0.00 H
	ATOM	1036	HG1	THR A	73156. 707	4. 692	12. 128	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1037	1HG2	THR A	73159. 457	5. 998	11. 296	1. 00	0.00 H
	ATOM	1038	2HG2	THR A	73159. 456	5. 500	9.604	1. 00	0.00 H
	ATOM	1039	3HG2	2 THR A	73160. 288	4. 521	10. 812	1. 00	0.00 H
	ATOM	1040	N	CYS A	74157. 149	1. 479	9. 013	1. 00	0.00 N
	ATOM	1041	CA	CYS A	74156. 565	0. 153	9. 173	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1042	C	CYS A	74157. 648	-0. 922	9. 171	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1043	0	CYS A	74158. 817	-0. 639	8. 913	1. 00	0.000
	ATOM	1044	св	CYS A	74155. 556	-0. 121	8. 056	1. 00	0.00 C
	ATOM	1045	s SG	CYS A	74153. 872	0. 415	8. 436	1. 00	0.00 S
	ATOM	1046	6 H	CYS A	74157. 762	1. 645	8. 266	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1047	7 HA	CYS	A 74156. 052	0. 128	10. 122	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1048	8 1HE	CYS	A 74155.871	0. 396	7. 162	1. 00	0.00 H

5

10

15

0.00 H 7.860 1.00 74155. 527 -1. 183 1049 2HB CYS A ${\tt ATOM}$ 8.709 1. 00 0.00 H -0.356CYS A 74153. 370 HG 1050 ${\tt ATOM}$ 9.460 1.00 0.00 N ALA A 75157. 249 -2. 157 N 1051 ${\tt ATOM}$

						55450 405	0.074	0 401	1 00	0 00 0
	ATOM	1052	CA	ALA A		75158. 185	-3. 274		1. 00	0. 00 C
	ATOM	1053	C .	ALA A		75158. 860	-3.461	8. 137	1. 00	0.00 C
	ATOM	1054	0 .	ALA A		75158. 563	-2. 747	7. 180	1. 00	0.000
	ATOM	1055	CB	ALA A		75157. 469	-4. 549	9. 908	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1056	H	ALA A		75156. 303	-2. 320	9. 657	1. 00	0.00 H
	ATOM	1057	HA	ALA A		75158. 940	-3. 054	10. 232	1. 00	0.00 H
	ATOM	1058	1HB	ALA A		75156. 425	-4. 479	9. 643	1. 00	0.00 H
	ATOM	1059	2HB	ALA A		75157. 562	-4. 681	10. 976	1. 00	0.00 H
	ATOM	1060	ЗНВ	ALA A		75157. 913	-5. 393	9. 401	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1061	N	LEU A		76159.770	-4. 427	8.064	1. 00	0.00 N
	ATOM	1062	CA	LEU A	L	76160. 488	-4. 709	6. 827	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1063	C	LEU A	L	76159. 705	-5. 684	5. 953	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1064	0	LEU A	L	76159. 141	-6.660	6. 447	1. 00	0.000
	ATOM	1065	СВ	LEU A	1	76161. 873	-5. 281	7. 135	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1066	CG	LEU A	1	76162. 966	-4. 238	7. 375	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1067	CD1	LEU A	I	76164. 095	-4. 830	8. 205	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1068	CD2	LEU A	ł	76163. 495	-3. 708	6.051	1. 00	0.00 C
	ATOM	1069	H	LEU A	4	76159. 964	-4. 963	8.862	1.00	0.00 H
	ATOM	1070	HA	LEU A	A	76160. 604	-3. 778	6. 292	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1071	1HB	LEU	A	76161. 795	-5. 901	8. 016	1. 00	0.00 H
	ATOM	1072	2HB	LEU .	A	76162. 176	-5. 901	6. 305	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1073	HG	LEU .	A	76162. 547	-3. 408	7. 926	1. 00	0.00 H
	ATOM	1074	1HD1	LEU	A	76164. 504	-4. 068	8. 851	1. 00	0.00 H
	ATOM	1075	2HD 1	LEU	A	76164. 869	-5. 199	7. 548	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1076	3HD1	LEU	A	76163.713	-5. 643	8. 803	1. 00	0.00 H
	ATOM	1077	1HD2	LEU	A	76163. 973	-2. 752	6. 212	1. 00	0.00 H
	ATOM	1078	2HD2	LEU	A	76162. 676	-3. 589	5. 357	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1079	3HD2	LEU	A	76164. 213	-4. 406	5. 645	1. 00	0.00 H
	ATOM	1080	N	LYS	A	77159. 676	-5. 413	4. 652	1. 00	0.00 N

	WO 2004	/016781				PCT/JP2003/010288			
	ATOM	1081	CA	LYS A	77158. 962	-6. 266	3. 709	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1082	C	LYS A	77157. 473	-6. 313	4. 036	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1083	0	LYS A	77156. 840	-7. 365	3. 949	1. 00	0.000
	ATOM	1084	СВ	LYS A	77159. 546	-7. 681	3. 727	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1085	CG	LYS A	77161. 022	-7. 735	3. 366	1. 00	0.00 C
	MOTA	1086	CD	LYS A	77161. 222	-7. 948	1. 874	1. 00	0.00 C
	ATOM	1087	CE	LYS A	77162. 466	-7. 232	1. 372	1. 00	0.00 C
	ATOM	1088	NZ	LYS A	77163. 176	-8. 018	0. 325	1. 00	0.00 N
	ATOM	1089	H	LYS A	77160. 145	-4. 620	4. 319	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1090	HA	LYS A	77159. 089	-5. 848	2. 722	1. 00	0.00 H
	ATOM	1091	1HB	LYS A	77159. 425	-8. 095	4. 717	1. 00	0.00 H
	ATOM	1092	2HB	LYS A	77159. 002	-8. 292	3. 022	1. 00	0.00 H
	ATOM	1093	1HG	LYS A	77161. 487	-6. 804	3.653	1. 00	0.00 H
	MOTA	1094	2HG	LYS A	77161. 484	-8. 552	3. 902	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1095	1HD	LYS A	77161. 325	-9. 005	1. 681	1. 00	0.00 H
	ATOM	1096	2HD	LYS A	77160. 360	-7. 566	1. 347	1. 00	0.00 H
	ATOM	1097	1HE	LYS A	77162. 174	-6. 278	0.956	1. 00	0.00 H
	ATOM	1098	2HE	LYS A	77163. 133	-7. 070	2. 205	1. 00	0.00 H
	ATOM	1099	1HZ	LYS A	77162. 881	-7. 702	-0.620	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1100	2HZ	LYS A	77162. 953	-9. 029	0. 426	1. 00	0.00 H
	ATOM	1101	3HZ	LYS A	77164. 204	-7. 890	0. 418	1. 00	0.00 H
	ATOM	1102	N	LYS A	78156. 919	-5. 165	4. 412	1. 00	0.00 N
	ATOM	1103	CA	LYS A	78155. 503	-5. 075	4. 751	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1104	C	LYS A	78154. 937	-3. 711	4. 366	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1105	0	LYS A	78154. 084	-3. 163	5. 064	1. 00	0.000
	ATOM	1106	CB	LYS A	78155. 299	-5. 322	6. 246	1. 00	0.00 C
	ATOM	1107	CG	LYS A	78155. 835	-6. 663	6. 719	1. 00	0.00 C
	ATOM	1108	CD	LYS A	78155. 588	-6. 870	8. 205	1. 00	0.00 C

1109 CE LYS A 78154.371 -7.748

ATOM

8. 450

1.00 0.00 C

	WO 2004	/016781			237			PCT/JP2003/010288		
	ATOM	1110	·NZ	LYS A	78153. 592	-7. 299	9. 636	1. 00	0.00 N	
	ATOM	1111	H	LYS A	78157. 475	-4. 359	4. 462	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1112	HA	LYS A	78154. 980	-5. 838	4. 193	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1113	1HB	LYS A	78155. 801	-4. 543	6. 800	1. 00	0.00 H	
5	ATOM	1114	2HB	LYS A	78154. 242	-5. 284	6. 464	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1115	1HG	LYS A	78155. 342	-7. 451	6. 169	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1116	2HG	LYS A	78156. 898	-6. 702	6. 531	1. 00	0.00 H ₃	
	ATOM	1117	1HD	LYS A	78156. 454	-7. 342	8. 641	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1118	2HD	LYS A	78155. 426	-5. 908	8. 669	1. 00	0.00 H	
10	ATOM	1119	1HE	LYS A	78153. 736	-7. 712	7. 578	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1120	2HE	LYS A	78154. 703	-8. 764	8. 611	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1121	1HZ	LYS A	78154. 204	-6. 763	10. 284	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1122	2HZ	LYS A	78153. 207	-8. 121	10. 144	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1123	3HZ	LYS A	78152. 803	-6. 691	9. 336	1. 00	0.00 H	
15	ATOM	1124	N	ALA A	79155. 417	-3. 170	3. 252	1. 00	0.00 N	
	ATOM	1125	CA	ALA A	79154. 959	-1. 871	2. 774	1. 00	0.00 C	
	ATOM	1126	C	ALA A	79154. 768	-1. 878	1. 261	1. 00	0.00 C	
	ATOM	1127	0	ALA A	79155. 729	-1. 743	0.504	1. 00	0.000	
	ATOM	1128	CB	ALA A	79155. 942	-0. 784	3. 179	1. 00	0.00 C	
20	ATOM	1129	H	ALA A	79156. 096	-3. 655	2. 738	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1130	HA	ALA A	79154. 010	-1. 659	3. 246	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1131	1HB	ALA A	79155. 400	0. 113	3. 442	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1132	2HB	ALA A	79156. 607	-0. 573	2. 354	1. 00	0.00 H	
	ATOM	1133	3HB	ALA A	79156. 519	-1. 117	4. 028	1. 00	0.00 H	
25	ATOM	1134	N	LEU A	80153. 522	-2. 038	0.829	1. 00	0. 00 N	
	ATOM	1135	CA	LEU A	80153. 204	-2.063	-0. 595	1. 00	0.00 C	
	ATOM	1136	C	LEU A	80152. 375	-0. 846	-0. 989	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	1137	0	LEU A	80151. 319	-0. 587	-0. 410	1. 00	0.000	
	ATOM	1138	B CB	LEU A	80152. 448	-3. 345	-0. 947	1. 00	0.00 C	

						230			
	ATOM	1139	CG	LEU A	80152. 015	-3. 461	-2. 409	1. 00	0.00 C
	ATOM	1140	CD1	LEU A	80153. 127	-4. 072	-3. 247	1. 00	0.00 C
	ATOM	1141	CD2	LEU A	80150. 742	-4. 287	-2. 524	1. 00	0.00 C
	ATOM	1142	H	LEU A	80152. 798	-2. 140	1. 481	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1143	HA	LEU A	80154. 135	-2. 042	-1. 143	1. 00	0.00 H
	ATOM	1144	1HB	LEU A	80153. 083	-4. 188	-0.712	1. 00	0.00 H
	ATOM	1145	2HB	LEU A	80151. 565	-3.399	-0. 328	1. 00	0: 00 H
	ATOM	1146	HG	LEU A	80151. 811	-2. 473	-2. 795	1. 00	0.00 H
	ATOM	1147	1HD1	LEU A	80153. 127	-3. 621	-4. 229	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1148	2HD1	LEU A	80152. 964	-5. 136	-3. 340	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1149	3HD1	LEU A	80154. 078	-3. 894	-2. 769	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1150	1HD2	LEU A	80150. 387	-4. 261	-3. 543	1. 00	0.00 H
	ATOM	1151	2HD2	LEU A	80149. 988	-3. 878	-1.868	1. 00	0.00 H
	ATOM	1152	3HD2	LEU A	80150. 950	-5. 308	-2, 240	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1153	N	PHE A	81152. 859	-0. 100	-1. 976	1. 00	0.00 N
	ATOM	1154	CA	PHE A	81152. 162	1. 091	-2. 449	1. 00	0.00 C
	ATOM	1155	C	PHE A	81151. 323	0.776	-3. 683	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1156	0	PHE A	81151. 796	0. 136	-4. 621	1. 00	0.000
	ATOM	1157	CB	PHE A	81153. 164	2. 201	-2. 768	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	1158	CG	PHE A	81153. 781	2. 823	-1. 548	1. 00	0.00 C
	ATOM	1159	CD1	PHE A	81154. 882	2. 242	-0. 940	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1160	CD2	PHE A	81153. 260	3. 988	-1. 009	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1161	CE 1	PHE A	81155. 453	2. 812	0. 182	1.00	0. 00 C
	ATOM	1162	CE2	PHE A	81153. 826	4. 563	0. 113	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1163	CZ	PHE A	81154. 924	3. 973	0. 710	1. 00	0.00 C
	ATOM	1164	Н	PHE A	81153. 705	-0. 357	-2. 399	1. 00	0.00 H
	ATOM	1165	HA	PHE A	81151. 507	1. 426	-1. 658	1. 00	0.00 H
	ATOM	1166	1HB	PHE A	81153. 961	1. 794	-3. 372	1. 00	0.00 H
	ATOM	1167	2HB	PHE A	81152. 662	2. 981	-3. 323	1. 00	0.00 H

						239			
	ATOM	1168	HD1	PHE A	81155. 297	1. 334	-1. 352	1. 00	0.00 H
	ATOM	1169	HD2	PHE A	81152. 401	4. 449	-1. 475	1. 00	0.00 H
	ATOM	1170	HE1	PHE A	81156. 311	2. 349	0.646	1. 00	0.00 H
	ATOM	1171	HE2	PHE A	81153. 410	5. 471	0. 523	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1172	HZ	PHE A	81155. 368	4. 421	1. 586	1. 00	0.00 H
	ATOM	1173	N	VAL A	82150. 074	1. 230	-3. 674	1. 00	0.00 N
	ATOM	1174	CA	VAL A	82149. 168	0. 997	-4. 793	1. 00	0.00 C
	ATOM	1175	C	VAL A	82148. 207	2. 167	-4. 975	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1176	0	VAL A	82148. 090	3. 029	-4. 105	1. 00	0.000
10	ATOM	1177	CB	VAL A	82148. 354	-0. 295	-4. 597	1. 00	0.00 C
	ATOM	1178	CG1	VAL A	82149. 264	-1. 512	-4. 631	1. 00	0.00 C
	ATOM	1179	CG2	VAL A	82147. 570	-0. 241	-3. 294	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1180	H	VAL, A	82149. 753	1. 734	-2. 896	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1181	HA	VAL A	82149. 764	0.890	-5. 687	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1182	HB	VAL A	82147. 648	-0. 379	-5. 412	1. 00	0.00 H
	ATOM	1183	1HG1	VAL A	82150. 134	-1. 294	-5. 233	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1184	2HG1	VAL A	82148. 732	-2. 349	-5. 058	1. 00	0.00 H
	ATOM	1185	3HG1	VAL A	82149. 574	-1. 758	-3.626	1. 00	0.00 H
	ATOM	1186	1HG2	VAL A	82147. 581	-1. 214	-2. 825	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1187	2HG2	VAL A	82146. 551	0. 050	-3. 498	1. 00	0.00 H
	ATOM	1188	3HG2	VAL A	82148. 025	0. 482	-2. 631	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1189	N	LYS A	83147. 522	2. 190	-6. 114	1. 00	0.00 N
	ATOM	1190	CA	LYS A	83146. 571	3. 255	-6. 413	1. 00	0.00 C
	ATOM	1191	C	LYS A	83145. 380	3. 204	-5. 464	1. 00	0. 00 C
25	MOTA	1192	0	LYS	A 83144. 707	2. 180	-5. 348	1. 00	0.000
	ATOM	1193	CB	LYS	A 83146. 091	3. 145	-7.860	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1194	CG	LYS	A 83147. 213				0.00 C
	ATOM	1195	CD	LYS	A 83146. 736	2. 827	-10. 268		
	ATOM	1196	CE	LYS	A 83147.304	3. 741	-11. 341	1. 00	0. 00 C

240	

					4	240			
	ATOM	1197	NZ I	LYS A	83147. 522	3. 022 -	12. 627	1. 00	0.00 N
	ATOM	1198	H I	LYS A	83147.660	1. 475	-6. 769	1. 00	0.00 H
	ATOM	1199	HA I	LYS A	83147.079	4. 199	-6. 281	1. 00	0.00 H
	ATOM	1200	1HB	LYS A	83145. 586	2. 200	-7. 989	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1201	2HB]	LYS A	83145. 393	3. 945	-8. 058	1. 00	0.00 H
	ATOM	1202	1HG	LYS A	83147. 577	4. 246	-8. 918	1. 00	0.00 H
	ATOM	1203	2HG	LYS A	83148. 012	2. 569	-8. 579	1. 00	0.00 H
	MOTA	1204	1HD	LYS A	83147. 055	1.814 -	-10. 467	1. 00	0.00 H
	ATOM	1205	2HD	LYS A	83145. 658	2. 878 -	-10. 297	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1206	1HE	LYS A	83146. 613	4. 554 -	-11. 507	1.00	0.00 H
	ATOM	1207	2HE	LYS A	83148. 247	4. 137 -	-10. 995	1. 00	0.00 H
	ATOM	1208	1HZ	LYS A	83148. 420	2. 497	-12. 595	1. 00	0.00 H
	ATOM	1209	2HZ	LYS A	83147. 557	3. 699	-13. 414	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1210	3HZ	LYS A	83146. 746	2. 349	-12. 796	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1211	N	LEU A	84145. 125	4. 318	-4. 788	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1212	CA	LEU A	84144. 015	4. 410	-3. 849	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1213	С	LEU A	84142. 685	4. 149	-4. 549	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1214	0	LEU A	84141. 743	3. 636	-3. 944	1. 00	0.000
	ATOM	1215	CB	LEU A	84143. 997	5. 791	-3. 189	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	1216	CG	LEU A	84142. 811	6. 051	-2.258	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1217	CD1	LEU A	84142. 917	5. 194	-1. 006	1. 00	0.00 C
	ATOM	1218	CD2	LEU A	84142. 737	7. 526	-1. 891	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1219	H	LEU A	84145. 698	5. 101	-4. 926	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1220	HA	LEU A	84144. 162	3. 659	-3. 087	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	1221	1HB	LEU A	84144. 908	5. 907	-2. 620	1. 00	0.00 H
	ATOM	1222	2 HB	LEU A	84143. 984	6. 537	-3. 969	1. 00	0.00 H
	ATOM	1223	HG	LEU A	84141. 896	5. 786	-2. 767	1. 00	0.00 H
	ATOM	1224	1 HD1	LEU A	84143. 435	5. 745	-0. 236	1. 00	0.00 H
	ATOM	1225	5 2HD1	LEU A	84143. 465	4. 291	-1. 234	1. 00	0. 00 H

					2	41			
	ATOM	1226 3	HD1	LEU A	84141. 927	4. 936	-0.662	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1227 1	HD2	LEU A	84141. 795	7. 729	-1. 404	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1228 2	HD2	LEU A	84142. 815	8. 124	-2.787	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1229 3	BHD2	LEU A	84143. 549	7. 772	-1. 222	1. 00	0. 00 H
5	ATOM	1230	N	LYS A	85142.616	4. 505	-5.827	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1231	CA	LYS A	85141. 401	4. 310	-6.611	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1232	C	LYS A	85141.072	2. 826	-6.754	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1233	0	LYS A	85139. 912	2. 453	-6.932	1. 00	0.000
	ATOM	1234	CB	LYS A	85141. 555	4. 944	-7. 994	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1235	CG	LYS A	85142.656	4. 315	-8. 833	1. 00	0.00 C
	ATOM	1236	CD	LYS A	85143. 327	5. 341	-9.732	1. 00	0.00 C
	ATOM	1237	CE	LYS A	85142.637	5. 432	-11.083	1. 00	0.00 C
	ATOM	1238	NZ	LYS A	85141. 191	5. 755	-10.950	1. 00	0.00 N
	ATOM	1239	H	LYS A	85143. 400	4. 910	-6.254	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1240	HA	LYS A	85140. 590	4. 797	-6.091	1. 00	0.00 H
	ATOM	1241	1HB	LYS A	85140.622	4. 844	-8. 529	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1242	2HB	LYS A	85141. 779	5. 994	-7. 874	1. 00	0.00 H
	ATOM	1243	1HG	LYS A	85143. 397	3. 888	-8. 175	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1244	2HG	LYS A	85142. 226	3. 537	-9. 447	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	1245	1HD	LYS A	85143. 284	6. 308	-9. 252	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1246	2HD	LYS A	85144. 358	5. 055	-9. 881	1. 00	0.00 H
	ATOM	1247	1HE	LYS A	85143. 117	6. 205	-11. 666	1. 00	0.00 H
	ATOM	1248	2HE	LYS A	85142. 741	4. 484	1 –11. 590	1. 00	0.00 H
	ATOM	1249	1HZ	LYS A	85140. 781	5. 957	⁷ −11. 884	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1250	2HZ	LYS A	85141. 065) -10.342		0. 00 H
	ATOM	1251	3HZ	LYS A	85140.683	4. 953	3 - 10.526	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1252	N	SER A	A 86142. 098	1. 984	4 -6.674	1.00	0. 00 N
	ATOM	1253	C A	SER A	A 86141.913	0. 54	2 -6.794	1.00	0. 00 C
	ATOM	1254	L C	SER A	A 86141.835	-0. 11	5 -5.420	1. 00	0.00 C

						242			
	ATOM	1255	0	SER A	86142. 239	-1. 265	-5. 247	1. 00	0.000
	ATOM	1256	CB	SER A	86143.057	-0. 073	-7.602	1. 00	0.00 C
	MOTA	1257	0G	SER A	86143. 348	0.704	-8. 751	1. 00	0.000
	ATOM	1258	H	SER A	86143.000	2. 340	-6. 531	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1259	HA	SER A	86140. 984	0. 370	-7. 316	1. 00	0.00 H
	ATOM	1260	1HB	SER A	86143. 942	-0. 126	-6.986	1. 00	0.00 H
	ATOM	1261	2HB	SER A	86142. 778	-1. 068	-7. 916	1. 00	0.00 H
	ATOM	1262	HG	SER A	86144. 296	0.706	-8. 905	1. 00	0.00 H
	ATOM	1263	N	CYS A	87141. 311	0.621	-4. 445	1. 00	0.00 N
10	ATOM	1264	CA	CYS A	87141. 180	0. 107	-3.086	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1265	C	CYS A	87139. 712	0.006	-2. 683	1. 00	0.00 C
	ATOM	1266	0	CYS A	87138. 868	0. 749	-3. 182	1. 00	0.000
	ATOM	1267	CB	CYS A	87141. 929	1. 008	-2. 104	1. 00	0.00 C
	ATOM	1268	SG	CYS A	87143. 720	1. 039	-2. 349	1. 00	0.00 S
15	ATOM	1269	H	CYS A	87141. 005	1. 530	-4. 642	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1270	HA	CYS A	87141. 616	-0. 880	-3.061	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1271	1HB	CYS A	87141. 568	2. 020	-2. 207	1. 00	0.00 H
	ATOM	1272	2HB	CYS A	87141. 741	0.665	-1.096	1. 00	0.00 H
	ATOM	1273	HG	CYS A	87144. 138	0.829	-1. 511	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1274	N	ARG A	88139. 416	-0. 921	-1. 777	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1275	CA	ARG A	88138. 050	-1. 121	-1. 307	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1276	С	ARG A	88138. 005	-1. 203	0. 219	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1277	0	ARG A	88138. 924	-1. 729	0.846	1. 00	0.000
	ATOM	1278	CB	ARG A	88137. 458	-2. 394	-1. 918	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	1279	CG	ARG A	88136. 431	-2. 125	-3. 009	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1280	CD	ARG A	88135. 076	-2. 726	-2.667	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1281	NE	ARG A	88134. 097	-1. 701	-2. 312	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1282	CZ	ARG A	88133. 646	-0. 781	-3. 162	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1283	NH 1	ARG A	88134. 084	-0. 752	-4. 414	1. 00	0.00 N

	WU 2004/	010/81					243		PCI	JP2003/010
	ATOM	1284	NH2	ARG	A	88132. 754	0. 114	-2. 758	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1285	H	ARG	A	88140. 132	-1. 484	-1. 416	1. 00	0.00 H
	ATOM	1286	HA	ARG	A	88137. 463	-0. 273	-1.627	1. 00	0.00 H
	ATOM	1287	1HB	ARG	A	88138. 260	-2. 978	-2.346	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1288	2HB	ARG	A	88136. 983	-2.969	-1. 138	1. 00	0.00 H
	MOTA	1289	1HG	ARG	A	88136. 320	-1. 057	-3. 128	1. 00	0.00 H
	ATOM	1290	2HG	ARG	A	88136. 784	-2. 557	-3. 934	1. 00	0.00 H
	ATOM	1291	1HD	ARG	A	88134. 714	-3. 274	-3. 524	1. 00	0.00 H
	ATOM	1292	2HD	ARG	A	88135. 195	-3. 401	-1. 832	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1293	HE	ARG	A	88133. 756	-1. 699	-1. 393	1. 00	0.00 H
	ATOM	1294	1HH1	ARG	A	88134. 757	-1. 424	-4. 726	1. 00	0.00 H
	ATOM	1295	2HH1	ARG	A	88133. 742	-0. 058	-5.047	1. 00	0.00 H
	ATOM	1296	1HH2	ARG	A	88132. 420	0. 097	-1. 815	1. 00	0.00 H
	ATOM	1297	2HH2	ARG	A	88132. 416	0.806	-3. 395	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1298	N	PRO	A	89136. 930	-0. 683	0. 838	1. 00	0.00 N
	ATOM	1299	CA	PRO	A	89136. 774	-0. 703	2. 296	1. 00	0.00 C
	ATOM	1300	C	PR0	A	89136. 931	-2. 105	2. 875	1. 00	0.00 C
	ATOM	1301	0	PR0	A	89136. 144	-3. 003	2. 574	1. 00	0.000
	ATOM	1302	CB	PR0	A	89135. 347	-0. 195	2. 512	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1303	CG	PR0	A	89135. 044	0. 615	1. 300	1. 00	0.00 C
	ATOM	1304	CD	PR0	A	89135. 786	-0. 038	0. 168	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1305	HA	PR0	A	89137. 475	-0. 037	2. 777	1. 00	0.00 H
	ATOM	1306	1HB	PR0	A	89134. 675	-1. 035	2. 605	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1307	2HB	PRO	A	89135. 308	0. 406	3. 408	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	1308	1HG	PRO	A	89133. 981	0. 605	1. 108	1. 00	0.00 H
	ATOM	1309	2HG	PRC	A	89135. 391	1. 628	1. 439	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1310	1HD	PRC) A	89135. 160	-0. 772	-0. 319	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1311	2HD	PRO) A	89136. 122	0. 703	-0. 541	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1312	N	ASF	A	90137. 951	-2. 286	3. 707	1. 00	0. 00 N

			•			244			
	ATOM	1313	CA	ASP A	90138. 210	-3. 579	4. 329	1. 00	0.00 C
	ATOM	1314	C	ASP A	90137. 750	-3. 586	5. 783	1. 00	0.00 C
	ATOM	1315	0	ASP A	90138. 340	-2. 918	6. 633	1. 00	0.000
	ATOM	1316	CB	ASP A	90139. 699	-3. 915	4. 251	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1317	CG	ASP A	90139. 952	-5. 409	4. 179	1. 00	0.00 C
	ATOM	1318	0D1	ASP A	90140. 458	-5. 974	5. 171	1. 00	0.000
	ATOM	1319	0D2	ASP A	90139. 643	-6. 013	3. 131	1. 00	0.000
	ATOM	1320	H	ASP A	90138. 543	-1. 532	3. 909	1. 00	0.00 H
	ATOM	1321	HA	ASP A	90137. 652	-4. 326	3. 784	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1322	1HB	ASP A	90140. 121	-3. 455	3. 370	1. 00	0.00 H
	ATOM	1323	2HB	ASP A	90140. 195	-3. 527	5. 128	1. 00	0.00 H
	ATOM	1324	N	SER A	91136. 697	-4. 345	6.063	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1325	CA	SER A	91136. 163	-4. 439	7. 417	1. 00	0.00 C
	MOTA	1326	C	SER A	91136. 405	-5. 826	8. 004	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1327	0	SER A	91135. 654	-6. 286	8.864	1. 00	0.000
	ATOM	1328	CB	SER A	91134. 664	-4. 130	7. 419	1. 00	0.00 C
	ATOM	1329	0G	SER A	91134. 264	-3. 549	8. 648	1. 00	0.000
	ATOM	1330	H	SER A	91136. 270	-4. 856	5. 344	1. 00	0.00 H
	ATOM	1331	HA	SER A	91136. 672	-3. 708	8. 027	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1332	1HB	SER A	91134. 440	-3. 440	6.619	1. 00	0.00 H
	ATOM	1333	2HB	SER A	91134. 111	-5. 046	7. 272	1. 00	0.00 H
	ATOM	1334	HG	SER A	91134. 508	-2.620	8. 658	1. 00	0.00 H
	MOTA	1335	N	ARG A	92137. 459	-6. 487	7. 536	1. 00	0.00 N
	MOTA	1336	CA	ARG A	92137. 799	-7. 821	8. 017	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1337	C	ARG A	92138. 193	-7. 782	9. 490	1. 00	0.00 C
	ATOM	1338	0	ARG A	92137. 991	-8. 751	10. 223	1. 00	0.000
	ATOM	1339	CB	ARG A	92138. 940	-8. 410	7. 187	1. 00	0.00 C
	ATOM	1340	CG	ARG A	92138. 468	-9. 193	5. 972	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1341	CD	ARG A	92138. 300	-8. 294	4. 757	1. 00	0.00 C

	WO 2004	/016781					PCT/JP2003/010288		
	ATOM	1342	NE	ARG A	92136. 945	-8. 354	4. 214	1. 00	0.00 N
	ATOM	1343	CZ	ARG A	92136. 620	-7. 964	2. 984	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1344	NH1	ARG A	92137. 549	-7. 484	2. 165	1. 00	0.00 N
	ATOM	1345	NH2	ARG A	92135. 364	-8. 053	2. 569	1. 00	0.00 N
5	ATOM	1346	H	ARG A	92138. 021	-6.068	6. 851	1. 00	0.00 H
	ATOM	1347	HA	ARG A	92136. 925	-8. 445	7. 907	1. 00	0.00 H
	ATOM	1348	1HB	ARG A	92139. 575	-7. 605	6. 845	1. 00	0.00 H
	ATOM	1349	2HB	ARG A	92139. 520	-9. 073	7. 812	1. 00	0.00 H
	ATOM	1350	1HG	ARG A	92139. 195	-9. 958	5. 744	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1351	2HG	ARG A	92137. 518	-9. 654	6. 201	1. 00	0.00 H
	ATOM	1352	1HD	ARG A	92138. 517	-7. 276	5. 043	1. 00	0.00 H
	ATOM	1353	2HD	ARG A	92138. 997	-8. 609	3. 994	1. 00	0.00 H
	ATOM	1354	HE	ARG A	92136. 240	-8. 704	4. 798	1. 00	0.00 H
	ATOM	1355	1HH1	ARG A	92138. 499	-7. 414	2. 472	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1356	2HH1	ARG A	92137. 299	-7. 193	1. 242	1. 00	0.00 H
	ATOM	1357	1HH2	ARG A	92134. 660	-8. 414	3. 182	1. 00	0.00 H
	ATOM	1358	2HH2	ARG A	92135. 120	-7. 759	1. 646	1. 00	0.00 H
	ATOM	1359	N	PHE A	93138. 757	-6. 657	9. 917	1. 00	0.00 N
	ATOM	1360	CA	PHE A	93139. 180	-6. 492	11. 304	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1361	С	PHE A	93138. 401	-5. 369	11. 982	1. 00	0.00 C
	ATOM	1362	0	PHE A	93138. 910	-4. 705	12. 885	1. 00	0.000
	ATOM	1363	CB	PHE A	93140. 679	-6. 198	11. 369	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1364	CG	PHE A	93141. 523	-7. 226	10. 669	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1365	CD1	PHE A	93142. 351	-8. 069	11. 393	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	1366	CD2	PHE A	93141. 487	-7. 347	9. 290	1. 00	0.00 C
	ATOM	1367	CE1	PHE A		-9. 015	10. 752	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1368	CE2	PHE A	93142. 262	-8. 291	8. 643	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1369	CZ	PHE A	93143. 084	-9. 127	9. 375	1. 00	0.00 C

ATOM

1370

H

PHE A

93138. 892 -5. 919

9. 286

1. 00

0.00 H

5

10

15

ATOM

SER A

HG

1399

95138. 947

0.00 H 12.404 1.00 PHE A -6.1621373 2HB 93140. 986 ATOM 12.469 1.00 0.00 H -7.98393142. 386 1374 HD1 PHE A ATOM 8.717 1.00 0.00 H -6.69593140.845 HD2 PHE A 1375 ATOM 1.00 0.00 H -9.66711.326 93143.770 HE1 PHE A 1376 ATOM 0.00 H 7. 567 1.00 -8.376HE2 PHE A 93142. 225 1377 ATOM 0.00 H 8.873 1.00 PHE A 93143.690 -9.8651378 ΗZ ATOM 11.543 1.00 0.00 N -5.162ALA A 94137. 162 1379 N ATOM 1.00 0.00 C 12. 109 -4.11994136. 315 1380 CA ALA A ATOM -4.31513.612 1.00 0.00 C 94136. 137 ALA A ATOM 1381 C 0.000 -5.35814.061 1.00 94135.661 ALA A 1382 0 **ATOM** 1.00 0.00 C 11.410 94134. 964 -4.101ALA A 1383 CB ATOM 1.00 0.00 H -5.72310.819 94136.811 ALA A **ATOM** 1384 H 1.00 0.00 H 11. 936 ALA A 94136.796 -3.168**ATOM** 1385 HA 0.00 H 10.773 1.00 94134.900 -3.232ALA A 1386 1HB ATOM 0.00 H 1.00 1387 2HB 94134. 175 -4.06512. 147 ALA A **ATOM** 0.00 H 1.00 10.812 1388 3HB ALA A 94134. 856 -4. 994 **ATOM** 0.00 N 14. 385 1.00 -3.30495136. 521 ATOM 1389 N SER A 15.837 1.00 0.00 C -3.36495136.403 1390 CA SER A 20 ATOM 0.00 C 1.00 -3.41716. 263 95134. 940 SER A **ATOM** 1391 C 0.000 15. 549 1.00 95134.056 -2.942SER A **ATOM** 1392 0 0.00 C 1.00 16. 476 -2.155SER A 95137.088 ATOM 1393 CB 1.00 0.000 16. 204 -2.15495138. 479 **ATOM** 1394 0G SER A 0.00 H 13.968 1.00 -2.49895136. 892 ATOM H SER A 25 1395 0.00 H 16.172 1.00 -4.26595136. 895 ATOM HA SER A 1396 0.00 H 16.081 1.00 1397 1HB 95136.657 -1.249SER A ATOM 17. 546 1.00 0.00 H -2.187SER A 95136. 943 1398 2HB ATOM

1.00

16.930

-2.573

0.00 H

97132. 386 -10. 337

-9.323

-6.571

97132. 134

97132. 738

OE1 GLN A

NE2 GLN A

GLN A

H

ATOM

ATOM

ATOM

1426

1427

1428

1.00

1.00

1.00

14. 138

12. 151

18.110

0.000

0.00 N

0.00 H

248

			`				240	•	`		
	MOTA	1429	HA	GLN A	9	7130. 68	7 -6	. 506	16. 055	1. 00	0.00 H
	ATOM	1430	1HB	GLN A	9	7133. 06	5 -6	. 987	15.061	1. 00	0.00 H
	ATOM	1431	2HB	GLN A	9	7132. 82	1 -8	. 588	15. 750	1. 00	0.00 H
	ATOM	1432	1HG	GLN A	9	7130. 49	2 -8	3. 296	14. 455	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1433	2HG	GLN A	ç	97131. 53	30 -7	7. 296	13. 438	1. 00	0.00 H
	ATOM	1434	1HE2	GLN A	ç	97131. 84	17 -8	3. 508	11. 689	1. 00	0.00 H
	ATOM	1435	2HE2	GLN A	9	97132. 47	78 -10	0. 116	11. 690	1. 00	0.00 H
	ATOM	1436	N	PRO A	(98130. 1	37 -	7. 830	18. 413	1. 00	0.00 N
	ATOM	1437	CA	PRO A		98129. 4	87 -	8. 797	19. 305	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1438	С	PRO A		98128. 2	79 –	9. 461	18. 655	1. 00	0.00 C
	ATOM	1439	0	PRO A		98128. 0	61 -	9. 336	17. 449	1. 00	0.000
	ATOM	1440	CB	PRO A		98129. 0	50 -	7. 941	20. 495	1. 00	0.00 C
	ATOM	1441	L CG	PRO A	١	98128. 8	76 -	6. 573	19. 933	1. 00	0.00 C
	ATOM	1442	2 CD	PRO A	1	98129. 9	04 -	-6. 437	18. 843	1. 00	0.00 C
15	ATOM	144	в на	PRO A	1	98130.	79 -	-9. 556	19. 637	1. 00	0.00 H
	MOTA	144	4 1HB	PRO A	A _.	98128.	126 -	-8. 326	20. 898	1. 00	0.00 H
	ATOM	144	5 2HB	PRO .	A	98129.	317 -	-7. 960	21. 256	1. 00	0.00 H
	ATOM	144	6 1HG	PRO.	A	98127.	881	-6. 469	19. 526	1. 00	0.00 H
	ATOM	144	7 2HG	PRO	A	98129.	046	-5. 836	20. 703	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	144	8 1HD	PRO	A	98129.	515	-5. 843	18. 029	1. 00	0.00 H
	ATOM	144	9 2HD	PRO	A	98130.	810	-5. 998	19. 233	3 1.00	0.00 H
	ATOM	145	0 N	SER	A	99127.	494 -	10. 169	19. 462	2 1.00	0.00 N
	ATOM	14	51 CA	A SER	A	99126.	306 -	10. 85	4 18.960	3 1.00	0. 00 C
	ATOM	14	52 C	SER	A	99125.	385 -	-11. 24	7 20. 11	5 1.00) 0.00 C
25	ATOM	14	53 0	SER	A	99125.	840 -	-11. 74	3 21. 14	6 1.00	0.000
	ATOM	14	54 C	B SER	A	99126.	704 -	-12. 09	6 18.16	8 1.0	0.00 C
	ATOM	14	55 0	G SER	A	99127.	637	-11. 77	4 17. 15	0 1.0	
	ATOM	14	56 H	SER	A	99127.	719	-10. 23	1 20.41	3 1.0	0.00 H
	ATOM	14	57 H	A SER	A	99125	778	-10. 17	2 18.31	5 1.0	0.00 H

						249			
	ATOM	1458	1HB	SER A	99127.	153 -12. 820	18. 832	1. 00	0.00 H
	ATOM	1459	2HB	SER A	99125.	824 -12. 526	17. 710	1. 00	0.00 H
	ATOM	1460	HG	SER A	99128.	438 -12. 286	17. 275	1. 00	0.00 H
	ATOM	1461	N	GLY A	100124	088 -11. 024	19. 932	1. 00	0.00 N
5	ATOM	1462	CA	GLY A	100123	124 -11. 361	20. 963	1. 00	0.00 C
	ATOM	1463	C	GLY A	100121	706 -11.447	7 20. 429	1. 00	0.00 C
	ATOM	1464	0	GLY A	100120	. 983 -10. 451	20. 420	1. 00	0.000
	ATOM	1465	H	GLY A	100123	. 782 -10. 626	3 19.090	1. 00	0.00 H
	ATOM	1466	1HA	GLY A	100123	. 394 -12. 314	4 21. 393	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1467	2HA	GLY A	100123	. 161 -10. 60'	7 21. 736	1. 00	0.00 H
	ATOM	1468	N	PRO A	101121	. 277 -12. 63	5 19. 970	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1469	CA	PRO A	101119	. 927 -12. 83	3 19. 431	1. 00	0.00 C
	ATOM	1470	C	PRO A	101118	. 856 -12. 75	9 20. 514	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1471	0	PRO A	101117	. 797 -12. 16	4 20. 313	1. 00	0.000
15	ATOM	1472	CB	PRO A	101119	. 986 -14. 23	9 18. 833	1. 00	0.00 C
	ATOM	1473	CG	PRO A	101121	. 058 -14. 93	3 19. 599	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1474	CD	PRO A	101122	. 072 -13. 87	7 19. 941	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1475	HA	PRO A	. 101119	. 703 –12. 11	7 18.655	1. 00	0.00 H
	ATOM	1476	1HB	PRO A	101119	0. 030 -14. 72	7 18. 958	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	1477	2HB	PRO A	101120	0. 230 -14. 17	7 17. 782	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1478	1HG	PRO A	101120). 646 -15. 36	3 20. 501	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1479	2HG	PRO A	10112	1. 508 –15. 70	2 18. 989	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1480	1HD	PRO A	101122	2. 513 -14. 07	6 20. 907	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1481	2HD			2. 836 -13. 82			0. 00 H
25	ATOM	1482	N	SER A	102119	9. 138 -13. 36	7 21.661	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1483	CA	SER A	102118	3. 198 -13. 36	9 22.776	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1484	e C	SER A	10211	6. 891 <i>-</i> 14. 05	51 - 22. 386		0.00 C
	ATOM	1485				6. 548 <i>-</i> 14. 12			0.000
	ATOM	1486	CB	SER A	10211	7. 922 -11. 93	88 23. 242	1. 00	0. 00 C

	WO 2004 /	016781			250	P	CT/JP2003/010288
	ATOM	1487	0G	SER A	102118. 809 -11. 557	24. 277 1. 0	0 0.00 0
	ATOM	1488	H	SER A	102119. 999 -13. 824	21. 760 1. 0	0 0.00 H
	ATOM	1489	HA	SER A	102118. 650 -13. 921	23. 588 1. 0	0 0.00 H
	ATOM	1490	1HB	SER A	102118. 047 -11. 261	22. 410 1. 0	0 0.00 H
5	ATOM	1491	2HB	SER A	102116. 908 -11. 872	23. 609 1. 0	0 0.00 H
	ATOM	1492	HG	SER A	102119. 210 -10. 712	24. 061 1. 0	0 0.00 H
	ATOM	1493	N	SER A	103116. 168 -14. 548	23. 383 1. 0	0 0.00 N
	ATOM	1494	CA	SER A	103114. 898 -15. 225	23. 144 1. 0	0 0.00 C
	ATOM	1495	C .	SER A	103113. 728 -14. 368	23. 617 1. 0	0 0.00 C
10	ATOM	1496	0	SER A	103113. 660 -13. 981	24. 784 1. 0	0 0.00 0
	ATOM	1497	CB	SER A	103114. 875 -16. 578	23. 856 1. 0	0 0.00 C
	ATOM	1498	0G	SER A	103115. 624 -16. 535	25. 059 1. 0	0 0.00 0
	ATOM	1499	H	SER A	103116. 495 -14. 458	24. 303 1. 0	00 0.00 H
	ATOM	1500	HA	SER A	103114. 804 -15. 386	22. 081 1. 0	00 0.00 H
15	ATOM	1501	1HB	SER A	103113. 855 -16. 840	24. 093 1. 0	00 0.00 H
	ATOM	1502	2HB	SER A	103115. 299 -17. 330	23. 208 1. 0	00 0.00 H
	ATOM	1503	HG	SER A	103116. 371 -17. 133	24. 992 1. 0	00 · 0. 00 H
	ATOM	1504	N	GLY A	104112. 809 -14. 076	22. 702 1. 0	00 0.00 N
	ATOM	1505	CA	GLY A	104111. 653 -13. 267	23. 046 1. 0	00 0.00 C
20	ATOM	1506	С	GLY A	104112. 037 -11. 875	23. 512 1. 0	00 0.00 C
	ATOM	1507	0	GLY A	104111. 578 -11. 468	24. 600 1. 0	00 0.00 0
	ATOM	1508	OXT	GLY A	104112. 796 -11. 196	22. 791 1. 0	00 0.00 0
	ATOM	1509	H	GLY A	104112. 915 -14. 411	21. 788 1. (00 0.00 H
	ATOM	1510	1HA	GLY A	104111. 018 -13. 179	22. 176 1.	00 0.00 H
25	ATOM	1511	2HA	GLY A	104111. 103 -13. 760	23. 833 1.	00 0.00 H
	TER	1512	GLY	A 104			
	ENDMDL						

立体構造座標表 5

					251		/
	ATOM 1	N	GLY A	1119. 934	2. 440 -12. 362	1. 00	0.00 N
	ATOM 2	CA	GLY A	1120. 718	2. 882 -11. 176	1.00	0.00 C
	ATOM 3	C	GLY A	1121. 589	4. 087 -11. 473	1. 00	0.00 C
	ATOM 4	0	GLY A	1122. 802	4. 050 -11. 266	1.00	0.000
5	ATOM 5	1H	GLY A	1120. 404	1. 634 -12. 822	1. 00	0.00 H
	ATOM 6	2H	GLY A	1119. 854	3. 217 -13. 049	1. 00	0.00 H
	ATOM 7	3H	GLY A	1118. 978	2. 151 -12. 071	1. 00	0.00 H
	ATOM 8	1HA	GLY A	1120. 034	3. 135 -10. 380	1. 00	0.00 H
	ATOM 9	2HA	GLY A	1121. 348	2. 067 -10. 851	1. 00	0.00 H
10	ATOM10	N	SER A	2120. 970	5. 157 -11. 960	1. 00	0.00 N
	ATOM11	CA	SER A	2121. 698	6. 378 -12. 287	1. 00	0.00 C
	ATOM12	C	SER A	2122. 748	6. 115 -13. 362	1. 00	0.00 C
	ATOM13	0	SER A	2123. 937	6. 005 -13. 067	1. 00	0.000
	ATOM14	CB	SER A	2122. 364	6. 950 -11. 035	1. 00	0. 00 C
15	ATOM15	0G	SER A	2121. 480	7. 806 -10. 331	1. 00	0.000
	ATOM16	H	SER A	2120. 001	5. 125 -12. 104	1. 00	0.00 H
	ATOM17	HA	SER A	2120. 985	7. 096 -12. 665	1. 00	0.00 H
	ATOM18	1HB	SER A	2122. 654	6. 140 -10. 382	1. 00	0.00 H
	ATOM19	2HB	SER A	2123. 239	7. 514 -11. 321	1. 00	0.00 H
20	ATOM20	HG	SER A	2121. 576	7. 661 -9. 387	1. 00	0.00 H
	ATOM21	N	SER A	3122. 299	6. 016 -14. 609	1. 00	0. 00 N
	ATOM22	CA	SER A	3123. 200			0. 00 C
	ATOM23	С	SER A	3123. 931		1. 00	0.00 C
	ATOM24	0	SER A	3123. 690	3. 708 -14. 590	1. 00	0.000
25	ATOM25	CB	SER A	3124. 211			0.00 C
	ATOM26	0G	SER A	3123. 566	8. 124 -16. 188		0.000
	ATOM27	H	SER A	3121. 339			0.00 H
	ATOM28		SER A	3122. 605			0.00 H
	ATOM29	1HB	SER A	3124. 734	7. 030 -14. 923	1. 00	0.00 H

4	J

	WO 2004/016781		252			PCT/JP20	
	ATOM30 2	HR	SER A	3124. 919	6. 666 -16. 639	1. 00	0. 00 H
		HG	SER A	3122. 788		1. 00	0. 00 H
		N	GLY A	4124. 827		1. 00	0. 00 N
		CA	GLY A	4125. 580		1. 00	0. 00 C
5		C	GLY A	4126. 815	3. 017 -15. 541	1. 00	0. 00 C
Ū	ATOM35	0	GLY A	4127. 021	4. 037 -14. 883	1. 00	0. 00 0
		H	GLY A	4124. 978	4. 755 -17. 227	1. 00	0. 00 H
		1HA	GLY A	4124. 942	2. 122 -16. 011	1. 00	0. 00 H
	ATOM38		GLY A	4125. 883	2. 614 -17. 411	1. 00	0. 00 H
10	ATOM39	N	SER A	5127. 638	1. 973 -15. 537	1. 00	0.00 N
	ATOM40	CA	SER A	5128. 859	1. 967 -14. 740	1. 00	0. 00 C
	ATOM41	С	SER A	5128. 541	2. 115 -13. 255	1. 00	0. 00 C
	ATOM42	0	SER A	5127. 375	2. 182 -12. 864	1. 00	0.000
	ATOM43	СВ	SER A	5129. 792	3. 093 -15. 188	1. 00	0. 00 C
15	ATOM44	0G	SER A	5130. 310	2. 842 -16. 482	1. 00	0.000
	ATOM45	H	SER A	5127. 419	1. 190 -16. 083	1. 00	0.00 H
	ATOM46	HA	SER A	5129. 352	1. 019 -14. 897	1. 00	0.00 H
	ATOM47	1HB	SER A	5129. 245	4. 025 -15. 208	1. 00	0.00 H
	ATOM48	2HB	SER A	5130. 615	3. 174 -14. 493	1. 00	0.00 H
20	ATOM49	HG	SER A	5130. 634	1. 939 -16. 528	1. 00	0.00 H
	ATOM50	N	SER A	6129. 584	2. 166 -12. 434	1. 00	0.00 N
	ATOM51	CA	SER A	6129. 415	2. 307 -10. 992	1. 00	0.00 C
	ATOM52	C	SER A	6128. 918	3. 704 -10. 637	1. 00	0.00 C
	ATOM53	0	SER A	6128. 643	4. 519 -11. 517	1. 00	0.000
25	ATOM54	CB	SER A	6130. 735	2. 024 -10. 273	1. 00	0. 00 C
	ATOM55	0G	SER A	6130. 834	0. 658 -9. 907	1. 00	0.000
	ATOM56	Н	SER A	6130. 488	2. 108 -12. 805	1. 00	0. 00 H
	ATOM57	HA	SER A	6128. 680	1. 584 -10. 673	1. 00	0.00 H
	ATOM58	1HB	SER A	6131. 558	2. 268 -10. 928	1. 00	0.00 H

	ATOM59	2HB	SER A		6130. 794	2. 629	-9. 380	1. 00	0.00 H
	ATOM60		SER A		6131. 760	0. 409	-9. 847	1. 00	0. 00 H
	ATOM61		GLY A		7128. 805	3. 974	-9. 340	1. 00	0.00 N
	ATOM62	CA	GLY A	1	7128. 341	5. 274	-8. 891	1. 00	0.00 C
5	ATOM63	С	GLY A	١	7129. 005	5. 713	-7. 601	1. 00	0. 00 C
	ATOM64	0	GLY A	1	7129. 918	5. 051	-7. 108	1. 00	0.000
	ATOM65	H	GLY A	١	7129. 039	3. 285	-8. 683	1. 00	0.00 H
	ATOM66	1HA	GLY A	A	7128. 552	6. 003	-9. 658	1. 00	0.00 H
	ATOM67	2HA	GLY A	A	7127. 273	5. 228	-8. 736	1. 00	0.00 H
10	ATOM68	N	LEU A	A	8128. 544	6. 833	-7. 053	1. 00	0.00 N
	ATOM69	CA	LEU A	A	8129. 099	7. 360	-5. 811	1.00	0.00 C
	ATOM70	C	LEU	A	8127. 992	7. 667	-4. 808	1. 00	0.00 C
	ATOM71	0	LEU	A	8126. 829	7. 822	-5. 180	1.00	0.000
	ATOM72	CB	LEU .	A	8129. 916	8. 624	-6. 089	1. 00	0.00 C
15	ATOM73	CG	LEU .	A	8131. 353	8. 378	-6. 550	1. 00	0.00 C
	ATOM74	CD1	LEU	A	8131. 955	9. 650	-7. 124	1. 00	0.00 C
	ATOM75	CD2	LEU	A	8132. 199	7. 859	-5. 397	1. 00	0.00 C
	ATOM76	H	LEU	A	8127. 814	7. 315	-7. 493	1. 00	0.00 H
	ATOM77	HA	LEU	A	8129. 750	6. 607	-5. 392	1. 00	0.00 H
20	ATOM78	1HB	LEU	A	8129. 407	9. 194	-6. 854	1. 00	0.00 H
	ATOM79	2HB	LEU	A	8129. 947	9. 213	-5. 186	1. 00	0.00 H
	O8MOTA	HG	LEU	A	8131. 352	7. 628	-7. 328	1. 00	0.00 H
	ATOM81	1HD1	LEU	A	8131. 820	10. 461	-6. 423	1. 00	0.00 H
	ATOM82	2HD1	LEU	A	8131. 462	9. 894	-8. 05 <u>4</u>	1. 00	0.00 H
25	ATOM83	3HD1	LEU	A	8133. 010	9. 501	-7. 304	1. 00	0.00 H
	ATOM84	1HD2	LEU	A	8132. 928	7. 157	-5. 772	1. 00	0.00 H
	ATOM85	2HD2	2 LEU	A	8131. 562	7. 367	-4. 676	1. 00	0.00 H
	ATOM86	3 HD 2	2 LEU	A	8132. 706	8. 686	-4. 922	1. 00	0.00 H
	ATOM87	N	ALA	A	9128. 361	7. 754	-3. 534	1. 00	0.00 N

							2	254						
	ATOM88	CA	ALA	A 9	127.	398	8. 04	2 .	-2. 47	8	1. 00	0.00	C	
	ATOM89	C	ALA	A 9	128.	053	8. 79	6	-1. 32	6	1. 00	0.00	C	
	ATOM90	0	ALA	A 9	127.	633	8. 67	7	-0. 17	6	1. 00	0.00	0	
	ATOM91	CB	ALA	A 9	126.	766	6. 75	4	-1. 97	5	1. 00	0.00	C	
5	ATOM92	H	ALA	A S	129.	303	7.61	9	-3. 29	9	1. 00	0.00	H	
	ATOM93	HA	ALA	A 9	126.	617	8. 65	8	-2. 89	9	1. 00	0.00	H	
	ATOM94	1HB	ALA	A 9	127.	284	6. 42	21	-1. 08	37	1. 00	0.00	H	
	ATOM95	2HB	ALA	A 9	126.	839	5. 99)4	-2. 74	10	1. 00	0.00	H	
	ATOM96	ЗНВ	ALA	A 9	125.	726	6. 92	29	-1. 74	12	1. 00	0.00	H	
10	ATOM97	N	MET	A 10	129.	085	9. 57	73	-1.64	13	1. 00	0.00	N	
	ATOM98	CA	MET	A 10	129.	796	10. 34	17	-0. 63	3	1. 00	0.00	C	
	ATOM99	C	MET	A 10	130.	666	11. 42	22	-1. 28	32	1. 00	0.00	C	
	ATOM	100	0	MET	A	10131.	871	11.	241	-1.	449	1. 00	0. 00	0
	ATOM	101	CB	MET	A	10130.	664	9.	427	0.	230	1. 00	0. 00	C
15	ATOM	102	CG	MET	A	10130.	012	9.	038	1.	548	1. 00	0. 00	C
	ATOM	103	SD	MET	A _.	10130.	760	9.	864	2.	965	1. 00	0.00	S
	ATOM	104	CE	MET	A	10132.	424	9.	208	2.	903	1. 00	0. 00	C
	ATOM	105	H	MET	A	10129.	373	9.	628	-2.	578	1. 00	0. 00	H
	ATOM	106	HA	MET	A	10129.	061	10.	827	-0.	005	1. 00	0. 00	H
20	ATOM	107	1HB	MET	A	10130.	870	8.	525	-0.	325	1. 00	0. 00	H
	ATOM	108	2HB	MET	A	10131.	596	9.	928	0.	446	1. 00	0. 00	H
	ATOM	109	1HG	MET	A	10128.	966	9.	301	1.	508	1. 00	0. 00	H
	ATOM	110	2HG	MET	A	10130.	109	7.	970	1.	680	1. 00	0. 00	H
	ATOM	111	1HE	MET	A	10132.	732	9.	103	1.	872	1. 00	0. 00	H
25	ATOM	112	2HE	MET	A	10132.	449	8.	242	3.	384	1. 00	0.00	H
	ATOM	113	3HE	MET	A	10133.	098	9.	881	3.	412	1. 00	0. 00	H
	ATOM	114	N	PRO	A	11130.	060	12.	563	-1.	655	1. 00	0.00	N
	ATOM	115	CA	PRO	A	11130.	787	13.	668	-2.	285	1. 00	0. 00	C
	ATOM	116	C	PRO	A	11131.	997	14.	110	-1.	464	1. 00	0. 00	C

						255			
	ATOM	117	0	PRO A	11133. 081	14. 317	-2. 011	1. 00	0.000
	ATOM	118	CB	PRO A	11129. 751	14. 793	-2. 359	1. 00	0.00 C
	ATOM	119	CG	PRO A	11128. 428	14. 110	-2. 301	1. 00	0.00 C
	ATOM ·	120	CD	PRO A	11128. 627	12. 861	-1. 489	1. 00	0.00 C
5	ATOM	121	HA	PRO A	11131. 110	13. 409	-3. 282	1. 00	0.00 H
	ATOM	122	1HB	PRO A	11129. 886	15. 465	-1. 524	1. 00	0.00 H
	ATOM	123	2HB	PRO A	11129. 873	15. 335	-3. 285	1. 00	0.00 H
	ATOM	124	1HG	PRO A	11127. 708	14. 752	-1.821	1. 00	0.00 H
	ATOM	125	2HG	PRO A	11128. 101	13. 859	-3. 300	1. 00	0.00 H
10	ATOM	126	1HD	PRO A	11128. 392	13. 045	-0. 451	1. 00	0.00 H
	ATOM	127	2HD	PRO A	11128. 020	12. 057	-1. 877	1. 00	0.00 H
	ATOM	128	N	PRO A	12131. 836	14. 258	-0. 134	1. 00	0.00 N
	ATOM	129	CA	PRO A	12132. 932	14. 672	0. 747	1. 00	0.00 C
	ATOM	130	C	PRO A	12134. 071	13. 659	0.754	1. 00	0.00 C
15	ATOM	131	0	PRO A	12135. 204	13. 984	1. 107	1. 00	0.000
	ATOM	132	CB	PRO A	12132. 283	14. 754	2. 136	1. 00	0.00 C
	ATOM	133	CG	PRO A	12130. 815	14. 809	1. 879	1. 00	0. 00 C
	ATOM	134	CD	PRO A	12130. 591	14. 030	0.616	1. 00	0. 00 C
	ATOM	135	HA	PRO A	12133. 318	15. 642	0. 469	1. 00	0.00 H
20	ATOM	136	1HB	PRO A	12132. 549	13. 879	2. 711	1. 00	0.00 H
	ATOM	137	2HB	PRO A	12132. 626	15. 641	2. 644	1. 00	0. 00 H
	ATOM	138	1HG	PRO A	12130. 281	14. 354	2. 700	1. 00	0.00 H
	ATOM	139	2HG	PRO A	12130. 502	15. 834	1. 748	1. 00	0. 00 H
	ATOM	140	1HD	PRO A	12130. 458	12. 981	0. 837	1. 00	0.00 H
25	ATOM	141	2HD	PRO A	12129. 738	14. 416	0. 081	1. 00	0.00 H
	ATOM	142	N	GLY A	13133. 759	12. 427	0. 361	1. 00	0.00 N
	ATOM	143	CA	GLY A	13134. 766	11. 384	0. 327	1. 00	
	ATOM	144	С	GLY A	13135. 229	11. 068	-1. 082	1. 00	0. 00 C
	ATOM	145	0	GLY A	13134. 684	11. 593	-2.053	1. 00	0.000

256

					;	256			
	ATOM	146	Н	GLY A	13132. 837	12. 226	0. 090	1. 00	0.00 H
	ATOM	147 1	HA	GLY A	13135. 617	11. 700	0. 911	1. 00	0.00 H
	ATOM	148 2	2HA	GLY A	13134. 355	10. 487	0. 768	1. 00	0. 00 H
	ATOM	149	N	ASN A	14136. 236	10. 209	-1. 194	1. 00	0.00 N
5	ATOM	150	CA	ASN A	14136. 770	9. 824	-2. 495	1. 00	0. 00 C
	ATOM	151	C	ASN A	14135. 847	8. 829	-3. 190	1. 00	0.00 C
	ATOM	152	0	ASN A	14135. 407	9.058	-4. 316	1. 00	0.000
	ATOM	153	CB	ASN A	14138. 167	9. 219	-2. 337	1. 00	0.00 C
	ATOM	154	CG	ASN A	14139. 066	10.061	-1. 454	1. 00	0.00 C
10	ATOM	155	OD1	ASN A	14139. 732	10. 984	-1.925	1. 00	0.000
	ATOM	156	ND2	ASN A	14139. 090	9. 749	-0. 164	1. 00	0.00 N
	ATOM	157	H	ASN A	14136. 629	9. 823	-0. 383	1. 00	0.00 H
	ATOM	158	HA	ASN A	14136. 841	10. 715	-3. 100	1. 00	0.00 H
	ATOM	159	1HB	ASN A	14138. 079	8. 237	-1.896	1. 00	0.00 H
15	ATOM	160	2HB	ASN A	14138. 627	9. 133	-3.310	1. 00	0.00 H
	ATOM	161	1HD2	ASN A	14138. 535	9. 002	0. 142	1. 00	0.00 H
	ATOM	162	2HD2	ASN A	14139. 663	10. 277	0. 430	1. 00	0.00 H
	ATOM	163	N	SER A	15135. 560	7. 722	-2.512	1. 00	0.00 N
	ATOM	164	CA	SER A	15134. 689	6. 693	-3.065	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	165	C	SER A	15133. 686	6. 210	-2.022	1. 00	0. 00 C
	ATOM	166	0	SER A	15132. 492	6. 099	-2. 300	1. 00	0.000
	ATOM	167	CB	SER A	15135. 520	5. 512	-3. 574	1. 00	0. 00 C
	ATOM	168	0G	SER A	15134. 733	4. 638	-4. 365		0.000
	ATOM	169	H	SER A	15135. 942	7. 596	-1. 618		0.00 H
25	ATOM	170	HA	SER A	15134. 149	7. 125	-3. 893		0.00 H
	ATOM	171	1HB	SER A	15136. 337	5. 884			0.00 H
	ATOM	172	2HB	SER A	15135. 913	4. 962			
	ATOM	173	HG	SER A	15133. 932	4. 410			
	ATOM	174	N	HIS A	16134. 179	5. 924	-0.822	1. 00	0.00 N

			~		4	45 /			
	ATOM	175	CA	HIS A	16133. 325	5. 452	0. 263	1. 00	0. 00 C
	ATOM	176	C	HIS A	16133. 925	5. 807	1. 620	1. 00	0.00 C
	ATOM	177	0	HIS A	16133. 233	6. 314	2. 502	1. 00	0.000
	ATOM	178	CB	HIS A	16133. 124	3.940 ·	0. 160	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	179	CG	HIS A	16131. 734	3. 497	0. 497	1. 00	0.00 C
	ATOM	180	ND1	HIS A	16131. 293	3. 324	1. 793	1. 00	0.00 N
	ATOM	181	CD2	HIS A	16130. 683	3. 192	-0. 300	1. 00	0.00 C
	ATOM	182	CE1	HIS A	16130. 032	2. 931	1. 777	1. 00	0.00 C
	ATOM	183	NE2	HIS A	16129. 638	2. 843	0. 520	1. 00	0.00 N
10	ATOM	184	H	HIS A	16135. 140	6.032	-0.662	1. 00	0.00 H
	ATOM	185	HA	HIS A	16132. 367	5. 942	0. 166	1. 00	0.00 H
	ATOM	186	1HB	HIS A	16133. 337	3. 623	-0.849	1. 00	0.00 H
	ATOM	187	2HB	HIS A	16133. 806	3. 445	0.838	1. 00	0.00 H
	ATOM	188	HD1	HIS A	16131. 825	3. 467	2. 603	1. 00	0.00 H
15	ATOM	189	HD2	HIS A	16130.670	3. 217	-1. 381	1. 00	0.00 H
	ATOM	190	HE 1	HIS A	16129. 425	2. 718	2. 646	1. 00	0.00 H
	ATOM	191	HE2	HIS A	16128.774	2. 491	0. 222	1. 00	0.00 H
	ATOM	192	N	GLY A	17135. 217	5. 537	1. 779	1. 00	0.00 N
	ATOM	193	CA	GLY A	17135. 887	5. 834	3. 032	1. 00	0.00 C
20	ATOM	194	C	GLY A	17137. 270	5. 217	3. 109	1. 00	0.00 C
	ATOM	195	0	GLY A	17137. 577	4. 481	4. 045	1. 00	0.000
	ATOM	196	H	GLY A	17135. 718	5. 132	1. 041	1. 00	0.00 H
	ATOM	197	1HA	GLY A	17135. 976	6. 905	3. 134	1. 00	0.00 H
	ATOM	198	2HA	GLY A	17135. 289	5. 453	3. 846	1. 00	0.00 H
25	ATOM	199	N	LEU A	18138. 106	5. 519	2. 121	1. 00	0. 00 N
	ATOM	200) CA	LEU A	18139. 464	4. 989	2. 080	1.00	0. 00 C
	ATOM	201	C	LEU A	18140. 482	6. 077	2. 411	1. 00	
	ATOM	202	2 0	LEU A	18140. 788	6. 929	1. 578	1. 00	
	ATOM	203	B CB	LEU A	18139. 763	4. 398	0. 701	1. 00	0.00 C

	W G 2004/	010/81				258		PCI	[/ JP 2003/010
	ATOM	204	CG	LEU A	18139. 023	3. 098	0. 381	1. 00	0. 00 C
	ATOM	205	CD1	LEU A	18138. 916	2. 902	-1. 124	1. 00	0. 00 C
	ATOM	206	CD2	LEU A	18139. 726	1. 914	1. 027	1. 00	0. 00 C
	ATOM	207	H	LEU A	18137. 802	6. 112	1. 403	1. 00	0.00 H
5	ATOM	208	HA	LEU A	18139. 537	4. 207	2. 821	1. 00	0.00 H
	ATOM	209	1HB	LEU A	18139. 500	5. 133	-0. 046	1. 00	0.00 H
	ATOM	210	2HB	LEU A	18140. 824	4. 207	0. 636	1. 00	0.00 H
	ATOM	211	HG	LEU A	18138. 021	3. 154	0. 781	1. 00	0.00 H
	ATOM	212	1HD1	LEU A	18138. 964	1. 848	-1. 354	1. 00	0.00 H
10	ATOM	213	2HD1	LEU A	18139. 732	3. 415	-1. 612	1. 00	0.00 H
	ATOM	214	3HD1	LEU A	18137. 978	3. 305	-1. 473	1. 00	0.00 H
	ATOM	215	1HD2	LEU A	18139. 773	2.062	2. 095	1. 00	0.00 H
	ATOM	216	2HD2	LEU A	18140. 726	1. 828	0.630	1. 00	0.00 H
	ATOM	217	3HD2	LEU A	18139. 175	1. 009	0.813	1. 00	0.00 H
15	ATOM	218	N	GLU A	19141. 003	6. 039	3. 633	1. 00	0. 00 N
	ATOM	219	CA	GLU A	19141. 987	7.021	4. 076	1. 00	0.00 C
	ATOM	220	C	GLU A	19143. 003	6. 385	5. 019	1. 00	0.00 C
	ATOM	221	0	GLU A	19142. 915	5. 198	5. 333	1. 00	0.000
	ATOM	222	CB	GLU A	19141. 291	8. 193	4. 771	1. 00	0.00 C
20	ATOM	223	CG	GLU A	19140. 354	7. 767	5. 889	1. 00	0. 00 C
	ATOM	224	CD	GLU A	19139. 186	8. 717	6.064	1. 00	0. 00 C
	ATOM	225	0E1	GLU A	19138. 168	8. 543	5. 361	1. 00	0.000
	ATOM	226	0E2	GLU A	19139. 287	9. 634	6. 905	1. 00	0.000
	ATOM	227	H	GLU A	19140. 719	5. 335	4. 253	1. 00	0.00 H
25	ATOM	228	HA	GLU A	19142. 504	7. 388	3. 202	1. 00	0.00 H
	ATOM	229	1HB	GLU A	19142. 043	8. 845	5. 190	1. 00	0. 00 H
	ATOM	230	2HB	GLU A	19140. 717	8. 741	4. 040	1. 00	0.00 H
	ATOM	231	1HG	GLU A	19139. 968	6. 784	5. 664	1. 00	0. 00 H
	ATOM	232	2HG	GLU A	19140. 911	7. 730	6.814	1. 00	0.00 H

	WO 2004/0	16781			2	259		РСТ	/JP2003/010288
	ATOM	233	N	VAL A	20143. 968	7. 183	5. 466	1. 00	0.00 N
	ATOM	234	CA	VAL A	20145. 001	6. 699	6. 374	1. 00	0.00 C
	ATOM	235	C	VAL A	20144. 390	6. 120	7. 646	1. 00	0. 00 C
	ATOM	236	0	VAL A	20143. 480	6. 706	8. 230	1. 00	0.000
5	ATOM	237	СВ	VAL A	20145. 985	7.822	6. 754	1. 00	0. 00 C
	ATOM	238	CG1	VAL A	20147. 147	7. 267	7. 563	1. 00	0.00 C
	ATOM	239	CG2	VAL A	20146. 487	8. 537	5. 508	1. 00	0.00 C
	ATOM	240	H	VAL A	20143. 984	8. 120	5. 180	1. 00	0.00 H
	ATOM	241	HA	VAL A	20145. 554	5. 922	5. 865	1. 00	0.00 H
10	ATOM	242	HB	VAL A	20145. 460	8. 540	7. 368	1. 00	0.00 H
	ATOM	243	1HG1	VAL A	20147. 999	7. 923	7. 468	1. 00	0.00 H
	ATOM	244	2HG1	VAL A	20147. 406	6. 286	7. 194	1. 00	0.00 H
	ATOM	245	3HG1	VAL A	20146. 861	7. 195	8. 602	1. 00	0.00 H
	ATOM	246	1HG2	VAL A	20146. 440	7.864	4.665	1. 00	0.00 H
15	ATOM	247	2HG2	VAL A	20147. 508	8. 853	5. 661	1. 00	0.00 H
	ATOM	248	3HG2	VAL A	20145. 868	9. 401	5. 315	1. 00	0.00 H
	ATOM	249	N	GLY A	21144. 897	4. 967	8.068	1. 00	0.00 N
	ATOM	250	CA	GLY A	21144. 389	4. 329	9. 267	1. 00	0.00 C
	ATOM	251	C	GLY A	21143. 329	3. 289	8. 967	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	252	0	GLY A	21143. 299	2. 225	9. 586	1. 00	0.000
	ATOM	253	H	GLY A	21145. 624	4. 546	7. 561	1. 00	0.00 H
	ATOM	254	1HA	GLY A	21145. 208	3. 852	9. 784	1. 00	0.00 H
	ATOM	255	2HA	GLY A	21143. 963	5. 084	9. 912	1. 00	0.00 H
	ATOM	256	N	SER A	22142. 455	3. 595	8. 013	1. 00	0. 00 N
25	ATOM	257	CA	SER A	22141. 387	2. 679	7. 631	1. 00	0. 00 C
	ATOM	258	C	SER A	22141. 933	1. 524	6. 796	1. 00	0. 00 C
	ATOM	259	0	SER A	22142. 942	1. 668	6. 106	1. 00	0.000
	ATOM	260	CB	SER A	22140. 304	3. 423	6. 847	1. 00	0.00 C
	ATOM	261	0G	SER A	22140. 042	4. 693	7. 418	1. 00	0.000

	W O 200	4 /U1U/01					260		PC	1/JF2003/010
	ATOM	262	Н	SER A	A	22142. 530	4. 459	7. 555	1. 00	0.00 H
	ATOM	263	НА	SER A	A	22140. 953	2. 280	8. 535	1. 00	0.00 H
	ATOM	264	1HB	SER A	A	22140. 632	3. 561	5. 828	1. 00	0.00 H
	ATOM	265	2НВ	SER A	A	22139. 393	2. 842	6. 856	1. 00	0.00 H
5	ATOM	266	HG	SER	A	22139. 251	5. 065	7. 021	1. 00	0.00 H
	ATOM	267	N	LEU	A	23141. 259	0. 381	6.865	1. 00	0.00 N
	ATOM	268	CA	LEU .	A	23141.677	-0. 798	6. 116	1. 00	0.00 C
	ATOM	269	C	LEU .	A	23141. 131	-0.761	4. 693	1. 00	0.00 C
	ATOM	270	0	LEU .	A	23140. 073	-0. 186	4. 438	1. 00	0.000
10	ATOM	271	CB	LEU	A	23141. 206	-2. 070	6. 824	1. 00	0.00 C
	ATOM	272	CG	LEU	A	23141. 688	-2. 224	8. 267	1. 00	0. 00 C
	ATOM	273	CD1	LEU	A	23140. 698	-3. 049	9. 075	1. 00	0. 00 C
	ATOM	274	CD2	LEU	A	23143.069	-2.862	8. 302	1. 00	0. 00 C
	ATOM	275	H	LEU	A	23140. 463	0. 329	7. 434	1. 00	0.00 H
15	ATOM	276	HA	LEU	A	23142. 756	-0. 799	6.074	1. 00	0.00 H
	ATOM	277	1HB	LEU	Ą	23140. 126	-2. 077	6.823	1. 00	0.00 H
	ATOM	278	2HB	LEU	A	23141. 555	-2.921	6. 259	1. 00	0.00 H
	ATOM	279	HG	LEU	A	23141. 758	-1. 248	8. 722	1. 00	0.00 H
	ATOM	280	1HD1	LEU	A	23140. 860	-4. 098	8. 880	1. 00	0.00 H
20	ATOM	281	2HD1	LEU	A	23139. 691	-2. 781	8. 791	1. 00	0.00 H
	ATOM	282	3HD1	LEU	A	23140. 840	-2. 852	10. 127	1. 00	0.00 H
	ATOM	283	1HD2	LEU	A	23143. 649	-2. 423	9. 100	1. 00	0.00 H
	ATOM	284	2HD2	LEU	A	23143. 568	-2.691	7. 359	1. 00	0.00 H
	ATOM	285	3HD2	LEU	A	23142. 970	-3. 924	8. 469	1. 00	0.00 H
25	ATOM	286	N	ALA	A	24141. 859	-1. 379	3. 768	1. 00	0.00 N
	ATOM	287	CA	ALA	A	24141. 447	-1. 417	2. 370	1. 00	0.00 C
	ATOM	288	C	ALA	A	24141. 974	-2. 668	1. 676	1. 00	0.00 C
	ATOM	289	0	ALA	A	24142. 870	-3. 341	2. 186	1. 00	0.000
	ATOM	290	CB	ALA	A	24141. 925	-0. 168	1. 646	1. 00	0.00 C

						261			
	ATOM	291	H .	ALA A	24142. 693	-1. 820	4. 032	1. 00	0.00 H
	ATOM	292	HA	ALA A	24140. 367	-1. 430	2. 341	1. 00	0.00 H
	ATOM	293	1HB	ALA A	24141. 383	-0.061	0.718	1. 00	0.00 H
	ATOM	294	2HB	ALA A	24142. 981	-0. 255	1. 439	1. 00	0.00 H
5	ATOM	295	ЗНВ	ALA A	24141. 749	0. 698	2. 267	1. 00	0.00 H
	ATOM	296	N	GLU A	25141. 413	-2. 975	0. 511	1. 00	0.00 N
	ATOM	297	CA	GLU A	25141. 827	-4. 145	-0. 252	1. 00	0.00 C
	ATOM	298	C	GLU A	25142. 061	-3. 785	-1.716	1. 00	0.00 C
	ATOM	299	0	GLU A	25141. 346	-2. 961	-2. 285	1. 00	0.000
10	ATOM	300	CB	GLU A	25140.773	-5. 248	-0. 147	1. 00	0.00 C
	ATOM	301	CG	GLU A	25141. 270	-6.611	-0.600	1. 00	0.00 C
	ATOM	302	CD	GLU A	25140. 237	-7. 371	-1. 407	1. 00	0.00 C
	ATOM	303	0E1	GLU A	25139. 590	-8. 277	-0.841	1. 00	0.000
	ATOM	304	0E2	GLU A	25140.072	-7. 060	-2. 605	1. 00	0.000
15	ATOM	305	H	GLU A	25140. 703	-2. 399	0. 156	1. 00	0. 00 H
	ATOM	306	HA	GLU A	25142. 754	-4. 505	0. 169	1. 00	0.00 H
	ATOM	307	1HB	GLU A	25140. 453	-5. 328	0.880	1. 00	0.00 H
	ATOM	308	2HB	GLU A	25139. 924	-4. 978	-0.760	1. 00	0.00 H
	ATOM	309	1HG	GLU A	25142. 151	-6. 474	-1. 210	1. 00	0.00 H
20	ATOM	310	2HG	GLU A	25141. 525	-7. 194	0. 273	1. 00	0.00 H
	ATOM	311	N	VAL A	26143. 066	-4. 410	-2. 321	1. 00	0.00 N
	ATOM	312	CA	VAL A	26143. 394	-4. 156	-3. 718	1. 00	0. 00 C
	ATOM	313	C	VAL A	26142. 998	-5. 336	-4. 599	1. 00	0. 00 C
	ATOM	314	0	VAL A	26143. 026	-6. 486	-4. 161	1. 00	0.000
25	ATOM	315	CB	VAL A	26144. 898	-3. 876	-3. 901		0.00 C
	ATOM	316	G CG	1 VAL A	26145. 188	-3. 419	-5. 322		0. 00 C
	ATOM	317	7 CG	2 VAL A	26145. 374		-2. 892		
	ATOM	318	3 H	VAL A	A 26143. 601	-5. 057		·	
	ATOM	319	9 HA	VAL A	A 26142. 845	-3. 282	-4. 036	1. 00	0. 00 H

WO 2004	4/016781				262			PC'	T/JP2003/010288	
	000	 ***	00145	400	4 704	0.704	1	00	0.00.11	

	ATOM	320	HB	VAL A	26145. 438	-4. 794	-3. 724	1. 00	0.00 H
	ATOM	321	1HG1	VAL A	26144. 303	-2. 967	-5. 743	1. 00	0.00 H
	ATOM	322	2HG1	VAL A	26145. 477	-4. 270	-5. 921	1. 00	0.00 H
	ATOM	323	3HG1	VAL A	26145. 990	-2. 697	-5. 311	1. 00	0. 00 H
5	ATOM	324	1HG2	VAL A	26145. 426	-3. 291	-1. 912	1. 00	0.00 H
	ATOM	325	2HG2	VAL A	26144. 682	-2. 013	-2.872	1. 00	0.00 H
	ATOM	326	3HG2	VAL A	26146. 354	-2. 485	-3. 177	1. 00	0.00 H
	ATOM	327	N	LYS A	27142. 631	-5. 043	-5.842	1. 00	0.00 N
	ATOM	328	CA	LYS A	27142. 230	-6. 080	-6. 785	1. 00	0.00 C
10	ATOM	329	C	LYS A	27143. 429	-6. 587	-7. 579	1. 00	0.00 C
	ATOM	330	0	LYS A	27143. 642	-6. 187	-8.723	1. 00	0.000
	ATOM ·	331	CB	LYS A	27141. 161	-5. 544	-7. 739	1. 00	0.00 C
	ATOM	332	CG	LYS A	27139. 740	-5. 743	-7. 235	1. 00	0. 00 C
	ATOM	333	CD	LYS A	27139. 084	-6. 954	-7.879	1. 00	0. 00 - C
15	ATOM	334	CE	LYS A	27139. 179	-8. 181	-6. 985	1. 00	0.00 C
	ATOM	335	NZ	LYS A	27139. 457	-9. 418	-7. 765	1. 00	0.00 N
	ATOM	336	H	LYS A	27142. 630	-4. 106	-6. 132	1. 00	0.00 H
	ATOM	337	HA	LYS A	27141. 815	-6. 900	-6: 219	1. 00	0.00 H
	ATOM	338	1HB	LYS A	27141. 323	-4. 487	-7. 886	1. 00	0.00 H
20	ATOM	339	2HB	LYS A	27141. 257	-6. 049	-8. 689	1. 00	0.00 H
	ATOM	340	1HG	LYS A	27139. 765	-5. 886	-6. 166	1. 00	0.00 H
	ATOM	341	2HG	LYS A	27139. 159	-4. 863	-7. 470	1. 00	0.00 H
	ATOM	342	2 1HD	LYS A	27138. 044	-6. 734	-8.061	1. 00	0.00 H
	ATOM	343	3 2HD	LYS A	27139. 579	-7. 164	-8. 816	1. 00	0.00 H
25	ATOM	344	4 1HE	LYS A	27139. 976	-8. 030	-6. 272	1. 00	0.00 H
	ATOM	349	5 2HE	LYS A	27138. 244	-8. 299	-6. 459	1. 00	0.00 H
	ATOM	346	6 1HZ	LYS A	27138. 945	-10. 223	-7. 353	1. 00	0.00 H
	ATOM	34'	7 2HZ	LYS A	27140. 475	-9. 627	-7. 756	1. 00	0.00 H
	ATOM	348	8 3HZ	LYS A	27139. 150	-9. 294	-8. 752	1. 00	0.00 H

5 10 28147.079 GLU A -8.356-6.3411.00 0.00 H **ATOM** 362 1HG GLU A 28148. 340 -7.880-8. 183 1.00 0.00 H 15 ATOM 363 2HG GLU A 28147. 241 -6.623-8.7481.00 0.00 H**ATOM** 364 N ASN A 29146. 388 -10. 180 **-8**. 131 1.00 0.00 N **ATOM** 365 ASN A CA 29146. 464 -11. 635 -8. 182 1.00 0.00 C **ATOM** 366 C ASN A 29146. 473 -12. 229 -6.7741.00 0.00 C **ATOM** 367 0 ASN A 29145. 597 -13. 017 -6.4191.00 0.000 20 **ATOM** 368 CBASN A 29147. 717 -12. 075 -8.9431.00 0.00 C ATOM 369 CG ASN A 29147. 423 -12. 410 -10. 393 1.00 0.00 C ATOM 370 OD1 ASN A 29147. 664 -13. 530 -10. 844 1.00 0.000 ATOM 371 ND2 ASN A 29146. 902 -11. 437 -11. 130 1.00 0.00 NATOM 372 H ASN A 29147.126 - 9.650-8.4951.00 0.00 H **ATOM** 25 373 HA ASN A 29145. 590 -11. 995 -8.7051.00 0.00 H **ATOM** 374 1HB ASN A 29148. 444 -11. 278 -8.9181.00 0.00 H ATOM 375 2HB ASN A 29148. 132 -12. 951 -8.4671.00 0.00 H ATOM 376 1HD2 ASN A 29146. 737 -10. 570 -10. 704 1.00 0.00 H ATOM 377 2HD2 ASN A 29146. 701 -11. 625 -12. 071 1.00 0.00 H

WO 200 4	/016781			264		PCT	/JP2003/010
ATOM	378	N	PRO A	30147. 468 -11. 853	-5. 951	1. 00	0.00 N
ATOM	379	CA	PRO A	30147. 587 -12. 350	-4. 578	1. 00	0.00 C
ATOM	380	C	PRO A	30146. 604 -11. 669	-3.628	1. 00	0.00 C
ATOM	381	0	PRO A	30146. 755 -10. 489	-3. 310	1. 00	0.000
ATOM	382	CB	PRO A	30149. 025 -11. 990	-4. 206	1. 00	0.00 C
ATOM	383	CG	PRO A	30149. 325 -10. 773	-5.008	1. 00	0.00 C
ATOM	384	CD	PRO A	30148. 555 -10. 915	-6. 295	1. 00	0.00 C
ATOM	385	HA	PRO A	30147. 456 -13. 420	-4. 531	1. 00	0.00 H
ATOM	386	1HB	PRO A	30149. 086 -11. 793	-3. 146	1. 00	0.00 H
ATOM	387	2HB	PRO A	30149. 682 -12. 806	-4. 465	1. 00	0.00 H
ATOM	388	1HG	PRO A	30149. 001 -9. 892	-4. 474	1. 00	0.00 H
ATOM	389	2HG	PRO A	30150. 385 -10. 720	-5. 212	1. 00	0.00 H
ATOM	390	1HD	PRO A	30148. 156 -9. 960	-6. 602	1. 00	0.00 H
ATOM	391	2HD	PRO A	30149. 186 -11. 325	-7.069	1. 00	0.00 H
ATOM	392	N	PRO A	31145. 579 -12. 403	-3. 156	1. 00	0. 00 N
ATOM	393	CA	PRO A	31144. 575 -11. 854	-2.239	1. 00	0. 00 C
ATOM	394	C	PRO A	31145. 149 -11. 573	-0.854	1. 00	0.00 C
ATOM	395	0	PRO A	31145. 083 -12. 418	0. 038	1. 00	0.000
ATOM	396	CB	PRO A	31143. 517 -12. 957	-2. 165	1. 00	0.00 C
ATOM	397	CG	PRO A	31144. 253 -14. 209	-2. 491	1. 00	0.00 C
ATOM	398	CD	PRO A	31145. 317 -13. 819	-3. 478	1, 00	0. 00 C
ATOM	399	HA	PRO A	31144. 132 -10. 951	-2. 633	1. 00	0. 00 H
ATOM	400	1HB	PRO A	31143. 097 -12. 991	-1. 170	1. 00	0.00 H
ATOM	401	2HB	PRO A	31142. 737 -12. 761	-2. 885	1. 00	0.00 H
ATOM	402	1HG					0.00 H
ATOM	403	3 2HG	PRO A	31143. 580 -14. 929	-2. 931	1. 00	0.00 H

5

10

15

20

25

0.00 H 1.00 -3. 334 31146. 205 -14. 418 ATOM 404 1HD PRO A 0.00 H -4. 488 1.00 31144. 950 -13. 923 405 2HD PRO A ATOM 0.00 N -0.683 1.00 PHE A 32145. 712 -10. 382 N ${\tt ATOM}$ 406

	WO 2004/016781					265		PCT/JP2003/010288		
	ATOM	407	CA	PHE A	32146. 298	-9. 990	0. 593	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	408	C	PHE A	32145. 431	-8. 947	1. 292	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	409	0	PHE A	32144. 494	-8. 408	0.703	1. 00	0.000	
	ATOM	410	CB	PHE A	32147. 709	-9. 437	0. 382	1. 00	0.00 C	
5	ATOM	411	CG	PHE A	32147. 801	-8. 437	-0. 735	1. 00	0.00 C	
	ATOM	412	CD1	PHE A	32148. 541	-8. 716	-1. 873	1. 00	0.00 C	
	ATOM	413	CD2	PHE A	32147. 149	-7. 218	-0.646	1. 00	0.00 C	
	ATOM	414	CE 1	PHE A	32148. 628	-7. 799	-2. 902	1. 00	0.00 C	
	ATOM	415	CE2	PHE A	32147. 233	-6. 295	-1.672	1. 00	0.00 C	
10	ATOM	416	CZ	PHE A	32147. 973	-6. 586	-2.801	1. 00	0.00 C	
	ATOM	417	H	PHE A	32145. 734	-9. 751	-1. 433	1. 00	0.00 H	
	ATOM	418	HA	PHE A	32146. 355	-10. 870	1. 216	1. 00	0.00 H	
	ATOM	419	1HB	PHE A	32148. 038	-8. 952	1. 289	1. 00	0.00 H	
	ATOM	420	2HB	PHE A	32148. 377	-10. 254	0. 155	1. 00	0.00 H	
15	ATOM	421	HD1	PHE A	32149. 052	-9. 664	-1. 952	1. 00	0.00 H	
	ATOM	422	HD2	PHE A	32146. 571	-6. 989	0. 237	1. 00	0.00 H	
	ATOM	423	HE 1	PHE A	32149. 208	-8. 027	-3. 784	1. 00	0.00 H	
	ATOM	424	HE2	PHE A	32146. 719	-5. 348	-1. 590	1. 00	0.00 H	
	ATOM	425	HZ	PHE A	32148. 039	-5. 867	-3. 604	1. 00	0.00 H	
20	ATOM	426	N	TYR A	33145. 750	-8. 668	2. 552	1. 00	0.00 N	
	ATOM	427	CA	TYR A	33145. 000	-7. 690	3. 332	1. 00	0.00 C	
	ATOM	428	C	TYR A	33145. 940	-6. 694	4. 004	1. 00	0.00 C	
	ATOM	429	0	TYR A	33146. 852	-7. 081	4. 734	1. 00	0.000	
	ATOM	430	CB	TYR A	33144. 147	-8. 395	4. 388	1. 00	0. 00 C	
25	ATOM	431	CG	TYR A	33142. 780		3. 888	1. 00	0.00 C	
	ATOM	432	CD1	TYR A	33141. 996	-7. 922	3. 154	1. 00	0.00 C	
	ATOM	433	CD2	TYR A	33142. 273	-10. 070	4. 151	1. 00	0.00 C	
	ATOM	434	CE 1	TYR A	33140. 746	-8. 291	2. 696	1. 00	0.00 C	

435 CE2 TYR A 33141.023 -10.447

3.696

1.00 0.00 C

ATOM

	WO 2004/	016781			:	266		PCT/	JP2003/010288
	AŢOM	436	CZ	TYR A	33140. 264	-9. 554	2. 970	1. 00	0.00 C
	ATOM	437	ОН	TYR A	33139. 019	-9. 926	2. 514	1. 00	0.000
	ATOM	438	H	TYR A	33146. 508	-9. 131	2. 967	1. 00	0.00 H
	ATOM	439	HA	TYR A	33144. 351	-7. 155	2. 655	1. 00	0.00 H
5	ATOM	440	1HB	TYR A	33144. 659	-9. 288	4. 717	1. 00	0.00 H
	ATOM	441	2HB	TYR A	33144. 010	-7. 734	5. 230	1. 00	0.00 H
	ATOM	442	HD1	TYR A	33142. 376	-6. 934	2. 941	1. 00	0.00 H
	ATOM	443	HD2	TYR A	33142. 869 -	-10. 766	4. 721	1. 00	0.00 H
	ATOM	444	HE1	TYR A	33140. 152	-7. 592	2. 126	1. 00	0.00 H
10	ATOM	445	HE2	TYR A	33140. 646	-11. 436	3. 910	1. 00	0.00 H
	ATOM	446	HH	TYR A	33139. 088 -	-10. 756	2. 037	1. 00	0.00 H
	ATOM	447	N	GLY A	34145. 710	-5. 410	3. 751	1. 00	0.00 N
	ATOM	448	CA	GLY A	34146. 544	-4. 378	4. 337	1. 00	0.00 C
	ATOM	449	C	GLY A	34145. 757	-3. 138	4. 711	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	450	0	GLY A	34144. 578	-3. 019	4. 378	1. 00	0.000
	ATOM	451	H	GLY A	34144. 969	-5. 161	3. 160	1. 00	0.00 H
	ATOM	452	1HA	GLY A	34147. 016	-4. 774	5. 225	1. 00	0.00 H
	ATOM	453	2HA	GLY A	34147. 312	-4. 103	3. 628	1. 00	0.00 H
	ATOM	454	N	VAL A	35146. 409	-2. 212	5. 406	1. 00	0. 00 N
20	ATOM	455	CA	VAL A	35145. 764	-0. 974	5. 827	1. 00	0. 00 C
	ATOM	456	С	VAL A	35146. 453	0. 240	5. 212	1. 00	0. 00 C
	ATOM	457	0	VAL A	35147.668	0. 241	5. 013	1. 00	0.000
	ATOM	458	CB	VAL A	35145. 763	-0. 835	7. 362	1. 00	0. 00 C
	ATOM	459	CG1	VAL A	35147. 187	-0. 811	7. 901	1. 00	0.00 C
25	ATOM	460	CG2	VAL A	35145. 001	0. 411	7. 788	1. 00	0. 00 C
	ATOM	461	H	VAL A	35147. 348	-2. 365	5. 642	1. 00	0.00 H
	ATOM	462	HA	VAL A	35144. 738	-1. 002	5. 489	1. 00	0.00 H
	ATOM	463	НВ	VAL A	35145. 262	-1. 697	7. 781	1. 00	0.00 H
	ATOM	464	1HG1	VAL A	35147. 865	-0. 519	7. 113	1. 00	0.00 H

WO 2004	016781				267		PCT	/JP2003/010288
ATOM	465 2	HG1	VAL A	35147. 453	-1. 795	8. 258	1. 00	0.00 H
ATOM	466 3	HG1	VAL A	35147. 252	-0. 103	8. 714	1. 00	0.00 H
ATOM	467 1	HG2	VAL A	35145. 141	0. 574	8. 847	1. 00	0.00 H
ATOM	468 2	HG2	VAL A	35143. 950	0. 278	7. 581	1. 00	0.00 H
ATOM	469 3	BHG2	VAL A	35145. 372	1. 265	7. 241	1. 00	0.00 H
ATOM	470	N	ILE A	36145. 670	1. 271	4. 913	1. 00	0. 00 N
ATOM	471	CA	ILE A	36146. 207	2. 491	4. 322	1. 00	0.00 C
ATOM	472	C	ILE A	36147. 127	3. 214	5. 300	1. 00	0.00 C
ATOM	473	0	ILE A	36146. 803	3. 363	6. 478	1. 00	0.000
ATOM	474	CB	ILE A	36145. 080	3. 449	3.888	1. 00	0.00 C
ATOM	475	CG1	ILE A	36144. 064	2.715	3.011	1. 00	0.00 C
ATOM	476	CG2	ILE A	36145. 658	4. 648	3. 147	1. 00	0.00 C
ATOM	477	CD1	ILE A	36142. 904	3. 583	2. 573	1. 00	0.00 C
ATOM	478	H	ILE A	36144. 709	1. 210	5. 097	1. 00	0.00 H
ATOM	479	HA	ILE A	36146. 775	2. 215	3. 445	1. 00	0.00 H
ATOM	480	HB	ILE A	36144. 584	3. 811	4. 775	1. 00	0.00 H
ATOM	481	1HG1	ILE A	36144. 560	2. 354	2. 122	1. 00	0.00 H
ATOM	482	2HG1	ILE A	36143. 663	1. 876	3. 560	1. 00	0.00 H
ATOM	483	1HG2	ILE A	36146. 620	4. 385	2. 734	1. 00	0.00 H
ATOM	484	2HG2	ILE A	36145. 776	5. 472	3. 835	1. 00	0.00 H
ATOM	485	3HG2	ILE A	36144. 989	4. 936	2. 351	1. 00	0.00 H
ATOM	486	1HD1	ILE A	36142. 384	3. 954	3. 443	1. 00	0.00 H
ATOM	487	2HD1	ILE A	36142. 225	2. 999	1. 970	1. 00	0.00 H
ATOM	488	3HD1	ILE A	36143. 276	4. 415	1. 994	1. 00	0.00 H
ATOM	489	N	ARG A	37148. 276	3. 661	4. 804	1. 00	0.00 N
	ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM	ATOM 466 3 ATOM 467 1 ATOM 468 2 ATOM 469 3 ATOM 470 ATOM 471 ATOM 472 ATOM 473 ATOM 474 ATOM 475 ATOM 476 ATOM 477 ATOM 478 ATOM 479 ATOM 480 ATOM 481 ATOM 482 ATOM 483 ATOM 483 ATOM 484 ATOM 485 ATOM 486 ATOM 487 ATOM 488	ATOM 465 2HG1 ATOM 466 3HG1 ATOM 467 1HG2 ATOM 468 2HG2 ATOM 469 3HG2 ATOM 470 N ATOM 471 CA ATOM 473 O ATOM 474 CB ATOM 475 CG1 ATOM 476 CG2 ATOM 477 CD1 ATOM 478 H ATOM 479 HA ATOM 480 HB ATOM 480 HB ATOM 481 1HG1 ATOM 482 2HG1 ATOM 483 1HG2 ATOM 484 2HG2 ATOM 485 3HG2 ATOM 486 1HD1 ATOM 487 2HD1 ATOM 488 3HD1	ATOM 465 2HG1 VAL A ATOM 466 3HG1 VAL A ATOM 467 1HG2 VAL A ATOM 468 2HG2 VAL A ATOM 469 3HG2 VAL A ATOM 470 N ILE A ATOM 471 CA ILE A ATOM 473 O ILE A ATOM 474 CB ILE A ATOM 475 CG1 ILE A ATOM 476 CG2 ILE A ATOM 477 CD1 ILE A ATOM 478 H ILE A ATOM 478 H ILE A ATOM 479 HA ILE A ATOM 480 HB ILE A ATOM 480 HB ILE A ATOM 480 HB ILE A ATOM 481 1HG1 ILE A ATOM 482 2HG1 ILE A ATOM 483 1HG2 ILE A ATOM 484 2HG2 ILE A ATOM 485 3HG2 ILE A ATOM 486 1HD1 ILE A ATOM 486 1HD1 ILE A ATOM 487 2HD1 ILE A ATOM 488 3HD1 ILE A	ATOM 465 2HG1 VAL A 35147. 453 ATOM 466 3HG1 VAL A 35147. 252 ATOM 467 1HG2 VAL A 35145. 141 ATOM 468 2HG2 VAL A 35145. 372 ATOM 469 3HG2 VAL A 35145. 372 ATOM 470 N ILE A 36145. 670 ATOM 471 CA ILE A 36146. 207 ATOM 473 O ILE A 36146. 803 ATOM 474 CB ILE A 36145. 080 ATOM 476 CG2 ILE A 36145. 658 ATOM 477 CD1 ILE A 36144. 064 ATOM 478 H ILE A 36144. 709 ATOM 479 HA ILE A 36144. 709 ATOM 480 HB ILE A 36144. 584 ATOM 481 1HG1 ILE A 36144. 560 ATOM 482 2HG1 ILE A 36144. 663 ATOM 483 1HG2 ILE A 36144. 663 ATOM 484 2HG2 ILE A 36144. 989 ATOM 486 1HD1 ILE A 36144. 384 ATOM 487 2HD1 ILE A 36142. 225 ATOM 488 3HD1 ILE A 36142. 225	ATOM 465 2HG1 VAL A 35147. 453 -1. 795 ATOM 466 3HG1 VAL A 35147. 252 -0. 103 ATOM 467 1HG2 VAL A 35145. 141 0. 574 ATOM 468 2HG2 VAL A 35143. 950 0. 278 ATOM 469 3HG2 VAL A 35145. 372 1. 265 ATOM 470 N ILE A 36145. 670 1. 271 ATOM 471 CA ILE A 36146. 207 2. 491 ATOM 473 0 ILE A 36146. 803 3. 363 ATOM 474 CB ILE A 36145. 080 3. 449 ATOM 475 CG1 ILE A 36145. 658 4. 648 ATOM 476 CG2 ILE A 36145. 658 4. 648 ATOM 477 CD1 ILE A 36144. 064 2. 715 ATOM 478 H ILE A 36144. 709 1. 210 ATOM 479 HA ILE A 36144. 709 1. 210 ATOM 480 HB ILE A 36144. 560 2. 354 ATOM 481 1HG1 ILE A 36144. 560 2. 354 ATOM 482 2HG1 ILE A 36144. 560 2. 354 ATOM 483 1HG2 ILE A 36144. 620 4. 385 ATOM 484 2HG2 ILE A 36144. 776 5. 472 ATOM 485 3HG2 ILE A 36142. 384 3. 954 ATOM 486 1HD1 ILE A 36142. 384 3. 954 ATOM 487 2HD1 ILE A 36142. 225 2. 999 ATOM 488 3HD1 ILE A 36142. 225 2. 999	ATOM 465 2HG1 VAL A 35147. 453 -1.795 8. 258 ATOM 466 3HG1 VAL A 35147. 252 -0.103 8. 714 ATOM 467 1HG2 VAL A 35145. 141 0. 574 8. 847 ATOM 468 2HG2 VAL A 35145. 141 0. 574 8. 847 ATOM 469 3HG2 VAL A 35145. 372 1. 265 7. 241 ATOM 470 N ILE A 36145. 670 1. 271 4. 913 ATOM 471 CA ILE A 36146. 207 2. 491 4. 322 ATOM 472 C ILE A 36146. 803 3. 363 6. 478 ATOM 473 0 ILE A 36146. 803 3. 363 6. 478 ATOM 474 CB ILE A 36144. 064 2. 715 3. 011 ATOM 475 CG1 ILE A 36144. 064 2. 715 3. 011 ATOM 476 CG2 ILE A 36144. 709 1. 210 5. 097 ATOM 477 CD1 ILE A 36144. 709 1. 210 5. 097 ATOM 478 H ILE A 36144. 775 2. 215 3. 445 ATOM 480 HB ILE A 36144. 584 3. 811 4. 775 ATOM 481 1HG1 ILE A 36144. 560 2. 354 2. 122 ATOM 482 2HG1 ILE A 36144. 560 2. 354 2. 122 ATOM 483 1HG2 ILE A 36145. 776 5. 472 3. 835 ATOM 485 3HG2 ILE A 36144. 989 4. 936 2. 351 ATOM 486 1HD1 ILE A 36142. 989 4. 936 2. 351 ATOM 487 2HD1 ILE A 36142. 225 2. 999 1. 970 ATOM 487 2HD1 ILE A 36142. 225 2. 999 1. 970 ATOM 487 2HD1 ILE A 36142. 225 2. 999 1. 970 ATOM 487 2HD1 ILE A 36142. 225 2. 999 1. 970	ATOM

4. 367

5. 782

6.761

3.602

5. 633

5. 116

5.804

5.672

1.00

1. 00

1.00

1. 00

0.00 C

0.00 C

0.000

0.00 C

 $\mathsf{C}\mathsf{A}$

C

0

CB

490

491

492

493

ATOM

ATOM

ATOM

ATOM

ARG A

ARG A

ARG A

ARG A

37149. 245

37149. 477

37149. 185

37150. 569

			•			2	268			
	ATOM	494	CG	ARG A		37150. 404	2. 115	5. 937	1. 00	0.00 C
	ATOM	495	CD	ARG A		37150. 291	1. 823	7. 424	1. 00	0.00 C
	ATOM	496	NE	ARG A		37149. 079	2. 397	8. 006	1. 00	0.00 N
	ATOM	497	CZ	ARG A		37148. 908	2. 602	9. 309	1. 00	0.00 C
5	ATOM	498	NH1	ARG A		37149. 866	2. 280	10. 170	1. 00	0.00 N
	ATOM	499	NH2	ARG A		37147. 775	3. 129	9. 754	1. 00	0.00 N
	ATOM	500	H	ARG A		37148. 478	3. 510	3. 857	1. 00	0.00 H
	ATOM	501	HA	ARG A		37148. 844	4. 424	6. 635	1. 00	0.00 H
	ATOM	502	1HB	ARG A		37151.068	3. 724	4. 723	1. 00	0.00 H
10	ATOM	503	2HB	ARG A		37151. 188	4. 018	6. 452	1. 00	0.00 H
	ATOM	504	1HG	ARG A	L	37149. 508	1. 768	5. 443	1. 00	0.00 H
	ATOM	505	2HG	ARG A	L	37151. 261	1. 592	5. 540	1. 00	0.00 H
	ATOM ·	506	1HD	ARG A	1	37150. 274	0. 753	7. 568	1. 00	0.00 H
	ATOM	507	2HD	ARG A	I	37151. 152	2. 240	7. 926	1. 00	0.00 H
15	ATOM	508	HE	ARG A	ł	37148. 356	2. 643	7. 392	1. 00	0.00 H
	ATOM	509	1HH1	ARG A	A .	37150. 722	1. 882	9. 843	1. 00	0.00 H
	ATOM	510	2HH 1	ARG A	A	37149. 730	2. 437	11. 149	1. 00	0.00 H
	ATOM	511	1HH2	ARG A	A	37147. 050	3. 372	9. 109	1. 00	0.00 H
	ATOM	512	2HH2	2 ARG	A	37147. 646	3. 282	10. 734	1. 00	0.00 H
20	ATOM	513	N	TRP	A	38150. 004	5. 886	3. 900	1. 00	0.00 N
	ATOM	514	CA	TRP	A	38150. 274	7. 185	3. 294		0. 00 C
	ATOM	515	C	TRP	A	38149. 557		1. 954		
	ATOM	516	0	TRP	A	38149. 618	6. 430	1. 110		
	ATOM	517	CB	TRP	A	38151. 783	7. 382	3. 104		
25	ATOM	518	G CG	TRP	A		8. 579	2. 267		
	ATOM	519) CD	1 TRP	A	38152. 387	9. 844			
	ATOM	520) CD	2 TRP	A		8. 620			
	ATOM	52 1		1 TRP			10. 670			
	ATOM	522	2 CE	2 TRP	A	38152. 579	9. 941	0. 486	1.00	0.00 C

WO 2004/	016781					269		PCT	/ JP2 003/010
ATOM	523	CE3	TRP	A	38152. 104	7. 668	-0. 174	1. 00	0.00 C
ATOM	524	CZ2	TRP	A	38152. 771	10. 333	-0.836	1. 00	0.00 C
ATOM	525	CZ3	TRP	A	38152. 296	8. 057	-1. 486	1. 00	0.00 C
ATOM	526	CH2	TRP	A	38152. 625	9. 380	-1.807	1. 00	0.00 C
ATOM	527	H	TRP	A	38150. 216	5. 071	3. 400	1. 00	0.00 H
ATOM	528	HA	TRP	A	38149. 904	7. 945	3. 964	1. 00	0.00 H
ATOM	529	1HB	TRP	A	38152. 247	7. 508	4. 071	1. 00	0.00 H
ATOM	530	2HB	TRP	A	38152. 195	6. 507	2. 623	1. 00	0.00 H
ATOM	531	HD1	TRP	A	38152. 376	10. 139	3. 748	1. 00	0.00 H
ATOM	532	HE 1	TRP	A	38152. 875	11. 623	1. 706	1. 00	0.00 H
ATOM	533	HE3	TRP	A	38151. 850	6. 644	0. 055	1. 00	0.00 H
ATOM	534	HZ2	TRP	A	38153. 022	11. 349	-1. 102	1. 00	0.00 H
ATOM	535	HZ3	TRP	A	38152. 189	7. 335	-2. 281	1. 00	0.00 H
ATOM	536	HH2	TRP	A	38152. 765	9. 638	-2.847	1. 00	0.00 H
ATOM	537	N	ILE	A	39148. 889	8. 456	1. 765	1. 00	0.00 N
ATOM	538	CA	ILE	A	39148. 169	8. 727	0.528	1. 00	0. 00 C
ATOM	539	C	ILE	A	39148. 631	10. 044	-0.083	1. 00	0.00 C
ATOM	540	0	ILE	A	39148. 297	11. 119	0. 414	1. 00	0.000
ATOM	541	CB	ILE	E A	39146. 647	8. 785	0.762	1. 00	0.00 C
ATOM	542	CG1	ILE	E A	39146. 181	7. 562	1. 554	1. 00	0.00 C
ATOM	543	CG2	ILF	E A	39145. 911	8. 876	-0. 567	1. 00	0.00 C
ATOM	544	CD	ILI	E A	39144. 818	7. 736	2. 187	1. 00	0.00 C
ATOM	545	H	ILI	E A	39148. 887	9. 132	2. 475	1. 00	0.00 H
ATOM	546	HA	ILI	E A	39148. 378	7. 924	-0. 165	1. 00	0.00 H
ATOM	547	HB	IL	E A	39146. 427	9. 678	1. 328	1. 00	0.00 H
ATOM	548	1HG	1 IL	E A	39146. 134	6. 710	0. 893	1. 00	0.00 H

2. 342

-0.994

-0.405

7.360

9.857

8.708

39146. 891

39146.058

39144. 856

1.00

1. 00

1. 00

0.00 H

0.00 H

0.00 H

5

10

15

20

25

 ${\tt ATOM}$

ATOM

ATOM

549 2HG1 ILE A

550 1HG2 ILE A

551 2HG2 ILE A

V		270	

	ATOM	552 3H	HG2 I	LE A	3	9146. 295	8. 127	-1. 243	1. 00	0.00 H
	ATOM	553 11	HD1 I	LE A	3	9144. 725	8. 742	2. 569	1. 00	0.00 H
	ATOM	554 2	HD1 I	LE A	3	9144. 706	7. 032	2. 998	1. 00	0.00 H
	ATOM	555 3	HD1 I	LE A	3	9144. 052	7. 559	1. 446	1. 00	0.00 H
5	ATOM	556	n (GLY A	4	10149. 407	9. 955	-1. 159	1.00	0.00 N
	ATOM	557	CA (GLY A	4	10149. 906	11. 152	-1. 808	1. 00	0. 00 C
	ATOM	558	C (GLY A	4	10150. 448	10. 884	-3. 197	1. 00	0. 00 C
	MOTA	559	0	GLY A	4	40150. 274	9. 794	-3. 742	1. 00	0.000
	ATOM	560	Н	GLY A	4	40149. 646	9. 072	-1. 510	1. 00	0.00 H
10	ATOM	561 1	HA	GLY A	4	40149. 104	11. 870	-1. 880	1. 00	0. 00 H
	ATOM	562 2	2HA	GLY A	. 4	40150. 693	11. 572	-1. 202	1. 00	0. 00 H
	ATOM	563	N	GLN A	. '	41151. 109	11. 884	-3. 769	1. 00	0.00 N
	ATOM	564	CA	GLN A		41151. 683	11. 763	-5. 103	1. 00	0.00 C
	ATOM	565	C	GLN A	1	41153. 162	12. 148	-5.090	1. 00	0.00 C
15	ATOM	566	0	GLN A	1	41153. 506	13. 302	-4.830	1. 00	0.000
	ATOM	567	CB	GLN A	A	41150. 919	12. 654	-6. 082	1. 00	0. 00 C
	ATOM	568	CG	GLN A	I	41149. 411	12. 488	-6. 004	1. 00	0. 00 C
•	MOTA	569	CD	GLN A	A	41148.672	13. 804	-6. 138	1. 00	0.00 C
	ATOM	570	0E1	GLN A	A	41148. 635	14. 607	-5. 206	1. 00	0.000
20	ATOM	571	NE2	GLN A	A	41148. 077	14. 033	-7. 304	1. 00	0.00 N
	ATOM	572	H	GLN A	A	41151. 213	12. 728	-3. 282	1. 00	0.00 H
	ATOM	573	HA	GLN	A	41151. 588	10. 735	-5. 415	1. 00	0.00 H
	ATOM	574	1HB	GLN .	A	41151. 157	13. 685	-5. 871	1. 00	0.00 H
	ATOM	575	2HB	GLN	A	41151. 235	12. 418	-7. 086	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	576	1HG	GLN	A	41149. 090	11. 832	-6. 799	1. 00	
	ATOM	577	2HG	GLN	A	41149. 158	12. 046	-5.051		
	ATOM	578	1HE2	GLN	A	41148. 148	13. 349	-8. 000		
	ATOM	579	2HE2	GLN	A	41147. 594	14. 878			
	ATOM	580	N	PR0	A	42154. 062	11. 187	7 −5. 368	3 1.00	0.00 N

	W O 2004	+/010/0.	1			271		PC	1/ 3F 2003/010
	ATOM	581	CA	PRO A	42155. 507		-5. 381	1. 00	0. 00 C
	ATOM	582		PRO A	42155. 892	12. 546	-6. 360	1. 00	0. 00 C
	ATOM	583		PRO A	42155. 139	12. 859	-7. 283	1. 00	0.000
	ATOM	584		PRO A	42156. 107	10. 102	-5. 822	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	585	CG	PRO A	42155. 065	9. 090	-5. 491	1. 00	0. 00 C
Ü	ATOM	586	CD	PRO A	42153. 749	9. 784	-5. 689	1. 00	0.00 C
	ATOM	587	HA	PRO A	42155. 871	11. 695	-4. 396	1. 00	0.00 H
	ATOM		1HB	PRO A	42156.311	10. 129	-6. 882	1. 00	0.00 H
	ATOM		2HB	PRO A	42157. 022	9. 918	-5. 279	1. 00	0.00 H
10	ATOM	590	1HG	PRO A	42155. 148	8. 245	-6. 157	1. 00	0.00 H
	ATOM	591	2HG	PRO A	42155. 173	8. 774	-4. 464	1. 00	0.00 H
	ATOM	592	1HD	PRO A	42153. 419	9. 686	-6. 713	1. 00	0.00 H
	ATOM	593	2HD	PRO A	42153.007	9. 389	-5. 010	1. 00	0. 00 H
	ATOM	594	N	PRO A	43157.076	13. 153	-6. 172	1. 00	0.00 N
15	ATOM	595	CA	PRO A	43157. 559	14. 227	-7. 043	1. 00	0. 00 C
	ATOM	596	C	PRO A	43157. 974	13. 715	-8. 417	1. 00	0.00 C
	ATOM	597	0	PRO A	43159. 140	13. 389	-8. 642	1. 00	0.000
	ATOM	598	CB	PRO A	43158.771	14. 776	-6. 291	1. 00	0. 00 C
	ATOM	599	CG	PRO A	43159. 256	13. 633	-5. 468		0. 00 C
20	ATOM	600	CD	PRO A	43158.034	12. 839	-5. 096		0.00 C
	ATOM	601	HA	PRO	A 43156.820	15. 006	−7. 159		0.00 H
	ATOM	602	1HB	PRO .	A 43159.519		−7. 000		0. 00 H
	ATOM	603	3 2HB	PRO.	A 43158. 469				
	ATOM	604	1 1HG	PR0					
25	ATOM	605	5 2HG	PR0					
	ATOM	606	3 1HD						
	ATOM	60'	7 2HD						
	ATOM	60		GLY					
	ATOM	60	9 CA	GLY	A 44157. 30	4 13.172	2 -10.67	2 1.00	0.00 C

)			272			
	ATOM	610	C (GLY A		44156.071	12. 647	-11. 380	1. 00	0.00 C
	ATOM	611	0 (GLY A		44155. 783	13. 041	-12. 510	1. 00	0.000
	ATOM	612	Н	GLY A		44156. 104	13. 919	-9. 097	1. 00	0.00 H
	ATOM	613 1	lHA (GLY A		44157. 716	13. 985	-11. 248	1. 00	0.00 H
5	ATOM	614 2	2HA	GLY A	L	44158. 035	12. 380	-10.612	1. 00	0.00 H
	ATOM	615	N :	LEU A	l	45155. 344	11. 756	-10. 716	1. 00	0.00 N
	ATOM	616	CA	LEU A	1	45154. 136	11. 177	-11. 291	1. 00	0.00 C
	ATOM	617	C	LEU A	I	45152. 926	11. 462	-10. 410	1. 00	0. 00 C
	ATOM	618	0 .	LEU A	A	45152. 826	10. 948	-9. 296	1. 00	0.000
10	ATOM	619	CB	LEU A	A	45154. 307	9. 668	-11. 472	1. 00	0. 00 C
	ATOM	620	CG	LEU A	A	45154. 840	8. 927	-10. 245	1. 00	0.00 C
	ATOM	621	CD1	LEU	A	45154. 467	7. 451	-10.307	1. 00	0.00 C
	ATOM	622	CD2	LEU	A	45156. 350	9. 096	3 -10. 132	1. 00	0. 00 C
	ATOM	623	H	LEU .	A	45155. 624	11. 483	3 -9.816	1. 00	0.00 H
15	ATOM	624	HA	LEU .	A	45153. 977	11. 632	2 -12. 258	1. 00	0.00 H
	ATOM	625	1HB	LEU	A	45153. 346	9. 248	3 -11. 733	1. 00	0. 00 H
	ATOM	626	2HB	LEU	A	45154. 989	9. 50	0 -12. 292	1. 00	0.00 H
	ATOM	627	HG	LEU	A	45154. 389	9. 34	5 -9.357	1. 00	0.00 H
	ATOM	628	1HD1	LEU	A	45153. 870	7. 26	6 -11. 188	1. 00	0.00 H
20	ATOM	629	2HD1	LEU	A	45153. 901	7. 18	6 -9. 427	1. 00	0. 00 H
	ATOM	630	3HD1	LEU	A	45155. 365		2 -10.350		0. 00 H
	ATOM	631	1HD2	LEU	A			3 -10.837		0.00 H
	ATOM	632	2HD2	LEU	A					
	MOTA	633	3HD2	LEU	A	45156. 602				
25	ATOM	634	N	ASN	A	46152. 008		2 -10. 911	•	
	ATOM	635	CA	ASN	A	46150. 810		2 -10. 156		
	ATOM	636	C	ASN	A	46149. 846		3 -10. 124		
	ATOM	637	0	ASN	A	46149. 218		0 -11.130		
	ATOM	638	CB	ASN	A	46150. 123	3 13. 84	13 -10.773	3 1.00	0.00 C

					•	213			
	ATOM	639	CG .	ASN A	46149. 380	14. 670	-9. 743	1. 00	0. 00 C
	ATOM	640	OD1 .	ASN A	46149. 955	15. 100	-8. 743	1. 00	0.000
	ATOM	641	ND2	ASN A	46148.095	14. 900	-9. 984	1. 00	0.00 N
	ATOM	642	H	ASN A	46152. 139	12. 664 -	11. 804	1. 00	0.00 H
5	ATOM	643	HA	ASN A	46151. 108	12. 858	-9. 146	1. 00	0.00 H
	ATOM	644 1	HB	ASN A	46150.868	14. 469 -	11. 241	1. 00	0.00 H
	ATOM	645 2	HB	ASN A	46149. 417	13. 511 -	-11. 519	1. 00	0.00 H
	ATOM	646 1	HD2	ASN A	46147. 703	14. 526 -	-10. 801	1. 00	0.00 H
	ATOM	647 2	2HD2	ASN A	46147.590	15. 433	-9. 335	1. 00	0.00 H
10	ATOM	648	N	GLU A	47149. 734	10. 813	-8. 961	1. 00	0.00 N
	ATOM	649	CA	GLU A	47148. 848	9. 668	-8. 790	1. 00	0.00 C
	ATOM	650	C	GLU A	47148.661	9. 345	-7. 312	1. 00	0.00 C
	ATOM	651	0	GLU A	47149.627	9. 062	-6.604	1. 00	0.000
	ATOM	652	CB	GLU A	47149. 405	8. 446	-9. 525	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	653	CG	GLU A	47150.918	8. 314	-9. 439	1. 00	0.00 C
	ATOM	654	CD	GLU A	47151. 479	7. 357	-10. 472	1. 00	0. 00 C
	ATOM	655	0E1	GLU A	47151. 460	7. 702	-11. 672	1. 00	0.000
	ATOM	656	0E2	GLU A	47151. 937	6. 263	-10. 082	1. 00	0.000
	ATOM	657	H	GLU A	47150. 262	11. 125	-8. 197	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	658	HA	GLU A	47147. 889	9. 926	-9. 214	1. 00	0.00 H
	ATOM	659	1HB	GLU A	47148. 964	7. 555	-9. 103	1. 00	0.00 H
	ATOM	660	2HB	GLU A	47149. 131	8. 513	-10. 568	1. 00	0.00 H
	ATOM	661	1HG	GLU A	47151.360	9. 285	-9. 592	1. 00	0.00 H
	ATOM	662	2HG	GLU	A 47151. 180	7. 952	-8. 455	1. 00	0.00 H
25	ATOM	663	N	VAL	A 48147. 416	9. 382	-6.851	1. 00	0.00 N
	ATOM	664	CA	VAL .	A 48147. 116	9. 085	-5. 457	1. 00	0.00 C
	ATOM	665	C	VAL	A 48147. 475	7. 642	-5. 124	1.00	0. 00 C
	ATOM	666	0	VAL	A 48146. 726	6. 717	-5. 438	1. 00	0.000
	ATOM	667	CB	VAL	A 48145. 629	9. 320	-5. 137	1. 00	0.00 C

	WO 2004/ 0	16781				274		PCT/JP2003/010288		
	ATOM	668	CG1	VAL A	48145. 378	9. 198	-3. 642	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	669	CG2	VAL A	48145. 180	10. 679	-5.652	1. 00	0.00 C	
	ATOM	670	H	VAL A	48146. 684	9. 609	-7. 462	1. 00	0.00 H	
	ATOM	671	HA	VAL A	48147. 709	9. 745	-4. 840	1. 00	0.00 H	
5	ATOM	672	HB	VAL A	48145. 048	8. 560	-5. 639	1. 00	0.00 H	
	ATOM	673	1HG1	VAL A	48144. 420	9. 634	-3. 401	1. 00	0.00 H	
	ATOM	674	2HG1	VAL A	48146. 156	9. 719	-3. 103	1. 00	0.00 H	
•	ATOM	675	3HG1	VAL A	48145. 381	8. 155	-3.360	1. 00	0.00 H	
	ATOM	676	1HG2	VAL A	48144. 227	10. 934	-5. 213	1. 00	0.00 H	
10	ATOM	677	2HG2	VAL A	48145. 083	10. 644	-6.726	1. 00	0.00 H	
	ATOM	678	3HG2	VAL A	48145. 912	11. 426	-5. 381	1. 00	0.00 H	
	ATOM	679	N	LEU A	49148. 629	7. 455	-4. 492	1. 00	0.00 N	
	ATOM	680	CA	LEU A	49149. 088	6. 123	-4. 122	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	681	C	LEU A	49148. 955	5. 904	-2.621	1. 00	0. 00 C	
15	ATOM	682	0	LEU A	49149. 633	6. 554	-1.825	1. 00	0.000	
	ATOM	683	CB	LEU A	49150. 544	5. 923	-4. 550	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	684	CG	LEU A	49150. 801	6.069	-6.051	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	685	CD1	LEU A	49152. 275	6. 335	-6. 317	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	686	CD2	LEU A	49150. 342	4. 822	-6. 793	1. 00	0.00 C	
20	ATOM	687	H	LEU A	49149. 185	8. 231	-4.270	1. 00	0.00 H	
	ATOM	688	HA	LEU A	49148. 470	5. 404	-4. 636	1. 00	0.00 H	
	ATOM	689	1HB	LEU A	49151. 153	6. 649	-4. 030	1. 00	0.00 H	
	ATOM	690	2HB	LEU A	49150. 854	4. 935	-4. 249	1. 00	0.00 H	
	ATOM	691	HG	LEU A	49150. 237	6. 910	-6.427	1. 00	0.00 H	
25	ATOM	692	1HD1	LEU A	49152. 707	6. 843	-5. 468	1. 00	0.00 H	
	ATOM	693	2HD1	LEU A	49152. 376	6. 954	-7. 197	1. 00	0.00 H	
	ATOM	694	3HD1	LEU A	49152. 788	5. 398	-6. 475	1. 00	0.00 H	
	ATOM	695	1HD2	LEU A	49151. 185	4. 165	-6. 951	1. 00	0.00 H	

696 2HD2 LEU A 49149. 921 5. 104 -7. 746 1. 00 0. 00 H

ATOM

	ATOM	698	N	ALA A	50148. 077	4. 984	-2.240	1. 00	0.00 N
	ATOM	699	CA	ALA A	50147. 856	4. 682	-0.832	1. 00	0.00 C
	ATOM	700	C	ALA A	50148. 756	3. 542	-0.369	1. 00	0.00 C
5	ATOM	701	0	ALA A	50148. 624	2. 408	-0.830	1. 00	0.000
	ATOM	702	CB	ALA A	50146. 395	4. 337	-0. 589	1. 00	0.00 C
	ATOM	703	H	ALA A	50147. 565	4. 497	-2.920	1. 00	0.00 H
	ATOM	704	HA	ALA A	50148. 093	5. 570	-0. 265	1. 00	0.00 H
	ATOM	705	1HB	ALA A	50145. 792	4. 740	-1. 389	1. 00	0.00 H
10	ATOM	706	2HB	ALA A	50146.077	4. 763	0. 352	1. 00	0.00 H
	ATOM	707	ЗНВ	ALA A	50146. 278	3. 265	-0.556	1. 00	0.00 H
	ATOM	708	N	GLY A	51149. 671	3.850	0. 545	1. 00	0.00 N
	ATOM	709	CA	GLY A	51150. 578	2. 839	1.056	1. 00	0. 00 C
	ATOM	710	C	GLY A	51149. 878	1. 821	1. 933	1. 00	0.00 C
15	ATOM	711	0	GLY A	51149. 350	2. 162	2. 991	1. 00	0.000
	ATOM	712	H	GLY A	51149. 730	4. 770	0.876	1. 00	0.00 H
	ATOM	713	1HA	GLY A	51151.034	2. 326	0. 221	1. 00	0.00 H
	ATOM	714	2HA	GLY A	51151. 352	3. 324	1.631	1. 00	0.00 H
	ATOM	715	N	LEU A	52149. 873	0. 567	1. 494	1. 00	0.00 N
20	ATOM	716	CA	LEU A	52149. 232	-0.504	2. 247	1. 00	0.00 C
	ATOM	717	С	LEU A	52150. 270	-1. 379	2. 943	1. 00	0.00 C
	ATOM	718	0	LEU A	52151. 305	-1.710	2. 364	1. 00	0.000
	ATOM	719	CB	LEU A	52148. 365	-1.360	1. 322	1. 00	0.00 C
	ATOM	720	CG	LEU A	52147. 140	-0.650	0.742	1. 00	0.00 C
25	ATOM	721	CD1	LEU A	52146. 534	-1.469	-0.388	1. 00	0.00 C
	ATOM	722	CD2	LEU A	52146. 108	-0.394	1. 830	1. 00	0.00 C
	ATOM	723	H	LEU A	52150. 311	0.356	0. 643	1. 00	0.00 H
	ATOM	724	HA	LEU A	52148. 601	-0.050	2. 997	1. 00	0.00 H
	ATOM	725	1HB	LEU A	52148. 980	-1. 701	0. 501	1. 00	0.00 H

-6.997

-6.783

-7.078

-6.382

5.676

6. 212

3.194

1.835

1.00

1.00

1.00

1. 00

0.00 C

0.000

0.00 C

0.00 C

C

0

CB

CG

751

752

753

754

ATOM

ATOM

ATOM

ATOM

LEU A

LEU A

LEU A

LEU A

54150. 983

54152. 069

54151. 282

54151. 184

	WO 2004/0	710761				277			J1 2005/0102
	ATOM	755	CD1	LEU A	54152. 187	-6. 976	0. 859	1. 00	0. 00 C
	ATOM	756	CD2	LEU A	54149. 771	-6. 491	1. 283	1. 00	0. 00 C
	ATOM	757	H	LEU A	54151. 791	-4. 655	3. 808	1. 00	0.00 H
	ATOM	758	HA	LEU A	54149. 547	-6. 369	4. 227	1. 00	0.00 H
5	ATOM	759	1HB	LEU A	54152. 327	-7. 213	3. 433	1. 00	0.00 H
	ATOM	760	2HB	LEU A	54150. 821	-8. 050	3. 109	1. 00	0.00 H
	ATOM	761	HG	LEU A	54151. 417	-5. 334	1. 957	1. 00	0.00 H
	ATOM	762	1HD1	LEU A	54151. 706	-7. 745	0. 272	1. 00	0.00 H
	ATOM	763	2HD1	LEU A	54153. 012	-7. 406	1. 407	1. 00	0.00 H
10	ATOM	764	3HD1	LEU A	54152. 555	-6. 200	0. 205	1. 00	0.00 H
•	ATOM	765	1HD2	LEU A	54149. 795	-6. 380	0. 209	1. 00	0.00 H
	ATOM	766	2HD2	LEU A	54149. 156	-5. 713	1. 712	1. 00	0.00 H
	ATOM	767	3HD2	LEU A	54149. 359	-7. 457	1. 536	1. 00	0.00 H
	ATOM	768	N	GLU A	55150. 065	-7. 806	6. 197	1. 00	0.00 N
15	ATOM	769	CA	GLU A	55150. 290	-8. 504	7. 458	1. 00	0. 00 C
	ATOM	770	C	GLU A	55151. 347	-9. 593	7. 295	1. 00	0.00 C
	ATOM	771	0	GLU A	55152. 090	-9. 894	8. 229	1. 00	0.000
	ATOM	772	CB	GLU A	55148. 983	-9. 117	7. 965	1. 00	0.00 C
	ATOM	773	CG	GLU A	55147. 843	-8. 118	8. 067	1. 00	0.00 C
20	ATOM	774	CD	GLU A	55147. 017	-8. 302	9. 326	1. 00	0.00 C
	ATOM	775	0E 1	GLU A	55147. 071	-9. 401	9. 916	1. 00	0.000
	ATOM	776	0E2	GLU A	55146. 318	-7. 346	9. 722	1. 00	0.000
	ATOM	777	H	GLU A	55149. 218	-7. 937	5. 723	1. 00	0.00 H
	ATOM	778	HA	GLU A	55150. 642	-7. 782	8. 179	1. 00	0.00 H
25	ATOM	779	1HB	GLU A	55148. 683	-9. 906	7. 291	1. 00	0.00 H
	ATOM	780	2HB	GLU A	55149. 154	-9. 538	8. 945	1. 00	0.00 H
	ATOM	781	1HG	GLU A	55148. 254	-7. 120	8. 069		0.00 H
	ATOM	782	2HG	GLU A	55147. 198	-8. 239	7. 210		0.00 H
	ATOM	783	N	ASP A	56151. 406	-10. 179	6. 103	1. 00	0.00 N

					278			
	ATOM	784	CA	ASP A	56152. 372 -11. 234	5. 818	1. 00	0.00 C
	ATOM	785	C	ASP A	56153. 664 -10. 651	5. 256	1. 00	0.00 C
	ATOM	786	0	ASP A	56153.650 -9.931	4. 258	1. 00	0.000
	ATOM	787	CB	ASP A	56151. 781 -12. 241	4. 830	1. 00	0.00 C
5	ATOM	788	CG	ASP A	56150.691 -13.091	5. 453	1. 00	0.00 C
	ATOM	789	OD1	ASP A	56149. 769 -13. 504	4. 718	1. 00	0.000
	ATOM	790	OD2	ASP A	56150. 759 -13. 342	6. 674	1. 00	0.000
	ATOM	79.1	H	ASP A	56150. 786 -9. 895	5. 399	1. 00	0.00 H
	ATOM	792	HA	ASP A	56152. 593 -11. 741	6. 745	1. 00	0.00 H
10	ATOM	793	1HB	ASP A	56151. 362 -11. 708	3. 990	1. 00	0.00 H
	ATOM	794	2HB	ASP A	56152. 566 -12. 895	4. 480	1. 00	0.00 H
	ATOM	795	N	GLU A	57154. 781 -10. 966	5. 905	1. 00	0.00 N
	ATOM	796	CA	GLU A	57156. 083 -10. 474	5. 470	1. 00	0.00 C
	ATOM	797	C	GLU A	57156. 427 -10. 999	4. 080	1. 00	0.00 C
15	ATOM	798	0	GLU A	57156. 851 -12. 145	3. 927	1. 00	0.000
	ATOM	799	CB	GLU A	57157. 167 -10. 886	6. 467	1. 00	0.00 C
	ATOM	800	CG	GLU A	57157. 113 -10. 116	7. 776	1. 00	0. 00 C
	ATOM	801	CD	GLU A	57157. 985 -10. 733	8. 852	1. 00	0. 00 C
	ATOM	802	0 E 1	GLU A	57158. 567 -9. 973	9. 653	1. 00	0.000
20	ATOM	803	0E2	GLU A	57158. 086 -11. 977	8. 892	1. 00	0.000
	ATOM	804	H	GLU A	57154. 728 -11. 545	6. 694	1. 00	0.00 H
	ATOM	805	HA	GLU A	57156. 033 -9. 396	5. 431	1. 00	0.00 H
	ATOM	806	1HB	GLU A	57157. 056 -11. 937	6. 687	1. 00	0.00 H
	ATOM	807	2HB	GLU A	57158. 135 <i>-</i> 10. 721	6. 017	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	808	1HG	GLU A	57157. 448 -9. 105	7. 599	1. 00	0.00 H
	ATOM	809	2HG	GLU A	57156. 092 -10. 099	8. 127	1. 00	0.00 H
	ATOM	810	N	CYS A	58156. 242 -10. 156	3. 070	1. 00	0. 00 N
	ATOM	811	CA	CYS A	58156. 533 -10. 535	1. 693	1. 00	0. 00 C
	ATOM	812	C C	CYS A	58157. 946 -10. 114	1. 300	1. 00	0.00 C

	WO 2004	/016781			279	PCT	/JP2003/010288
	ATOM	813	0	CYS A	58158. 303 -8. 939	1. 397 1. 00	0.000
	ATOM	814	CB	CYS A	58155. 516 -9. 904	0.742 1.00	0. 00 C
	ATOM	815	SG	CYS A	58154. 053 -10. 924	0. 443 1. 00	0. 00 S
	ATOM	816	H	CYS A	58155. 901 -9. 256	3. 256 1. 00	0.00 H
5	ATOM	817	HA	CYS A	58156. 460 -11. 611	1.623 1.00	0.00 H
	ATOM	818	1HB	CYS A	58155. 181 -8. 965	1. 156 1. 00	0.00 H
	ATOM	819	2HB	CYS A	58155. 991 -9. 722	-0. 212 1. 00	0.00 H
	ATOM	820	HG	CYS A	58153. 934 -10. 999	-0.506 1.00	0. 00 H
	ATOM	821	N	ALA A	59158. 744 -11. 079	0.855 1.00	0.00 N
10	ATOM	822	CA	ALA A	59160. 117 -10. 807	0. 448 1. 00	0.00 C
	ATOM	823	C	ALA A	59160. 156 -9. 970	-0.826 1.00	0.00 C
	ATOM	824	0	ALA A	59159. 813 -10. 450	-1. 907 1. 00	0.000
	ATOM	825	CB	ALA A	59160. 876 -12. 111	0. 249 1. 00	0.00 C
	ATOM	826	H	ALA A	59158. 402 -11. 995	0.801 1.00	0.00 H
15	ATOM	827	HA	ALA A	59160. 598 -10. 256	1. 243 1. 00	0.00 H
	ATOM	828	1HB	ALA A	59160. 889 -12. 363	-0.801 1.00	0.00 H
	ATOM	829	2HB	ALA A	59160. 387 -12. 900	0.802 1.00	0.00 H
	ATOM	830	3HB	ALA A	59161. 889 -11. 995	0.605 1.00	0.00 H
	ATOM	831	N	GLY A	60160. 576 -8. 716	-0. 692 1. 00	0.00 N
20	ATOM	832	CA	GLY A	60160.651 -7.832	-1. 840 1. 00	0.00 C
	ATOM	833	C	GLY A	60160.053 -6.468	-1. 563 1. 00	0.00 C
	ATOM	834	0	GLY A	60160. 466 -5. 470	-2. 152 1. 00	0.000
	ATOM	835	H	GLY A	60160. 836 -8. 388	0. 194 1. 00	0.00 H
	ATOM	836	1HA	GLY A	60161. 688 -7. 708	-2. 117 1. 00	0.00 H
25	ATOM	837	2HA	GLY A	60160. 122 -8. 286	-2.665 1.00	0.00 H
	ATOM	838	N	CYS A	61159.074 -6.425	-0.664 1.00	0.00 N
	ATOM	839	CA	CYS A	61158. 416 -5. 173	-0.311 1.00	0. 00 C
	ATOM	840	C	CYS A	61159. 344 -4. 284	0.510 1.00	0.00 C

ATOM 841 0 CYS A 61160. 455 -4. 683 0. 860 1. 00 0. 00 0

	WO 2004/0	16781				280		PCT/	JP2003/010288
	ATOM	842	CB	CYS A	61157. 132	-5. 451	0. 472	1. 00	0. 00 C
	ATOM	843	SG	CYS A	61156. 021	-6. 631	-0. 329	1. 00	0. 00 S
	ATOM	844	H	CYS A	61158. 788	-7. 255	-0. 229	1. 00	0.00 H
	ATOM	845	HA	CYS A	61158. 164	-4.661	-1. 227	1. 00	0.00 H
5	ATOM	846	1HB	CYS A	61157. 389	-5. 850	1. 442	1. 00	0.00 H
	ATOM	847	2HB	CYS A	61156. 591	-4. 525	0.602	1. 00	0.00 H
	ATOM	848	HG	CYS. A	61155. 639	-7. 189	0. 354	1. 00	0.00 H
	ATOM	849	N	THR A	62158. 881	-3. 076	0.816	1. 00	0.00 N
	ATOM	850	CA	THR A	62159. 669	-2. 129	1. 596	1. 00	0.00 C
10	ATOM	851	C	THR A	62159. 163	-2. 056	3. 034	1. 00	0.00 C
	ATOM	852	0	THR A	62158. 177	-2. 701	3. 389	1. 00	0.000
	ATOM	853	CB	THR A	62159. 619	-0. 742	0. 955	1. 00	0. 00 C
	ATOM	854	0G1	THR A	62158. 314	-0. 454	0. 483	1. 00	0.000
	ATOM	855	CG2	THR A	62160. 573	-0. 585	-0. 208	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	856	H	THR A	62157. 987	-2. 815	0. 509	1. 00	0.00 H
	ATOM	857	HA	THR A	62160. 691	-2. 476	1. 603	1. 00	0.00 H
	ATOM	858	HB	THR A	62159. 881	-0. 003	1. 699	1. 00	0.00 H
	ATOM	859	HG1	THR A	62157. 782	-0. 107	1. 204	1. 00	0.00 H
	ATOM	860	1HG2	THR A	62160. 889	-1. 560	-0. 549	1. 00	0.00 H
20	ATOM	861	2HG2	THR A	62161. 435	-0. 018	0. 108	1. 00	0.00 H.
	ATOM	862	3HG2	THR A	62160.076	-0. 066	-1. 014	1. 00	0.00 H
	ATOM	863	N	ASP A	63159. 847	-1. 268	3. 857	1. 00	0.00 N
	ATOM	864	CA	ASP A	63159. 467	-1. 109	5. 255	1. 00	0. 00 C
	ATOM	865	C	ASP A	63158. 836	0. 257	5. 497	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	866	0	ASP A	63158. 965	0. 829	6. 578	1. 00	0.000
	ATOM	867	CB	ASP A	63160. 689	-1. 287	6. 160	1. 00	0.00 C
	ATOM	868	CG	ASP A	63161. 787	-0. 290	5. 849	1. 00	0.00 C
	ATOM	869	OD1	ASP A	63162. 647	-0. 600	4. 998	1. 00	0.000

870

 ${\tt ATOM}$

OD2 ASP A 63161.789

0.000

6. 458

1. 00

0.801

							281			
	ATOM	871	H	ASP .	A	63160. 625	-0. 779	3. 514	1. 00	0.00 H
	ATOM	872	HA	ASP	A	63158. 743	-1. 875	5. 490	1. 00	0.00 H
	ATOM	873	1HB	ASP	A	63160. 388	-1. 156	7. 188	1. 00	0.00 H
	ATOM	874	2HB	ASP	A	63161.083	-2. 284	6.029	1. 00	0.00 H°
5	ATOM	875	N	GLY	A	64158. 152	0. 775	4. 482	1. 00	0.00 N
	ATOM	876	CA	GLY	A	64157. 511	2.071	4. 603	1. 00	0.00 C
	ATOM	877	C	GLY	A	64158. 215	3. 146	3. 799	1. 00	0.00 C
	ATOM	878	0	GLY	A	64158. 375	4. 274	4. 263	1. 00	0.000
	ATOM	879	H	GLY	A	64158. 083	0. 274	3. 642	1. 00	0.00 H
10	ATOM	880	1HA	GLY	A	64156. 490	1. 989	4. 257	1. 00	0.00 H
	ATOM	881	2HA	GLY	A	64157. 505	2. 362	5. 643	1. 00	0.00 H
	ATOM	882	N	THR	A	65158. 638	2. 795	2. 589	1. 00	0.00 N
	ATOM	883	CA	THR	A	65159. 329	3. 737	1. 717	1. 00	0. 00 C
	ATOM	884	C	THR	A	65158. 943	3. 515	0. 260	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	885	0	THR	A	65159. 044	2. 402	-0. 257	1. 00	0.000
	ATOM	886	CB	THR	A	65160. 844	3. 600	1. 884	1. 00	0.00 C
	ATOM	887	0G1	THR	A	65161. 250	2. 258	1. 686	1. 00	0.000
	ATOM	888	CG2	THR	A	65161. 338	4. 034	3. 246	1. 00	0. 00 C
	ATOM	889	H	THR	A	65158. 481	1. 880	2. 275	1. 00	0. 00 H
20) ATOM	890	HA	THR	. A	65159. 034	4. 734	2. 008	1. 00	0.00 H
	ATOM	891	HB	THR	. A	65161. 334	4. 215	1. 143	1. 00	0.00 H
	ATOM	892	HG1	THR	A	65160. 827	1. 907	0. 900	1. 00	0. 00 H
	ATOM	893	1HG2	2 THR	A	65160. 554	4. 569	3. 761	1. 00	0. 00 H
	ATOM	894	2HG2	2 THR	R A	65162. 197	4. 679	3. 129	1. 00	0. 00 H
2	5 ATOM	895	3HG2	2 THE	R A	65161.619	3. 164	3. 822	1. 00	0.00 H
	ATOM	896	N	PHI	3 A	66158. 503	4. 581	-0. 399	1. 00	
	ATOM	897	CA	PHI	E A			-1. 799		
	ATOM	898	C C	PHI	ΞΑ	66159. 101	5. 230	-2. 694		
	ATOM	899	0	PHI	E A	66159. 198	6. 457	-2. 665	1. 00	0.000

	4 m O M	000	ΩD	DIII: A	66156.705	5. 101	-1. 985	1. 00	0. 00 C
	ATOM	900		PHE A					0. 00 C
	ATOM	901		PHE A	66156. 083	4. 770	-3. 311		
	ATOM	902		PHE A	66155. 689	5. 778	-4. 177		0. 00 C
	ATOM	903	CD2	PHE A	66155. 893	3. 452	-3. 692	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	904	CE 1	PHE A	66155. 116	5. 476	-5. 398	1. 00	0.00 C
	ATOM	905	CE2	PHE A	66155. 321	3. 144	-4. 912	1. 00	0.00 C
	ATOM	906	CZ	PHE A	66154. 932	4. 158	-5. 766	1. 00	0.00 C
	ATOM	907	H	PHE A	66158. 446	5. 442	0.066	1. 00	0.00 H
	ATOM	908	HA	PHE A	66158. 077	3. 461	-2. 080	1. 00	0.00 H
10	ATOM	909	1HB	PHE A	66156.055	4.726	-1. 211	1. 00	0.00 H
	ATOM	910	2HB	PHE A	66156. 768	6. 176	-1. 906	1. 00	0.00 H
	ATOM	911	HD1	PHE A	66155.833	6. 809	-3. 891	1. 00	0.00 H
	ATOM	912	HD2	PHE A	66156. 196	2. 659	-3.026	1. 00	0.00 H
	ATOM	913	HE 1	PHE A	66154. 813	6. 271	-6.064	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	914	HE2	PHE A	66155. 178	2. 112	-5. 197	1. 00	0. 00 H
	ATOM	915	HZ	PHE A	66154. 485	3. 919	-6. 720	1. 00	0. 00 H
	ATOM	916	N	ARG A	67159. 843	4. 465	-3. 487	1. 00	0.00 N
	ATOM	917	CA	ARG A	67160.835	5. 035	-4. 390	1. 00	0.00 C
	ATOM	918	C	ARG A	67161.898	5. 807	-3. 615	1. 00	0.00 C
20	ATOM	919	0	ARG A	67162.370	6.853	-4.062	1. 00	0.000
	ATOM	920	CB	ARG A	A 67160. 158	5. 956	-5. 408	1. 00	0.00 C
	ATOM	921	CG	ARG A	A 67158.907	5. 359	-6.030	1. 00	0.00 C
	ATOM	922	2 CD	ARG	A 67158.567	6. 031	-7. 350	1. 00	0.00 C
	ATOM	923	3 NE	ARG	A 67157.502	5. 330	-8.063	1. 00	0.00 N
25	ATOM	924	4 CZ	ARG	A 67157.666	4. 161	-8.677	1. 00	0.00 C
	ATOM	92	5 NH	1 ARG	A 67158.849	3. 558	-8.668	1.00	0.00 N
	ATOM	920	6 NH	2 ARG	A 67156.64	4 3.59	-9. 302	1. 00	0.00 N
	ATOM	92	7 H	ARG	A 67159.71	9 3. 493	3 -3.465	1. 00	0.00 H
	ATOM	92	8 HA	ARG	A 67161.31	1 4. 220	-4. 917	1. 00	0.00 H

					•	202			
	ATOM	929	1HB	ARG A	67159. 886	6. 877	-4. 916	1. 00	0.00 H
	ATOM	930	2HB	ARG A	67160. 859	6. 174	-6. 199	1. 00	0.00 H
	ATOM	931	1HG	ARG A	67159. 071	4. 306	-6. 206	1. 00	0.00 H
	ATOM	932	2HG	ARG A	67158. 080	5. 488	-5. 346	1. 00	0.00 H
5	ATOM	933	1HD	ARG A	67158. 248	7. 043	-7. 152	1. 00	0.00 H
	ATOM	934	2HD	ARG A	67159. 452	6. 048	-7. 969	1. 00	0.00 H
	ATOM	935	HE	ARG A	67156.618	5. 753	-8. 086	1. 00	0.00 H
	ATOM	936	1HH1	ARG A	67159.623	3. 982	-8. 199	1. 00	0.00 H
	ATOM	937	2HH1	ARG A	67158.966	2. 679	-9. 131	1. 00	0.00 H
10	ATOM	938	1HH2	ARG A	67155.752	4. 040	-9. 312	1. 00	0.00 H
	ATOM	939	2HH2	ARG A	67156.767	2. 712	-9. 763	1. 00	0.00 H
	ATOM	940	N	GLY A	68162. 269	5. 284	-2.451	1. 00	0.00 N
	ATOM	941	CA	GLY A	68163. 274	5. 938	-1.632	1. 00	0. 00 C
	ATOM	942	C	GLY A	68162.724	7. 136	-0. 883	1. 00	0.00 C
15	ATOM	943	0	GLY A	68163. 458	8. 076	-0. 580	1. 00	0.000
	ATOM	944	H	GLY A	68161. 859	4. 449	-2. 145	1. 00	0. 00 H
	ATOM	945	1HA	GLY A	68163. 658	5. 225	-0. 917	1. 00	0.00 H
	ATOM	946	2HA	GLY A	68164. 084	6. 265	2. 268	1. 00	0. 00 H
	ATOM	947	N	THR A	69161. 430	7. 102	-0. 584	1. 00	0.00 N
20	ATOM	948	CA	THR A	69160. 783	8. 193			0. 00 C
	ATOM	949	C	THR A	69159. 899	7. 658	1. 256	1. 00	0. 00 C
	ATOM	950	0	THR A	69158. 746	7. 291	1. 030	1. 00	0.000
	ATOM	951	. CB	THR A	69159. 948	9. 040	-0. 828	1. 00	0. 00 C
	ATOM	952	2 OG	1 THR A	69160.661	9. 285	-2. 028	1. 00	0.000
25	ATOM	953	G CG	2 THR A	69159. 546	10. 380	-0. 251	1. 00	0. 00 C
	ATOM	954	4 H	THR A	A 69160. 897	6. 324	-0.852	1. 00	0. 00 H
	ATOM	955	5 HA	THR A	A 69161.556	8. 811	0. 565	1. 00	0.00 H
	ATOM	956	6 HB	THR	A 69159. 044	8. 501	-1.074	1.00	0.00 H
	ATOM	957	7 HG	1. THR	A 69160. 425	8. 623	-2. 681	1. 00	0.00 H

						284			
	ATOM	958	1HG2	THR A	69159. 640	11. 143	-1. 010	1. 00	0.00 H
	ATOM	959	2HG2	THR A	69160. 189	10.619	0. 583	1. 00	0.00 H
	ATOM	960	3HG2	THR A	69158. 521	10. 334	0. 087	1. 00	0.00 H
	ATOM	961	N	ARG A	70160. 448	7.616	2. 465	1. 00	0.00 N
5	ATOM	962	CA	ARG A	70159. 709	7. 125	3.623	1. 00	0.00 C
	ATOM	963	C	ARG A	70158. 552	8.058	3. 966	1. 00	0.00 C
	ATOM	964	0	ARG A	70158.739	9. 263	4. 126	1. 00	0.000
	ATOM	965	CB	ARG A	70160.641	6. 985	4. 828	1. 00	0.00 C
	ATOM	966	CG	ARG A	70159. 945	6. 478	6. 082	1. 00	0.00 C
10	ATOM	967	CD	ARG A	70159. 718	7. 595	7. 090	1. 00	0.00 C
	ATOM	968	NE	ARG A	70160. 355	7. 311	8. 373	1. 00	0.00 N
	ATOM	969	CZ	ARG A	70161.654	7. 482	8.610	1. 00	0.00 C
	ATOM	970	NH 1	ARG A	70162. 457	7. 933	7. 653	1. 00	0.00 N
	ATOM	971	NH2	ARG A	70162. 152	7. 201	9. 806	1. 00	0.00 N
15	ATOM	972	H	ARG A	70161.371	7. 922	2. 583	1. 00	0.00 H
	ATOM	973	HA	ARG A	70159. 310	6. 153	3. 374	1. 00	0.00 H
	ATOM	974	1HB	ARG A	70161. 433	6. 293	4. 577	1. 00	0.00 H
	ATOM	975	2HB	ARG A	70161.075	7. 949	5.046	1. 00	0.00 H
	ATOM	976	1HG	ARG A	70158. 990	6. 057	5. 806	1. 00	0.00 H
20	ATOM	977	2HG	ARG A	70160. 558	5. 714	6. 537	1. 00	0.00 H
	ATOM	978	1HD	ARG A	70160. 124	8. 513	6. 692	1. 00	0.00 H
	ATOM	979	2HD	ARG A	70158. 654	7. 709	7. 245	1. 00	0. 00 H
	ATOM	980	HE	ARG A	70159. 786	6. 977	9. 097	1. 00	0.00 H
	ATOM	981	1HH	1 ARG A	70162. 087	8. 147	6. 749	1. 00	0.00 H
25	ATOM	982	2 2HH	1 ARG A	70163. 431	8. 058	7. 838	1. 00	0.00 H
	ATOM	983	3 1HH	2 ARG A	70161. 552	6. 861	10. 530	1. 00	0.00 H
	ATOM	984	4 2HH	2 ARG A	70163. 127	7. 329	9. 983	1. 00	0.00 H
	ATOM	988	5 N	TYR A	71157. 355	7. 490	4. 077	1. 00	0.00 N
	ATOM	986	6 CA	TYR A	71156. 166	8. 269	4. 402	1. 00	0.00 C

					4	203			
	ATOM	987	C :	TYR A	71155. 674	7. 950	5. 809	1. 00	0. 00 C
	ATOM	988	0	TYR A	71155. 102	8.804	6. 486	1. 00	0.000
	ATOM	989	СВ	TYR A	71155. 057	7. 991	3. 386	1. 00	0.00 C
	ATOM	990	CG	TYR A	71155. 312	8. 601	2. 026	1. 00	0.00 C
5	ATOM	991	CD1	TYR A	71155. 252	7. 827	0.874	1. 00	0.00 C
	ATOM	992	CD2	TYR A	71155. 614	9. 951	1. 894	1. 00	0.00 C
	ATOM	993	CE1	TYR A	71155. 486	8. 380	-0. 370	1. 00	0. 00 C
	ATOM	994	CE2	TYR A	71155. 847	10. 512	0.653	1. 00	0.00 C
	ATOM	995	CZ	TYR A	71155. 783	9. 722	-0. 476	1. 00	0.00 C
10	ATOM	996	ОН	TYR A	71156. 016	10. 276	-1. 713	1. 00	0.000
	ATOM	997	H	TYR A	71157. 270	6. 524	3. 937	1. 00	0.00 H
	ATOM	998	HA	TYR A	71156. 431	9. 314	4. 354	1. 00	0. 00 H
	ATOM	999	1HB	TYR A	71154. 956	6. 924	3. 256	1. 00	0.00 H
	ATOM	1000	2HB	TYR A	71154. 126	8. 393	3.761	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1001	HD1	TYR A	71155. 020	6. 775	0.960	1. 00	0.00 H
	ATOM	1002	HD2	TYR A	71155. 664	10. 567	2. 780	1. 00	0.00 H
	ATOM	1003	HE 1	TYR A	71155. 435	7. 761	-1. 254	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1004	HE2	TYR A	71156. 080	11. 563	0. 571	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1005	НН	TYR A	71156. 854	9. 955	-2.056	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1006	N	PHE A	72155. 900	6. 714	6. 244	1. 00	0.00 N
	ATOM	1007	CA	PHE A	72155. 480	6. 283	7. 572	1. 00	0.00 C
	ATOM	1008	C	PHE A	72156. 457	5. 262	8. 147	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1009	0	PHE A	72157. 463	4. 930	7. 521	1. 00	0.000
	ATOM	1010	CB	PHE A	72154. 074	5. 683	7. 515	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1011	CG	PHE A	72153. 907	4. 646	6. 442	1. 00	0.00 C
	ATOM	1012	CD :	I PHE A	72153. 991	3. 296	6. 745	1. 00	
	ATOM	1013	CD	2 PHE A	72153. 664	5. 020	5. 130	1. 00	
	ATOM	1014	CE	1 PHE A	72153. 838	2. 340	5. 760	1. 00	
	ATOM	1015	CE	2 PHE A	72153. 510	4. 068	4. 140	1. 00	0.00 C

						2	86			
	ATOM	1016	CZ :	PHE A		72153. 597	2. 726	4. 456	1. 00	0.00 C
	ATOM	1017	H	PHE A		72156. 362	6.078	5. 659	1. 00	0.00 H
	ATOM	1018	HA	PHE A	1	72155. 466	7. 150	8. 214	1. 00	0.00 H
	MOTA	1019 1	HB	PHE A	1	72153. 850	5. 219	8. 463	1.00	0.00 H
5	ATOM	1020 2	HB	PHE A	A	72153. 361	6. 474	7. 328	1. 00	0.00 H
	ATOM	1021	HD1	PHE A	A	72154. 180	2. 993	7. 765	1. 00	0.00 H
	ATOM	1022	HD2	PHE	A	72153. 597	6.069	4. 882	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1023	HE1	PHE	A	72153. 906	1. 291	6. 009	1. 00	0.00 H
	ATOM	1024	HE2	PHE .	A	72153. 321	4. 372	3. 121	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1025	HZ	PHE	A	72153. 476	1. 980	3. 684	1. 00	0.00 H
	ATOM	1026	N	THR	A	73156. 152	4. 768	9. 342	1. 00	0.00 N
	ATOM	1027	CA	THR	A	73157.003	3. 784	10.003	1. 00	0.00 C
	ATOM	1028	C	THR	A	73156. 260	2. 467	10. 201	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1029	0	THR	A	73155. 275	2. 404	10. 938	1. 00	0.000
15	ATOM	1030	CB	THR	A	73157. 485	4. 319	11. 352	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1031	0G1	THR	A	73157. 819	5. 693	11. 256	1. 00	0.000
	ATOM	1032	CG2	THR	A	73158. 697	3. 588	11. 888	1. 00	0.00 C
	ATOM	1033	H	THR	A	73155. 336	5. 071	9. 791	1. 00	0.00 H
	ATOM	1034	HA	THR	A	73157. 860	3. 608	9. 369	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1035	HB	THR	A	73156. 689	4. 214	12. 075	1. 00	0.00 H
•	ATOM	1036	HG 1	l THR	A	73157. 943	6.054	12. 137	1. 00	0.00 H
	ATOM	1037	1HG2	2 THR	A	73158. 608	3. 479	12. 959	1. 00	0.00 H
	ATOM	1038	2HG2	2 THR	A	73159. 589	4. 151	11. 656	1. 00	0.00 H
	ATOM	1039	3HG	2 THR	A	73158. 759	2. 610	11. 431	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1040	N	CYS	A	74156. 736	1. 418	9. 539	1. 00	0.00 N
	ATOM	1041	CA	CYS	A	74156. 116	0. 102	9. 643	1. 00	0.00 C
	ATOM	1042	C	CYS	A	74157. 174	-0. 992	9. 725	1. 00	0.00 C
	ATOM	1043	0	CYS	A	74158. 373	-0. 717	9. 671	1. 00	0.000
	ATOM	1044	CB	CYS	S A	74155. 198	-0. 148	8. 444	1.00	0.00 C

	ATOM	1045	SG	CYS A	4	74153. 512	0. 467	8. 665	1. 00	0.00 S
	ATOM	1046	H	CYS A	A	74157. 524	1. 531	8. 967	1. 00	0.00 H
	ATOM	1047	HA	CYS	A	74155. 525	0. 085	10. 546	1. 00	0.00 H
	ATOM	1048	1HB	CYS	A	74155. 613	0. 339	7. 575	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1049	2HB	CYS	A	74155. 140	-1. 211	8. 261	1. 00	0.00 H
	ATOM	1050	HG	CYS	A	74153. 269	0. 955	7. 875	1. 00	0.00 H
	ATOM	1051	N	ALA .	A	75156. 723	-2. 236	9.856	1. 00	0.00 N
	ATOM	1052	CA	ALA .	A	75157. 631	-3. 373	9. 946	1. 00	0.00 C
	ATOM	1053	C	ALA .	A	75158. 416	-3.552	8.652	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1054	0	ALA	A	75158. 263	-2. 776	7. 708	1. 00	0.000
	ATOM	1055	CB	ALA	A	75156. 857	-4. 640	10. 276	1. 00	0.00 C
	ATOM	1056	H	ALA	A	75155. 756	-2. 393	9.894	1. 00	0.00 H
	ATOM	1057	HA	ALA	A	75158. 325	-3. 183	10.752	1. 00	0.00 H
	ATOM	1058	1HB	ALA	A	75156. 841	-4. 784	11. 347	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1059	2HB	ALA	A	75157. 337	-5. 487	9. 807	1. 00	0.00 H
	ATOM	1060	3HB	ALA	A	75155. 846	-4. 551	9. 910	1. 00	0.00 H
	ATOM	1061	N	LEU	A	76159. 258	-4. 580	8. 613	1. 00	0.00 N
	ATOM	1062	CA	LEU	A	76160.068	-4.861	7. 434	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1063	C	LEU	A	76159. 357	-5. 842	6. 507	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	1064	0	LEU	A	76158. 756	-6. 816	6.960	1. 00	0.000
	ATOM	1065	CB	LEU	A	76161. 428	-5. 427	7. 847	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1066	CG	LEU	A	76162. 316	-4. 465	8. 637	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1067	CD1	LEU	A	76163. 393	-5. 228	9. 391	1. 00	0.00 C
	MOTA	1068	CD2	LEU	A	76162. 943	-3. 436	7. 708	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1069	H	LEU	A	76159. 336	-5. 163	9. 397	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1070	HA	LEU	A	76160. 219	-3. 931	6. 908	1. 00	0.00 H
	ATOM	1071	1HB	LEU	A	76161. 259	-6. 307	8. 451	1. 00	0.00 H
	ATOM	1072	2HB	LEU	A	76161. 959	-5. 720	6. 954	1. 00	0.00 H
	ATOM	1073	HG	LEU	A	76161.711	-3. 938	9. 361	1. 00	0.00 H

			-	_	•				
	ATOM	1074 1	HD1	LEU A	76164. 253	-4. 593	9. 534	1. 00	0.00 H
	ATOM	1075 2	HD1	LEU A	76163.679	-6. 102	8. 824	1. 00	0.00 H
	ATOM	1076 3	HD1	LEU A	76163.009	-5. 535	10. 354	1. 00	0.00 H
	ATOM	1077 1	HD2	LEU A	76163.039	-3. 855	6. 717	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1078 2	2HD2	LEU A	76163. 920	-3. 162	8. 079	1. 00	0.00 H
	ATOM.	1079 3	3HD2	LEU A	76162. 315	-2.558	7.666	1. 00	0.00 H
	ATOM	1080	N	LYS A	77159. 429	-5. 577	5. 207	1. 00	0.00 N
	ATOM	1081	CA	LYS A	77158. 793	-6.436	4. 214	1. 00	0.00 C
	ATOM	1082	C	LYS A	77157. 283	-6. 478	4. 419	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1083	0	LYS A	77156. 656	-7. 529	4. 285	1. 00	0.000
	ATOM	1084	СВ	LYS A	77159. 370	-7. 851	4. 288	1. 00	0.00 C
	ATOM	1085	CG	LYS A	77160. 884	-7. 899	4. 152	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1086	CD	LYS A	77161. 333	−7. 461	2. 766	1. 00	0.00 C
	ATOM	1087	CE	LYS A	77162. 582	-6.598	2. 832	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1088	NZ	LYS A	77162. 254	-5. 158	3. 023	1. 00	0.00 N
	ATOM	1089	H	LYS A	77159. 924	-4. 785	4. 906	1. 00	0.00 H
	ATOM	1090	HA	LYS A	77159. 001	-6. 024	3. 238	1. 00	0.00 H
	ATOM	1091	1HB	LYS A	77159. 103	-8. 287	5. 239	1. 00	0.00 H
	ATOM	1092	2HB	LYS A	77158. 940	-8. 445	3. 496	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	1093	1HG	LYS A	77161. 323		4. 887		0.00 H
	ATOM	1094	2HG	LYS A	77161. 220	-8. 910	4. 327	1. 00	0.00 H
	ATOM	1095	1HD	LYS A	77161. 545	-8. 337	2. 174	1. 00	0.00 H
	ATOM	1096	2HD	LYS A	77160. 538	-6. 894	2. 304	1. 00	0.00 H
	ATOM	1097	1HE	LYS A	77163. 191	-6. 930	3. 660	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	1098	2HE	LYS A	77163. 134	-6.714	1. 912	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1099	1HZ	LYS A	77161. 291	-4. 963	2. 679	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1100	2HZ	LYS A	77162. 925	-4. 564	2. 495	1. 00	
	ATOM	1101	3HZ	LYS A	77162. 307	-4. 909	4. 032	1. 00	0.00 H
	ATOM	1102	N	LYS A	78156. 702	-5. 327	4. 745	1. 00	0. 00 N

						289			
	ATOM	1103	CA	LYS A	78155. 265	-5. 233	4. 968	1. 00	0.00 C
	ATOM	1104	C	LYS A	78154. 741	-3.857	4. 567	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1105	0	LYS A	78153. 838	-3. 316	5. 206	1. 00	0.000
	ATOM	1106	CB	LYS A	78154. 936	-5. 509	6. 436	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1107	CG	LYS A	78155. 439	-6.856	6. 930	1. 00	0.00 C
	ATOM	1108	CD	LYS A	78155. 044	-7. 103	8. 377	1. 00	0.00 C
	ATOM	1109	CE	LYS A	78153. 565	-7. 429	8. 503	1. 00	0.00 C
	ATOM	1110	NZ	LYS A	78153. 262	-8. 159	9. 765	1. 00	0.00 N
	ATOM	1111	H	LYS A	78157. 254	-4. 523	4. 837	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1112	HA	LYS A	78154. 785	-5. 980	4. 355	1. 00	0.00 H
	ATOM	1113	1HB	LYS A	78155. 384	-4. 737	7. 045	1. 00	0.00 H
	ATOM	1114	2HB	LYS A	78153. 864	-5. 480	6. 566	1. 00	0.00 H
	MOTA	1115	1HG	LYS A	78155. 015	-7. 635	6. 314	1. 00	0.00 H
	MOTA	1116	2HG	LYS A	78156. 516	-6. 878	6. 851	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1117	1HD	LYS A	78155. 619	-7. 932	8. 760	1. 00	0.00 H
	ATOM	1118	2HD	LYS A	78155. 259	-6. 215	8. 954	1. 00	0.00 H
	ATOM	1119	1HE	LYS A	78153. 003	-6. 507	8. 487	1. 00	0.00 H
	ATOM	1120	2HE	LYS A	78153. 271	-8. 042	7. 663	1. 00	0.00 H
	ATOM	1121	1HZ	LYS A	78153. 299	-9. 186	9. 602	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1122	2HZ	LYS A	78152. 312	-7. 907	10. 105	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1123	3HZ	LYS A	78153. 957	-7. 909	10. 497	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1124	N	ALA A	79155. 313	-3. 298	3. 507		0.00 N
	ATOM	1125	CA	ALA A	79154. 904	-1. 986	3. 022		
	ATOM	1126	C	ALA A	79154. 827	-1. 964	1. 499		
25	ATOM	1127	0	ALA A	79155. 846	-1. 846	0.817		
	MOTA	1128	CB	ALA A	79155. 864	-0. 916	3. 519		
	ATOM	1129	H	ALA A	79156. 028	-3. 779	3. 040		
	ATOM	1130	HA	ALA A	79153. 924	-1. 772	3. 425		
	ATOM	1131	1HB	ALA A	79156. 388	-1. 279	4. 391	1. 00	0.00 H

					•	270			
	ATOM	1132	2HB	ALA A	79155. 310	-0.026	3. 776	1. 00	0.00 H
	ATOM	1133	3НВ	ALA A	79156. 578	-0.684	2. 741	1. 00	0.00 H
	ATOM	1134	N	LEU A	80153.612	-2.077	0.970	1.00	0.00 N
	ATOM	1135	CA	LEU A	80153. 402	-2.069	-0. 473	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	1136	C	LEU A	80152. 484	-0. 924	-0.884	1. 00	0.00 C
	ATOM	1137	0	LEU A	80151.354	-0.818	-0. 407	1. 00	0.000
	ATOM	1138	CB	LEU A	80152. 808	-3. 404	-0. 928	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1139	CG	LEU A	80152. 489	-3. 494	-2. 422	1. 00	0.00 C
	ATOM	1140	CD1	LEU A	80153. 744	-3.825	-3. 216	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1141	CD2	LEU A	80151. 407	-4. 534	-2.673	1. 00	0.00 C
	ATOM	1142	H	LEU A	80152. 839	-2. 167	1. 566	1. 00	0.00 H
	ATOM	1143	HA	LEU A	80154. 362	-1. 934	-0. 947	1. 00	0.00 H
	ATOM	1144	1HB	LEU A	80153. 508	-4. 189	-0. 682	1. 00	0.00 H
	ATOM	1145	2HB	LEU A	80151. 894	-3.573	-0. 378	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1146	HG	LEU A	80152. 122	-2.537	-2. 764	1. 00	0.00 H
	ATOM	1147	7 1HD1	LEU A	80153. 968	-4. 877	-3. 113	1. 00	0.00 H
	ATOM	1148	3 2HD1	LEU A	80154. 572	-3. 243	-2.839	1. 00	0.00 H
	ATOM	1149	3 HD 1	LEU A	80153. 582	-3. 590	-4. 257	1. 00	0.00 H
	ATOM	1150	0 1HD2	LEU A	80150. 440	-4. 054	-2. 672	1. 00	0.00 H
20	ATOM	115	1 2HD2	LEU A	80151. 440	-5. 282	-1. 895	1. 00	0.00 H
	ATOM	115	2 3HD2	LEU A	80151. 575	-5. 003	-3. 631	1. 00	0.00 H
	ATOM	115	3 N	PHE A	81152. 977	-0. 065	-1. 770	1. 00	0.00 N
	ATOM	115	4 CA	PHE A	81152. 201	1. 074	-2. 245	1. 00	0. 00 C
	ATOM	115	5 C	PHE A	81151. 396	0. 705	-3. 487	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	115	6 0	PHE A	81151.813	-0. 141	-4. 280	1. 00	0.000
	ATOM	115	7 CB	PHE A	81153. 123	2. 254	-2.554	1. 00	0.00 C
	ATOM	115	8 CG	PHE I	A 81153. 759	2. 855	-1. 332	1. 00	0. 00 C
	ATOM	115	9 CD	1 PHE	A 81153. 219	3. 986	-0.740	1. 00	0.00 C
	ATOM	116	60 CD	2 PHE	A 81154.894	2. 288	3 -0.775	1.00	0.00 C

				,			291			
	MOTA	1161	CE1	PHE .	A	81153. 801	4. 540	0. 385	1. 00	0.00 C
	ATOM	1162	CE2	PHE .	A	81155. 479	2. 838	0. 349	1. 00	0.00 C
	ATOM	1163	CZ	PHE	A	81154. 932	3. 966	0. 930	1. 00	0.00 C
	ATOM	1164	H	PHE	A	81153. 885	-0. 201	-2. 114	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1165	HA	PHE	A	81151. 517	1. 359	-1. 460	1. 00	0.00 H
	ATOM	1166	1HB	PHE	A	81153. 914	1. 922	-3. 209	1. 00	0.00 H
	ATOM	1167	2HB	PHE	A	81152. 554	3. 027	-3. 048	1. 00	0.00 H
	ATOM	1168	HD1	PHE	A	81152. 335	4. 436	-1. 166	1. 00	0.00 H
	ATOM	1169	HD2	PHE	A	81155. 323	1. 406	-1. 228	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1170	HE1	PHE	A	81153. 371	5. 423	0. 835	1. 00	0.00 H
	ATOM	1171	HE2	PHE	A	81156. 364	2. 387	0.773	1. 00	0.00 H
	ATOM	1172	HZ	PHE	A	81155. 389	4. 398	1. 808	1. 00	0.00 H
	ATOM	1173	N	VAL	A	82150. 242	1. 343	-3.650	1. 00	0.00 N
	ATOM	1174	CA	VAL	A	82149. 380	1. 081	-4. 796	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1175	C	VAL	A	82148. 465	2. 268	-5. 077	1. 00	0.00 C
	ATOM	1176	0	VAL	A	82148. 334	3. 174	-4. 253	1. 00	0.000
	MOTA	1177	CB	VAL	A	82148. 517	-0. 175	-4. 574	1. 00	0.00 C
	ATOM	1178	CG1	VAL	A	82149. 388	-1. 419	-4. 519	1. 00	0.00 C
	ATOM	1179	CG2	VAL	A	82147. 691	-0. 038	-3. 304	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1180	H	VAL	A	82149. 965	2. 006	-2. 984	1. 00	0.00 H
	ATOM	1181	HA	VAL	A	82150. 010	0. 912	-5. 656	1. 00	0.00 H
	ATOM	1182	HB	VAL	A	82147. 839	-0. 273	-5. 409	1. 00	0.00 H
	ATOM	1183	1HG1	l VAL	A	82150. 172	-1. 344	-5. 260	1. 00	0.00 H
	ATOM	1184	2HG	I VAL	A	82148. 784	-2. 291	-4. 723	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1185	3HG	l VAL	A	82149. 829	-1. 508	-3. 538	1. 00	0.00 H
	ATOM	1186	1HG	2 VAL	A	82146. 737	-0. 526	-3. 441	1. 00	0.00 H
	ATOM	1187	2HG	2 VAL	. A	82147. 531	1. 009	-3. 090	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1188	3 HG	2 VAL	, A	82148. 217	-0. 497	-2. 480	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1189	N	LYS	S A	83147. 834	2. 257	-6. 247	1. 00	0. 00 N

						292			
	ATOM	1190	CA	LYS A	83146. 931	3. 333	-6. 639	1. 00	0.00 C
	ATOM	1191	C	LYS A	83145. 672	3. 327	-5. 778	1. 00	0.00 C
	ATOM	1192	0	LYS A	83144. 950	2. 332	-5. 724	1. 00	0.000
	ATOM	1193	CB	LYS A	83146. 554	3. 198	-8. 116	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1194	CG	LYS A	83147. 716	3. 442	-9.064	1. 00	0.00 C
	ATOM	1195	CD	LYS A	83147. 351	3. 082	-10. 495	1. 00	0.00 C
	ATOM	1196	CE	LYS A	83147. 951	4.066	-11. 487	1. 00	0.00 C
	ATOM	1197	NZ	LYS A	83148. 395	3. 393	-12. 739	1. 00	0.00 N
	ATOM	1198	H	LYS A	83147. 979	1. 508	-6.862	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1199	HA	LYS A	83147. 446	4. 270	-6. 492	1. 00	0.00 H
	ATOM	1200	1HB	LYS A	83146. 178	2. 201	-8. 289	1. 00	0.00 H
	ATOM	1201	2HB	LYS A	83145. 776	3. 912	-8. 343	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1202	1HG	LYS A	83147. 988	4. 486	-9.024	1. 00	0.00 H
	ATOM	1203	2HG	LYS A	83148. 555	2. 837	-8. 753	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1204	1HD	LYS A	83147. 725	2. 094	-10. 715	1. 00	0.00 H
	ATOM	1205	2HD	LYS A	83146. 276	3. 093	-10. 596	1. 00	0.00 H
	ATOM	1206	1HE	LYS A	83147. 206	4. 809	-11. 733	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1207	2HE	LYS A	83148. 800	4. 549	-11. 027	1. 00	0.00 H
	ATOM	1208	1HZ	LYS A	83148. 832	2. 476	-12. 515	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1209	2HZ	LYS A	83149. 090	3. 984	-13. 235	1. 00	0.00 H
	ATOM	1210	3HZ	LYS A	83147. 580	3. 233	-13. 366	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1211	N	LEU A	84145. 417	4. 445	-5. 109	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1212	CA	LEU A	84144. 246	4. 573	-4. 250	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1213	C	LEU A	84142. 961			1. 00	0. 00 C
25	ATOM	1214	0	LEU A	84141. 971			1. 00	0.000
	ATOM	1215	CB	LEU A	84144. 237			1. 00	0. 00 C
	ATOM	1216		LEU A				1. 00	0. 00 C
	ATOM	1217		I LEU A				1. 00	0. 00 C
	ATOM	1218	CD2	2 LEU A	84142. 846	7. 745	-2. 522	1. 00	0. 00 C

				•			293			
	ATOM	1219	H	LEU	A	84146. 031	5. 204	-5. 195	1. 00	0.00 H
	ATOM	1220	HA	LEU	A	84144. 305	3. 805	-3. 493	1. 00	0.00 H
	ATOM	1221	1HB	LEU	A	84145. 105	6.008	-2. 929	1. 00	0.00 H
	ATOM	1222	2HB	LEU	A	84144. 320	6. 701	-4. 335	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1223	HG	LEU	A	84142. 120	5. 890	-3. 253	1. 00	0.00 H
	ATOM	1224	1HD1	LEU	A	84143. 969	5. 817	-0.874	1. 00	0.00 H
	ATOM	1225	2HD1	LEU	A	84143. 079	4. 458	-1. 559	1. 00	0.00 H
	ATOM	1226	3HD1	LEU	A	84142. 208	5. 788	-0. 795	1. 00	0.00 H
	ATOM	1227	1HD2	LEU	A	84143. 594	8. 088	-1. 824	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1228	2HD2	LEU	A	84141. 862	7. 959	-2. 130	1. 00	0.00 H
	ATOM	1229	3HD2	LEU	A	84142. 974	8. 254	-3. 466	1. 00	0.00 H
	ATOM	1230	N	LYS	A	85142. 985	4. 799	-6. 310	1. 00	0.00 N
	ATOM	1231	CA	LYS	A	85141. 821	4. 669	-7. 179	1. 00	0.00 C
	ATOM	1232	C	LYS	A	85141. 476	3. 201	-7. 415	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1233	0	LYS	A	85140. 323	2. 860	-7. 676	1. 00	0.000
	ATOM	1234	CB	LYS	A	85142. 078	5. 366	-8. 517	1. 00	0.00 C
	ATOM	1235	CG	LYS	A	85143. 400	4. 979	-9. 161	1. 00	0.00 C
	ATOM	1236	CD	LYS	A	85144. 399	6. 124	-9. 118	1. 00	0.00 C
	ATOM	1237	CE	LYS	A	85144. 251	7. 037	-10. 325	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1238	NZ	LYS	A	85144. 698	8. 426	-10.028	1. 00	0.00 N
	ATOM	1239	H	LYS	A	85143. 802	5. 205	-6. 663	1. 00	0.00 H
	ATOM	1240	HA	LYS	A	85140. 987	5. 149	-6. 689	1. 00	0.00 H
	ATOM	1241	1HB	LYS	A	85141. 281	5. 111	-9. 201	1. 00	0.00 H
	ATOM	1242	2HB	LYS	A	85142. 077	6. 434	-8. 360	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1243	1HG	LYS	A	85143. 814	4. 134	-8. 631	1. 00	0.00 H
	ATOM	1244	2HG	LYS	A	85143. 222	4. 706	-10. 191	1. 00	0.00 H
	ATOM	1245	1HD	LYS	A	85144. 235	6. 700	-8. 221	1. 00	0.00 H
	ATOM	1246	2HD	LYS	A	85145. 399	5. 715	-9. 109	1. 00	0.00 H
	ATOM	1247	1HE	LYS	A	85144. 847	6. 643	-11. 134	1. 00	0.00 H

							294			
	ATOM	1248	2HE	LYS	A	85143. 212	7. 057	-10. 619	1. 00	0.00 H
	ATOM	1249	1HZ	LYS	A	85144. 700	8. 995	-10. 899	1. 00	0.00 H
	ATOM	1250	2HZ	LYS	A	85145.659	8. 416	-9. 632	1. 00	0.00 H
	ATOM	1251	3HZ	LYS	A	85144. 056	8.868	-9. 338	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1252	N	SER	A	86142. 483	2. 338	-7. 322	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1253	CA	SER	A	86142. 283	0. 908	-7. 525	1. 00	0.00 C
	ATOM	1254	C	SER	A	86142. 180	0. 177	-6. 191	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1255	0	SER	A	86142. 582	-0. 981	-6.073	1. 00	0.000
	ATOM	1256	CB	SER	A	86143. 430	0. 324	-8. 352	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	1257	0G	SER	A	86143. 578	1. 016	-9. 581	1. 00	0.000
	ATOM	1258	H	SER	A	86143. 380	2. 669	-7. 111	1. 00	0.00 H
	ATOM	1259	HA	SER	A	86141. 358	0. 777	-8.067	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1260	1HB	SER	A	86144. 351	0. 407	-7. 794	1. 00	0.00 H
	ATOM	1261	2HB	SER	A	86143. 228	-0. 716	-8. 561	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1262	HG	SER	A	86142.715	1. 148	-9. 979	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1263	N	CYS	A	87141. 639	0.860	-5. 188	1. 00	0.00 N
	ATOM	1264	CA	CYS	A	87141. 482	0. 275	-3.861	1. 00	0.00 C
	ATOM	1265	C	CYS	A	87140. 008	0. 152	-3. 491	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1266	0	CYS	A	87139. 153	0. 819	-4. 073	1. 00	0.000
20	ATOM	1267	CB	CYS	A	87142. 211	1. 124	-2. 818	1. 00	0.00 C
	ATOM	1268	SG	CYS	A	87143. 995	0. 839	-2. 751	1. 00	0.00 S
	ATOM	1269	H	CYS	A	87141. 337	1. 779	-5. 343	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1270	HA	CYS	A	87141. 920	-0. 712	-3. 878	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1271	1HB	CYS	A	87142. 055	2. 168	-3. 041	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	1272	2HB	CYS	A	87141. 806	0. 906	-1. 840	1. 00	0.00 H
	ATOM	1273	HG	CYS	A	87144. 366	1. 082	-3. 603	1. 00	0.00 H
	ATOM	1274	N	ARG	A	88139. 715	-0. 707	-2. 519	1. 00	0.00 N
	ATOM	1275	CA	ARG	A	88138. 344	-0. 918	-2. 072	1. 00	0.00 C
	MOTA	1276	C	ARG	A	88138. 274	-0. 998	-0. 547	1. 00	0.00 C

	ATOM	1277	0	ARG A	88139.	152	-1. 577	0.091	1. 00	0.000
	ATOM	1278	CB	ARG A	88137.	777	-2. 198	-2. 689	1. 00	0.00 C
	ATOM	1279	CG	ARG A	88136.	918	-1. 952	-3. 918	1. 00	0.00 C
	ATOM	1280	CD	ARG A	88135	437	-1. 957	-3. 574	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1281	NE	ARG A	88134	598	-2. 033	-4. 768	1. 00	0.00 N
	ATOM	1282	CZ	ARG A	88133	. 279	-2. 220	-4. 736	1. 00	0.00 C
	ATOM	1283	NH 1	ARG A	88132	. 649	-2. 351	-3. 576	1. 00	0.00 N
	ATOM	1284	NH2	ARG A	88132	. 592	-2. 276	-5. 868	1. 00	0.00 N
	ATOM	1285	H	ARG A	88140	. 440	-1. 210	-2. 093	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1286	HA	ARG A	88137	. 756	-0.077	-2. 406	1. 00	0.00 H
	ATOM	1287	1HB	ARG A	88138	. 597	-2. 841	-2. 972	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1288	2HB	ARG A	88137	. 173	-2. 705	-1. 950	1. 00	0.00 H
	ATOM	1289	1HG	ARG A	88137	. 176	-0. 992	-4. 340	1. 00	0.00 H
	ATOM	1290	2HG	ARG A	88137	. 113	-2. 730	-4. 642	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1291	1HD	ARG A	88135	. 230	-2. 810	-2. 946	1. 00	0.00 H
	ATOM	1292	2HD	ARG A	88135	5. 203	-1. 050	-3. 037	1. 00	0.00 H
	ATOM	1293	HE	ARG A	88135	. 038	-1. 938	-5. 638	1. 00	0.00 H
	ATOM	1294	1HH1	ARG A	88133	3. 161	-2. 310	-2. 719	1. 00	0.00 H
	ATOM	1295	2HH 1	ARG A	8813	1. 658	-2. 491	-3. 559	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1296	1HH2	ARG A	88133	3.062	-2. 176	-6. 745	1.00	0.00 H
	ATOM	1297	2HH2	ARG A	8813	1.601	-2. 416	-5. 845	1.00	0.00 H
	ATOM	1298	N	PRO A	8913	7. 224	-0. 415	0.060	1. 00	0.00 N
	ATOM	1299	CA	PRO A	8913	7. 049	-0. 428	1. 516	1.00	0. 00 C
	ATOM	1300	C	PRO A	8913	7. 081	-1. 842	2. 089	1.00	0.00 C
25	ATOM	1301	0	PRO A	8913	6. 463	-2.756	1. 549	1.00	0.000
	ATOM	1302	CB	PRO A	A 8913	5. 666	0. 197	1. 720	1. 00	0.00 C
	ATOM	1303	CG	PRO A	A 8913	5. 435	1. 020	0. 50	1.00	0.00 C
	ATOM	1304	CD	PRO A	A 8913	6. 128	0. 299	-0.62	1 1.00	0.00 C
	ATOM	1305	HA	PRO .	A 8913	7. 797	0. 175	2. 00	9 1.00	0.00 H

							296			
	ATOM	1306	1HB	PRO .	A	89134. 926	-0. 584	1. 817	1. 00	0.00 H
	ATOM	1307	2HB	PRO.	A	89135. 672	0.807	2. 612	1. 00	0.00 H
	ATOM	1308	1HG	PRO.	A	89134. 376	1. 093	0. 303	1. 00	0.00 H
	ATOM	1309	2HG	PRO	A	89135. 862	2. 003	0.634	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1310	1HD	PR0	A	89135. 452	-0. 396	-1. 098	1. 00	0.00 H
	ATOM	1311	2HD	PRO	A	89136. 516	1. 005	-1. 340	1. 00	0.00 H
	ATOM	1312	N	ASP	A	90137. 806	-2. 014	3. 189	1. 00	0.00 N
	ATOM	1313	CA	ASP	A	90137. 917	-3. 316	3. 835	1. 00	0.00 C
	ATOM	1314	C	ASP	A	90136. 972	-3. 412	5. 029	1. 00	0.00 Ç
10	ATOM	1315	0	ASP	A	90137. 077	-2. 637	5. 980	1. 00	0.000
	ATOM	1316	CB	ASP	A	90139. 356	-3. 565	4. 287	1. 00	0.00 C
	ATOM	1317	CG	ASP	A	90139. 717	-5. 038	4. 282	1. 00	0.00 C
	ATOM	1318	0D1	ASP	A	90140. 547	-5. 448	5. 120	1. 00	0.000
	ATOM	1319	OD2	ASP	A	90139. 169	-5. 780	3. 441	1. 00	0.000
15	ATOM	1320	H	ASP	A	90138. 276	-1. 246	3. 577	1. 00	0.00 H
	ATOM	1321	HA	ASP	A	90137. 640	-4. 068	3. 111	1. 00	0.00 H
	ATOM	1322	1HB	ASP	A	90140. 030	-3. 047	3.622	1. 00	0.00 H
	ATOM	1323	2HB	ASP	A	90139. 482	-3. 185	5. 290	1. 00	0.00 H
	ATOM	1324	N	SER	A	91136. 050	-4. 367	4. 972	1. 00	0.00 N
20	ATOM	1325	CA	SER	A	91135. 087	-4. 563	6.049	1. 00	0.00 C
	ATOM	1326	C	SER	A	91135. 527	-5. 694	6. 974	1. 00	0.00 C
	ATOM	1327	0	SER	A	91134. 698	-6. 422	7. 519	1. 00	0.000
	ATOM	1328	CB	SER	A	91133. 703	-4. 870	5. 475	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1329	0G	SER	A	91132. 679	-4. 405	6. 337	1. 00	0.000
25	MOTA	1330	H	SER	A	91136. 017	-4. 954	4. 188	1. 00	0.00 H
	MOTA	1331	HA	SER	A	91135. 037	-3. 649	6. 618	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1332	1HB	SER	A	91133. 597	-4. 383	4. 517	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1333	2HB	SER	A	91133. 595	-5. 937	5. 350	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1334	HG	SER	A	91131. 982	-5.063	6. 390	1. 00	0. 00 H

	WO 2004/016781				297	PCT/JP2003/010288		
	ATOM	1335	N	ARG A	92136. 837 -5. 835	7. 146 1. 00	0. 00 N	
	ATOM	1336	CA	ARG A	92137. 387 -6. 876	8. 006 1. 00	0.00 C	
	ATOM	1337	C	ARG A	92137. 020 -6. 628	9. 465 1. 00	0.00 C	
	ATOM	1338	0	ARG A	92136. 878 -7. 568	10. 247 1. 00	0.000	
5	ATOM	1339	СВ	ARG A	92138. 909 -6. 940	7. 854 1. 00	0. 00 C	
•	ATOM	1340	CG	ARG A	92139. 365 -7. 676	6. 605 1. 00	0. 00 C	
	ATOM	1341	CD	ARG A	92139. 163 -9. 177	6. 737 1. 00	0. 00 C	
	ATOM	1342	NE	ARG A	92137. 960 -9. 631	6. 042 1. 00	0.00 N	
	ATOM	1343	CZ	ARG A	92137. 717 -10. 903	5. 736 1. 00	0. 00 C	
10	ATOM	1344	NH 1	ARG A	92138. 590 -11. 850	6. 059 1. 00	0.00 N	
	ATOM	1345	NH2	$ARG\cdotA$	92136. 599 -11. 230	5. 103 1. 00	0.00 N	
	ATOM	1346	H	ARG A	92137. 449 -5. 222	6.686 1.00	0.00 H	
	ATOM	1347	HA	ARG A	92136. 964 -7. 819	7. 695 1. 00	0.00 H	
	ATOM	1348	1HB	ARG A	92139. 298 -5. 934	7. 815 1. 00	0.00 H	
15	ATOM	1349	2HB	ARG A	92139. 324 -7. 444	8. 715 1. 00	0.00 H	
	ATOM	1350	1HG	ARG A	92138. 794 -7. 320	5. 761 1. 00	0.00 H	
	ATOM	1351	2HG	ARG A	92140. 414 -7. 475	6. 444 1. 00	0.00 H	
	ATOM	1352	1HD	ARG A	92140. 021 -9. 681	6. 317 1. 00	0.00 H	
	ATOM	1353	2HD	ARG A	92139.078 -9.426	7. 785 1. 00	0.00 H	
20	ATOM	1354	HE	ARG A	92137. 299 -8. 953	5. 792 1. 00	0.00 H	
	ATOM	1355	1HH1	ARG A	92139. 436 -11. 610	6. 536 1. 00	0.00 H	
	ATOM	1356	2HH1	ARG A	92138. 402 -12. 804	5. 826 1. 00	0.00 H	
	ATOM	1357	1HH2	ARG A	92135. 937 -10. 522	4. 858 1. 00	0.00 H	
	ATOM	1358	2HH2	ARG A	92136. 416 -12. 187	4. 873 1. 00	0.00 H	
25	ATOM	1359	N	PHE A	93136. 868 -5. 358	9. 825 1. 00	0.00 N	
	ATOM	1360	CA	PHE A	93136. 517 -4. 988	11. 192 1. 00	0.00 C	
	ATOM	1361	C	PHE A	93135. 373 -3. 979	11. 206 1. 00	0.00 C	
	ATOM	1362	0	PHE A	93135. 331 -3. 085	12. 051 1. 00	0.000	

1363 CB PHE A 93137.733 -4.406 11.914 1.00 0.00 C

ATOM

	ATOM	1364	CG	PHE A	93138. 849	-5. 395	12. 101	1. 00	0.00 C
	ATOM	1365	CD1	PHE A	93139. 524	-5. 913	11. 008	1. 00	0.00 C
	ATOM	1366	CD2	PHE A	93139. 223	-5. 804	13. 372	1. 00	0.00 C
	ATOM	1367	CE1	PHE A	93140. 552	-6. 822	11. 178	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1368	CE2	PHE A	93140. 248	-6. 713	13. 547	1. 00	0.00 C
	ATOM	1369	CZ	PHE A	93140. 913	-7. 223	12. 449	1. 00	0.00 C
	ATOM	1370	H	PHE A	93136. 994	-4.652	9. 157	1. 00	0.00 H
	ATOM	1371	HA	PHE A	93136. 199	-5. 882	11. 705	1. 00	0.00 H
	ATOM	1372	1HB	PHE A	93138. 119	-3. 576	11. 342	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1373	2HB	PHE A	93137. 431	-4. 056	12. 889	1. 00	0.00 H
	ATOM	1374	HD1	PHE A	93139. 242	-5. 600	10. 014	1. 00	0.00 H
	ATOM	1375	HD2	PHE A	93138. 702	-5. 407	14. 231	1. 00	0.00 H
	ATOM	1376	HE1	PHE A	93141. 070	-7. 219	10. 317	1. 00	0.00 H
	ATOM	1377	HE2	PHE A	93140. 529	-7. 025	14. 542	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1378	HZ	PHE A	93141.716	-7. 934	12. 584	1. 00	0.00 H
	ATOM	1379	N	ALA A	94134. 446	-4. 128	10. 266	1. 00	0.00 N
	ATOM	1380	CA	ALA A	94133. 302	-3. 230	10. 171	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1381	C	ALA A	94132. 101	-3. 789	10. 924	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1382	0	ALA A	94131. 718	-4. 944	10. 733	1. 00	0.000
20	ATOM	1383	CB	ALA A	94132. 944	-2. 982	8. 713	1. 00	0. 00 C
•	ATOM	1384	H	ALA A	94134. 534	-4. 860	9.620	1. 00	0.00 H
	ATOM	1385	HA	ALA A	94133. 583	-2. 285	10. 613	1. 00	0.00 H
	ATOM	1386	1HB	ALA A	94132. 185	-3. 686	8. 404	1. 00	0.00 H
	ATOM	1387	2HB	ALA A	94133. 824	-3. 111	8. 100	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1388	3HB	ALA A	94132. 570	-1. 976	8. 600	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1389	N	SER A	95131. 509	-2. 964	11. 783	1. 00	0.00 N
	ATOM	1390	CA	SER A	95130. 351	-3. 376	12. 566	1. 00	0.00 C
	ATOM	1391	C	SER A	95129. 056	-3. 097	11. 811	1. 00	0.00 C
	ATOM	1392	0	SER A	95128. 835	-1. 988	11. 325	1. 00	0.000

ATOM

ATOM

ATOM

1419

1420

1421

N

CA

C

GLN A

GLN A

GLN A

97124. 818

97123.829

97122. 418

11.919

12.312

11. 952

1.00

1.00

1.00

-4.770

-5.767

-5. 307

0.00 N

0.00 C

0.00 C

	WO 2004/016781					PC1/3F2003/010			
	ATOM	1422	0	GLN A	97121. 781	300 -4. 580	12. 715	1. 00	0.000
	ATOM	1423	СВ	GLN A	97123. 920	-6. 040	13. 814	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1424	CG	GLN A	97124. 007	-4. 778	14. 657	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1425	CD.	GLN A	97123. 601	-5. 011	16. 100	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	1426	0E1	GLN A	97122. 523	-4. 598	16. 527	1. 00	0.000
	ATOM	1427	NE2	GLN A	97124. 464	-5. 675	16. 858	1. 00	0.00 N
	ATOM	1428	H	GLN A	97124. 618	-3. 821	12. 052	1. 00	0.00 H
	ATOM	1429	HA	GLN A	97124. 047	-6. 679	11. 777	1. 00	0.00 H
	ATOM	1430	1HB	GLN A	97123. 045	-6. 593	14. 122	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1431	2HB	GLN A	97124. 798	-6. 637	14. 007	1. 00	0.00 H
	ATOM	1432	1HG	GLN A	97125. 024	-4. 418	14. 640	1. 00	0.00 H
	ATOM	1433	2HG	GLN A	97123. 354	-4. 030	14. 231	1. 00	0.00 H
	ATOM	1434	1HE2	GLN A	97125. 305	-5.974	16. 450	1. 00	0.00 H
	ATOM	1435	2HE2	GLN A	97124. 228	-5.840	17. 794	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	1436	N	PRO A	98121. 906	-5. 725	10. 780	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1437	CA	PRO A	98120. 563	-5. 349	10. 327	1. 00	0.00 C
	ATOM	1438	C	PRO A	98119. 501	-5. 591	11. 395	1. 00	0.00 C
	ATOM	1439	0	PRO A	98118. 481	-4. 905	11. 436	1. 00	0.000
	ATOM	1440	CB	PRO A	98120. 328	-6. 262	9. 121	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1441	CG	PRO A	98121. 691	-6. 560	8. 604	1. 00	0.00 C
	ATOM	1442	CD	PRO A	98122. 594	-6. 595	9. 805	1. 00	0.00 C
	ATOM	1443	HA	PRO A	98120. 526	-4. 315	10. 012	1. 00	0.00 H
	ATOM	1444	1HB	PRO A	98119. 819	-7. 160	9. 441	. 1.00	0.00 H
	ATOM	1445	2HB	PRO A	98119. 730	-5. 745	8. 386	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1446	1HG	PRO A	98121. 692	-7. 519	8. 105	1. 00	0.00 H
	ATOM	1447	2HG	PRO A	98122. 004	-5. 782	7. 922	1. 00	0.00 H
	ATOM	1448	1HD	PRO A	98122. 681	-7. 602	10. 184	1. 00	0.00 H
	ATOM	1449	2HD	PRO A	98123. 568	-6. 199	9. 557	1. 00	0.00 H
	ATOM	1450	N	SER A	99119. 751	-6. 571	12. 257	1. 00	0.00 N

			_			301			
	ATOM	1451	CA	SER A	99118. 818	-6. 903	13. 328	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1452	C	SER A	99119. 407	-6. 553	14. 690	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1453	0	SER A	99120. 557	-6. 884	14. 983	1. 00	0.000
	ATOM	1454	CB	SER A	99118. 462	-8. 390	13. 279	1. 00	0. 00 C
, 5	ATOM	1455	0G	SER A	99118. 677	-8. 924	11. 984	1. 00	0.000
	ATOM	1456	H	SER A	99120. 583	-7. 081	12. 174	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1457	HA	SER A	99117. 920	-6. 322	13. 178	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1458	1HB	SER A	99119. 079	-8. 929	13. 983	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1459	2HB	SER A	99117. 422	-8. 518	13. 540	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1460	HG	SER A	99119. 277	-9. 671	12. 041	1. 00	0.00 H
	ATOM	1461	N	GLY A	100118. 614	-5. 885	15. 520	1. 00	0.00 N
	ATOM	1462	CA	GLY A	100119.076	-5. 501	16. 842	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1463	C	GLY A	100118. 068	-5. 831	17. 927	1. 00	0.00 C
	ATOM	1464	0	GLY A	100116. 862	-5. 824	17. 680	1. 00	0.000
15	ATOM	1465	H	GLY A	100117. 707	-5. 647	15. 233	1. 00	0.00 H
	ATOM	1466	1HA	GLY A	100119. 999	-6.020	17. 052	1. 00	0.00 H
	MOTA	1467	2HA	GLY A	100119. 262	-4. 437	16.850	1. 00	0.00 H
	ATOM	1468	N	PRO A	101118. 536	-6. 127	19. 153	1. 00	0.00 N
	ATOM	1469	CA	PRO A	101117. 654	-6. 460	20. 276	1. 00	0.00 C
20 -	ATOM	1470	C	PRO A	101116. 891	-5. 245	20. 792	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1471	0	PRO A	101117. 052	-4. 840	21. 944	1. 00	0.000
	ATOM	1472	CB		101118. 620		21. 341	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1473	CG		101119. 916		21. 034		0. 00 C
	ATOM	1474	. CD		101119.960		19. 538		0. 00 C
25	ATOM	1475			101116. 954		20. 010		0. 00 H
	ATOM		1HB		101118. 258		22. 322		0.00 H
	ATOM		2HB		101118.705				0.00 H
	ATOM		3 1HG		101119. 950				0.00 H
	ATOM	1479	2HG	PRO	A 101120. 736	-6. 926	21. 373	1. 00	0.00 H

							302			
	ATOM	1480	1HD	PRO	A	101120. 453	-5. 238	19. 267	1. 00	0.00 H
	ATOM	1481	2HD	PRO	A	101120. 461	-7. 003	19. 088	1. 00	0.00 H
	MOTA	1482	N	SER	A	102116.057	-4. 667	19. 933	1. 00	0.00 N
	ATOM	1483	CA	SER	A	102115. 268	-3. 498	20. 303	1. 00	0.00 C
. 5	ATOM	1484	C	SER	A	102113. 913	-3. 913	20. 867	1. 00	0.00 C
	ATOM	1485	0	SER	A	102113. 606	-3. 648	22. 030	1. 00	0.000
	ATOM	1486	CB	SER	A	102115. 071	-2. 585	19. 091	1. 00	0.00 C
	ATOM	1487	OG	SER	A	102114. 531	-1. 334	19. 478	1. 00	0.000
	ATOM	1488	H	SER	A	102115. 971	-5. 036	19. 029	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1489	HA	SER	A	102115. 812	-2.959	21.064	1. 00	0.00 H
	ATOM	1490	1HB	SER	A	102116. 024	-2. 418	18.611	1. 00	0.00 H
	ATOM	1491	2HB	SER	A	102114. 394	-3. 057	18. 394	1. 00	0.00 H
	ATOM	1492	HG	SER	A	102115. 179	-0.642	19. 319	1. 00	0.00 H
	ATOM	1493	N	SER	A	103113. 105	-4. 563	20. 036	1. 00	0.00 N
15	ATOM	1494	CA	SER	A	103111. 783	-5. 015	20. 452	1. 00	0.00 C
	ATOM	1495	С	SER	.A	103111. 266	-6. 112	19. 527	1. 00	0.00 C
	ATOM	1496	0	SER	A	103111. 769	-6. 290	18. 418	1. 00	0.000
	ATOM	1497	CB	SER	A	103110. 802	-3. 840	20. 466	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1498	0G	SER	A	103111. 343	-2. 733	21. 164	1. 00	0.000
20	ATOM	1499	H	SER	A	103113. 407	-4. 745	19. 121	1. 00	0.00 H
	ATOM	1500	HA	SER	A	103111. 868	-5. 413	21. 452	1. 00	0.00 H
	ATOM	1501	1HB	SER	A	103110. 587	-3. 541	19. 452	1. 00	0.00 H
	ATOM	1502	2HB	SER	A	103109. 887	-4. 146	20. 952	1. 00	0.00 H
	ATOM	1503	HG	SER	A	103111.681	-3. 022	22. 014	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1504	N	GLY	A	104110. 261	-6. 846	19. 992	1. 00	0.00 N
	ATOM	1505	CA	GLY	A	104109. 694	-7. 916	19. 194	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1506	S C	GLY	A	104108. 344	-8. 374	19. 712	1. 00	0.00 C
	ATOM	1507	0	GLY	A	104108. 159	-9. 597	19. 890	1. 00	0.000
	ATOM	1508	3 OXI	GLY	A	104107. 472	-7. 510	19. 941	1. 00	0.000



GLY A 104109. 901 -6.658 20. 885 1.00 0.00 H ATOM 1509 H 1510 1HA GLY A 104109. 578 -7. 571 18. 178 1.00 0.00 H ATOM 0.00 H 19. 203 1.00 1511 2HA GLY A 104110. 373 -8.756ATOM 1512 GLY A 104 TER

5 ENDMDL

立体構造座標表6

	ATOM 1	N	GLY A	1112. 318	9. 750	-2. 270	1. 00	0.00 N
	ATOM 2	CA	GLY A	1111. 240	9. 201	-3. 139	1. 00	0.00 C
10	ATOM 3	C	GLY A	1110. 691	7. 886	-2.623	1. 00	0.00 C
	ATOM 4	0	GLY A	1109. 480	7. 663	-2. 635	1. 00	0.000
	ATOM 5	1H	GLY A	1113. 178	9. 172	-2. 358	1. 00	0.00 H
	ATOM 6	2H	GLY A	1112. 012	9. 746	-1. 276	1. 00	0.00 H
	ATOM 7	3H	GLY A	1112. 539	10. 727	-2. 549	1.00	0.00 H
15	ATOM 8	1HA	GLY A	1110. 435	9. 918	-3. 192	1. 00	0.00 H
	ATOM 9	2HA	GLY A	1111. 637	9.047	-4. 132	1. 00	0.00 H
	ATOM10	N	SER A	2111. 584	7. 013	-2. 167	1. 00	0.00 N
	ATOM11	CA	SER A	2111. 182	5. 712	-1. 643	1. 00	0.00 C
	ATOM12	C	SER A	2112. 008	5. 342	-0. 415	1. 00	0.00 C
20	ATOM13	0	SER A	2111. 463	4. 944	0.615	1. 00	0.000
	ATOM14	CB	SER A	2111. 337	4. 636	-2.718	1. 00	0.00 C
	ATOM15	0G	SER A	2110. 409	4. 831	-3.772	1.00	0.000
	ATOM16	H	SER A	2112. 534	7. 249	-2. 182	1. 00	0.00 H
	ATOM17	HA	SER A	2110. 143	5. 776	-1. 357	1. 00	0.00 H
25	ATOM18	1HB	SER A	2112. 337	4. 677	-3. 125	1. 00	0.00 H
	ATOM19	2HB	SER A	2111. 166	3.664	-2. 280	. 1. 00	0.00 H
	ATOM20	HG	SER A	2109. 545	5. 031	-3. 405	1. 00	0.00 H
	ATOM21	N	SER A	3113. 325	5. 477	-0. 531	1. 00	0.00 N
	ATOM22	CA	SER A	3114. 226	5. 157	0. 571	1. 00	0.00 C

				304			
ATOM23	C	SER A	3114. 354	6. 336	1. 530	1. 00	0. 00 C
ATOM24	0	SER A	3114. 036	6. 223	2. 713	1. 00	0.000
ATOM25	CB	SER A	3115.604	4. 770	0. 033	1. 00	0.00 C
ATOM26	0G	SER A	3116. 188	5. 838	-0. 692	1. 00	0.000
ATOM27	H	SER A	3113. 700	5. 799	-1. 377	1. 00	0.00 H
ATOM28	HA	SER A	3113. 809	4. 316	1. 105	1. 00	0.00 H
ATOM29	1HB	SER A	3116. 252	4. 515	0.859	1. 00	0.00 H
ATOM30	2HB	SER A	3115. 506	3. 917	-0.623	1. 00	0.00 H
ATOM31	HG	SER A	3117. 117	5. 913	-0. 460	1. 00	0.00 H
ATOM32	N	GLY A	4114. 820	7. 466	1. 009	1. 00	0.00 N
ATOM33	CA	GLY A	4114. 983	8. 649	1. 833	1. 00	0.00 C
ATOM34	C	GLY A	4116. 174	8. 550	2. 765	1. 00	0.00 C
ATOM35	0	GLY A	4116.069	8. 004	3.863	1. 00	0.000
ATOM36	H	GLY A	4115. 058	7. 497	0.060	1. 00	0.00 H
ATOM37	1HA	GLY A	4115. 113	9. 507	1. 190	1. 00	0.00 H
ATOM38	2HA	GLY A	4114. 089	8. 787	2. 424	1. 00	0.00 H
ATOM39	N	SER A	5117. 312	9. 078	2. 326	1. 00	0.00 N
ATOM40	CA	SER A	5118. 529	9. 046	3. 127	1. 00	0.00 C
ATOM41	C	SER A	5119. 241	10. 395	3. 092	1. 00	0.00 C
ATOM42	0	SER A	5119. 252	11. 074	2. 066	1. 00	0.000
ATOM43	CB	SER A	5119. 468	7. 948	2. 623	1. 00	0.00 C
ATOM44	0G	SER A	5119. 748	8. 109	1. 244	1. 00	0.000
ATOM45	H	SER A	5117. 334	9. 500	1. 441	1. 00	0.00 H
ATOM46	HA	SER A	5118. 249	8. 827	4. 147	1. 00	0. 00 H
ATOM47	1HB	SER A	5120. 397	7. 991	3. 173	1. 00	0.00 H
ATOM48	2HB	SER A	5119. 006	6. 984	2. 774	1. 00	0.00 H
ATOM49	HG	SER A	5120. 660	7. 865	1. 070	1. 00	0.00 H
ATOM50	N	SER A	6119. 832	10. 776			0.00 N
ATOM51	CA	SER A	6120. 546	12. 044	4. 317	1. 00	0.00 C
	ATOM24 ATOM25 ATOM26 ATOM27 ATOM28 ATOM29 ATOM30 ATOM31 ATOM32 ATOM33 ATOM34 ATOM35 ATOM36 ATOM36 ATOM37 ATOM38 ATOM40 ATOM41 ATOM41 ATOM41 ATOM42 ATOM41 ATOM42 ATOM44 ATOM45 ATOM46 ATOM46 ATOM47 ATOM48 ATOM49 ATOM50	ATOM24 O ATOM25 CB ATOM26 OG ATOM27 H ATOM28 HA ATOM29 1HB ATOM30 2HB ATOM31 HG ATOM32 N ATOM34 C ATOM35 O ATOM35 O ATOM36 H ATOM37 1HA ATOM38 2HA ATOM39 N ATOM40 CA ATOM41 C ATOM41 C ATOM41 C ATOM42 O ATOM42 O ATOM43 CB ATOM44 OG ATOM45 H ATOM45 H ATOM46 HA ATOM47 1HB ATOM47 1HB ATOM48 2HB ATOM49 HG ATOM49 HG ATOM49 HG	ATOM24 O SER A ATOM25 CB SER A ATOM26 OG SER A ATOM27 H SER A ATOM28 HA SER A ATOM29 1HB SER A ATOM30 2HB SER A ATOM31 HG SER A ATOM32 N GLY A ATOM33 CA GLY A ATOM34 C GLY A ATOM35 O GLY A ATOM36 H GLY A ATOM37 1HA GLY A ATOM38 2HA GLY A ATOM39 N SER A ATOM40 CA SER A ATOM41 C SER A ATOM42 O SER A ATOM43 CB SER A ATOM44 OG SER A ATOM45 H SER A ATOM46 HA SER A ATOM47 1HB SER A<	ATOM24 O SER A 3114.036 ATOM25 CB SER A 3115.604 ATOM26 OG SER A 3116.188 ATOM27 H SER A 3113.700 ATOM28 HA SER A 3113.809 ATOM29 1HB SER A 3115.506 ATOM31 HG SER A 3117.117 ATOM32 N GLY A 4114.820 ATOM34 C GLY A 4114.983 ATOM35 O GLY A 4116.174 ATOM35 O GLY A 4116.069 ATOM36 H GLY A 4115.058 ATOM37 1HA GLY A 4115.058 ATOM39 N SER A 5117.312 ATOM40 CA SER A 5117.312 ATOM40 CA SER A 5119.252 ATOM41 C SER A 5119.252 ATOM44 OG SER A 5119.748 ATOM45 H SER A 5119.748 ATOM46 HA SER A 5117.334 ATOM46 HA SER A 5117.334 ATOM47 1HB SER A 5117.334 ATOM48 2HB SER A 5119.006 ATOM49 HG SER A 5120.397 ATOM49 HG SER A 5120.660 ATOM49 HG SER A 5120.660 ATOM49 HG SER A 5120.660	ATOM23 C SER A 3114.354 6.336 ATOM24 O SER A 3114.036 6.223 ATOM25 CB SER A 3115.604 4.770 ATOM26 OG SER A 3115.604 4.770 ATOM27 H SER A 3116.188 5.838 ATOM27 H SER A 3113.700 5.799 ATOM28 HA SER A 3113.809 4.316 ATOM29 1HB SER A 3115.506 3.917 ATOM30 2HB SER A 3117.117 5.913 ATOM31 HG SER A 3117.117 5.913 ATOM32 N GLY A 4114.820 7.466 ATOM33 CA GLY A 4114.983 8.649 ATOM34 C GLY A 4116.174 8.550 ATOM35 O GLY A 4115.058 7.497 ATOM36 H GLY A 4115.058 7.97 ATOM3	ATOM24 C SER A 3114.354 6.336 1.530 ATOM24 O SER A 3114.036 6.223 2.713 ATOM25 CB SER A 3115.604 4.770 0.033 ATOM26 OG SER A 3116.188 5.838 -0.692 ATOM27 H SER A 3113.700 5.799 -1.377 ATOM28 HA SER A 3113.809 4.316 1.105 ATOM30 2HB SER A 3115.506 3.917 -0.623 ATOM31 HG SER A 3117.117 5.913 -0.460 ATOM32 N GLY A 4114.820 7.466 1.009 ATOM33 CA GLY A 4116.174 8.550 2.765 ATOM35 O GLY A 4116.069 8.004 3.863 ATOM36 H GLY A 4115.058 7.497 0.060 ATOM38 2HA GLY A 4114.089 8.787 2.424	ATOM23 C SER A 3114.354 6.336 1.530 1.00 ATOM24 O SER A 3114.036 6.223 2.713 1.00 ATOM25 CB SER A 3115.604 4.770 0.033 1.00 ATOM26 OG SER A 3116.188 5.838 -0.692 1.00 ATOM27 H SER A 3113.700 5.799 -1.377 1.00 ATOM28 HA SER A 3113.809 4.316 1.105 1.00 ATOM29 1HB SER A 3115.506 3.917 -0.623 1.00 ATOM30 2HB SER A 3115.506 3.917 -0.623 1.00 ATOM31 HG SER A 3117.117 5.913 -0.460 1.00 ATOM32 N GLY A 4114.820 7.466 1.009 1.00 ATOM33 CA GLY A 4114.820 7.466 1.009 1.00 ATOM34 C GLY A 4116.174 8.550 2.765 1.00 ATOM35 O GLY A 4116.069 8.004 3.863 1.00 ATOM36 H GLY A 4115.058 7.497 0.060 1.00 ATOM37 1HA GLY A 4115.113 9.507 1.190 1.00 ATOM38 2HA GLY A 4114.089 8.787 2.424 1.00 ATOM39 N SER A 5117.312 9.078 2.326 1.00 ATOM40 CA SER A 5119.241 10.395 3.092 1.00 ATOM41 C SER A 5119.241 10.395 3.092 1.00 ATOM44 OG SER A 5119.241 10.395 3.092 1.00 ATOM45 H SER A 5119.468 7.948 2.623 1.00 ATOM46 HA SER A 5119.349 8.827 4.147 1.00 ATOM47 1HB SER A 5117.334 9.500 1.441 1.00 ATOM46 HA SER A 5119.488 7.948 2.623 1.00 ATOM47 1HB SER A 5119.066 6.984 2.774 1.00 ATOM49 HG SER A 5119.006 6.984 2.774 1.00

	ATOM52	C	SER A		6121. 965	11. 832	4. 834	1. 00	0.00 C
	ATOM53	0	SER A		6122. 531	12. 701	5. 498	1. 00	0.000
	ATOM54	CB	SER A	L	6119. 794	13. 006	5. 238	1. 00	0.00 C
	ATOM55	0G	SER A	L	6118. 457	13. 187	4. 805	1. 00	0.000
5	ATOM56	H	SER A	L	6119. 789	10. 190	5. 003	1. 00	0.00 H
	ATOM57	HA	SER A	1	6120. 597	12. 473	3. 327	1. 00	0.00 H
	ATOM58	1HB	SER A	1	6119. 782	12. 606	6. 240	1. 00	0.00 H
	ATOM59	2HB	SER A	I	6120. 292	13. 964	5. 238	1.00	0.00 H
	ATOM60	HG	SER A	A	6118. 443	13. 319	3.854	1. 00	0.00 H
10	ATOM61	N	GLY A	A	7122. 535	10.671	4. 527	1.00	0.00 N
	ATOM62	CA	GLY A	A	7123. 883	10. 367	4. 969	1.00	0.00 C
	ATOM63	C	GLY A	A	7124. 017	8. 950	5. 488	1.00	0.00 C
	ATOM64	0	GLY A	A	7123. 400	8. 587	6. 490	1.00	0.000
	ATOM65	H	GLY A	A	7122. 036	10. 016	3. 995	1.00	0.00 H
15	ATOM66	1HA	GLY A	A	7124. 561	10. 500	4. 139	1. 00	0.00 H
	ATOM67	2HA	GLY .	A	7124. 155	11. 054	5. 756	1. 00	0.00 H
	ATOM68	N	LEU	A	8124. 825	8. 144	4. 805	1. 00	0.00 N
	ATOM69	CA	LEU .	A	8125. 038	6. 758	5. 203	1. 00	0.00 C
	ATOM70	C	LEU	A	8126. 306	6.621	6. 038	1. 00	0.00 C
20	ATOM71	0	LEU	A	8126. 247	6. 510	7. 263	1. 00	0.000
	ATOM72	CB	LEU	A	8125. 123	5. 858	3. 969	1. 00	0.00 C
	ATOM73	CG	LEU	A	8123. 782	5. 319	3. 467	1. 00	0.00 C
	ATOM74	CD1	LEU	A	8123. 953	4. 629	2. 123	1. 00	0.00 C
	ATOM75	CD2	LEU	A	8123. 178	4. 364	4. 486	1. 00	0.00 C
25	ATOM76	H	LEU	A	8125. 289	8. 492	4. 014	1. 00	0.00 H
	ATOM77	HA	LEU	A	8124. 196	6. 453	5. 801	1. 00	0.00 H
	ATOM78	1HB	LEU	A	8125. 583	6. 421	3. 169	1. 00	0.00 H
	ATOM79	2HB	LEU	A	8125. 757	5. 017	4. 205	1. 00	0.00 H
	ATOM80	HG	LEU	A	8123. 097	6. 144	3. 333	1. 00	0.00 H

10

15

20

25

 ${\tt ATOM}$

ATOM

108 2HB

109 1HG

MET A

MET A

10131. 202

10129. 223

6.707

6.888

2. 551

1. 573

1. 00

0.00 H

1.00 0.00 H

WO 2004/	016781	· /									PCT	/ JP2 00	3/01
A TOMO 1	1 7770 4						30	6					
ATOM81		LEU		81	23. 170	3.	896	1.	992	1. 00	0. 00	ЭН	
ATOM82	2HD1	LEU	A	81	24. 915	4.	140	2.	089	1. 00	0.00	H	
ATOM83	3HD 1	LEU	A	81	23. 893	5.	362	1.	331	1. 00	0.00	Н	
ATOM84	1HD2	LEU	A	81	23. 006	4.	890	5.	414	1. 00	0.00) H	
ATOM85	2HD2	LEU	A	81	23. 859	3.	544	4. (658	1. 00	0.00) H	
ATOM86	3HD2	LEU	A	81	22. 241	3.	982	4.	110	1. 00	0.00) H	
ATOM87	N	ALA	A	91	27. 450	6.	628	5. 3	367	1. 00	0.00) N	
ATOM88	CA	ALA	A	91	28. 735	6.	505	6. ()44	1. 00	0.00) C	
ATOM89	C	ALA	A	91	29. 891	6.	773	5. ()85	1. 00	0.00	C	
ATOM90	0 -	ALA	A	913	30. 601	5.	854	4. 6	379	1. 00	0. 00	0	
ATOM91	CB	ALA	A	912	28. 872	5.	123	6. 6	65	1. 00	0. 00	С	
ATOM92	H	ALA	A	912	27. 429	6.	720	4. 3	92	1. 00	0. 00	Н	
ATOM93	HA	ALA	A	912	28. 764	7.	235	6. 8	39	1. 00	0. 00		
ATOM94	1HB	ALA	A	912	27. 891	4.	724	6. 8	76	1. 00	0. 00	H	
ATOM95	2HB	ALA	A	912	9. 436	5.	195	7. 5	83	1. 00	0. 00	Н	
ATOM96	3HB	ALA	A	912	9. 387	4.	468	5. 9	78	1. 00	0. 00	Н	
ATOM97	N	MET	A	1013	0. 074	8.	041	4. 7	27	1. 00	0. 00	N	
ATOM98	CA	MET	A	1013	1. 144	8.	429	3. 8	16	1. 00	0. 00	С	
ATOM99	C	MET	A :	1013	1. 191	9.	946	3. 6	46	1. 00	0. 00	С	
ATOM	100	0	MET	A 3	10130.	954	10.	465	2.	554	1. 00	0. 00	0
ATOM	101	CB	MET	Α	10130.	955	7.	754	2.	457	1. 00	0. 00	
ATOM	102	CG	MET	A T	10129.	539	7.	863	1.	913	1. 00	0. 00	
ATOM	103	SD	MET	A	10129.	407	9.	023		539	1. 00	0. 00	
ATOM	104	CE	MET	` A	10129.	163	7.	897		833	1. 00	0. 00	
ATOM	105	H	MET	A	10129.	476		729		084	1. 00	0. 00	
ATOM	106	HA	MET	A	10132.	078		099		245	1. 00	0. 00	
ATOM	107	1HB	MET	A	10131.			210		746	1. 00	0. 00	
ATOM	100	מזוח	\							. 10	1. 00	J. UU	11

	•	•			307			
	ATOM	110 2H	G MET A	10128. 887		2. 709	1. 00	0.00 H
	ATOM	111 1H	E MET A	10130. 124	7. 587	-1. 218		· · · ·
	ATOM	112 2H	E MET A	10128. 607	8. 395	-1. 613	1. 00	
	ATOM	113 3H	E MET A	10128. 615	7. 031	-0. 494	-	
5	ATOM	114 N	PRO A	11131. 502	10. 682	4. 727	1. 00	
	ATOM	115 C	A PRO A	11131. 579	12. 145	4. 688	1. 00	.,
	ATOM	116 C	PRO A	11132. 593	12. 645	3. 660	1. 00	0. 00 C
	MOTA	117 0	PRO A	11132. 293	13. 544	2. 875	1. 00	0.000
	ATOM	118 CF	PRO A	11132. 019	12. 534	6. 104	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	119 CG	PRO A	11131. 698	11. 352	6. 955	1. 00	0. 00 C
	ATOM	120 CI	PRO A	11131. 801	10. 145	6. 065	1. 00	0. 00 C
	ATOM	121 HA	PRO A	11130. 615	12. 582	4. 476	1. 00	0.00 H
	ATOM	122 1HB	PRO A	11133. 076	12. 749	6. 109	1. 00	0. 00 H
	ATOM	123 2HB	PRO A	11131. 469	13. 407	6. 424	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	124 1HG	PRO A	11132. 411	11. 280	7. 761	1. 00	0. 00 н
	ATOM	125 2HG	PRO A	11130. 696	11. 444	7. 348	1. 00	0. 00 н
	ATOM	126 1HD	PRO A	11132. 798	9. 733	6. 102	1. 00	0. 00 H
	ATOM	127 2HD	PRO A	11131.072	9. 402	6. 353	1. 00	0. 00 H
	ATOM	128 N	PRO A	12133. 809	12. 066	3. 642	1. 00	0. 00 N
20	ATOM	129 CA	PRO A	12134. 853	12. 465	2. 692	1. 00	0. 00 C
	ATOM	130 C	PRO A	12134. 377	12. 375	1. 247	1. 00	0. 00 C
	ATOM	131 0	PRO A	12134. 926	13. 028	0. 359	1. 00	0.000
	ATOM	132 CB	PRO A	12135. 981	11. 461	2. 945	1. 00	0. 00 C
0.5	ATOM	133 CG	PRO A	12135. 751	10. 969	4. 331	1. 00	0.00 C
25	ATOM	134 CD	PRO A	12134. 262	10. 980	4. 532	1. 00	0.00 C
	ATOM	135 HA	PRO A	12135. 206	13. 467	2. 892	1. 00	0.00 H
	ATOM	136 1HB	PRO A	12135. 918	10. 658	2. 225	1. 00	0.00 H
	ATOM	137 2HB	PRO A	12136. 935	11. 957	2. 856	1: 00	0.00 H
	ATOM	138 1HG	PRO A	12136. 135	9. 965	4. 434	1. 00	0. 00 H

	PCT/JP2003/010288
--	-------------------

-1. 341 1. 00 0. 00 C

	WO 2004/	016781	· V						PC17	JP2003/0102
							308			
	ATOM	139	2HG	PRO A	A	12136. 229	11. 629	5. 040	1. 00	0.00 H
	ATOM	140	1HD	PRO A	A	12133. 834	10. 034	4. 236	1. 00	0.00 H
	ATOM	141	2HD	PRO A	A	12134. 023	11. 198	5. 561	1. 00	0.00 H
	ATOM	142	N	GLY	A	13133. 351	11. 559	1. 017	1. 00	0.00 N
5	ATOM	143	CA	GLY .	A	13132. 818	11. 397	-0.322	1. 00	0.00 C
	ATOM	144	С	GLY	A	13133. 068	10. 012	-0.886	1. 00	0.00 C
	ATOM	145	0	GLY	A	13132. 330	9. 545	-1. 754	1. 00	0.000
	ATOM	146	H	GLY	A	13132. 954	11. 064	1. 765	1. 00	0.00 H
	ATOM	147	1HA	GLY	A	13131. 753	11. 577	-0. 298	1. 00	0.00 H
10	ATOM	148	2HA	GLY	A	13133. 278	12. 127	-0.972	1. 00	0.00 H
	ATOM	149	N	ASN	A	14134. 112	9. 353	-0.393	1. 00	0.00 N
	ATOM	150	CA	ASN	A	14134. 459	8. 014	-0.854	1. 00	0.00 C
	ATOM	151	C	ASN	A	14133. 299	7. 045	-0.640	1. 00	0.00 C
	ATOM	152	0	ASN	A	14132. 195	7. 453	-0. 284	1. 00	0.000
15	ATOM	153	CB	ASN	A	14135. 703	7. 506	-0. 122	1. 00	0.00 C
	ATOM	154	CG	ASN	A	14136. 823	8. 529	-0. 108	1. 00	0.00 C
	ATOM	155	OD 1	ASN	A	14136. 609	9. 697	0. 216	1. 00	0.000
	ATOM	156	ND2	ASN	A	14138. 026	8. 093	-0. 460	1. 00	0.00 N
	ATOM	157	H	ASN	A	14134. 664	9. 778	0. 297	1. 00	0.00 H
20	ATOM	158	HA	ASN	A	14134. 672	8. 072	-1. 911	1. 00	0.00 H
	ATOM	159	1HB	ASN	A	14135. 442	7. 272	0. 899	1. 00	0.00 H
	ATOM	160	2HB	ASN	A	14136. 062	6. 613	-0. 612	1. 00	0.00 H
	ATOM	161	1HD2	ASN	A	14138. 123	7. 149	-0. 706	1. 00	0.00 H
	ATOM	162	2HD2	ASN	A	14138. 769	8. 733	-0. 460	1. 00	0.00 H
25	ATOM	163	N	SER	A	15133. 559	5. 761	-0.861	1. 00	0.00 N
	MOTA	164	CA	SER	A	15132. 538	4. 734	-0. 693	1. 00	0. 00 C
	ATOM	165	C	SER	A	15132. 234	4. 506	0. 785	1. 00	0.00 C
	ATOM	166	0	SER	R A	15131. 163	4. 867	1. 271	1. 00	0.000

SER A

15132. 989

3. 423

ATOM

167

CB

	WO 2004/016781					PCT/JP2003/010288			
	4.500.4	400				309			
	ATOM	168	0G	SER A	15132. 025	2. 403	-1. 154	1. 00	0.000
	ATOM	169	H	SER A	15134. 460	5. 496	-1. 144	1. 00	0.00 H
	ATOM	170	HA	SER A	15131. 639	5. 077	-1. 184	1. 00	0.00 H
	ATOM	171	1HB	SER A	15133. 130	3. 578	-2. 400	1. 00	0.00 H
5	ATOM	172	2HB	SER A	15133. 921	3. 108	-0.896	1. 00	0. 00 H
	ATOM	173	HG	SER A	15132. 121	2. 027	-0. 276	1. 00	0.00 H
	ATOM	174	N	HIS A	16133. 184	3. 902	1. 492	1. 00	0. 00 N
	ATOM	175	CA	HIS A	16133. 019	3. 626	2. 914	1. 00	0. 00 C
	ATOM	176	C	HIS A	16133. 864	4. 578	3. 754	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	177	0	HIS A	16133. 441	5. 026	4. 820	1. 00	0.000
	ATOM	178	CB	HIS A	16133. 401	2. 176	3. 221	1. 00	0.00 C
	ATOM	179	CG	HIS A	16132. 222	1. 262	3. 354	1. 00	0. 00 C
	ATOM	180	ND1	HIS A	16131. 448	1. 193	4. 493	1. 00	0. 00 N
	ATOM	181	CD2	HIS A	16131. 686	0. 375	2. 482	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	182	CE1	HIS A	16130. 487	0. 303	4. 316	1. 00	0. 00 C
	ATOM	183	NE2	HIS A	16130. 610	-0. 207	3. 104	1. 00	0. 00 N
	ATOM	184	H	HIS A	16134. 016	3. 638	1. 047	1. 00	0. 00 H
	ATOM	185	HA	HIS A	16131. 978	3. 775	3. 162	1. 00	0. 00 H
	ATOM	186	1HB	HIS A	16134. 024	1. 800	2. 424	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	187	2HB	HIS A	16133. 953	2. 144	4. 149	1. 00	0. 00 H
	ATOM	188	HD1	HIS A	16131. 582	1. 718	5. 309	1. 00	0. 00 H
	ATOM	189	HD2	HIS A	16132. 040	0. 165	1. 482	1. 00	0. 00 H
	ATOM	190	HE 1	HIS A	16129. 730	0. 038	5. 039	1. 00	0. 00 H
	ATOM	191	HE2	HIS A	16129. 981	-0. 833	2. 688	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	192	N	GLY A	17135. 063	4. 882	3. 267	1. 00	0. 00 N
	ATOM	193	CA	GLY A	17135. 949	5. 778	3. 985	1. 00	0. 00 C
	ATOM	194	C	GLY A	17137. 401	5. 349	3. 901	1. 00	0. 00 C
	ATOM	195	0	GLY A	17138. 064	5. 173	4. 923	1. 00	0.000
	ATOM	100	YT	OT 37 4	·			50	J. UU U

GLY A 17135. 348

2. 413

1. 00 0. 00 H

4. 495

ATOM

196 H

							310			
	ATOM	197	1HA	GLY A	Ą	17135. 854	6. 771	3. 570	1. 00	0.00 H
	ATOM	198 2	2HA	GLY A	A	17135. 654	5. 805	5.024	1. 00	0.00 H
	ATOM	199	N	LEU	A	18137. 897	5. 182	2. 678	1. 00	0.00 N
	ATOM	200	CA	LEU .	A	18139. 279	4. 771	2. 465	1. 00	0.00 C
5	ATOM	201	C	LEU .	A	18140. 246	5. 872	2. 888	1. 00	0.00 C
	ATOM	202	0	LEU	A	18140. 497	6.814	2. 136	1. 00	0.000,
	ATOM	203	CB	LEU	A	18139. 506	4. 415	0. 994	1. 00	0.00 C
	ATOM	204	CG	LEU	A	18138. 484	3. 445	0. 398	1. 00	0.00 C
	ATOM	205	CD1	LEU	A	18138. 481	3. 540	-1. 120	1. 00	0.00 C
10	ATOM	206	CD2	LEU	A	18138. 781	2. 021	0.844	1. 00	0.00 C
	ATOM	207	H	LEU	A	18137. 318	5. 338	1. 903	1. 00	0.00 H
	ATOM	208	HA	LEU	A	18139. 462	3. 895	3. 070	1. 00	0.00 H
	ATOM	209	1HB	LEU	A	18139. 484	5. 328	0. 417	1. 00	0.00 H
	ATOM	210	2HB	LEU	A	18140. 486	3. 972	0. 900	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	211	HG	LEU	A	18137. 498	3. 709	0.751	1. 00	0. 00 H
	ATOM	212	1HD1	LEU	A	18138. 860	4. 506	-1. 421	1. 00	0.00 H
	ATOM	213	2HD1	LEU	A	18137. 472	3. 419	-1. 485	1. 00	0.00 H
	ATOM	214	3HD1	LEU	A	18139. 109	2. 763	-1.530	1. 00	0.00 H
	ATOM	215	1HD2	LEU	A	18139. 591	1. 619	0. 254	1. 00	0.00 H
20	ATOM	216	2HD2	LEU	A	18137. 899	1. 411	0.709	1. 00	0.00 H
	ATOM	217	3HD2	LEU	A	18139. 061	2. 021	1. 887	1. 00	0.00 H
	ATOM	218	N	GLU	A	19140. 783	5. 748	4. 096	1. 00	0.00 N
	MOTA	219	CA	GLU	A	19141. 722	6. 733	4. 621	1. 00	0.00 C
	ATOM	220	C	GLU	A	19142. 809	6.061	5. 452	1. 00	0.00 C
25	ATOM	221	0	GLU	A	19142. 810	4. 843	5. 622	1. 00	0.000
	ATOM	222	CB	GLU	A	19140. 984	7. 772	5. 467	1. 00	0.00 C
	ATOM	223	CG	GLU	A	19140. 233	7. 174	6. 645	1. 00	0.00 C
	ATOM	224	CD	GLU	A	19139. 754	8. 226	7. 625	1. 00	0.00 C
	ATOM	225	0E	1 GLU	A	19140. 533	9. 155	7. 928	1. 00	0.000

	WO 2004/0	16781							PCT/	JP2003/0102
							311			
	ATOM	226	0E2	GLU .	A	19138. 599	8. 123	8. 091	1. 00	0.000
	ATOM	227	H	GLU .	A	19140. 544	4. 976	4. 650	1. 00	0.00 H
	ATOM	228	HA	GLU	A	19142. 184	7. 230	3. 779	1. 00	0.00 H
	MOTA	229	1HB	GLU	A	19141. 702	8. 483	5. 849	1. 00	0.00 H
5	ATOM	230	2HB	GLU	A	19140. 274	8. 291	4. 841	1. 00	0.00 H
	ATOM	231	1HG	GLU	A	19139. 375	6. 635	6. 272	1. 00	0.00 H
	ATOM	232	2HG	GLU	A	19140. 888	6. 490	7. 164	1. 00	0.00 H
	ATOM	233	N	VAL	A	20143. 732	6.865	5. 969	1. 00	0.00 N
	ATOM	234	CA	VAL	A	20144. 825	6. 349	6. 785	1. 00	0.00 C
10	ATOM	235	C	VAL	A	20144. 297	5. 620	8. 015	1. 00	0. 00 C
	ATOM	236	0	VAL	A	20143. 530	6. 181	8. 799	1. 00	0.000
	ATOM	237	CB	VAL	A	20145. 770	7. 479	7. 235	1. 00	0. 00 C
	ATOM	238	CG1	VAL	A	20146. 993	6. 908	7. 939	1. 00	0. 00 C
	ATOM	239	CG2	VAL	A	20146. 181	8. 337	6.049	1. 00	0.00 C
15	ATOM	240	H	VAL	A	20143. 678	7. 829	5. 798	1. 00	0.00 H
	ATOM	241	HA	VAL	A	20145. 391	5. 654	6. 182	1. 00	0.00 H
	ATOM	242	HB	VAL	A	20145. 240	8. 105	7. 938	1. 00	0.00 H
	ATOM	243	1HG1	VAL	A	20146. 795	6. 830	8. 997	1. 00	0.00 H
••	ATOM	244	2HG1	VAL	A	20147. 838	7. 559	7. 777	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	245	3HG1	VAL	A	20147. 211	5. 928	7. 540	1. 00	0. 00 H
	ATOM	246	1HG2	VAL	A	20145. 398	9. 046	5. 828	1. 00	0.00 H
	ATOM	247	2HG2	2 VAL	A	20146. 348	7. 705	5. 189	1. 00	0. 00 H
	ATOM	248	3HG2	2 VAL	. A	20147. 091	8. 868	6. 287	1. 00	0.00 H
	ATOM	249	N	GLY	A	21144. 711	4. 369	8. 179	1. 00	0. 00 N
.25	ATOM	250) CA	GLY	A	21144. 269	3. 583	9. 316	1. 00	0. 00 C
	ATOM	251	l C	GLY	Z A	21143. 228	2. 548	8. 939		0. 00 C
	ATOM	252	2 0	GLY	Z A	21143. 210	1. 447	9. 489		
	ATOM	253	3 H	GLY	A	21145. 322	3. 975	7. 522	1. 00	0. 00 H

ATOM 254 1HA GLY A 21145. 123 3. 080 9. 745 1. 00 0. 00 H

[']312

	ATOM	255 2	2HA	GLY A	A	21143. 847	4. 248	10. 056	1. 00	0.00 H
	ATOM	256	N	SER A	A	22142. 359	2. 901	7. 997	1. 00	0. 00 N
	ATOM	257	CA	SER .	A	22141. 310	1. 995	7. 546	1. 00	0.00 C
	ATOM	258	С	SER	A	22141. 877	0. 922	6.622	1. 00	0.00 C
5	ATOM	259	0	SER	A	22142. 764	1. 192	5. 812	1. 00	0.000
	ATOM	260	CB	SER	A	22140. 208	2. 774	6.826	1. 00	0. 00 C
	ATOM	261	OG	SER	A	22139. 268	3. 299	7. 747	1. 00	0.000
	ATOM	262	H	SER	A	22142. 425	3. 793	7. 596	1. 00	0.00 H
	ATOM	263	HA	SER	A	22140. 889	1. 516	8. 417	1. 00	0.00 H
10	ATOM	264	1HB	SER	A	22140. 649	3. 592	6. 276	1. 00	0.00 H
	ATOM	265	2HB	SER	A	22139. 694	2. 116	6. 141	1. 00	0. 00 H
	ATOM	266	HG	SER	A	22138. 475	3. 569	7. 277	1. 00	0.00 H
	ATOM	267	N	LEU	A	23141. 359	-0. 295	6. 749	1. 00	0. 00 N
	ATOM	268	CA	LEU	A	23141. 815	-1. 410	5. 924	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	269	C	LEU	A	23141. 296	-1. 278	4. 496	1. 00	0. 00 C
	ATOM	270	0	LEU	A	23140. 234	-0. 702	4. 261	1. 00	0.000
	·ATOM	271	CB	LEU	A	23141. 353	-2. 738	6. 526	1. 00	0. 00 C
	ATOM	272	CG	LEU	A	23141. 931	-3. 059	7. 905	1. 00	0. 00 C
	ATOM	273	CD1	LEU	A	23140. 954	-3. 903	8. 709	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	274	CD2	LEU	A	23143. 268	-3. 773	7. 769	1. 00	0. 00 C
	ATOM	275	H	LEU	A	23140. 655	-0. 449	7. 412	1. 00	0.00 H
	ATOM	276	HA	LEU	A	23142. 894	-1. 388	5. 907	1. 00	0.00 H
	ATOM	277	1HB	LEU	A	23140. 276	-2. 718	6.605	1. 00	0.00 H
	ATOM	278	2HB	LEU	A	23141. 633	-3. 531	5. 850	1. 00	0.00 H
25	ATOM	279	HG	LEU	A	23142. 096	-2. 137	8. 443	1. 00	0.00 H
	ATOM	280	1HD	1 LEU	A	23140. 921	-4. 902	8. 302	1. 00	0.00 H
	ATOM	281	2HD	1 LEU	J A	23139. 970	-3. 460	8. 659	1. 00	0.00 H
	ATOM	282	3HD	1 LEU	J A	23141. 277	-3. 944	9. 739	1. 00	0.00 H
	ATOM	283	1HD	2 LEU	J A	23143. 908	-3. 500	8. 594	1. 00	0.00 H

						313			
	ATOM	284	2HD2	LEU A	23143. 736	-3. 485	6.840	1. 00	0.00 H
	ATOM	285	3HD2	LEU A	23143. 107	-4. 841	7. 776	1. 00	0.00 H
	ATOM	286	N	ALA A	24142. 055	-1. 814	3. 546	1. 00	0.00 N
	ATOM	287	CA.	ALA A	24141. 672	-1. 757	2. 140	1. 00	0.00 C
5	ATOM	288	C	ALA A	24142. 245	-2. 941	1. 367	1. 00	0. 00 C
	ATOM	289	0	ALA A	24143. 206	-3. 573	1. 804	1. 00	0.000
	ATOM	290	CB	ALA A	24142. 135	-0. 447	1. 520	1. 00	0. 00 C
	ATOM	291	H	ALA A	24142. 890	-2. 260	3. 795	1. 00	0.00 H
	ATOM	292	HA	ALA A	24140. 593	-1. 793	2. 086	1. 00	0.00 H
10	ATOM	293	1HB	ALA A	24143. 026	-0. 105	2. 025	1. 00	0.00 H
	ATOM	294	2HB	ALA A	24141. 356	0. 295	1. 623	1. 00	0.00 H
	ATOM	295	3HB	ALA A	24142. 350	-0.601	0. 473	1. 00	0.00 H
	ATOM	296	N	GLU A	25141. 647	-3. 236	0. 217	1. 00	0.00 N
	ATOM	297	CA	GLU A	25142. 098	-4. 344	-0. 617	1. 00	0.00 C
15	ATOM	298	C	GLU A	25142. 441	-3. 863	-2. 023	1. 00	0.00 C
	ATOM	299	0	GLU A	25141.810	-2. 945	-2. 547	1. 00	0.000
	ATOM	300	CB	GLU A	25141. 023	-5. 430	-0. 684	1. 00	0.00 C
	ATOM	301	CG	GLU A	25141. 523	-6. 747	-1. 252	1. 00	0. 00 C
	ATOM	302	CD	GLU A	25140. 399	-7. 623	-1. 770	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	303	0E 1	GLU A	25140. 407	-7. 947	-2. 976	1. 00	0.000
	ATOM	304	0E2	GLU A	25139. 511	-7. 986	-0. 970	1. 00	0.000
	ATOM	305	H	GLU A	25140. 885	-2. 695	-0. 079	1. 00	0.00 H
	ATOM	306	HA	GLU A	25142. 987	-4. 758	-0. 164	1. 00	0. 00 H
	ATOM	307	1HB	GLU A	25140.646	-5. 611	0. 311	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	308	2HB	GLU A	25140. 212	-5. 078	-1. 306	1. 00	0.00 H
	ATOM	309	1HG	GLU A	25142. 200	-6. 540	-2.066	1. 00	0.00 H
	ATOM	310	2HG	GLU · A	25142. 048	-7. 283	-0. 475	1. 00	0. 00 H
	ATOM	311	l N	VAL A	26143. 445	-4. 489	-2. 629	1. 00	0. 00 N
	ATOM	312	2 CA	VAL A	26143. 872	2 -4. 124	-3. 974	1. 00	0. 00 C

						314			
	ATOM	313 0	;	VAL A	26143. 444	-5. 178	-4. 990	1. 00	0.00 C
	MOTA	314)	VAL A	26143. 415	-6.370	-4. 688		0.000
	ATOM	315 (CB	VAL A	26145. 399	-3. 944	-4. 051	1. 00	0.00 C
	ATOM	316	CG1	VAL A	26145. 804	-3. 375	-5. 401	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	317	CG2	VAL A	26145. 890	-3. 054	-2. 919	1. 00	0. 00 C
	ATOM	318 l	H	VAL A	26143. 910	-5. 212	-2. 160	1. 00	0. 00 H
	ATOM	319	HA	VAL A	26143. 406	-3. 183	-4. 229	1. 00	0. 00 H
	ATOM	320	HB	VAL A	26145. 861	-4. 915	-3. 942	1. 00	0.00 H
	ATOM	321 1	HG1	VAL A	26146. 882	-3. 336	-5. 467	1. 00	0.00 H
10	ATOM	322 2	HG1	VAL A	26145. 401	-2. 378	-5. 506	1. 00	0. 00 H
	ATOM	323 3	HG1	VAL A	26145. 418	-4.005	-6. 188	1. 00	0.00 H
	ATOM	324 1	HG2	VAL A	26145. 976	-3.637	-2. 013	1. 00	0.00 H
	ATOM	325 2	HG2	VAL A	26145. 186	-2.250	-2. 763	1. 00	0. 00 H
	ATOM	326 3	HG2	VAL A	26146. 855	-2.643	-3. 175	1. 00	0.00 H
15	ATOM	327	N	LYS A	27143. 116	-4. 729	-6. 197	1. 00	0.00 N
	ATOM	328	CA	LYS A	27142. 690	-5. 633	-7. 259	1. 00	0. 00 C
	ATOM	329 -	C	LYS A	27143. 880	-6. 082	-8. 101	1. 00	0.00 C
	ATOM	330	0	LYS A	27144. 102	-5. 577	-9. 201	1. 00	0.000
	ATOM	331	CB	LYS A	27141.647	-4. 954	-8. 149	1. 00	0.00 C
20	ATOM	332	CG	LYS A	27140. 301	-4. 761	-7. 470	1. 00	0.00 C
	ATOM	333	CD	LYS A	27139. 285	-5. 786	-7. 945	1. 00	0.00 C
	ATOM	334	CE	LYS A	27139. 368	-7. 071	-7. 135	1. 00	0.00 C
	ATOM	335	NZ	LYS A	27138. 350	-7. 109	-6. 048	1. 00	0.00 N
	ATOM	336	H	LYS A	27143. 160	-3. 766	-6. 378	1. 00	0.00 H
25	ATOM	337	HA	LYS A	27142. 245	-6.501	-6.796	1. 00	0.00 H
	ATOM	338	1HB	LYS A	27142.021	-3. 983	8 -8. 443	1. 00	0.00 H
	ATOM	339	2HB	LYS A	A 27141. 499	-5. 556	6 -9.034	1.00	0.00 H
	ATOM	340	1HG	LYS A	A 27140. 429	9 -4.864	4 -6. 403	3 1.00	0. 00 H
	ATOM	341	2HG	LYS	A 27139. 933	3 -3.77	1 -7. 698	3 1.00	0. 00 H

. 00 0. 00 . 00 0. 00 . 00 0. 00 . 00 0. 00 . 00 0. 00	O H O H O H O H O H
. 00 0. 00 . 00 0. 00 . 00 0. 00 . 00 0. 0	O H O H O H O H
. 00 0. 00 . 00 0. 00 . 00 0. 00	0 H 0 H 0 H
. 00 0. 00 . 00 0. 00 . 00 0. 0	0 H 0 H
. 00 0. 0	0 H
. 00 0. 0	
	0 H
00 0 0	
. 00 0. 0	0 N
. 00 0. 0	0 C
. 00 0. 0	0 C
. 00 0. 0	0 0
1.00 0.0	0 C
1.00 0.0	0 C
1.00 0.0	00 C
1. 00 0. 0	0 0
1. 00 0. 0	0 0
1. 00 0. 0	00 H
1. 00 0. 0	00 H
1. 00 0. 0	00 H
1. 00 0. 0	00 H
1. 00 0.	00 H
1. 00 0.	00 H
1. 00 0.	00 N
1. 00 0.	00 C
1. 00 0.	00 C
1. 00 0.	00 0
1. 00 0.	00 C
1. 00 0.	00 C
1 00 0	00 0
]	1. 00 0. 1. 00 0. 1. 00 0. 1. 00 0. 1. 00 0. 1. 00 0. 1. 00 0.

				316	
	ATOM	371 ND2	ASN A	29147. 495 -10. 586 -12. 168 1. 00 0. 00 N	Į
	ATOM	372 H	ASN A	29147. 608 -9. 143 -9. 092 1. 00 0. 00 H	ł
	ATOM	373 HA	ASN A	29145. 932 -11. 400 -9. 619 1. 00 0. 00 H	H
	ATOM	374 1HB	ASN A	29148. 778 -10. 711 -9. 939 1. 00 0. 00 H	H
5	MOTA	375 2HB	ASN A	29148. 468 -12. 416 -9. 627 1. 00 0. 00 I	H
	ATOM	376 1HD2	ASN A	29147. 640 -9. 721 -11. 730 1. 00 0. 00 I	H
	ATOM	377 2HD2	ASN A	29147. 244 -10. 682 -13. 110 1. 00 0. 00 1	H
	ATOM	378 N	PRO A	30147. 958 -11. 585 -6. 976 1. 00 0. 00	N
	ATOM	379 CA	PRO A	30148. 142 -12. 228 -5. 674 1. 00 0. 00	С
10	ATOM	380 C	PRO A	30147. 254 -11. 613 -4. 593 1. 00 0. 00	C
	MOTA	381 0	PRO A	30147. 455 -10. 466 -4. 194 1. 00 0. 00	0
	ATOM	382 CB	PRO A	30149.614 -11.962 -5.367 1.00 0.00	C
	ATOM	383 CG	PRO A	30149. 906 -10. 665 -6. 040 1. 00 0. 00	C
	ATOM	384 CD	PRO A	30149. 040 -10. 624 -7. 274 1. 00 0. 00	C
15	ATOM	385 HA	PRO A	30147. 968 -13. 291 -5. 727 1. 00 0. 00	H
	ATOM	386 1HB	PRO A	30149. 757 -11. 895 -4. 298 1. 00 0. 00	H
	ATOM	387 2HB	PRO A	30150. 220 -12. 760 -5. 769 1. 00 0. 00	H
	ATOM	388 1HG	PRO A	30149.657 -9.846 -5.381 1.00 0.00	H
	ATOM	389 2HG	PRO A	30150. 949 -10. 622 -6. 315 1. 00 0. 00	H
20	ATOM	390 1HD	PRO A	30148.643 -9.631 -7.420 1.00 0.00	H
	ATOM	391 2HD	PRO A	30149. 604 -10. 936 -8. 140 1. 00 0. 00	H
	ATOM	392 N	PRO A	31146. 253 -12. 366 -4. 102 1. 00 0. 00	N
	ATOM	393 CA	PRO A	31145. 337 -11. 880 -3. 063 1. 00 0. 00	C
	ATOM	394 C	PRO A	31146. 064 -11. 536 -1. 768 1. 00 0. 00	C
25	ATOM	395 0	PRO A	31146. 500 -12. 422 -1. 034 1. 00 0. 00	0
	ATOM	396 CI	B PRO A	31144. 378 -13. 056 -2. 838 1. 00 0. 00	С
	ATOM	397 C	PRO A	31144. 514 -13. 909 -4. 053 1. 00 0. 00	С
	ATOM	398 CI	PRO A	31145. 932 -13. 743 -4. 514 1. 00 0. 00	C
	MOTA	399 H	A PRO A	31144.781 -11.018 -3.401 1.00 0.00	Н

0.00 H

0.00 H

0.00 H

0.00 H

00

00

00

1.00

-4.817

403 2HG

PRO A

ATOM

ATOM

ATOM

ATOM

5

20

25

01678 1	. "		317		
400	1HB	PRO A	31144. 666 -13. 593	-1. 946	1.
401	2HB	PRO A	31143. 369 -12. 685	-2. 730	1.
402	1HG	PRO A	31144. 319 -14. 940	-3.802	1.

ATOM 404 1HD PRO A 31146. 576 -14. 455 -4. 020 1. 00 0. 00 H

31143. 829 -13. 571

ATOM 405 2HD PRO A 31145. 997 -13. 849 -5. 586 1. 00 0. 00 H

ATOM 406 N PHE A 32146. 191 -10. 242 -1. 492 1. 00 0. 00 N

ATOM 407 CA PHE A 32146.864 -9.781 -0.283 1.00 0.00 C

ATOM 408 C PHE A 32146.068 -8.670 0.395 1.00 0.00 C

10 ATOM 409 0 PHE A 32145. 464 -7. 831 -0. 273 1. 00 0. 00 0

ATOM 410 CB PHE A 32148. 273 -9. 285 -0. 615 1. 00 0. 00 C

ATOM 411 CG PHE A 32148. 295 -8. 133 -1. 580 1. 00 0. 00 C

ATOM 412 CD1 PHE A 32147. 870 -6. 875 -1. 187 1. 00 0. 00 C

ATOM 413 CD2 PHE A 32148.741 -8.311 -2.879 1.00 0.00 C

15 ATOM 414 CE1 PHE A 32147. 889 -5. 815 -2. 073 1. 00 0. 00 C

ATOM 415 CE2 PHE A 32148. 763 -7. 254 -3. 769 1. 00 0. 00 C

ATOM 416 CZ PHE A 32148. 337 -6.004 -3.366 1.00 0.00 C

ATOM 417 H - PHE A 32145. 822 -9. 581 -2. 115 1. 00 0. 00 H

ATOM 418 HA PHE A 32146. 938 -10. 618 0. 394 1. 00 0. 00 H

ATOM 419 1HB PHE A 32148.757 -8.964 0.295 1.00 0.00 H

ATOM 420 2HB PHE A 32148.839 -10.095 -1.050 1.00 0.00 H

ATOM 421 HD1 PHE A 32147. 520 -6. 724 -0. 176 1. 00 0. 00 H

ATOM 422 HD2 PHE A 32149.076 -9.288 -3.196 1.00 0.00 H

ATOM 423 HE1 PHE A 32147. 554 -4. 838 -1. 755 1. 00 0. 00 H

ATOM 424 HE2 PHE A 32149. 113 -7. 405 -4. 780 1. 00 0. 00 H

ATOM 425 HZ PHE A 32148. 352 -5. 177 -4. 059 1. 00 0. 00 H

ATOM 426 N TYR A 33146.071 -8.673 1.724 1.00 0.00 N

ATOM 427 CA TYR A 33145. 349 -7. 666 2. 492 1. 00 0. 00 C

ATOM 428 C TYR A 33146. 315 -6. 689 3. 153 1. 00 0. 00 C

					3:	18			
	ATOM	429	0	TYR A	33147. 406 -	7. 072	3. 575	1. 00	0.000
	ATOM	430	CB	TYR A	33144. 475 -	8. 335	3. 555	1. 00	0. 00 C
	ATOM	431	CG	TYR A	33143. 212 -	8. 953	2. 999	1. 00	0.00 C
	ATOM	432	CD1	TYR A	33142. 857 -1	0. 258	3. 318	1. 00	0.00 C
5	ATOM	433	CD2	TYR A	33142. 375 -	-8. 232	2. 157	1. 00	0.00 C
	ATOM	434	CE1	TYR A	33141. 704 -1	10. 828	2. 811	1. 00	0.00 C
	ATOM	435	CE2	TYR A	33141. 220	-8. 794	1. 647	1. 00	0.00 C
	ATOM	436	CZ	TYR A	33140. 888 -	10. 091	1. 977	1. 00	0.00 C
•	ATOM	437	ОН	TYR A	33139. 740 -	10. 655	1. 473	1. 00	0.000
10	ATOM	438	H	TYR A	33146. 571	-9. 369	2. 199	1. 00	0.00 H
	ATOM	439	HA	TYR A	33144. 715	-7. 121	1. 809	1. 00	0.00 H
	ATOM	440	1HB	TYR A	33145. 042	-9. 116	4. 037	1. 00	0.00 H
	ATOM	441	2HB	TYR A	33144. 188	-7. 598	4. 290	1. 00	0.00 H
	ATOM	442	HD1	TYR A	33143. 497 -	10. 832	3. 971	1. 00	0.00 H
15	ATOM	443	HD2	TYR A	33142. 637	-7. 2·16	1. 900	1. 00	0.00 H
	ATOM	444	HE 1	TYR A	33141. 445 -	11. 844	3. 070	1. 00	0.00 H
	ATOM	445	HE2	TYR A	33140. 581	-8. 217	0. 994	1. 00	0.00 H
	ATOM	446	HH	TYR A	33139. 799 -	10. 701	0. 515	1. 00	0.00 H
	ATOM	447	N	GLY A	34145. 909	-5. 427	3. 237	1. 00	0. 00 N
20	ATOM	448	CA	GLY A	34146. 751	-4. 416	3. 848	1. 00	0. 00 C
	ATOM	449	C	GLY A	34145. 959	-3. 219	4. 337	1. 00	0. 00 C
	ATOM	450	0	GLY A	34144. 841	-2. 978	3. 884	1. 00	0.000
	ATOM	451	H	GLY A	34145. 029	-5. 181	2. 883	1. 00	0.00 H
	ATOM	452	1HA	GLY A	34147. 273	-4. 856	4. 684	1. 00	0.00 H
25	ATOM	453	2HA	GLY A	34147. 476	-4. 081	3. 121	1. 00	0. 00 H
	ATOM	454	N	VAL A	35146. 541	-2. 468	5. 266	1. 00	0. 00 N
	ATOM	455	CA	VAL A	35145. 884	-1. 291	5. 818	1. 00	0. 00 C
	ATOM	456	C	VAL A	35146. 524	-0. 008	5. 294	1. 00	0. 00 C
	ATOM	457	0	VAL A	35147. 743	0. 072	5. 144	1.00	0.000

						319			
	ATOM	458	CB	VAL A	35145. 936	-1. 289	7. 360	1. 00	0.00 C
	ATOM	459	CG1	VAL A	35147. 377	-1. 253	7. 849	1. 00	0.00 C
	ATOM	460	CG2	VAL A	35145. 140	-0. 120	7. 925	1. 00	0.00 C
	ATOM	461	H	VAL A	35147. 434	-2. 712	5. 588	1. 00	0.00 H
5	ATOM	462	HA	VAL A	35144. 848	-1. 314	5. 514	1. 00	0.00 H
	ATOM	463	HB	VAL A	35145. 486	-2. 206	7. 713	1. 00	0.00 H
	ATOM	464	1HG1	VAL A	35147. 393	-1. 031	8. 905	1. 00	0.00 H
	ATOM	465	2HG1	VAL A	35147. 920	-0. 489	7. 312	1. 00	0.00 H
	ATOM	466	3HG1	VAL A	35147. 841	-2. 213	7. 675	1. 00	0.00 H
10	ATOM	467	1HG2	VAL A	35144. 771	0. 491	7. 115	1. 00	0.00 H
	ATOM	468	2HG2	VAL A	35145. 777	0. 476	8. 563	1. 00	0.00 H
	ATOM	469	3HG2	VAL A	35144. 307	-0. 497	8. 500	1. 00	0.00 H
	ATOM	470	N	ILE A	36145. 694	0. 991	5.016	1. 00	0.00 N
	ATOM	471	CA	ILE A	36146. 181	2. 269	4. 508	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	472	C	ILE A	36147. 115	2. 937	5. 513	1. 00	0. 00 C
	ATOM	473	0	ILE A	36146. 824	2. 986	6. 708	1. 00	0.000
	ATOM	474	CB	ILE A	36145. 017	3. 229	4. 186	1. 00	0. 00 C
	ATOM	475	CG1	ILE A	36143. 994	2. 541	3. 278	1. 00	0.00 C
	ATOM	476	CG2	ILE A	36145. 541	4. 501	3. 533	1. 00	0.00 C
20	ATOM	477	CD1	ILE A	36142. 827	3. 428	2. 903	1. 00	0.00 C
	ATOM	478	H	ILE A	36144. 733	0.868	5. 157	1. 00	0.00 H
	ATOM	479	HA	ILE A	36146. 727	2. 079	3. 596	1. 00	0.00 H
	ATOM	480	HB	ILE A	36144. 538	3. 502	5. 114	1. 00	0.00 H
	ATOM	481	1HG1	ILE A	36144. 482	2. 233	2. 367	1. 00	0.00 H
25	ATOM	482	2HG1	ILE A	36143. 601	1. 671	3. 784	1. 00	0.00 H
	ATOM	483	1HG2	ILE A	36145. 386	4. 447	2. 465	1. 00	0.00 H
	ATOM	484	2HG2	2 ILE A	36146. 597	4. 602	3. 738	1. 00	0.00 H
	ATOM	485	3HG2	ILE A	36145. 013	5. 354	3. 931	1. 00	0. 00 H
	ATOM	486	1HD1	ILE A	36142. 347	3. 036	2. 018	1. 00	0.00 H

2	1	Λ
•	•	

	ATOM	487 2	HD1	ILE A	L	36143. 183	4. 428	2. 706	1. 00	0.00 H
	ATOM	488 3	SHD1	ILE A	L	36142. 116	3. 452	3. 716	1. 00	0.00 H
	ATOM	489	N	ARG A	1	37148. 237	3. 449	5. 019	1. 00	0.00 N
	ATOM	490	CA	ARG A	1	37149. 215	4. 113	5. 872	1. 00	0.00 C
5	ATOM	491	C	ARG A	1	37149. 395	5. 571	5. 462	1. 00	0.00 C
	ATOM	492	0	ARG A	A	37149. 097	6. 483	6. 232	1. 00	0.000
	ATOM	493	CB	ARG A	A	37150. 558	3. 383	5. 807	1. 00	0.00 C
	ATOM	494	CG	ARG	A	37150. 462	1. 902	6. 127	1. 00	0.00 C
	ATOM	495	CD	ARG	A	37149. 957	1. 669	7. 543	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	496	NE	ARG .	A	37150. 921	2. 111	8. 547	1. 00	0. 00 N
	ATOM	497	CZ	ARG	A	37150. 615	2. 326	9. 825	1. 00	0. 00 C
	ATOM	498	NH1	ARG	A	37149. 373	2. 142	10. 257	1. 00	0.00 N
	ATOM	499	NH2	ARG	A	37151. 552	2. 726	10.673	1. 00	0.00 N
	ATOM	500	H	ARG	A	37148. 412	3. 377	4. 057	1. 00	0.00 H
15	ATOM	501	HA	ARG	A	37148. 847	4. 080	6. 887	1. 00	0. 00 H
	ATOM	502	1HB	ARG	A	37150. 964	3. 489	4. 811	1. 00	0. 00 H
	ATOM	503	2HB	ARG	A	37151. 237	3. 839	6. 513	1. 00	0.00 H
	ATOM	504	1HG	ARG	A	37149. 779	1. 436	5. 432	1. 00	0.00 H
	ATOM	505	2HG	ARG	A	37151. 441	1. 457	6. 027	1. 00	0.00 H
20	ATOM	506	1HD	ARG	A	37149. 036	2. 217	7. 676	1. 00	0.00 H
	ATOM	507	2HD	ARG	A	37149. 770	0.614	7. 675	1. 00	0.00 H
	ATOM	508	HE	ARG	A	37151. 845	2. 255	8. 255	1. 00	0.00 H
	ATOM	509	1HH1	ARG	A	37148. 661	1. 839	9. 623	1. 00	0.00 H
	ATOM	510	2HH	ARG	A	37149. 150	2. 304	11. 218	1. 00	0.00 H
25	ATOM	511	1HH2	2 ARG	A	37152. 488	2. 866	10. 352	1. 00	0.00 H
	ATOM	512	2HH	2 ARG	A	37151. 322	2. 887	11. 632	1. 00	0.00 H
	ATOM	513	N	TRP	A	38149. 882	5. 784	4. 244	1. 00	0.00 N
	ATOM	514	. CA	TRP	A	38150. 100	7. 132	3. 733	1. 00	0.00 C
	ATOM	515	C	TRP	A	38149. 375	7. 336	2. 406	1.00	0.00 C

	ATOM	516	0 .	TRP	A	38149. 482	6. 516	1. 495	1.00	0.000
	ATOM	517	CB	TRP	A	38151. 599	7. 402	3. 559	1.00	0.00 C
	ATOM	518	CG	TRP	A	38151. 898	8. 654	2. 788	1.00	0.00 C
	ATOM	519	CD1	TRP	A	38152. 099	9. 904	3. 297	1. 00	0.00 C
5	ATOM	520	CD2	TRP	A	38152. 022	8. 774	1. 366	1. 00	0.00 C
	ATOM	521	NE 1	TRP	A	38152. 341	10. 795	2. 279	1. 00	0.00 N
	ATOM	522	CE2	TRP	A	38152. 299	10. 126	1. 084	1. 00	0.00 C
	ATOM	523	CE3	TRP	A	38151. 926	7. 871	0. 304	1. 00	0.00 C
	ATOM	524	CZ2	TRP	A	38152. 481	10. 593	-0. 216	1. 00	0.00 C
10	ATOM	525	CZ3	TRP	A	38152. 107	8. 335	-0. 985	1. 00	0.00 C
	ATOM	526	CH2	TRP	A	38152. 381	9. 685	-1. 236	1. 00	0. 00 C
	ATOM	527	H	TRP	A	38150. 101	5. 016	3. 675	1. 00	0.00 H
	ATOM	528	HA	TRP	A	38149. 700	7. 828	4. 456	1. 00	0.00 H
	ATOM	529	1HB	TRP	A	38152. 056	7. 494	4. 533	1. 00	0.00 H
15	ATOM	530	2HB	TRP	A	38152. 049	6. 571	3. 035	1. 00	0.00 H
	ATOM	531	HD 1	TRP	A	38152.068	10. 144	4. 350	1. 00	0.00 H
	ATOM	532	HE 1	TRP	A	38152. 516	11. 753	2. 391	1. 00	0.00 H
	ATOM	533	HE	3 TRP	A	38151. 715	6. 827	0. 477	1. 00	0.00 H
	ATOM	534	HZ2	2 TRP	A	38152. 690	11. 631	-0. 427	1. 00	0.00 H
20	ATOM	535	HZS	3 TRP	A	38152. 037	7. 652	-1. 818	1. 00	0.00 H
	ATOM	536	HH	2 TRP	A	38152. 516	10. 004	-2. 259	1. 00	0.00 H
	ATOM	537	N	ILE	A	39148. 646	8. 442	2. 303	1. 00	0.00 N
	ATOM	538	CA	ILE	A	39147. 911	8. 766	1. 088	1. 00	0. 00 C
	ATOM	539	C	ILE	A	39148. 340	10. 125	0. 546	1. 00	0.00 C
25	ATOM	540	. 0	ILE	E A	39147. 988	11. 165	1. 104	1. 00	0.000
	ATOM	541	СВ	ILF	E A	39146. 391	8. 780	1. 335	1. 00	0. 00 C
	ATOM	542	CG	1 ILI	E A	39145. 961	7. 521	2. 089	1. 00	0.00 C
	ATOM	543	CG	2 ILI	E A	39145. 640	8. 896	0. 016	1. 00	0.00 C
	ATOM	544	L CD	1 ILI	ΞΑ	39144. 572	7. 613	2. 680	1. 00	0. 00 C

			*4	=	322			
	ATOM	545 H	ILE A	39148. 608	9. 060	3.063	1. 00	0.00 H
	ATOM	546 HA	ILE A	39148. 130	8. 008	0. 350	1. 00	0.00 H
	ATOM	547 HB	ILE A	39146. 153	9. 647	1. 932	1. 00	0.00 H
	ATOM	548 1HG	1 ILE A	39145. 977	6.680	1. 411	1. 00	0.00 H
5	ATOM	549 2HG	1 ILE A	39146. 656	7. 338	2. 897	1. 00	0.00 H
	ATOM	550 1HC	2 ILE A	39144. 577	8. 847	0. 202	1. 00	0.00 H
	ATOM	551 2HC	2 ILE A	39145. 930	8. 085	-0.636	1. 00	0.00 H
	ATOM	552 3HC	S2 ILE A	39145. 880	9. 839	-0. 453	1. 00	0.00 H
	ATOM	553 1HI	1 ILE A	39143. 973	8. 287	2. 086	1. 00	0.00 H
10	ATOM	554 2HI	1 ILE A	39144. 635	7. 984	3. 692	1.00	0.00 H
	ATOM	555 3H	01 ILE A	39144. 116	6. 634	2. 682	1. 00	0.00 H
	ATOM	556 N	GLY A	40149. 108	10. 112	-0.539	1. 00	0.00 N
	ATOM	557 C	A GLY A	40149. 576	11. 353	-1. 126	1. 00	0.00 C
	ATOM	558 C	GLY A	40150. 128	11. 169	-2. 526	1. 00	0.00 C
15	ATOM	559 O	GLY A	40149. 973	10. 107	-3. 129	1. 00	0.000
	ATOM	560 H	GLY A	40149. 362	9. 254	-0. 940	1. 00	0.00 H
	ATOM	561 1H	A GLY A	40148.755	12. 052	-1. 165	1. 00	0.00 H
	ATOM	562 2H	A GLY A	40150. 351	11. 763	-0. 498	1. 00	0.00 H
	ATOM	563 N	GLN A	41150. 772	12. 210	-3. 042	1. 00	0.00 N
20	ATOM	564 C	A GLN A	41151. 352	12. 170	-4. 378	1. 00	0.00 C
	ATOM	565 C	GLN A	41152. 824	12. 581	-4. 341	1. 00	0.00 C
	ATOM	566 C	GLN A	41153. 146	13. 724	-4. 012	1. 00	0.000
	ATOM	567 (B GLN A	41150. 574	13. 098	-5. 310	1. 00	0.00 C
	ATOM	568 (G GLN A	41149.068	12. 908	-5. 240	1. 00	0.00 C
25	ATOM	569 (D GLN A	A 41148. 312	14. 221	-5. 293	1. 00	0.00 C
	ATOM	570	DE1 GLN A	A 41148. 274	14. 968	-4. 315	1. 00	0.000
	ATOM	571 I	NE2 GLN	A 41147. 705	14. 509	-6. 437	1. 00	0.00 N
	ATOM	572	i GLN	A 41150.861	13. 027	-2. 510	1. 00	0.00 H
	ATOM	573	HA GLN	A 41151. 277	11. 159	-4. 745	1. 00	0.00 H

	ATOM	574	1HB	GLN	A	41150. 798	14. 121	-5. 048	1. 00	0.00 H
	ATOM	575	2HB	GLN	A	41150. 892	12. 919	-6. 325	1. 00	0.00 H
	ATOM	576	1HG	GLN	A	41148. 754	12. 298	-6. 074	1. 00	0.00 H
	ATOM	577	2HG	GLN	A	41148. 824	12. 406	-4. 316	1. 00	0. 00 H
5	ATOM	578	1HE2	GLN	A	41147. 778	13. 866	-7. 174	1. 00	0.00 H
	ATOM	579	2HE2	GLN	A	41147. 211	15. 351	-6. 500	1. 00	0.00 H
	ATOM	580	N	PRO	A	42153. 742	11. 656	-4. 675	1. 00	0.00 N
	ATOM	581	CA	PRO	A	42155. 181	11. 939	-4. 673	1. 00	0.00 C
	ATOM	582	C	PRO	A	42155. 542	13. 108	-5. 584	1. 00	0.00 C
10	ATOM	583	0	PRO	A	42154. 782	13. 461	-6. 486	1. 00	0.000
	ATOM	584	CB	PRO	A	42155. 808	10. 641	-5. 194	1. 00	0.00 C
	ATOM	585	CG	PRO	A	42154. 786	9. 590	-4. 928	1. 00	0.00 C
	ATOM	586	CD	PRO	A	42153. 455	10. 268	-5.079	1. 00	0.00 C
	ATOM	587	HA	PRO	A	42155. 542	12. 139	-3. 674	1. 00	0.00 H
15	ATOM	588	1HB	PR0	A	42156. 012	10. 737	-6. 250	1. 00	0.00 H
	ATOM	589	2HB	PRO	A	42156. 725	10. 442	-4.661	1. 00	0.00 H
	ATOM	590	1HG	PRO	A	42154. 883	8. 791	-5. 647	1. 00	0. 00 H
	ATOM	591	2HG	PRO	A	42154. 901	9. 210	-3. 923	1. 00	0.00 H
	ATOM	592	1HD	PRO	A	42153. 124	10. 226	-6. 107	1. 00	0.00 H
20	ATOM	593	2HD	PR0	A	42152. 724	9. 819	-4. 424	1. 00	0.00 H
	ATOM	594	N	PRO	A	43156.714	13. 726	-5. 360	1. 00	0.00 N
	ATOM	595	CA	PR0	A	43157. 174	14. 860	-6. 166	1. 00	0.00 C
	ATOM	596	C	PR0	A	43157. 596	14. 441	-7. 569	1. 00	0. 00 C
	ATOM	597	0	PRO	A	43158. 768	14. 155	-7.816	1. 00	0.000
25	ATOM	598	CB	PR0	A	43158. 377	15. 386	-5. 384	1. 00	0. 00 C
	ATOM	599	CG	PR0	A	43158. 887	14. 204	-4. 634	1. 00	0. 00 C
	ATOM	600	CD	PRO	A	43157. 681	13. 366	-4. 305	1. 00	0. 00 C
	ATOM	601	HA	PR0	A	43156. 419	15. 630	-6. 233	1. 00	0.00 H
	ATOM	602	1HB	PR0	A	43159. 117	15. 767	-6.073	1. 00	0.00 H

	ATOM	603 2HB	PRO A	43158.061	16. 171 -4. 714	1. 00	0.00 H
	ATOM	604 1HG	PRO A	43159. 573	13. 646 -5. 253	1. 00	0.00 H
	ATOM	605 2HG	PRO A	43159. 376	14. 528 -3. 728	1. 00	0.00 H
	ATOM	606 1HD	PRO A	43157. 928	12. 316 -4. 350	1. 00	0.00 H
5	ATOM	607 2HD	PRO A	43157. 298	13. 624 -3. 329	1. 00	0.00 H
	ATOM	608 N	GLY A	44156. 635	14. 406 -8. 486	1. 00	0.00 N
	ATOM	609 CA	GLY A	44156. 931	14. 021 -9. 852	1. 00	0.00 C
	ATOM	610 C	GLY A	44155.710	13. 511 -10. 590	1. 00	0.00 C
	ATOM	611 0	GLY A	44155. 412	13. 962 -11. 696	1. 00	0.000
10	ATOM	612 H	GLY A	44155. 719	14. 645 -8. 232	1. 00	0.00 H
	ATOM	613 1HA	GLY A	44157. 323	14. 877 -10. 378	1. 00	0.00 H
	ATOM	614 2HA	GLY A	44157. 681	13. 245 -9. 840	1. 00	0.00 H
	ATOM	615 N	LEU A	45155. 002	12. 568 -9. 979	1. 00	0. 00 N
	ATOM	616 CA	LEU A	45153. 807	11. 996 -10. 589	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	617 C	LEU A	45152. 592	12. 203 -9. 694	1. 00	0.00 C
	ATOM	618 0	LEU A	45152. 501	11. 623 -8. 612	1. 00	0.000
	ATOM	619 CB	LEU A	45154.011	10. 504 -10. 858	1. 00	0.00 C
	ATOM	620 CG	LEU A	45154. 560	9. 704 -9. 674	1. 00	0.00 C
	ATOM	621 CD	1 LEU A	45154. 219	8. 227 -9. 82	1. 00	0.00 C
20	ATOM	622 CD	2 LEU A	45156.066	9. 899 -9. 55	1. 00	0. 00 C
	ATOM	623 H	LEU A	45155. 289	12. 247 -9. 096	3 1.00	0. 00 H
	ATOM	624 HA	LEU A	45153. 640	12. 503 -11. 528	3 1.00	0.00 H
	ATOM	625 1HB	LEU A	45153. 060	10. 079 -11. 14	1.00	0.00 H
	ATOM	626 2HB	LEU A	45154. 698	10. 399 -11. 68	1.00	0.00 H
25	ATOM	627 HG	E LEU A	45154. 101	10.062 -8.76	4 1.00	0.00 H
	ATOM	.628 1HI	1 LEU A	45153. 622	8. 081 -10. 71	0 1.00	0.00 H
	ATOM	629 2HI	1 LEU A	45153.661	7. 900 -8. 95	6 1.00	0.00 H
	ATOM	630 3HI	1 LEU A	45155. 130	7. 652 -9. 90	0 1.00	0. 00 H
	ATOM	631 1HI	2 LEU A	45156. 572	8. 983 -9. 82	4 1.00	0.00 H

2	1	Ė
J	Z	J

			7				323			
	ATOM	632	2HD2	LEU	A	45156. 312	10. 155 -8. 530	1. 00	0.00 H	
	ATOM	633	3HD2	LEU	A	45156. 383	10. 694 -10. 208	3 1.00	0.00 H	
	ATOM	634	N	ASN	A	46151.656	13. 030 -10. 149	1. 00	0.00 N	
	ATOM	635	CA	ASN	A	46150. 449	13. 299 -9. 37	7 1.00	0. 00 C	
5	ATOM	636	C	ASN	A	46149. 512	12. 098 -9. 414	1 1.00	0. 00 C	
	ATOM	637	0	ASN	A	46148. 893	11. 810 -10. 438	3 1.00	0.000	
	ATOM	638	CB	ASN	A	46149. 736	14. 537 -9. 929	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	639	CG	ASN	A	46148. 974	15. 289 -8. 852	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	640	OD 1	ASN	A	46147.746	15. 375 -8. 891	1. 00	0.000	
10	ATOM	641	ND2	ASN	A	46149. 700	15. 838 -7. 884	1. 00	0. 00 N	
	ATOM	642	H	ASN	A	46151.778	13. 465 -11. 018	1. 00	0.00 H	
	ATOM	643	HA	ASN	A	46150. 742	13. 484 -8. 355	1. 00	0.00 H	
	ATOM	644	1HB	ASN	A	46150. 466	15. 205 -10. 356	1. 00	0.00 H	
	ATOM	645	2HB	ASN	A	46149. 038	14. 232 ÷10. 691	1. 00	0. 00 H	
15	ATOM	646	1HD2	ASN	A	46150.673	15. 727 -7. 917	1. 00	0.00 H	
	ATOM	647	2HD2	ASN	A	46149. 233	16. 329 -7. 178	1. 00	0.00 H	
	ATOM	648	N	GLU	A	47149. 415	11. 401 -8. 288	1. 00	0.00 N	
	ATOM	649	CA	GLU	A	47148. 555	10. 230 -8. 183	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	650	C	GLU	A	47148. 375	9. 820 -6. 726	1. 00	0.00 C	
20	ATOM	651	0	GLU	A	47149. 348	9. 519 -6. 034	1. 00	0.000	
	ATOM	652	CB	GLU	A	47149. 138	9. 063 -8. 985	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	653	CG	GLU	A	47150.653	8. 959 -8. 902	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	654	CD	GLU .	A	47151. 235	8. 068 -9. 981	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	655	0E1	GLU .	A	47151. 350	8. 531 -11. 134	1. 00	0.000	
25	ATOM	656	0E2	GLU .	A	47151.575	6. 905 -9. 672	1. 00	0.000	
	ATOM	657	H	GLU A	A	47149. 935	11. 682 -7. 507	1. 00	0.00 H	
	ATOM	658	HA	GLU	A	47147. 590	10. 490 -8. 592	1. 00	0.00 H	
	ATOM	659	1HB	GLU A	A	47148. 715	8. 141 -8. 616	1. 00	0.00 H	
	ATOM	660	2HB	GLU A	A	47148. 864	9. 183 -10. 022	1. 00	0.00 H	

3	7	6	

				•	520			
	ATOM	661 1HG	GLU A	47151.075	9. 946	-9. 006	1. 00	0. 00 H
	ATOM	662 2HG	GLU A	47150. 922	8. 554	-7. 937	1. 00	0.00 H
	ATOM	663 N	VAL A	48147. 130	9. 802	-6. 264	1. 00	0.00 N
	ATOM	664 CA	VAL A	48146. 839	9. 420	-4. 889	1. 00	0.00 C
5	ATOM	665 C	VAL A	48147. 232	7. 969	-4. 639	1. 00	0.00 C
	ATOM	666 0	VAL A	48146. 502	7. 047	-5. 001	1. 00	0.000
	ATOM	667 CB	VAL A	48145. 346	9. 605	-4. 557	1. 00	0.00 C
	ATOM	668 CG	I VAL A	48145. 100	9. 395	-3. 071	1. 00	0.00 C
	ATOM	669 CG	2 VAL A	48144. 867	10. 980	-4. 996	1. 00	0.00 C
10	ATOM	670 H	VAL A	48146. 393	10. 047	-6.862	1. 00	0.00 H
	ATOM	671 HA	VAL A	48147. 417	10. 058	-4. 236	1. 00	0.00 H
	ATOM	672 HB	VAL A	48144. 783	8. 860	-5. 100	1. 00	0.00 H
	MOTA	673 1HG	1 VAL A	48144. 082	9. 666	-2.834	1. 00	0.00 H
	ATOM	674 2HG	1 VAL A	48145. 780	10. 014	-2.503	1. 00	0.00 H
15	ATOM	675 3HG	1 VAL A	48145. 265	8. 358	-2.821	1. 00	0.00 H
	ATOM	676 1HG	2 VAL A	48145. 704	11. 662	-5. 017	1. 00	0.00 H
	ATOM	677 2HG	2 VAL A	48144. 125	11. 342	-4. 301	1. 00	0.00 H
	ATOM	678 3HG	2 VAL A	48144. 433	10. 912	-5. 983	1. 00	0.00 H
	ATOM	679 N	LEU A	49148. 392	7. 774	-4. 021	1. 00	0.00 N
20	ATOM	680 CA	LEU A	49148. 884	6. 434	-3. 727	1. 00	0.00 C
	ATOM	681 C	LEU A	49148. 782	6. 135	-2. 237	1. 00	0.00 C
	ATOM	682 0	LEU A	49149. 437	6. 780	-1. 418	1. 00	0.000
	ATOM	683 C	B LEU A	49150. 333	6. 286	-4. 190	1. 00	0.00 C
	ATOM	684 C	G LEU A	49150. 544	6. 396	-5. 702	1. 00	0.00 C
25	ATOM	685 C	D1 LEU A	49151. 921	6. 965	-6. 009	1. 00	0.00 C
	ATOM	686 C	D2 LEU A	A 49150. 367	5. 038	-6. 363	1. 00	0. 00 C
	ATOM	687 H	LEU A	A 49148. 932	8. 549	-3. 758	1. 00	0.00 H
	ATOM	688 H	A LEU A	A 49148. 269	5. 729	-4. 266	1. 00	0.00 H
	ATOM	689 1H	B LEU	A 49150. 924	7. 053	-3. 709	1. 00	0.00 H

4	_	
7		
-	101	

				•	<i>321</i>			
	ATOM	690 2HB	LEU A	49150. 696	5. 322	-3. 869	1. 00	0.00 H
	ATOM	691 HG	LEU A	49149. 806	7. 068	-6. 114	1. 00	0. 00 H
	ATOM	692 1HD1	LEU A	49151. 845	8. 033	-6. 150	1. 00	0.00 H
	ATOM	693 2HD1	LEU A	49152. 306	6. 509	-6.908	1. 00	0.00 H
5	ATOM	694 3HD1	LEU A	49152. 588	6. 757	-5. 186	1. 00	0.00 H
	ATOM	695 1HD2	LEU A	49151. 056	4. 331	-5. 924	1. 00	0.00 H
	ATOM	696 2HD2	LEU A	49150. 566	5. 123	-7. 421	1. 00	0.00 H
	ATOM	697 3HD2	LEU A	49149. 354	4. 694	-6. 214	1. 00	0.00 H
	ATOM	698 N	ALA A	50147. 954	5. 157	-1. 890	1. 00	0.00 N
10	ATOM	699 CA	ALA A	50147. 767	4. 778	-0. 498	1. 00	0.00 C
	ATOM	700 C	ALA A	50148. 728	3. 663	-0.099	1. 00	0.00 C
	ATOM	701 0	ALA A	50148. 645	2. 546	-0.611	1. 00	0.000
	ATOM	702 CB	ALA A	50146. 329	4. 352	-0. 254	1. 00	0. 00 C
	ATOM	703 H	ALA A	50147. 457	4. 680	-2. 588	1. 00	0.00 H
15	ATOM	704 HA	ALA A	50147. 968	5. 649	0. 110	1. 00	0.00 H
	ATOM	705 1HB	ALA A	50146. 304	3. 578	0. 500	1. 00	0.00 H
	ATOM	706 2HB	ALA A	50145. 905	3. 973	-1. 172	1. 00	0.00 H
	ATOM	707 3HB	ALA A	50145. 753	5. 201	0.084	1. 00	0.00 H
	ATOM	708 N	GLY A	51149.639	3. 971	0. 818	1. 00	0. 00 N
20	ATOM	709 CA	GLY A	51150. 601	2. 984	1. 269	1. 00	0. 00 C
	ATOM	710 C	GLY A	51149. 968	1. 910	2. 133	1. 00	0.00 C
	ATOM	711 0	GLY A	51149. 673	2. 142	3. 305	1. 00	0.000
	ATOM	712 H	GLY A	51149. 657	4. 877	1. 191	1. 00	0.00 H
	ATOM	713 1HA	GLY A	51151. 053	2. 516	0. 406	1. 00	0.00 H
25	ATOM	714 2HA	GLY A	51151. 371	3. 482	1. 839	1. 00	0.00 H
	ATOM	715 N	LEU A	52149. 760	0. 733	1. 554	1. 00	0. 00 N
	ATOM	716 CA	A LEU A	52149. 158	-0. 379	2. 279	1. 00	0. 00 C
	ATOM	717 C	LEU A	52150. 226	-1. 227	2. 962	1. 00	0. 00 C
	ATOM	718 0	LEU A	A 52151.311	-1. 435	2. 418	1. 00	0.000

	ATOM	719	CB	LEU .	A	52148. 331	-1. 247	1. 329	1. 00	0. 00 C
	ATOM	720	CG	LEU	A	52147. 092	-0. 567	0.742	1. 00	0. 00 C
	ATOM	721	CD1	LEU	A	52146. 492	-1. 417	-0.367	1. 00	0.00 C
	ATOM	722	CD2	LEU	A	52146.064	-0. 305	1. 832	1. 00	0.00 C
5	ATOM	723	H	LEU	A	52150. 018	0. 609	0.617	1. 00	0.00 H
	ATOM	724	HA	LEU	A	52148. 505	0. 033	3. 035	1. 00	0.00 H
	ATOM	725	1HB	LEU	A	52148. 968	-1. 558	0. 513	1. 00	0.00 H
	ATOM	726	2HB	LEU	A	52148. 010	-2. 127	1.866	1. 00	0.00 H
	ATOM	727	HG	LEU	A	52147. 380	0. 383	0.317	1. 00	0.00 H
10	ATOM	728	1HD1	LEU	A	52146. 896	-1. 104	-1. 319	1. 00	0.00 H
	ATOM	729	2HD1	LEU	A	52145. 420	-1. 294	-0. 374	1. 00	0.00 H
	ATOM	730	3HD1	LEU	A	52146. 736	-2.456	-0. 197	1. 00	0.00 H
	ATOM	731	1HD2	LEU	A	52146. 171	-1. 044	2. 613	1. 00	0.00 H
	ATOM	732	2HD2	LEU	A	52145.071	-0. 367	1. 412	1. 00	0.00 H
15	ATOM	733	3HD2	LEU	A	52146. 220	0.680	2. 245	1. 00	0.00 H
	ATOM	734	N	GLU	A	53149. 911	-1.716	4. 157	1. 00	0.00 N
	ATOM	735	CA	GLU	A	53150. 842	-2. 542	4. 916	1. 00	0.00 C
	ATOM	736	C	GLU	A	53150. 337	-3. 977	5. 018	1. 00	0.00 C
	ATOM	737	0	GLU	A	53149. 366	-4. 256	5. 720	1. 00	0.000
20	ATOM	738	CB	GLU	A	53151. 049	-1. 961	6. 316	1. 00	0. 00 C
	ATOM	739	CG	GLU	A	53152. 034	-2. 750	7. 163	1. 00	0. 00 C
	ATOM	740	CD	GLU	A	53151. 587	-2. 881	8. 606	1. 00	0.00 C
	ATOM	741	OE	1 GLU	A	53152. 298	-2. 368	9. 497	1. 00	0.000
	ATOM	742	OE	2 GLU	J A	53150. 528	-3. 497	8. 845	1. 00	0.000
25	ATOM	743	H	GLU	J A	53149. 031	-1. 515	4. 539	1. 00	0.00 H
	ATOM	744	HA	GLU	JA	53151. 787	-2. 541	4. 393	1. 00	0.00 H
	ATOM	745	5 1HB	GLU	JΑ	53151. 416	-0. 950	6. 224	1. 00	0. 00 H
	ATOM	746	5 2HB	GLU	JA	53150. 099	-1. 944	6. 830	1. 00	0.00 H
	ATOM	747	7 1HG	GLU	J A	53152. 138	-3. 739	6. 743	1. 00	0.00 H

7	20	ı
-	74	F

	ATOM	748 2HG	GLU A	53152. 990	-2. 248	7. 141	1. 00	0.00 H
	ATOM	749 N	LEU A	54151.003	-4. 885	4. 310	1. 00	0.00 N
	ATOM	750 CA	LEU A	54150.620	-6. 292	4. 319	1. 00	0.00 C
	ATOM	751 C	LEU A	54150. 836	-6.904	5. 700	1. 00	0.00 C
5	ATOM	752 0	LEU A	54151.871	-6. 692	6. 329	1. 00	0.000
	ATOM	753 CF	B LEU A	54151. 423	-7. 067	3. 273	1. 00	0.00 C
	ATOM	754 C	G LEU A	54151. 413	-6.460	1.869	1. 00	0.00 C
	ATOM	755 CI	1 LEU A	54152. 554	-7. 023	1. 036	1. 00	0.00 C
	ATOM	756 C	D2 LEU A	54150.076	-6. 717 ·	1. 189	1. 00	0.00 C
10	ATOM	757 H	LEU A	54151.769	-4. 601	3. 768	1. 00	0.00 H
	ATOM	758 H	A LEU A	54149. 571	-6. 352	4. 072	1. 00	0.00 H
	ATOM	759 1H	B LEU A	54152. 448	-7. 128	3. 610	1. 00	0.00 H
	ATOM	760 2H	B LEU A	54151. 022	-8.068	3. 211	1. 00	0.00 H
	ATOM	761 H	G LEU A	54151. 551	-5. 392	1. 944	1. 00	0.00 H
15	ATOM	762 1H	D1 LEU A	54152. 684	-8. 071	1. 266	1. 00	0.00 H
	ATOM	763 2H	D1 LEU A	54153. 463	-6. 489	1. 263	1. 00	0.00 H
	ATOM	764 3H	D1 LEU A	54152. 323	-6. 911	-0. 013	1. 00	0.00 H
	ATOM	765 1H	D2 LEU A	54149. 629	-7. 612	1. 599	1. 00	0.00 H
	ATOM	766 2H	D2 LEU A	54150. 230	-6. 846	0. 128	1. 00	0.00 H
20	ATOM	767 3H	D2 LEU A	54149. 419	-5. 877	1. 357	1. 00	0.00 H
	MOTA	768 N	GLU A	55149. 850	-7. 665	6. 164	1. 00	0. 00 N
	ATOM	769 (CA GLU A	55149. 930	-8. 310	7. 469	1. 00	0. 00 C
	ATOM	770 (GLU A	55151. 044	-9. 351	7. 494	1. 00	0.00 C
	ATOM	771 (GLU A	55151.685	-9. 565	8. 524	1. 00	0.000
25	ATOM	772	CB GLU A	55148. 594	-8. 967	7. 822	1. 00	0. 00 C
	ATOM	773	CG GLU A	55147. 552	-7. 987	8. 337	1. 00	0. 00 C
	ATOM	774	CD GLU A	55146. 137	-8. 398	7. 975	1. 00	0.00 C
	ATOM	775	DE1 GLU A	55145.968	-9. 127	6. 975	1. 00	0.000
	ATOM	776	DE2 GLU	A 55145. 200	-7. 990	8. 692	1. 00	0.000

	ATOM	777	Н	GLU A		55149. 048	-7. 797	5. 615	1. 00	0.00 H
	ATOM	778	HA	GLU A	L	55150. 150	-7. 547	8. 202	1. 00	0.00 H
	ATOM	779 1	HB	GLU A	L	55148. 199	-9. 448	6. 939	1. 00	0.00 H
	ATOM	780 2	HB	GLU A	1	55148. 763	-9. 712	8. 584	1. 00	0.00 H
5	ATOM	781 1	HG	GLU A	l	55147. 630	-7. 930	9. 412	1. 00	0.00 H
	ATOM	782 2	HG	GLU A	I	55147. 749	−7. 015	7. 910	1. 00	0.00 H
	ATOM	783	N	ASP A	A	56151. 269	-9. 997	6.356	1. 00	0.00 N
	ATOM	784	CA	ASP A	A	56152. 306	-11. 017	6. 248	1. 00	0.00 C
	ATOM	785	C	ASP A	A	56153. 580	-10. 435	5. 642	1. 00	0.00 C
10	ATOM	786	0	ASP A	A	56153. 529	-9. 483	4.864	1. 00	0.000
	ATOM	787	CB	ASP .	A	56151. 812	-12. 189	5. 397	1. 00	0.00 C
	ATOM	788	CG	ASP .	A	56150. 930	-13. 140	6. 180	1. 00	0.00 C
	ATOM	789	OD1	ASP	A	56149. 691	-13. 034	6.064	1. 00	0.000
	ATOM	790	OD2	ASP	A	56151. 478	-13. 993	6. 910	1. 00	0.000
15	ATOM	791	H	ASP	A	56150. 725	-9. 784	5. 569	1. 00	0.00 H
	ATOM	792	HA	ASP	A	56152. 526	-11. 374	7. 243	1. 00	0.00 H
	ATOM	793	1HB	ASP	A	56151. 244	-11. 805	4. 563	1. 00	0.00 H
	ATOM	794	2HB	ASP	A	56152. 664	-12. 739	5. 024	1. 00	0. 00 H
	ATOM	795	N	GLU	A	57154. 719	-11. 014	6. 006	1. 00	0. 00 N
20	ATOM	796	CA	GLU	A	57156. 006	-10. 552	5. 498	1. 00	0. 00 C
	ATOM	797	C	GLU	A	57156. 353	3 -11. 245	4. 184	1. 00	0. 00 C
	ATOM	798	0	GLU	A	57156. 738	3 -12. 414	4. 170	1. 00	0.000
	ATOM	799	CB	GLU	A	57157. 107	7 -10. 810	6. 529	1. 00	0. 00 C
	ATOM	800	CG	GLU	A	57157. 130	9. 795	7. 660	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	801	CD	GLU	A	57158. 393	3 -9.882	8. 496	1. 00	0. 00 C
	ATOM	802	0E 1	GLU	A	57158. 992	2 -10. 976	8. 553	1. 00	0.000
	ATOM	803	0E2	2 GLU	A	57158. 783	2 -8. 856	9. 092	1. 00	0.000
	ATOM	804	H	GLU	A	57154. 69	4 -11. 769	6. 630	1. 00	0.00 H
	ATOM	805	HA	GLU	A	57155. 93	2 -9. 490	5. 323	1. 00	0. 00 H

								
	ATOM	806 1	HB	GLU A	57156. 960 -11. 791	6. 958	1. 00	0.00 H
	ATOM	807 2	HB	GLU A	57158. 064 -10. 784	6. 031	1. 00	0.00 H
	ATOM	808 1	HG	GLU A	57157. 065 -8. 803	7. 238	1. 00	0.00 H
	ATOM	809 2	HG	GLU A	57156. 278 -9. 969	8. 301	1. 00	0.00 H
5	ATOM.	810	N	CYS A	58156. 214 -10. 515	3. 082	1. 00	0. 00 N
	ATOM	811	CA	CYS A	58156. 513 -11. 058	1. 762	1. 00	0.00 C
	ATOM	812	C .	CYS A	58157. 824 -10. 492	1. 225	1. 00	0. 00 C
	ATOM	813	0	CYS A	58157. 973 -9. 279	1. 077	1. 00	0.000
	ATOM	814	CB	CYS A	58155. 374 -10. 750	0.790	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	815	SG	CYS A	58155. 604 -11. 445	-0.862	1. 00	0. 00 S
	ATOM	816	H	CYS A	58155. 904 -9. 589	3. 158	1. 00	0.00 H
	ATOM	817	HA	CYS A	58156. 612 -12. 129	1.860	1. 00	0. 00 H
	ATOM	818	1HB	CYS A	58154. 453 <i>-</i> 11. 150	1. 188	1. 00	0. 00 H
	ATOM	819	2HB	CYS A	58155. 279 -9. 678	0. 687	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	820	HG	CYS A	58156. 540 -11. 627	-0. 979	1. 00	0. 00 H
	ATOM	821	N	ALA A	59158. 770 -11. 378	0. 933	1. 00	0.00 N
	ATOM	822	CA	ALA A	59160.067 -10.966	0. 411	1. 00	0.00 C
	ATOM	823	C	ALA A	59159. 915 -10. 208	-0. 903	1. 00	0. 00 C
	ATOM	824	0	ALA A	59159. 155 -10. 615	-1. 782	1. 00	0.000
20	ATOM	825	CB	ALA A				0.00 C
	ATOM	826	H	ALA A	59158. 592 -12. 331	1. 071	1. 00	0.00 H
	ATOM	827	HA	ALA A	59160. 528 -10. 315	1. 140	1. 00	0.00 H
	ATOM	828	1HB	ALA A	A 59160. 734 -12. 921	0. 969	1. 00	0.00 H
	ATOM	829	2HB	ALA A	A 59162. 001 -11. 877	0. 326	1. 00	0.00 H
25	ATOM	830	3HB	ALA A	A 59160. 811 -12. 593	-0. 762	1. 00	0.00 H
	ATOM	831	. N	GLY A	A 60160. 643 -9. 103	-1. 031	1. 00	0.00 N
	ATOM	832	CA	GLY A	A 60160. 574 -8. 305	-2. 241	1. 00	0. 00 C
	ATOM	833	C	GLY A	A 60160. 044 -6. 908	-1. 985	1. 00	0.00 C
	ATOM	834	0	GLY A	A 60160. 381 -5. 967	-2. 703	1. 00	0.000

	ATOM	835 H	GLY A	60161. 231	-8. 827	-0. 298	1. 00	0.00 H
	ATOM	836 1HA	GLY A	60161. 564	-8. 229	-2.666	1. 00	0.00 H
	ATOM	837 2HA	GLY A	60159. 927	-8. 799	-2. 951	1. 00	0.00 H
	ATOM	838 N	CYS A	61159. 210	-6. 773	-0.959	1. 00	0.00 N
5	ATOM	839 CA	CYS A	61158. 631	-5. 480	-0.610	1. 00	0.00 C
	ATOM	840 C	CYS A	61159. 598	-4.662	0. 240	1. 00	0.00 C
	ATOM	841 0	CYS A	61160.705	-5. 109	0.542	1. 00	0.000
	ATOM	842 CB	CYS A	61157. 314	-5. 675	0. 143	1. 00	0.00 C
	ATOM	843 SG	CYS A	61156. 183	-6. 848	-0. 641	1. 00	0.00 S
10	ATOM	844 H	CYS A	61158. 978	-7. 560	-0. 424	1. 00	0.00 H
	ATOM	845 HA	CYS A	61158. 435	-4. 946	-1. 527	1. 00	0.00 H
	ATOM	846 1HB	CYS A	61157. 525	-6. 040	1. 137	1. 00	0.00 H
	ATOM	847 2HB	CYS A	61156. 804	-4. 725	0. 215	1. 00	0.00 H
	ATOM	848 HG	CYS A	61156. 528	-7. 057	-1. 512	1. 00	0.00 H
15	ATOM	849 N	THR A	62159. 174	-3. 462	0.620	1. 00	0.00 N
	ATOM	850 CA	THR A	62160.003	-2. 581	1. 435	1. 00	0.00 C
	ATOM	851 C	THR A	62159. 434	-2. 448	2. 844	1. 00	0.00·C
	ATOM	852 0	THR A	62158. 454	-3. 106	3. 192	1. 00	0.000
	MOTA	853 CI	3 THR A	62160. 110	-1. 201	0. 784	1. 00	0.00 C
20	ATOM	854 0	G1 THR A	62158. 839	-0. 580	0. 714	1. 00	0.000
	ATOM	855 C	G2 THR A	62160. 677	-1. 243	-0. 618	1. 00	0.00 C
	ATOM	856 H	THR A	62158. 283	-3. 161	0. 347	1. 00	0.00 H
	ATOM	857 H	A THR A	62160. 989	-3. 017	1. 497	1. 00	0.00 H
	ATOM	858 H	B THR A	62160.758	-0. 580	1. 385	1. 00	0.00 H
25	ATOM	859 H	G1 THR A	A 62158. 243	3 -1. 125	0. 195	1. 00	0.00 H
	ATOM	860 1H	G2 THR A	A 62160. 591	-2. 245	-1. 011	1. 00	0.00 H
	ATOM	861 2H	G2 THR	A 62161.718	3 -0.954	-0. 595	1. 00	0.00 H
	ATOM	862 3H	G2 THR	A 62160. 128	3 -0.561	-1. 250	1. 00	0.00 H
	ATOM	863 N	ASP	A 63160.056	6 -1. 594	3. 649	1. 00	0.00 N

	R
) .
$\overline{}$	

							333			
	ATOM	864	CA	ASP	A	63159. 612	-1. 375	5.021	1. 00	0. 00 C
	ATOM	865	C	ASP	A	63158. 866	-0. 050	5. 147	1. 00	0. 00 C
	ATOM	866	0	ASP	A	63158. 935	0.616	6. 180	1. 00	0.000
	ATOM	867	CB	ASP	A	63160. 806	-1. 393	5. 976	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	868	CG	ASP	A	63161. 904	-0. 439	5. 547	1. 00	0. 00 C
	ATOM	869	OD 1	ASP	A	63162. 936	-0. 917	5. 028	1. 00	0.000
	ATOM	870	OD2	ASP	A	63161.732	0. 784	5. 729	1. 00	0.000
	ATOM	871	H	ASP	A	63160. 832	-1. 098	3. 314	1. 00	0.00 H
	ATOM	872	HA	ASP	A	63158. 940	-2. 178	5. 284	1. 00	0.00 H
10	ATOM	873	1HB	ASP	A	63160. 475	-1. 110	6. 963	1. 00	0.00 H
	ATOM	874	2HB	ASP	A	63161. 216	-2. 393	6.011	1. 00	0.00 H
	ATOM	875	N	GLY	A	64158. 156	0. 325	4. 089	1. 00	0.00 N
	ATOM	876	CA	GLY	A	64157. 408	1. 569	4. 101	1. 00	0.00 C
	ATOM	877	C	GLY	A	64158. 144	2. 695	3. 402	1. 00	0.00 C
15	ATOM	878	0	GLY	A	64158. 130	3.836	3.864	1. 00	0.000
	MOTA	879	H	GLY	A	64158. 138	-0. 246	3. 293	1. 00	0.00 H
	ATOM	880	1HA	GLY	A	64156. 460	1. 412	3. 608	1. 00	0. 00 H
	ATOM	881	2HA	GLY	A	64157. 225	1. 856	5. 126	1. 00	0.00 H
	ATOM	882	N	THR	R A	65158. 787	2. 375	2. 284	1. 00	0.00 N
20	ATOM	883	CA	THE	R A	65159. 532	3. 367	1. 519	1. 00	0.00 C
	ATOM	884	C	THE	R A	65159. 121	3. 343	0.051	1. 00	0.00 C
	ATOM	885	0	THI	R A	65159. 276	2. 330	-0.631	1. 00	0.000
	ATOM	886	CB	THI	R A	65161.036	3. 116	1. 644	1. 00	0. 00 C
	ATOM	887	o OG	1 TH	R A	65161. 300	1. 733	1. 811	1. 00	0.000
25	ATOM	888	3 CG	2 TH	R A	65161.670	3. 849	2. 806	1. 00	0.00 C
	ATOM	889	H	TH	R A	65158. 760	1. 448	1. 967	1. 00	0.00 H
	ATOM	890) HA	. TH	R A	65159. 304	4. 341	1. 929	1. 00	0.00 H
	ATOM	89	1 HB	TH	R A	65161. 52	2 3. 447	0. 738	3 1.00	0.00 H
	ATOM	89	2 HG	1 TH	R A	65161.73	6 1. 394	1. 027	1.00	0.00 H



	ATOM	893 1HG2 THR A		65161. 388	3. 369	3. 731	1. 00	0.00 H
	ATOM	894 2HG2 THR A	1	65161. 331	4. 874	2. 813	1. 00	0.00 H
	ATOM	895 3HG2 THR A	\	65162. 745	3. 826	2. 702	1. 00	0.00 H
	ATOM	896 N PHE	A	66158. 597	4. 466	-0. 431	1. 00	0.00 N
5	ATOM	897 CA PHE	A	66158. 164	4. 572	-1. 819	1. 00	0. 00 C
	ATOM	898 C PHE	A	66159. 235	5. 243	-2.672	1. 00	0.00 C
	ATOM	899 O PHE	A	66159. 380	6. 465	-2.657	1. 00	0.000
	ATOM	900 CB PHE	A	66156. 857	5. 362	-1. 909	1. 00	0. 00 C
	ATOM	901 CG PHE	A	66156. 098	5. 124	-3. 184	1. 00	0.00 C
10	ATOM	902 CD1 PHE	A	66155. 827	3. 835	-3.613	1. 00	0. 00 C
	ATOM	903 CD2 PHE	A	66155. 657	6. 190	-3.951	1. 00	0.00 C
	ATOM	904 CE1 PHE	A	66155. 130	3. 613	-4. 786	1. 00	0.00 C
	ATOM	905 CE2 PHE	A	66154. 959	5. 974	-5. 125	1. 00	0.00 C
	ATOM	906 CZ PHE	A	66154. 695	4. 684	-5. 542	1. 00	0.00 C
15	ATOM	907 H PHE	A	66158. 499	5. 240	0. 162	1. 00	0.00 H
	ATOM	908 HA PHE	A	66157. 997	3. 574	-2. 192	1. 00	0.00 H
	ATOM	909 1HB PHE	A	66156. 218	5. 082	-1. 085	1. 00	0.00 H
	MOTA	910 2HB PHE	A	66157.078	6. 417	-1. 844	1. 00	0.00 H
	ATOM	911 HD1 PHE	A	66156. 166	2. 997	-3.022	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	912 HD2 PHE	A	66155.863	7. 198	-3.626	1. 00	0. 00 H
	ATOM	913 HE1 PHE	A	66154. 926	2. 603	-5. 111	1. 00	0.00 H
	ATOM	914 HE2 PHE	A	66154.621	6. 812	-5. 715	1. 00	0.00 H
	ATOM	915 HZ PHE	A	66154. 150	4. 514	-6.459	1. 00	0.00 H
	ATOM	916 N ARG	A	67159. 983	4. 435	-3. 417	1. 00	0.00 N
25	ATOM	917 CA ARC	A	67161.042	4. 949	-4. 278	1. 00	0. 00 C
	ATOM	918 C ARC	A	67162.083	5. 713	-3. 465	1. 00	0.00 C
	ATOM	919 O ARG	a A	67162. 723	6. 636	-3. 969	1. 00	0.000
	ATOM	920 CB AR	3 A	67160. 453	5. 860	-5. 357	1. 00	0.00 C
	ATOM	921 CG AR	G A	67159. 223	5. 281	-6. 038	3 1.00	0.00 C

<u>a</u>	
	P

	ATOM	922	CD	ARG A	67158. 382	6. 368	- 6. 687	1. 00	0.00 C
	ATOM	923	NE	ARG A	67157. 338	5. 813	-7. 546	1. 00	0.00 N
	ATOM	924	CZ	ARG A	67157. 567	5. 297	-8.752	1. 00	0.00 C
	ATOM	925	NH1	ARG A	67158. 799	5. 263	-9. 244	1. 00	0.00 N
5	ATOM	926	NH2	ARG A	67156. 561	4. 814	-9. 466	1. 00	0.00 N
	ATOM	927	H	ARG A	67159. 819	3. 469	-3. 387	1. 00	0.00 H
	ATOM	928	HA	ARG A	67161. 521	4. 107	-4. 753	1. 00	0.00 H
	ATOM	929	1HB	ARG A	67160. 177	6. 802	-4. 906	1. 00	0.00 H
	ATOM	930	2HB	ARG A	67161. 205	6. 037	-6. 112	1. 00	0.00 H
10	ATOM	931	1HG	ARG A	67159. 539	4. 582	-6.797	1. 00	0.00 H
	ATOM	932	2HG	ARG A	67158.623	4. 768	-5.300	1. 00	0.00 H
	ATOM	933	1HD	ARG A	67157. 919	6. 959	-5. 910	1. 00	0.00 H
	ATOM	934	2HD	ARG A	67159. 027	6. 998	-7. 281	1. 00	0.00 H
	ATOM	935	HE	ARG A	67156. 419	5. 826	-7. 206	1. 00	0.00 H
15	ATOM	936	1HH 1	ARG A	67159. 562	5. 625	-8. 709	1. 00	0.00 H
	ATOM	937	2HH	ARG A	67158. 964	4. 873	-10. 149	1. 00	0.00 H
	ATOM	938	1HH2	2 ARG A	67155. 630	4. 837	-9. 101	1. 00	0.00 H
	ATOM	939	2HH	2 ARG A	67156. 731	4. 426	-10. 372	1. 00	0.00 H
	ATOM	940	N	GLY A	68162. 246	5. 323	-2. 205	1. 00	0.00 N
20	ATOM	941	CA	GLY A	68163. 211	5. 983	-1. 344	1. 00	0.00 C
	ATOM	942	C C	GLY A	68162. 572	7. 006	-0. 425	1. 00	0.00 C
	ATOM	943	3 0	GLY A	68163. 149	7. 375	0. 598	1. 00	0.000
	ATOM	944	4 H	GLY A	68161. 708	4. 581	-1.856	1. 00	0.00 H
	ATOM	945	5 1HA	GLY A	68163. 709	5. 237	-0. 743	1. 00	0.00 H
25	ATOM	940	6 2HA	GLY A	A 68163. 946	6. 480	-1. 961	1. 00	0.00 H
	ATOM	94'	7 N	THR A	A 69161.378	7. 467	7 -0.787	1. 00	0. 00 N
•	ATOM	94	8 CA	THR A	A 69160.666	8. 45	0.015	1. 00	0.00 C
	ATOM	94	9 C	THR	A 69159.834	7. 778	3 1. 100	1. 00	0. 00 C
	ATOM	95	0 0	THR	A 69158.714	7. 33	0.851	1.00	0.000



				,		336	Ø,		
	ATOM	951	СВ	THR A	69159. 763	9. 310	-0. 875	1. 00	0. 00 C
	ATOM	952	0G1	THR A	69160. 491	9. 830	-1. 974	1. 00	0.000
	ATOM	953		THR A	69159. 137	10. 479	-0. 146	1. 00	0. 00 C
	ATOM	954	H	THR A	69160. 967	7. 138	-1.614	1. 00	0.00 H
5	ATOM	955	HA	THR A	69161. 399	9. 091	0. 486	1. 00	0.00 H
	ATOM	956	НВ	THR A	69158. 964	8. 693	-1. 259	1. 00	0.00 H
	ATOM	957	HG1	THR A	69161. 267	10. 293	-1. 655	1. 00	0.00 H
	ATOM	958	1HG2	THR A	69158. 646	11. 126	-0.857	1. 00	0.00 H
	ATOM	959	2HG2	THR A	69159. 906	11. 033	0. 374	1. 00	0.00 H
10	ATOM	960	3HG2	THR A	69158. 413	10. 113	0.567	1. 00	0.00 H
	ATOM	961	N	ARG A	70160. 389	7. 706	2. 306	1. 00	0.00 N
	ATOM	962	CA	ARG A	70159. 699	7. 084	3. 429	1. 00	0.00 C
	ATOM	963	C	ARG A	70158. 562	7. 971	3. 925	1. 00	0.00 C
	ATOM	964	0	ARG A	70158. 773	9. 132	4. 275	1. 00	0.000
15	ATOM	965	CB	ARG A	70160. 680	6. 807	4. 569	1. 00	0.00 C
	ATOM	966	CG	ARG A	70160. 151	5. 828	5. 603	1. 00	0.00 C
	ATOM	967	CD	ARG A	70160. 885	5. 964	6. 927	1. 00	0. 00 C
	ATOM	968	NE	ARG A	70162. 332	5. 847	6. 766	1. 00	0.00 N
	ATOM	969	CZ	ARG A	70163. 172	5. 583	7. 765	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	970	NH	1 ARG A	70162. 711	5. 408	8. 998	1. 00	0. 00 N
	ATOM	971	NH	2 ARG A	70164. 473	5. 494	7. 532	1. 00	0. 00 N
	ATOM	972	Н	ARG A	70161. 285	8. 080	2. 443	1. 00	0.00 H
	ATOM	973	HA	ARG A	70159. 286	6. 147	3. 086	1. 00	0.00 H
	ATOM	974	1 HB	ARG A	70161. 592	6. 402	4. 154	1. 00	0.00 H
25	ATOM	975	5 2HB	ARG A	70160. 906	7. 738	5. 069	1. 00	0.00 H
	ATOM	976	3 1HG	ARG A	A 70159. 102	6. 021	5. 764	1. 00	0.00 H
	ATOM	977	7 2HG	ARG	A 70160. 282	4. 821	5. 232	1. 00	0.00 H
	ATOM	978	3 1HI) ARG	A 70160.658	6. 931	7. 352	1. 00	0.00 H
	ATOM	979	9 2HI	ARG	A 70160. 543	5. 189	7. 596	1. 00	0.00 H

2004/016781	•	
		—

				7			337	Q.	,	
	ATOM	980 I	HE A	ARG A	,	70162. 699	5. 971	5. 866	1. 00	0. 00 H
	ATOM			ARG A		70161. 731	5. 474	9. 181.		0. 00 H
	ATOM	982 2				70163. 347	5. 210	9. 744	1. 00	0. 00 H
	ATOM			ARG A		70164. 825	5. 624	6. 604	1. 00	0. 00 H
5	ATOM	984 2		ARG A		70165. 104	5. 296	8. 282	1. 00	0.00 H
อ	ATOM			TYR A		71157. 354	7. 415	3. 953	1. 00	0. 00 N
	ATOM			TYR A		71156. 182	8. 156	4. 406	1. 00	0. 00 C
	ATOM	987		TYR A		71155. 796	7. 749	5. 824	1. 00	0. 00 C
	ATOM	988		TYR A		71155. 470	8. 595	6. 657	1. 00	0.000
10	ATOM	989	CB	TYR		71155. 007	7. 920	3. 457	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	990	CG	TYR		71155. 195	8. 551	2. 094	1. 00	0. 00 C
	ATOM	991		TYR		71155. 167	9. 930	1. 937	1. 00	0.00 C
	ATOM	992		TYR		71155. 397	7. 766	0. 966	1. 00	0.00 C
	ATOM	993		TYR		71155. 337	10. 510	0. 693	1. 00	0.00 C
15	ATOM	994		TYR		71155. 568	8. 337	-0. 280	1. 00	0.00 C
•	ATOM	995	CZ	TYR	A	71155. 537	9. 710	-0. 411	1. 00	0.00 C
	ATOM	996	ОН	TYR	A	71155. 707	10. 284	-1. 650	1. 00	0.000
	ATOM	997	Н	TYR	A	71157. 249	6. 486	3. 661	1. 00	0.00 H
	ATOM	998	HA	TYR	A	71156. 432	9. 207	4. 401	1. 00	0.00 H
20	ATOM	999	1HB	TYR	A	71154. 875	6. 859	3. 315	1. 00	0.00 H
	ATOM	1000	2HB	TYR	A	71154. 111	8. 336	3. 895	1. 00	0.00 H
	ATOM	1001	HD1	TYR	A	71155. 010	10. 555	2. 804	1. 00	0.00 H
	ATOM	1002	HD2	? TYR	A	71155. 420	6. 691	1. 071	1. 00	0.00 H
	ATOM	1003	HE 1	TYR	A	71155. 313	3 11. 585	0. 592	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1004	HE2	2 TYR	. A	71155. 72	5 7.710	-1. 145	1. 00	0.00 H
	ATOM	1005	НН	TYR	. A	71156. 63	2 10. 235	-1. 902	1. 00	0.00 H
	ATOM	1006	N	PHE	A	72155.83	5 6.447	6. 092	1. 00	0.00 N
	ATOM	1007	CA	PHE	A	72155. 48	8 5. 928	7. 409	1.00	0.00 C
	ATOM	1008	C	PHE	E A	72156. 49	1 4.871	7. 858	3 1.00	0.00 C



							-			
	ATOM	1009	0	PHE A	•	72157. 311	4. 403	7.068	1. 00	0.000
	ATOM	1010	CB	PHE A		72154. 079	5. 335	7. 393	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1011	CG	PHE A		72153. 863	4. 329	6. 298	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1012	CD1	PHE A	L.	72154. 015	2. 974	6. 546	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1013	CD2	PHE A		72153. 508	4. 738	5. 023	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1014	CE1	PHE A	1	72153. 817	2. 046	5. 541	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1015	CE2	PHE A	1	72153. 309	3.816	4. 015	1. 00	0.00 C
	ATOM	1016	CZ	PHE A	A	72153. 463	2. 468	4. 274	1. 00	0.00 C
	ATOM	1017	H	PHE A	A	72156. 102	5. 823	5. 386	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1018	HA	PHE A	A	72155. 514	6. 751	8. 107	1. 00	0.00 H
	ATOM	1019	1HB	PHE	A	72153. 890	4. 844	8. 336	1. 00	0.00 H
	ATOM	1020	2HB	PHE	A	72153. 361	6. 132	7. 260	1. 00	0.00 H
	ATOM	1021	HD 1	PHE	A	72154. 290	2. 644	7. 537	1. 00	0.00 H
	ATOM	1022	HD2	PHE	A	72153. 387	5. 793	4. 820	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1023	HE!	PHE	A	72153. 939	0. 993	5. 746	1. 00	0.00 H
	ATOM	1024	HE	2 PHE	A	72153. 033	4. 148	3. 024	1. 00	0.00 H
	ATOM	1025	HZ	PHE	A	72153. 308	1. 744	3. 487	1. 00	0.00 H
	ATOM	1026	N	THR	A	73156. 422	4. 500	9. 133	1. 00	0.00 N
	ATOM	1027	CA	THR	A	73157. 326	3. 498	9. 688	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1028	C	THR	A	73156. 594	2. 182	9. 932	1. 00	0.00 C
	ATOM	1029	0	THR	A	73155. 767	2. 079	10. 838	1. 00	0.000
	ATOM	1030	CB	THR	A	73157. 941	4. 003	10. 993	1. 00	0.00 C
	ATOM	1031	. O G	1 THR	A	73156. 941	4. 531	11. 848	1. 00	0.000
	ATOM	1032	CG	2 THR	A	73158. 983	5. 080	10. 785	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	1033	3 H	THR	A	73155. 748	4. 909	9. 714	1.00	0. 00 H
	ATOM	1034	4 HA	THR	A	73158. 114	3. 329	8. 970	1. 00	0.00 H
	ATOM	103	5 HE	THR	A	73158. 417	3. 176	11. 499	1.00	0.00 H
	ATOM	1030	6 H(31 THR	A	73156. 596	5. 344	11. 472	2 1.00	0.00 H
	ATOM	103	7 1HC	32 THR	. A	73159. 375	5. 392	11. 742	2 1.00	0.00 H

					-	339	_		
	ATOM	1038 2	HG2	THR A	73158. 532	5. 927	10. 289	1. 00	0.00 H
	ATOM	1039 3	HG2	THR A	73159. 786	4. 692	10. 177	1. 00	0.00 H
	ATOM	1040	N	CYS A	74156. 905	1. 178	9. 118	1. 00	0.00 N
	ATOM	1041	CA	CYS A	74156. 276	-0. 132	9. 247	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	1042	C	CYS A	74157. 327	-1. 238	9. 278	1. 00	0.00 C
	ATOM	1043	0	CYS A	74158. 514	-0.986	9. 073	1. 00	0.000
	ATOM	1044	CB	CYS A	74155. 305	-0.369	8. 090	1. 00	0.00 C
	ATOM	1045	SG	CYS A	74153. 619	0. 197	8. 415	1. 00	0.00 S
	ATOM	1046	H	CYS A	74157. 572	1. 322	8. 415	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1047	HA	CYS A	74155. 727	-0. 147	10. 176	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1048	1HB	CYS A	74155. 662	0. 153	7. 215	1. 00	0.00 H
	ATOM	1049	2HB	CYS A	74155. 261	-1. 428	7. 877	1. 00	0.00 H
	ATOM	1050	HG	CYS A	74153. 098	0. 048	7. 623	1. 00	0.00 H
	ATOM	1051	N	ALA A	75156. 880	-2. 462	9. 536	1. 00	0.00 N
15	ATOM	1052	CA	ALA A	75157. 781	-3. 607	9. 595	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1053	C	ALA A	75158. 466	-3. 836	8. 251	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1054	0	ALA A	75158. 120	-3. 206	7. 251	1. 00	0.000
	ATOM	1055	CB	ALA A	75157. 022	-4. 854	10.021	1. 00	0.00 C
	ATOM	1056	H	ALA A	75155. 923	-2. 600	9. 691	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	1057	HA	ALA A		-3. 401	10. 341	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1058	1HB	ALA A	75156. 775	-5. 441	9. 149	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1059	2HB	ALA A	75156. 113	-4. 566	10. 529	1. 00	0.00 H
	ATOM	1060	ЗНВ	ALA A	75157. 636	-5. 441	10. 687	1. 00	0.00 H
	ATOM	1061	N	LEU A	76159. 440	-4. 741	8. 235	1. 00	0. 00 N
25	ATOM	1062	CA	LEU A	76160. 174	-5. 052	7. 014	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1063	C	LEU A	76159. 372	-5. 997	6. 124		0. 00 C
	ATOM	1064	0	LEU A	76158. 793	-6. 973	6. 600	1. 00	
	ATOM	1065	CB	LEU A	76161. 527	-5. 679	7. 353		
	ATOM	1066	CG	LEU A	76162.600	-4. 692	7. 818	1.00	0.00 C

	ATOM	1067	CD1	LEU A	A	76163. 504	-5. 337	8. 856	1. 00	0.00 C
	ATOM	1068	CD2	LEU	A	76163. 415	-4. 197	6. 633	1. 00	0.00 C
	ATOM	1069	H	LEU	A	76159. 671	-5. 210	9.064	1. 00	0.00 H
	ATOM	1070	HA	LEU .	A	76160. 339	-4. 129	6. 482	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1071	1HB	LEU .	A	76161. 376	-6. 410	8. 135	1. 00	0.00 H
	ATOM	1072	2HB	LEU	A	76161. 895	-6. 189	6. 475	1. 00	0.00 H
	ATOM	1073	HG	LEU	A	76162. 121	-3. 839	8. 276	1. 00	0.00 H
	ATOM	1074	1HD1	LEU	A	76163. 112	-5. 145	9. 844	1. 00	0.00 H
	ATOM	1075	2HD1	LEU	A	76164. 497	-4. 919	8. 777	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1076	3HD1	LEU	A	76163. 547	-6. 401	8. 686	1. 00	0.00 H
	ATOM	1077	1HD2	LEU	A	76163. 394	-4. 936	5. 846	1. 00	0.00 H
	ATOM	1078	2HD2	LEU	A	76164. 436	-4. 028	6. 943	1. 00	0.00 H
	ATOM	1079	3HD2	LEU	A	76162. 993	-3. 271	6. 267	1. 00	0.00 H
	ATOM	1080	N	LYS	A	77159. 343	-5.699	4. 829	1. 00	0. 00 N
15	ATOM	1081	CA	LYS	A	77158. 612	-6. 522	3.872	1. 00	0.00 C
	ATOM	1082	C	LYS	A	77157. 123	-6. 548	4. 201	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1083	0	LYS	A	77156. 500	-7. 610	4. 224	1. 00	0.000
	ATOM	1084	CB	LYS	A	77159. 172	-7. 946	3. 859	1. 00	0.00 C
	ATOM	1085	CG	LYS	A	77160. 683	-8. 006	3. 706	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1086	CD	LYS	A	77161. 119	-7. 581	2. 314	1. 00	0.00 C
	ATOM	1087	CE	LYS	A	77162. 513	-6. 976	2. 326	1. 00	0.00 C
	ATOM	1088	NZ	LYS	A	77163. 560	-7. 995	2. 614	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1089	H	LYS	A	77159. 825	-4. 908	4. 510	1. 00	0.00 H
	ATOM	1090	HA	LYS	A	77158. 744	-6. 086	2. 892	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1091	1HB	LYS	A	77158. 907	-8. 433	4. 787	1. 00	0.00 H
	ATOM	1092	2HB	LYS	A	77158. 728	-8. 489	3. 038	1. 00	0.00 H
	ATOM	1093	1HG	LYS	A	77161. 135	-7. 344	4. 431	1. 00	0.00 H
	ATOM	1094	2HG	LYS	A	77161. 014	-9. 018	3. 886	1. 00	0.00 H
	ATOM	1095	1HD	LYS	A	77161. 120	-8. 447	1. 668	1. 00	0. 00 H

					•	J-11			
	MOTA	1096 2	2HD	LYS A	77160. 421	-6. 849	1. 936	1. 00	0.00 H
	ATOM	1097	1HE	LYS A	77162. 708	-6. 535	1. 361	1. 00	0.00 H
	ATOM	1098	2HE	LYS A	77162. 552	-6. 209	3. 086	1. 00	0.00 H
	ATOM	1099	1HZ	LYS A	77163. 525	-8. 270	3. 616	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1100	2HZ	LYS A	77164. 502	-7. 610	2. 403	1. 00	0.00 H
	ATOM	1101	3HZ	LYS A	77163. 404	-8. 841	2. 028	1. 00	0.00 H
	ATOM	1102	N	LYS A	78156. 558	-5. 373	4. 456	1. 00	0.00 N
	ATOM	1103	CA	LYS A	78155. 142	-5. 261	4. 785	1. 00	0.00 C
	MOTA	1104	C	LYS A	78154. 602	-3. 885	4. 407	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	1105	0	LYS A	78153. 781	-3. 312	5. 123	1. 00	0.000
	ATOM	1106	CB	LYS A	78154. 921	-5. 517	6. 278	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1107	CG	LYS A	78155. 477	-6.850	6. 755	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1108	CD	LYS A	78155. 149	-7. 097	8. 218	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1109	CE	LYS A	78153. 954	-8. 023	8. 373	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1110	NZ	LYS A	78153. 139	-7. 684	9. 573	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1111	H	LYS A	78157. 106	-4. 561	4. 423	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1112	HA	LYS A	78154. 610	-6. 012	4. 219	1. 00	0.00 H
	ATOM	1113	1HB	LYS A	78155. 400	-4. 729	6. 840	1. 00	0.00 H
	ATOM	1114	2HB	LYS A	78153. 861	-5. 500	6. 482	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	1115	1HG	LYS A	78155. 046			1. 00	0.00 H
	MOTA	1116	2HG	LYS A	78156. 550	-6. 845	6. 631	1. 00	0. 00 H
	MOTA	1117	1HD	LYS A	78156. 005	-7. 550	8. 697	1. 00	0.00 H
	ATOM	1118	2HD	LYS A	78154. 926	-6. 152	8. 692	1. 00	0.00 H
	ATOM	1119	1HE	LYS A	78153. 332	-7. 938	7. 493	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1120	2HE	LYS A	78154. 309	-9. 038	8. 464	1. 00	0.00 H
	ATOM	1121	1HZ	LYS A	78152. 325	-8. 326	9. 645	1. 00	0.00 H
	ATOM	1122	2HZ	LYS A	78152. 792	-6. 707	9. 505	1. 00	0.00 H
	ATOM	1123	3HZ	LYS A	78153. 716	-7. 775	10. 433	1. 00	0.00 H
	ATOM	1124	l N	ALA A	79155. 068	-3. 363	3. 278	1. 00	0. 00 N

							J 124			
	ATOM	1125	CA	ALA A		79154. 633	-2. 055	2. 805	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1126	C	ALA A		79154. 555	-2. 020	1. 282	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1127	0	ALA A		79155. 578	-1. 989	0. 599	1. 00	0.000
	ATOM	1128	CB	ALA A		79155. 571	-0. 971	3. 312	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1129	H	ALA A		79155. 721	-3.869	2. 751	1. 00	0.00 H
	ATOM	1130	HA	ALA A		79153. 648	-1. 864	3. 209	1. 00	0.00 H
	ATOM	1131	1HB	ALA A	L	79156. 010	-1. 283	4. 248	1. 00	0.00 H
	ATOM	1132	2HB	ALA A	1	79155. 017	-0.056	3. 462	1. 00	0.00 H
	ATOM	1133	ЗНВ	ALA A	1	79156. 353	-0.802	2. 586	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1134	N	LEU A	I	80153. 334	-2.025	0. 757	1. 00	0.00 N
	ATOM	1135	CA	LEU A	A	80153. 122	-1. 994	-0. 685	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1136	C	LEU	A	80152. 248	-0. 809	-1. 081	1. 00	0.00 C
	ATOM	1137	0	LEU .	A	80151.047	7 −0. 791	-0.810	1. 00	0.000
	ATOM	1138	CB	LEU	A	80152. 476	6 −3. 299	-1. 154	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1139	CG	LEU	A	80152. 149	5 −3. 358	-2. 647	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1140	CD	1 LEU	A	80153. 393	3 -3.669	-3. 458	1. 00	0.00 C
	ATOM	1141	CD	2 LEU	A	80151.06	2 -4.394	-2. 911	1. 00	0.00 C
	ATOM	1142	H	. LEU	A	80152. 55	7 -2.050	1. 353	1. 00	0.00 H
	ATOM	1143	HA	LEU	A	80154.08	6 -1.889	-1. 160	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1144	1HB	LEU	A	80153. 14		-0. 923		0.00 H
	ATOM	1145	2HB	LEU	A	80151.55	9 -3. 442	-0. 600	1. 00	0.00 H
	ATOM	1146	HG	LEU	A	80151.77	2 -2. 395	-2. 964	1. 00	0.00 H
	ATOM	1147	7 1HD	1 LEU	A	80153. 33	5 -3. 169	-4. 413	1. 00	0.00 H
	ATOM	1148	3 2HD	1 LEU	A	80153. 46	4 -4.735	-3. 614	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1149	3 HD	1 LEU	A	80154. 26	5 -3.325	-2. 923	1.00	
	ATOM	1150	0 1HI	2 LEU	A	80150. 26	33 -4. 270	-2. 196	1. 00	0.00 H
	ATOM	115	1 2HI	2 LEU	A	80151.48	31 -5. 385	-2. 814	1.00	0. 00 H
	ATOM	115	2 3HI	2 LEU	A	80150.67	75 -4. 263	-3. 911	1. 00	0.00 H
	ATOM	115	3 N	PHE	A	81152. 8	58 O. 182	-1. 724	1.00	0.00 N

						•	J -1 J			
	ATOM	1154	CA	PHE	A	81152. 135	1. 371	-2. 158	1. 00	0.00 C
	ATOM	1155	C	PHE	A	81151. 374	1. 103	-3. 452	1. 00	0.00 C
	ATOM	1156	0	PHE	A	81151. 879	0. 436	-4. 355	1. 00	0.000
	ATOM	1157	CB	PHE	A	81153. 104	2. 538	-2. 355	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1158	CG	PHE	A	81153. 883	2. 888	-1. 119	1. 00	0.00 C
	ATOM	1159	CD1	PHE	A	81153. 494	3. 947	-0. 316	1. 00	0.00 C
	ATOM	1160	CD2	PHE	A	81155. 005	2. 157	-0.761	1. 00	0.00 C
	ATOM	1161	CE1	PHE	A	81154. 209	4. 271	0.822	1. 00	0.00 C
	ATOM	1162	CE2	PHE	A	81155. 724	2. 476	0. 375	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1163	CZ	PHE	A	81155. 325	3. 534	1. 167	1. 00	0.00 C
	ATOM	1164	H	PHE	A	81153. 817	0. 110	-1. 911	1. 00	0.00 H
	ATOM	1165	HA	PHE	A	81151. 428	1. 630	-1. 385	1. 00	0.00 H
	ATOM	1166	1HB	PHE	A	81153. 810	2. 283	-3. 131	1. 00	0.00 H
	ATOM	1167	2HB	PHE	A	81152. 546	3. 414	-2.656	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1168	HD 1	l PHE	A	81152. 621	4. 524	-0. 585	1. 00	0.00 H
	ATOM	1169	HD2	2 PHE	A	81155. 317	1. 329	-1. 381	1. 00	0.00 H
	ATOM	1170	HE	1 PHE	Α	81153. 895	5. 100	1. 440	1. 00	0.00 H
	ATOM	1171	HE	2 PHE	A	81156. 596	1. 898	0. 643	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1172	HZ	PHE	A	81155. 884	3. 785	2. 056	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	1173	N	VAL	, A	82150. 155	1. 628	-3. 535	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1174	CA	VAL	. A	82149. 324	1. 445	-4. 718	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1175	C	VAI	. A	82148. 369	2. 618	-4. 907	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1176	0	VAI	. A	82148. 190	3. 437	-4. 005		0.000
	ATOM	1177	CB	VAI	. A	82148. 507	0. 142	-4. 635		0. 00 C
25	ATOM	1178	CG	1 VAI	A	82149. 423	-1. 069			
	ATOM	1179	CG	2 VAI	L A	82147. 682	0. 111	-3. 358		
	ATOM	1180	H	VA]	L A	82149. 807	2. 151			
	ATOM	1181	HA	VA)	L A	82149. 976	1. 382			
	ATOM	1182	e HB	VA]	L A	82147. 830	0. 111	-5. 477	1. 00	0. 00 H

							511			
	ATOM	1183 1	HG1	VAL A	8	32150. 197	-0.886	-5. 447	1. 00	0.00 H
	ATOM	1184 2	HG1	VAL A	8	82148. 848	-1. 936	-5.010 .	1, 00	0.00 H
	ATOM	1185 3	HG1	VAL A	1	82149. 873	-1. 247	-3. 751	1. 00	0.00 H
	ATOM	1186 1	HG2	VAL A	;	82147. 413	1. 118	-3. 078	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1187 2	2HG2	VAL A		82148. 261	-0. 341	-2.566	1. 00	0.00 H
	ATOM	1188 3	BHG2	VAL A		82146. 784	-0. 468	-3. 523	1. 00	0.00 H
	ATOM	1189	N	LYS A		83147. 757	2. 694	-6. 084	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1190	CA	LYS A		83146. 820	3. 768	-6. 391	1. 00	0.00 C
	ATOM	1191	C	LYS A		83145. 576	3.672	-5. 515	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	1192	0	LYS A	1	83144. 875	2. 659	-5. 521	1. 00	0.000
	ATOM	1193	CB	LYS A	l	83146. 424	3. 721	-7. 868	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1194	CG	LYS A	A	83147. 590	3. 945	-8. 818	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1195	CD	LYS A	A	83147. 222	3. 577	-10. 246	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1196	CE	LYS	A	83147. 832	4. 546	-11. 246	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1197	NZ	LYS	A	83148. 273		-12. 490	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1198	H	LYS .	A	83147. 941		-6. 763	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1199	HA	LYS	A	83147. 313	4. 707	-6. 190	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1200	1HB	LYS	A	83145. 993	2. 754		1. 00	0. 00 H
	ATOM	1201	2HB	LYS	A	83145. 684	4. 484			0. 00 H
20	MOTA	1202	1HG	LYS	A	83147. 871				· 0. 00 H
	ATOM	1203	2HG	LYS	A	83148. 421	3. 334	-8. 500		0.00 H
	ATOM	1204	1HD	LYS	A	83147. 587		-10. 456		0.00 H
	ATOM	1205	2HD	LYS	A	83146. 147		3 -10. 349		0. 00 H
	MOTA	1206	1HE	LYS	A	83147. 09		3 -11. 500		
25	ATOM	1207	2HE	LYS	A	83148. 68		5 -10. 788		
	ATOM	1208	1HZ	LYS	A	83149. 27		5 -12. 422		
	ATOM	1209	2HZ	LYS	A	83148. 13		3 -13. 310		
	ATOM	1210	3H2	LYS	A	83147. 71		1 -12.635		
	ATOM	1211	N	LEU	A	84145. 30	7 4. 73	5 -4.76	5 1.00	0.00 N

						7-5			
	ATOM	1212	CA	LEU A	84144. 147	4. 776	-3. 883	1. 00	0.00 C
	ATOM	1213	C	LEU A	84142. 855	4. 587	-4. 673	1. 00	0.00 C
	ATOM	1214	0	LEU A	84141. 893	4. 002	-4. 176	1. 00	0.000
	ATOM	1215	CB	LEU A	84144. 108	6. 105	-3. 127	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1216	CG	LEU A	84142. 878	6. 316	-2. 242	1. 00	0.00 C
	ATOM	1217	CD1	LEU A	84143. 016	5. 538	-0. 942	1. 00	0.00 C
	ATOM	1218	CD2	LEU A	84142. 672	7. 795	-1.961	1. 00	0.00 C
	ATOM	1219	H	LEU A	84145. 903	5. 510	-4.806	1. 00	0.00 H
	ATOM	1220	HA	LEU A	84144. 242	3. 970	-3. 172	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1221	1HB	LEU A	84144. 989	6. 165	-2.504	1. 00	0.00 H
	ATOM	1222	2HB	LEU A	84144. 145	6. 906	-3. 849	1. 00	0.00 H
	ATOM	1223	HG	LEU A	84142. 004	5. 947	-2.760	1. 00	0.00 H
	ATOM	1224	1HD1	LEU A	84142. 131	5. 683	-0.340	1. 00	0.00 H
	ATOM	1225	2HD1	LEU A	84143. 882	5. 890	-0. 401	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	1226	3HD1	LEU A	84143. 134	4. 486	-1. 162	1. 00	0.00 H
	ATOM	1227	1HD2	LEU A	84141. 827	7. 923	-1. 300	1. 00	0.00 H
	ATOM	1228	2HD2	LEU A	84142. 485	8. 316	-2. 887	1. 00	0.00 H
	ATOM	1229	3HD2	LEU A	84143. 558	8. 200	-1. 493	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1230	N	LYS A	85142. 843	5. 085	-5. 904	1. 00	0.00 N
20	ATOM	1231	CA	LYS A	85141.670	4. 971	-6. 764	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1232	C C	LYS A	85141. 371	3. 510	-7. 086	1. 00	0.00 C
	ATOM	1233	3 0	LYS A	85140. 226	3. 147	-7. 355	1. 00	0.000
	ATOM	1234	4 CB	LYS A	85141. 882	5. 757	-8. 059	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1235	5 CG	LYS A	85143. 234	5. 509	-8. 708	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	1230	6 CD	LYS A	85144. 209	6. 639	-8. 416	1. 00	0. 00 C
	ATOM	123	7 CE	LYS A	A 85145. 050	6. 980	9. 635	1. 00	0. 00 C
	ATOM	123	8 NZ	LYS	A 85145.823	8. 237	7 -9.443	1. 00	0.00 N
	ATOM	123	9 H	LYS	A 85143.642	5. 540	-6.244	1.00	
	ATOM	124	O HA	LYS	A 85140.829	5. 389	9 -6. 232	2 1.00	0.00 H

					-				
	ATOM	1241 1	HB	LYS A	85141. 112	5. 481	-8. 764	1. 00	0.00 H
	ATOM	1242 2	2HB	LYS A	85141. 798	6. 812	-7. 842	1. 00	0.00 H
	ATOM	1243	1 HG	LYS A	85143. 642	4. 587	-8. 325	1. 00	0.00 H
	ATOM	1244	2HG	LYS A	85143. 099	5. 429	-9. 776	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1245	1HD	LYS A	85143. 653	7. 515	-8. 119	1. 00	0.00 H
	ATOM	1246	2HD	LYS A	85144. 863	6. 336	-7.611	1. 00	0.00 H
	ATOM	1247	1HE	LYS A	85145. 739	6. 169	-9.820	1. 00	0.00 H
	ATOM	1248	2HE	LYS A	85144. 396	7. 096	-10. 487	1. 00	0.00 H
	ATOM	1249	1HZ	LYS A	85145. 341	8. 853	-8. 758	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1250	2HZ	LYS A	85145. 911	8. 745	-10. 346	1. 00	0.00 H
	ATOM	1251	3HZ	LYS A	85146.777	8. 020	-9. 087	1. 00	0.00 H
	ATOM	1252	N	SER A	86142. 405	2. 675	-7. 058	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1253	CA	SER A	86142. 248	1. 255	-7. 348	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1254	C	SER A	86142. 150	0. 442	-6.061	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1255	0	SER A	86142. 547	-0. 722	-6.017	1. 00	0.000
	ATOM	1256	CB	SER A	86143. 421	0. 752	-8. 193	1. 00	0.00 C
	ATOM	1257	0G	SER A	86143. 705	1. 648	-9. 254	1. 00	0.000
	ATOM	1258	H	SER A	86143. 295	3. 023	-6. 838	1. 00	0.00 H
	ATOM	1259	HA	SER A	86141. 334	1. 130	-7. 908	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1260	1HB	SER A				1. 00	0.00 H
	ATOM	1261	2HB	SER A	86143. 176	-0. 214	-8. 608	1. 00	0.00 H
	ATOM	1262	HG	SER A	86144. 344	1. 247	-9. 848	1. 00	0.00 H
	ATOM	1263	N	CYS A	87141. 618	1. 064	-5. 012	1. 00	0.00 N
	ATOM	1264	CA	CYS A	87141. 467	0. 398	-3. 724	1. 00	0.00 C
2	5 ATOM	1265	C	CYS A	87139. 994	0. 260	-3. 353	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1266	0	CYS A	87139. 165	1. 081	-3. 747	1. 00	0.000
	ATOM	1267	СВ	CYS A	87142. 207	1. 175	-2. 634	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1268	SG	CYS A	87143. 989	0. 867	-2. 590	1. 00	0. 00 S
	ATOM	1269	H	CYS A	87141. 319	1. 992	-5. 108	1. 00	0.00 H

1.00 0.00 H -3.80887141.898 -0.5881270 HA CYS A MOTA 1.00 0.00 H -2.7951271 1HB CYS A 87142.062 2. 233 ATOM 0.00 H 1.00 0.904 -1.6701272 2HB CYS A 87141. 802 ATOM 1.00 0.00 H -3.1251. 539 ATOM 1273 HG , CYS A 87144. 418 1. 00 0.00 N -2.595-0.783ARG A 88139. 674 **ATOM** 1274 N 5 0.00 C -2.1721.00 -1.027ARG A 88138. 300 CA ATOM 1275 0.00 C 1.00 -1.247-0.66288138. 226 C ARG A ATOM 1276 1.00 0.000 -1.828-0.06788139. 134 0 ARG A **ATOM** 1277 1.00 0.00 C -2.903-2.243CBARG A 88137. 728 **ATOM** 1278 1.00 0.00 C -4.264-1.91188137. 135 ATOM 1279 CG ARG A 10 -4.1991.00 0.00 C 88135.620 -1.785ARG A **ATOM** 1280 CD 1.00 0.00 N -0.413-4.42888135. 175 ARG A ATOM 1281 NE 0.00 C 1.00 -5.61888135. 192 0. 183 CZARG A 1282 ATOM 0.00 N 1.00 NH1 ARG A -6.688-0.46888135. 631 1283 ATOM 1.00 0.00 N -5.740NH2 ARG A 1. 433 88134. 768 1284 ATOM 15 0.00 H -2.3121.00 -1.40388140.378 H ARG A ATOM 1285 -2.4270.00 H 1.00 -0.156ARG A 88137. 715 1286 HA ATOM 0.00 H -3.0461.00 -2.967ARG A 88138. 517 1287 1HB ATOM 0.00 H -2.2941.00 88136. 953 -2.6841288 2HB ARG A ATOM -4.6071.00 0.00 H 88137.549 -0.974ARG A 20 ATOM 1289 1HG -4.9580.00 H -2.6971.00 88137. 392 1290 2HG ARG A ATOM 0.00 H 1. 00 88135. 186 -2.424-4.9531291 1HD ARG A **ATOM** 0.00 H 1.00 -3.222ARG A 88135. 285 -2.1031292 2HD ATOM 0.00 H 1.00 0.092 -3.65588134. 846 1293 HE ARG A ATOM -6.6031. 00 0.00 H -1.41288135. 952 1294 1HH1 ARG A 25 ATOM 0.00 H -0.016-7.5801.00 1295 2HH1 ARG A 88135. 640 **ATOM** 1.00 0.00 H 1. 929 -4.9381296 1HH2 ARG A 88134. 436 ATOM 1.881 0.00 H -6.6341.00 1297 2HH2 ARG A 88134. 780 ATOM 0.00 N 1.00 -0. 787 -0.0191298 PRO A 89137. 138 N ATOM

			_				348			
	ATOM	1299	CA	PRO A	1	89136. 954	-0. 940	1. 428	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1300	C	PRO A	A	89137. 091	-2. 390	1. 877	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1301	0	PRO A	A	89136. 444	-3. 284	1. 330	1. 00	0.000
	ATOM	1302	CB	PRO I	A	89135. 526	-0. 441	1. 664	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1303	CG	PRO A	A	89135. 249	0.476	0. 523	1. 00	0.00 C
	ATOM	1304	CD	PRO .	A	89136. 005	-0.084	-0.649	1. 00	0.00 C
	ATOM	1305	HA	PRO.	A	89137. 650	-0. 326	1. 981	1. 00	0.00 H
	MOTA	1306	1HB	PRO .	A	89134. 846	-1. 280	1. 672	1. 00	0.00 H
	ATOM	1307	2HB	PRO	A	89135. 476	0.079	2. 609	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1308	1HG	PRO	A	89134. 189	0. 491	0. 314	1. 00	0.00 H
	ATOM	1309	2HG	PRO	A	89135. 602	1. 469	0. 758	1. 00	0.00 H
	ATOM	1310	1 HD	PRO	A	89135. 384	-0. 771	-1. 205	1. 00	0.00 H
	ATOM	1311	2HD	PRO	A	89136. 354	0.714	-1. 288	1. 00	0.00 H
	ATOM	1312	N	ASP	A	90137. 937	-2. 618	2. 876	1. 00	0.00 N
15	ATOM	1313	CA	ASP	A	90138. 157	-3. 961	3. 398	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1314	C	ASP	A	90137. 366	-4. 181	4. 683	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1315	0	ASP	A	90137. 759	-3. 716	5. 754	1. 00	0.000
	ATOM	1316	. CB	ASP	A	90139. 647	-4. 192	3. 658	1. 00	0.00 C
	MOTA	1317	CG	ASP	A	90140. 036	-5. 653	3. 537	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1318	OD 1	ASP	A	90140. 335	-6. 275	4. 578	1. 00	0.000
	ATOM	1319	OD2	ASP	A	90140. 041	-6. 174	2. 403	1. 00	0.000
	ATOM	1320	H	ASP	A	90138. 424	-1. 866	3. 271	1. 00	0.00 H
	ATOM	1321	HA	ASP	A	90137. 817	-4. 667	2. 655		0. 00 H
	ATOM	1322	1HB	ASP	Α	90140. 223	-3. 626	2. 941	1. 00	
25	ATOM	1323	3 2HB	ASP	A	90139. 889	-3. 855	4. 654	1. 00	
	ATOM	1324	1 N	SER	A	91136. 249	-4. 893	4. 571	1. 00	
	ATOM	1325	5 CA	SER	R A	91135. 403	3 -5. 173	5. 725		
	ATOM	1320	6 C	SER	R A	91135. 694	4 -6.560			
	ATOM	132	7 0	SER	R A	91134. 834	4 -7. 177	6. 920	1.00	0.000

						349.			
	ATOM	1328	CB	SER A	91133. 928	-5. 070	5. 339	1. 00	0.00 C
	ATOM	1329	0G	SER A	91133. 139	-4. 656	6. 440	1. 00	0.000
	ATOM	1330	H	SER A	91135. 988	-5. 237	3. 691	1. 00	0.00 H
	ATOM	1331	HA	SER A	91135. 620	-4. 435	6. 482	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1332	HB	SER A	91133. 815	-4. 351	4. 541	1. 00	0.00 H
	ATOM	1333 2	2HB	SER A	91133. 577	-6. 036	5. 005	1. 00	0.00 H
	ATOM	1334	HG	SER A	91132. 431	-5. 288	6. 584	1. 00	0.00 H
	ATOM	1335	N	ARG A	92136. 912	-7. 045	6.069	1. 00	0.00 N
	ATOM	1336	CA	ARG A	92137. 312	-8. 358	6. 561	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1337	C	ARG A	92137. 327	-8. 385	8. 086	1. 00	0.00 C
	ATOM	1338	0	ARG A	92137. 097	-9. 426	8. 702	1. 00	0.000
	ATOM	1339	CB	ARG A	92138. 693	-8. 731	6. 019	1. 00	0.00 C
	ATOM	1340	CG	ARG A	92138. 670	-9. 221	4. 580	1. 00	0.00 C
	ATOM	1341	CD	ARG A	92137. 825	-10. 475	4. 432	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1342	NE	ARG A	92136. 492	-10. 179	3. 911	1. 00	0.00 N
	ATOM	1343	CZ	ARG A	92136. 232	-9. 956	2. 624	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1344	NH1	ARG A	92137. 209	-9. 994	1. 726	1. 00	0. 00 N
•	ATOM	1345	NH2	ARG A	92134. 992	-9. 695	2. 235	1. 00	0.00 N
	MOTA	1346	H	ARG A	92137. 557	-6. 509	5. 564	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1347	HA	ARG A	92136. 589	-9. 078	6. 208	1. 00	0.00 H
	ATOM	1348	1HB	ARG A	92139. 334	-7. 863	6.072	1. 00	0.00 H
	ATOM	1349	2HB	ARG A	92139. 110	-9. 513	6. 636	1. 00	
	ATOM	1350	1HG	ARG A	92138. 257	-8. 444	3. 953	1. 00	
	ATOM	1351	2HG	ARG A	92139. 681	-9. 438	4. 269	1. 00	
25	ATOM	1352	1HD	ARG A	92138. 324	1 -11. 152	3. 755	1. 00	
	ATOM	1353	2HD	ARG A	92137. 726	5 -10. 944	5. 400	1. 00	
	ATOM	1354	HE	ARG A	92135. 752	2 -10. 145	4. 552		
	ATOM			1 ARG A			2. 013		
	ATOM	1356	2HH	1 ARG	A 92137.007	7 -9.826	0. 761	1. 00	0.00 H

							000			
	ATOM	1357	1HH2	ARG	A	92134. 25	2 -9.6	66 2.90	7 1.00	0.00 H
	ATOM	1358	2HH2	ARG	A	92134. 79	6 -9.5	28 1. 26	8 1.00	0.00 H
	ATOM	1359	N	PHE	A	93137. 59	8 -7.2	32 8.69	0 1.00	0.00 N
	ATOM	1360	CA	PHE	A	93137. 64	3 -7.1	21 10.14	14 1.00	0.00 C
5	ATOM	1361	C	PHE	A	93136. 50	6 -6. 2	46 10.66	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1362	0	PHE	A	93136.62	22 -5.6	22 11. 7	15 1.00	0.000
	ATOM	1363	CB	PHE	A	93138. 98	38 -6.5	47 10. 59	1. 00	0.00 C
	ATOM	1364	CG	PHE	A	93140. 16	31 -7.4	113 10. 2	29 1. 00	0. 00 C
	ATOM	1365	CD1	PHE	A	93140. 94	44 -7. 9	988 11. 2	17 1. 00	0.00 C
10	ATOM	1366	CD2	PHE	A	93140. 48	80 -7.6	852 8.9	03 1.00	0.00 C
	ATOM	1367	CE1	PHE	A	93142. 03	23 -8.7	787 10.8	89 1.00	0. 00 C
	ATOM	1368	CE2	PHE	A	93141. 5	58 -8.	449 8.5	67 1.00	0.00 C
	ATOM	1369	CZ	PHE	A	93142. 3	31 -9.	016 9.5	62 1.00	0.00 C
	ATOM	1370	H	PHE	A	93137.7	73 -6.	436 8. 1	46 1.00	0.00 H
15	ATOM	1371	HA	PHE	A	93137. 5	32 -8.	114 10.5	55 1.00	0.00 H
	ATOM	1372	1HB	PHE	A	93139. 1	32 -5.	582 10. 1	25 1. 00	0.00 H
	ATOM	1373	2HB	PHE	A	93138. 9	81 -6.	425 11.6	64 1.00	0.00 H
	ATOM	1374	HD 1	PHE	A	93140. 7	′ 04 −7.	809 12. 2	255 1.00	0.00 H
	ATOM	1375	HD2	2 PHE	A	93139. 8	377 -7.	208 8. 1	1.00	0.00 H
20	ATOM	1376	HE	1 PHE	E A	93142. 6	§25 −9.	228 11. 6	668 1.00	0.00 H
	ATOM	1377	HE	2 PHE	A	93141.7	797 -8.	627 7. 9	529 1.00	0.00 H
	ATOM	1378	B HZ	PHF	E A	93143.	175 -9.	640 9.3	302 1.00	0.00 H
	ATOM	1379) N	AL/	A A	94135.	407 -6.	203 9.	912 1.00	0.00 N
	ATOM	1380) CA	AL	A A	94134.	252 -5.	403 10.	300 1.00	0.00 C
25	ATOM	138	1 C	AL	A A	94133.	515 -6.	036 11.	474 1.0	0.00 C
	ATOM	1382	2 0	AL	A A	94133.	186 -7.	221 11.	448 1.0	0.000
	ATOM	1383	3 CB	AL.	A. A	94133.	311 -5.	227 9.	116 1.0	0 0.00 C
	ATOM	138	4 H	AL.	A A	94135.	373 -6.	721 9.	081 1.0	0.00 H
	ATOM	138	5 HA	AL	A A	94134.	607 -4.	. 426 10.	594 1.0	0 0.00 H

							JJ 1			
	ATOM	1386 1	HB A	ALA A	A	94133. 533	-4. 295	8. 616	1. 00	0.00 H
	ATOM	1387 2	НВ	ALA A	A	94132. 291	-5. 213	9. 466	1. 00	0.00 H
	ATOM	1388 3	НВ	ALA A	A	94133. 444	-6.047	8. 426	1. 00	0.00 H
	ATOM	1389	N	SER	A	95133. 257	-5. 236	12. 504	1. 00	0.00 N
5	ATOM	1390	CA	SER .	A	95132. 557	-5. 717	13. 689	1. 00	0.00 C
	ATOM	1391	C	SER	A	95131.078	-5. 939	13. 396	1. 00	0.00 C
	ATOM	1392	0	SER	A	95130. 347	-4. 997	13. 093	1. 00	0.000
	ATOM	1393	CB	SER	A	95132. 718	-4. 723	14. 840	1. 00	0.00 C
	MOTA	1394	0G	SER	A	95134.071	-4. 626	15. 247	1. 00	0.000
10	ATOM	1395	H	SER	A	95133. 544	-4. 299	12. 466	1. 00	0.00 H
	ATOM	1396	HA	SER	A	95133. 001	-6.659	13. 975	1. 00	0.00 H
	ATOM	1397	1HB	SER	A	95132. 379	-3. 748	14. 522	1. 00	0.00 H
	ATOM	1398	2HB	SER	A	95132. 124	-5. 052	15. 682	1. 00	0.00 H
	ATOM	1399	HG	SER	A	95134. 111	-4. 383	16. 175	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1400	N	LEU	A	96130. 643	-7. 192	13. 488	1. 00	0.00 N
	ATOM	1401	CA	LEU	A	96129. 250	-7. 537	13. 233	1. 00	0.00 C
	ATOM	1402	C	LEU	A	96128. 828	-8. 744	14. 064	1. 00	0.00 C
	ATOM	1403	0	LEU	A	96128. 824	-9. 876	13. 579	1. 00	0.000
	ATOM	1404	CB	LEU	A	96129. 039	-7. 830	11. 746	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1405	CG	LEU	A	96128. 713	-6. 609	10. 885	1. 00	0.00 C
	ATOM	1406	CD1	LEU	A	96129. 040	-6. 881	9. 425	1. 00	0.00 C
	ATOM	1407	CD2	LEU	A	96127. 249	-6. 224	11. 042	1. 00	0.00 C
	ATOM	1408	H	LEU	A	96131. 274	-7. 900	13. 734	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1409	HA	LEU	A	96128. 642	-6. 691	13. 513	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	1410	1HB	LEU	A	96129. 940	-8. 286	11. 359	1. 00	0.00 H
	ATOM	1411	2HB	LEU	JA	96128. 229	-8. 537	11. 650	1. 00	0.00 H
	ATOM	1412	HG	LEU	J A	96129. 316	5 -5. 774	11. 212	1. 00	0.00 H
	ATOM	· 1413	1HD	LEU	J A	96129. 35	5 -5.964	8. 950	1. 00	0.00 H
	ATOM	1414	2HD	1 LEU	J A	96128. 163	3 -7. 263	8. 924	1. 00	0.00 H

							332			
	ATOM	1415 3	HD1	LEU A	L	96129. 835	-7. 609	9. 364	1. 00	0.00 H
	ATOM	1416 1	HD2	LEU A		96126. 884	-5. 810	10. 114	1. 00	0.00 H
	ATOM	1417 2	2HD2	LEU A	1	96127. 153	-5. 488	11. 828	1. 00	0.00 H
	ATOM	1418 3	BHD2	LEU A	l	96126. 672	-7. 100	11. 298	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1419	N	GLN A	A	97128. 471	-8. 495	15. 320	1. 00	0.00 N
	ATOM	1420	CA	GLN A	A	97128. 046	-9. 560	16. 220	1. 00	0.00 C
	ATOM	1421	С	GLN A	A	97126.659	-9. 272	16. 790	1. 00	0.00 C
	ATOM	1422	0	GLN A	A	97126. 264	-8. 114	16. 928	1. 00	0.000
	ATOM	1423	CB	GLN	A	97129. 053	-9. 725	17. 361	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	1424	CG	GLN .	A	97130. 174	-10. 704	17. 045	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1425	CD	GLN	A	97130. 874	-11. 208	18. 292	1. 00	0.00 C
	ATOM	1426	0E1	GLN	A	97130. 231	-11. 632	19. 251	1. 00	0.000
	ATOM	1427	NE2	GLN	A	97132. 201	-11. 162	18. 283	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1428	H	GLN	A	97128. 494	-7. 572	15. 649	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1429	HA	GLN	A	97128. 005	-10. 478	15. 653	1. 00	0.00 H
	ATOM	1430	1HB	GLN	A	97129. 495	-8. 764	17. 578	1. 00	0.00 H
	ATOM	1431	2HB	GLN	A	97128. 533	-10. 079	18. 238	1. 00	0.00 H
	ATOM	1432	1HG	GLN	A	97129. 758	-11. 550	16. 518	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1433	2HG	GLN	A	97130. 899	-10. 209	16. 417	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1434	1HE2	GLN	A	97132. 647		17. 485	1. 00	0.00 H
	ATOM	1435	2HE2	GLN	A	97132. 681	-11. 482	19. 076	1. 00	0.00 H
	ATOM	1436	N	PRO	A	98125. 898	3 -10. 327	17. 129	1. 00	0.00 N
	ATOM	1437	CA	PRO	A	98124. 549	-10. 181	17. 686	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1438	C	PRO	A	98124. 566	6 −9. 615	19. 102	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	1439	0	PRO	A					
	ATOM	1440	CB	PRO	A	98124. 009	9 -11. 613	17. 690		
	ATOM	1441	CG	PRO	A	98125. 22	1 -12. 475	17. 756		
	ATOM	1442	CD	PRO	A		4 -11. 743		1. 00	
	ATOM	1443	HA	PRO) A	98123. 92	8 -9.560	17. 059	1.00	0.00 H

							555			
	ATOM	1444	1 HB	PRO.	A	98123. 372	-11. 758	18. 549	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1445	2HB	PRO.	A	98123. 448	-11. 791	16. 784	1. 00	0.00 H
	ATOM	1446	1HG	PRO	A	98125. 517	-12. 613	18. 785	1. 00	0.00 H
	ATOM	1447	2HG	PRO	A	98125. 019	-13. 429	17. 291	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1448	1HD	PRO	A	98127. 259	-11. 917	17. 448	1. 00	0.00 H
	ATOM	1449	2HD	PRO	A	98126. 297	-12. 046	15. 962	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1450	N	SER	A	99123. 382	-9. 331	19. 634	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1451	CA	SER	A	99123. 259	-8. 784	20. 981	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1452	C	SER	A	99122. 426	-9. 703	21.868	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	1453	0	SER	A	99121. 262	-9. 977	21. 575	1. 00	0.000
	ATOM	1454	CB	SER	A	99122. 626	∸7. 392	20. 932	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1455	0G	SER	A	99123. 485	-6. 463	20. 292	1. 00	0.000
	ATOM	1456	H	SER	A	99122. 570	-9. 493	19. 109	1. 00	0.00 H
	ATOM	1457	HA	SER	A	99124. 252	-8. 704	21. 398	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1458	1HB	SER	A	99121. 697	-7. 440	20. 385	1. 00	0.00 H
	MOTA	1459	2HB	SER	A	99122. 434	-7. 051	21. 939	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1460	HG	SER	A	99123. 508	-5. 648	20. 798	1. 00	0.00 H
	ATOM	1461	N	GLY	A	100123. 030	-10. 177	22. 953	1. 00	0.00 N
	ATOM	1462	CA			100122. 328		23. 866	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1463	C	•		100123. 264			1. 00	0. 00 C
	ATOM	1464	0	GLY	A	100124. 480	-11. 744	24. 645	1. 00	0.000
	ATOM	1465	5 H	GLY	Α	100123. 958	-9. 925	23. 135	1. 00	0.00 H
	MOTA	1466	3 1HA	GLY	A	100121. 606	-10. 483	24. 424	1. 00	0.00 H
	ATOM	1467	7 2HA	GLY	A	100121. 806	5 -11. 811	23. 292		0.00 H
25	ATOM	1468	8 N	PRO) A	101122. 723	3 -12. 361	25. 909	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1469	9 CA	PRC) A	101123. 532	2 -13. 058	26. 914	1. 00	0.00 C
	ATOM	1470	0 C	PRO) A	101124. 481	1 -14. 075	26. 289	1. 00	
	ATOM	147	1 0	PRO) A	101124. 058	3 -15. 142	25. 844	1. 00	0.000
	ATOM	147	2 CB	PRO) A	101122. 490) -13. 764	27. 784	1. 00	0.00 C

	ATOM	1473 CG	PRO A	10	1121.	251 -	-12. 95	51 2	27. 626	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1474 CD	PRO A	10	1121.	283 -	-12. 4 3	19 2	26. 220	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1475 HA	PRO A	10	1124.	098 -	-12. 30	63	27. 517	1. 00	0.00 H
	ATOM	1476 1HB	PRO A	10	1122.	347	-14. 7	75 · :	27. 430	1. 00	0. 00 H
5	ATOM	1477 2HB	PRO A	10	1122.	824	-13. 7	79	28. 810	1. 00	0.00 H
	ATOM	1478 1HG	PRO A	10	1120.	382	-13.5	75	27. 772	1. 00	0.00 H
	ATOM	1479 2HG	PRO A	10	1121.	254	-12. 1	37	28. 336	1. 00	0.00 H
	ATOM	1480 1HD	PRO A	10	1120.	770	-13. 0	92	25. 550	1. 00	0.00 H
	ATOM	1481 2HD	PRO A	. 10	1120.	841	-11. 4	34	26. 180	1. 00	0.00 H
. 10	ATOM	1482 N	SER A	. 10	2125.	766	-13. 7	37	26. 259	1. 00	0.00 N
	ATOM	1483 CA	SER A	. 10	2126.	776	-14. 6	321	25. 688	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1484 C	SER A	10	2128.	162	-14. 2	283	26. 226	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1485 0	SER A	1 10	2128.	405	-13. 1	168	26. 686	1. 00	0.000
	ATOM	1486 CF	SER A	1 10	2126.	769	-14. 5	520	24. 162	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1487 00	SER A	1 10	02127	. 881	-15. 1	196	23. 599	1. 00	0.000
	MOTA	1488 H	SER A	A 10	02126	. 042	-12. 8	874	26. 629	1. 00	0.00 H
	ATOM	1489 H	SER A	A 1	02126	. 528	-15.	633	25. 973	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1490 1H	SER .	A 1	02125	. 863	-14.	962	23. 776	1. 00	0.00 H
	ATOM	1491 2H	SER.	A 1	02126	. 812	-13.	480	23. 873	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1492 H	S SER	A 1	02128	. 175	-14.	731	22. 813	1. 00	0.00 H
	ATOM	1493 N	SER	A 1	03129	. 067	-15.	254	26. 164	1. 00	0.00 N
	ATOM	1494 C	A SER	A 1	03130). 431	-15.	060	26. 645	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1495 C	SER	A 1	03131	l. 329	-16.	216	26. 219	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1496 0	SER	A 1	03131	l. 152	-17.	349	26. 666	1. 00	0.000
25	ATOM	1497 C	B SER	A 1	03130). 442	-14.	924	28. 169	1. 00	0.00 C
	ATOM	1498 0	G SER	A 1	03130). 264	1 -16.	183	28. 794	1. 00	0.000
	ATOM	1499 H	SER	A 1	0312	8. 814	1 -16.	122	25. 786	1. 00	0.00 H
	ATOM	1500 H	A SER	A :	0313	0. 808	3 -14.	146	26. 209	1. 00	0.00 H
	ATOM	1501 1H	B SER	A :	10313	1. 388	3 -14.	510	28. 485	1. 00	0.00 H

28. 476 1.00 0.00 H SER A 103129. 641 -14. 267 ATOM 1502 2HB 29. 280 1.00 0.00 H SER A 103129. 437 -16. 186 ATOM 1503 HG 0.00 NGLY A 104132. 292 -15. 922 25. 352 1.00 ATOM 1504 N 0.00 C GLY A 104133. 203 -16. 947 24. 880 1.00 CA ATOM 1505 0.00 C GLY A 104132. 655 -17. 708 23.689 1.00 C ATOM 1506 5 0.000 22. 551 1.00 GLY A 104133. 079 -17. 416 ATOM 1507 0 1.00 0.000OXT GLY A 104131. 800 -18. 596 23. 893 ATOM 1508 GLY A 104132. 385 -15. 001 1.00 $0.00~\mathrm{H}$ 25.030 1509 H **ATOM** GLY A 104134. 137 -16. 483 24. 598 1.00 0.00 H ATOM 1510 1HA 0.00 H ATOM 1511 2HA GLY A 104133. 390 -17. 645 25. 683 1.00 10 TER 1512 GLY A 104 **ENDMDL**

立体構造座標表7

0.00 N 1. 010 -10. 316 1.00 ATOM 1 N GLY A 1128. 015 15 0.00 C -0.374 - 10.7311. 00 GLY A 1127. 655 ATOM 2 CA 0.00 C 1.00 -1.429 -9.9271128. 389 ATOM 3 C GLY A -2.528 -10.4201.00 0.000 1128. 645 ATOM 4 GLY A 0 0.00 H 1. 078 -10. 148 1.00 GLY A 1129. 039 ATOM 5 1H 0.00 H 1127. 515 1. 263 -9. 441 1.00 GLY A 20 ATOM 6 2H 0.00 H 1. 686 -11. 061 1.00 1127. 751 ATOM 7 3H GLY A 1.00 0.00 H -0.512 -10.6001126. 592 GLY A ATOM 8 1HA -0.499 - 11.7761.00 0.00 H 1127. 897 GLY A ATOM 9 2HA 1. 00 · 0. 00 N 2128. 728 -1.096-8.686ATOM10 N SER A 1. 00 0.00 C -2.024 -7.813SER A 2129. 437 25 ATOM11 CA -2.562-6.7261.00 0.00 C 2128. 513 ATOM12 C SER A -3.761-6.6671.00 0.000 2128. 240 ATOM13 SER A 0 -7.1761.00 0.00 C 2130. 645 -1.334ATOM14 SER A CB -0.785-8. 163 1.00 0.000 SER A 2131. 499 ATOM15 0G

					220			
	ATOM16 I	H	SER A	2128. 496	-0. 205	-8. 351	1. 00	0. 00 H
	ATOM17 I	HA	SER A	2129. 783	-2.849	-8. 417	1.00	0.00 H
	ATOM18 11	HB	SER A	2130. 304	-0.538	-6. 531	1. 00	0.00 H
	ATOM19 21	HB	SER A	2131. 203	-2.054	-6.594	1. 00	0.00 H
5	ATOM20	HG	SER A	2132. 295	-0. 445	-7. 746	1. 00	0.00 H
	ATOM21	N	SER A	3128. 033	-1.668	-5. 868	1. 00	0.00 N
	ATOM22	CA	SER A	3127. 138	-2.053	-4. 782	1. 00	0.00 C
	ATOM23	C	SER A	3125. 816	-1. 298	-4. 873	1. 00	0.00 C
	ATOM24	0	SER A	3125. 217	-0.951	-3.856	1. 00	0.000
10	ATOM25	СВ	SER A	3127. 799	-1. 786	-3. 429	1. 00	0.00 C
	ATOM26	0G	SER A	3128. 587	-0.609	-3. 469	1. 00	0.000
	ATOM27	H	SER A	3128. 287	-0.726	-5. 966	1. 00	0.00 H
	ATOM28	HA	SER A	3126. 942	-3. 111	-4. 873	1. 00	0. 00 H
	ATOM29	1HB	SER A	3127. 036	-1.666	-2.674	1. 00	0.00 H
15	ATOM30 2	2HB	SER A	3128. 434	-2.620	-3. 170	1. 00	0.00 H
	ATOM31	HG	SER A	3128. 100	0. 088	-3. 915	1. 00	0.00 H
	ATOM32	N	GLY A	4125. 367	-1. 048	-6. 099	1. 00	0.00 N
	ATOM33	CA	GLY A	4124. 119	-0. 335	-6. 299	1. 00	0.00 C
	ATOM34	C	GLY A	4124. 265	1. 160	-6. 100	1. 00	0.00 C
20	ATOM35	0	GLY A	4125. 326	1. 638	-5. 697	1. 00	0.000
	ATOM36	H	GLY A	4125. 887	-1. 348	-6. 873	1. 00	0.00 H
	ATOM37	1HA	GLY A	4123. 769	-0. 521	-7. 304	1. 00	0.00 H
	ATOM38	2HA	GLY A	4123. 386	-0. 711	-5. 600	1. 00	0.00 H
	ATOM39	N	SER A	5123. 197	1. 900	-6. 381	1. 00	0.00 N
25	ATOM40	CA	SER A	5123. 211	3. 351	-6. 231	1. 00	0.00 C
	ATOM41	C	SER A	5122. 158	3. 804	-5. 225	1. 00	0. 00 C
	ATOM42	0	SER A	5121. 565	4. 872	-5. 369	1. 00	0.000
	ATOM43	CB	SER A	5122. 967	4. 027	7. 581	1.00	0.00 C
	ATOM44	0G	SER A	5123. 746	5. 203	3 -7. 711	1.00	0.00 0

					357			
	ATOM45	H	SER A	5122. 380	1. 460	-6. 698	1. 00	0.00 H
	ATOM46	HA	SER A	5124. 186	3. 637	-5.866	1.00	0.00 H
	ATOM47	1HB	SER A	5123. 231	3. 346	-8. 376	1.00	0.00 H
	ATOM48	2HB	SER A	5121. 923	4. 291	-7. 665	1. 00	0.00 H
5	ATOM49	HG	SER A	5123.666	5. 731	-6. 914	1. 00	0.00 H
	ATOM50	N	SER A	6121. 929	2. 982	-4. 205	1. 00	0.00 N
	ATOM51	CA	SER A	6120. 947	3. 298	-3. 175	1. 00	0. 00 C
	ATOM52	C	SER A	6121. 634	3. 702	-1. 874	1. 00	0. 00 C
	ATOM53	0	SER A	6122.774	3. 317	-1. 617	1. 00	0.000
10	ATOM54	CB	SER A	6120.031	2. 097	-2. 929	1. 00	0.00 C
	ATOM55	0G	SER A	6119. 317	1. 751	-4. 103	1. 00	0.000
	ATOM56	H	SER A	6122. 434	2. 144	-4. 144	1. 00	0.00 H
	ATOM57	HA	SER A	6120. 352	4. 127	-3.527	1. 00	0.00 H
	ATOM58	1HB	SER A	6120.626	1. 249	-2.622	1. 00	0.00 H
15	ATOM59	2HB	SER A	6119.324	2. 340	-2. 149	1. 00	0. 00 H
	ATOM60	HG	SER A	6118.645	1. 100	-3. 888	1. 00	0.00 H
	ATOM61	N	GLY A	7120. 931	4. 481	-1. 058	1. 00	0.00 N
	ATOM62	CA	GLY A	7121. 489	4. 925	0. 206	1. 00	0.00 C
	ATOM63	C	GLY A	7122. 446	6. 089	0. 041	1. 00	0.00 C
20	ATOM64	0	GLY A	7122. 121	7. 080	-0. 613	1. 00	0.000
	ATOM65	Н	GLY A	7120. 027	4. 756	-1. 316	1. 00	0.00 H
	ATOM66	1HA	GLY A	7120. 683	5. 226	0. 857		0.00 H
	ATOM67	2HA	GLY A	7122. 018	4. 101			0.00 H
	ATOM68	3 N	LEU A	8123. 629	5. 969	0. 635		
25	ATOM69) CA	LEU A	8124. 636	7. 021			
	ATOM70) C	LEU A	8125. 948	6. 474			
	ATOM7	1 0	LEU A	8126. 512	5. 522			
	ATOM7	2 CB	LEU A	8124. 873	7. 642			
	ATOM7	3 CG	LEU A	8123. 800	8. 630	2. 387	1.00	0.00 C

					336		
	ATOM74	CD1	LEU A	8123. 646	8. 590 3. 899	1. 00	0.00 C
	ATOM75	CD2	LEU A	8124. 140	10. 038 1. 920	1. 00	0.00 C
	ATOM76	H	LEU A	8123. 829	5. 155 1. 143	1. 00	0.00 H
	ATOM77	HA	LEU A	8124. 266	7. 782 -0. 119	1.00	0.00 H
5	ATOM78	1HB	LEU A	8124. 930	6.843 2.656	1.00	0.00 H
	ATOM79	2HB	LEU A	8125. 821	8. 158 1. 911	1. 00	0.00 H
	ATOM80	HG	LEU A	8122. 852	8. 351 1. 948	1. 00	0.00 H
	ATOM81	1HD1	LEU A	8122. 870	7. 887 4. 164	1.00	0.00 H
	ATOM82	2HD1	LEU A	8123. 380	9. 572 4. 260	1. 00	0.00 H
10	ATOM83	3HD1	LEU A	8124. 579	8. 282 4. 347	1. 00	0.00 H
	ATOM84	1HD2	LEU A	8124. 270	10. 041 0. 848	1. 00	0.00 H
	ATOM85	2HD2	LEU A	8125. 054	10. 363 2. 396	1. 00	0.00 H
	ATOM86	3HD2	LEU A	8123. 337	10. 709 2. 187	1. 00	0.00 H
	ATOM87	N	ALA A	9126. 427	7. 081 -1. 085	1. 00	0.00 N
15	ATOM88	CA	ALA A	9127. 671	6.655 -1.713	1. 00	0.00 C
	ATOM89	C	ALA A	9128. 282	7. 780 -2. 541	1. 00	0.00 C
	ATOM90	0	ALA A	9127. 588	8. 712 -2. 947	1. 00	0.000
	ATOM91	CB	ALA A	9127. 430			0.00 C
	ATOM92	H			7. 834 -1. 468		0.00 H
20	ATOM93	HA	ALA A	9128. 363			0.00 H
	ATOM94	1HB	ALA A	9126. 713			0. 00 H
	ATOM95	2HB	ALA A	9128. 360			0.00 H
	ATOM96	3HB	ALA A	9127. 047			0.00 H
	ATOM97	N	MET A				0. 00 N
25	ATOM98	CA	MET A				0. 00 C
	ATOM99	C	MET A	10131. 574			0.00 C
	ATOM	10				-3. 564	1. 00 0. 00 0
	ATOM	10				-2. 692	1. 00 0. 00 C
	ATOM	10	2 CG	MET A 1012	9. 385 10. 644	-2. 188	1. 00 0. 00 C

							359			
	ATOM	103	SD	MET A	A	10129. 778	12. 268	-1. 509	1. 00	0.00 S
	ATOM	104	CE	MET A	A	10128. 986	13. 337	-2. 709	1. 00	0.00 C
	ATOM	105	H	MET	A	10130. 084	6. 919	-2. 434	1. 00	0.00 H
	ATOM	106	HA	MET .	A	10129. 641	9. 008	-4. 370	1. 00	0.00 H
5	ATOM	107	1HB	MET	A	10131. 188	9. 579	-1. 838	1. 00	0.00 H
	ATOM	108	2HB	MET	A	10131. 213	10.602	-3. 267	1. 00	0.00 H
	ATOM	109	1HG	MET	A	10128. 697	10. 771	-3.010	1. 00	0.00 H
	ATOM	110	2HG	MET	A	10128. 919	10. 050	-1. 416	1. 00	0. 00 H
	ATOM	111	1HE	MET	A	10128. 189	13. 886	-2. 232	1. 00	0.00 H
10	ATOM	112	2HE	MET	A	10128. 582	12. 738	-3. 512	1. 00	0.00 H
	ATOM	113	3HE	MET	A	10129. 713	14. 030	-3. 107	1. 00	0.00 H
	ATOM	114	N	PRO	A	11131. 483	7. 516	-5. 359	1. 00	0.00 N
	ATOM	115	CA	PRO	A	11132. 643	6. 928	-6. 035	1. 00	0. 00 C
	ATOM	116	C	PRO	A	11133. 751	7. 950	-6. 283	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	117	0	PRO	A	11134. 920	7. 684	-6.004	1. 00	0.000
	ATOM	118	CB	PRO	A	11132. 081	6. 413	-7. 364	1. 00	0. 00 C
	ATOM	119	CG	PRO	A	11130. 608	6. 310	-7. 156	1. 00	0. 00 C
	ATOM	120	CD	PRO	A	11130. 246	7. 356	-6. 140	1. 00	0. 00 C
	ATOM	121	HA	PRO	A	11133. 046	6. 101	-5. 469	1. 00	0.00 H
20	ATOM	122	1HB	PRO	A	11132. 320	7. 112	-8. 152	1. 00	0. 00 H
	ATOM	123	2HB	PRO	A	11132. 514	5. 451	-7. 589	1. 00	0.00 H
	ATOM	124	1HG	PRO	A	11130. 095	6. 502	-8. 085	1. 00	0.00 H
	ATOM	125	2HG	PRO	A	11130. 359	5. 326		1. 00	0.00 H
	ATOM	126	3 1HD	PRO	A	11129. 976	8. 280		1. 00	0.00 H
25	ATOM	127	7 2HD	PRO	A	11129. 437	7. 010			
	ATOM	128	3 N	PRC) A	12133. 404	9. 140			
	ATOM	129) CA	PRC) A	12134. 388	10. 193			
	ATOM	130) C	PRO) A	12135. 197	10. 557			
	ATOM	13	1 0	PRO) A	12136. 300	11. 094	1 −5. 944	1.00	0.000

							360			
	ATOM	132	CB	PRO A	1	12133. 533	11. 382	-7. 530	1. 00	0.00 C
	ATOM	133	CG	PRO A	A	12132. 261	10. 781	-8. 015	1. 00	0.00 C
	ATOM	134	CD	PRO A	A	12132. 036	9. 557	-7. 172	1. 00	0.00 C
	ATOM	135	HA	PRO A	A.	12135. 060	9. 908	-7. 880	1. 00	0.00 H
5	ATOM	136	1HB	PRO .	A	12133. 364	12. 042	-6.691	1. 00	0.00 H
	ATOM	137	2HB	PRO.	A	12134. 040	11. 918	-8. 318	1. 00	0.00 H
	ATOM	138	1HG	PRO	A	12131. 450	11. 481	-7. 884	1. 00	0.00 H
	ATOM	139	2HG	PR0	A	12132. 357	10. 506	-9. 055	1. 00	0.00 H
	ATOM	140	1HD	PR0	A	12131. 462	9.806	-6. 292	1. 00	0.00 H
10	ATOM	141	2HD	PRO	A	12131. 537	8. 792	-7. 746	1. 00	0.00 H
	ATOM	142	N	GLY	A	13134. 641	10. 259	-4. 673	1. 00	0.00 N
	ATOM	143	CA	GLY	A	13135. 325	10. 562	-3. 429	1. 00	0. 00 C
	ATOM	144	C	GLY	A	13136. 013	9. 350	-2.835	1. 00	0.00 C
	ATOM	145	0	GLY	A	13135. 664	8. 902	-1. 743	1. 00	0.000
15	ATOM	146	H	GLY	A	13133. 758	9. 830	-4.653	1. 00	0.00 H
	ATOM	147	1HA	GLY	A	13136.063	11. 328	-3. 615	1. 00	0.00 H
	ATOM	148	2HA	GLY	A	13134. 604	10. 938	-2.717	1. 00	0.00 H
	ATOM	149	N	ASN	A	14136. 995	8. 818	-3. 554	1. 00	0.00 N
	ATOM	150	CA	ASN	A	14137. 736	7. 650	-3. 092	1. 00	0.00 C
20	ATOM	151	. C	ASN	A	14136. 803	6. 459	-2.890	1. 00	0. 00 C
	ATOM	152	2 0	ASN	A	14136. 816	5. 818	-1. 839	1. 00	0.000
	ATOM	153	B CB	ASN	A	14138. 469	7. 970	-1. 786	1. 00	0.00 C
	ATOM	154	4 CG	ASN	Α	14139. 436	9. 126	-1. 935	1. 00	0. 00 C
	ATOM	15	5 OD	1 ASN	A	14140. 104	9. 265	-2.961	1. 00	0.000
25	ATOM	150	6 ND	2 ASN	A	14139. 519	9. 965	-0. 909	1. 00	0. 00 N
	ATOM	15	7 H	ASN	I A	14137. 228	9. 220	-4. 417	1. 00	0.00 H
	ATOM	15	8 HA	ASN	I A	14138. 463	7. 398	-3. 848	1. 00	0.00 H
	ATOM	15	9 1HB	ASN	I A	14137. 743	8. 227	-1. 028	1. 00	0.00 H
	ATOM	16	0 2HB	ASI	A A	14139. 022	7. 098	-1.468	1. 00	0.00 H

			3	61			
	ATOM	161 1HD2 ASN A	14138. 958	9. 793	-0. 124	1. 00	0.00 H
	ATOM	162 2HD2 ASN A	14140. 137	10. 722	-0. 978	1. 00	0.00 H
	ATOM	163 N SER A	15135. 996	6. 168	-3. 905	1. 00	0.00 N
	ATOM	164 CA SER A	15135. 055	5. 054	-3. 844	1. 00	0.00 C
5	ATOM	165 C SER A	15134.001	5. 290	-2. 766	1. 00	0.00 C
	ATOM	166 O SER A	15132. 873	5. 682	-3.063	1. 00	0.000
	ATOM	167 CB SER A	15135. 798	3. 742	-3. 575	1. 00	0. 00 C
	ATOM	168 OG SER A	15136.062	3. 049	-4. 783	1. 00	0.000
	ATOM	169 H SER A	15136.034	6.716	-4. 718	1. 00	0.00 H
10	ATOM	170 HA SER A	15134. 562	4. 986	-4. 802	1. 00	0.00 H
	ATOM	171 1HB SER A	15136. 736	3. 957	-3.085	1. 00	0.00 H
	ATOM	172 2HB SER A	15135. 194	3. 114	-2. 938	1. 00	0.00 H
	ATOM	173 HG SER A	15136. 234	2. 124	-4. 589	1. 00	0.00 H
	ATOM	174 N HIS A	16134. 376	5. 049	-1. 514	1. 00	0.00 N
15	ATOM	175 CA HIS A	16133. 462	5. 237	-0. 393	1. 00	0.00 C
	ATOM	176 C HIS A	16134. 143	5. 997	0.742	1. 00	0. 00 C
	ATOM	177 O HIS A	16133. 685	7. 064	1. 150	1. 00	0.000
	ATOM	178 CB HIS A	16132. 957	3. 883	0. 113	1. 00	0.00 C
	ATOM	179 CG HIS A	16131. 570	3. 555	-0. 342	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	180 ND1 HIS A	16130. 456	3. 728	0. 453	1. 00	0.00 N
	ATOM	181 CD2 HIS A	16131. 115	3. 061	-1. 519	1. 00	0. 00 C
	ATOM	182 CE1 HIS	A 16129. 377	3. 355	-0. 214		0. 00 C
	ATOM	183 NE2 HIS	A 16129. 751	2. 947	-1. 413	1. 00	0.00 N
	ATOM	184 H HIS.	A 16135. 289	4. 740	-1. 339	1. 00	0.00 H
25	ATOM	185 HA HIS	A 16132. 622	5. 817	-0. 744		0.00 H
	ATOM	186 1HB HIS	A 16133. 616	3. 105	-0. 245	1. 00	
	ATOM	187 2HB HIS	A 16132. 962	3. 883	1. 193		
	ATOM	188 HD1 HIS	A 16130. 456	4. 074	1. 370		
	ATOM	189 HD2 HIS	A 16131. 715	2. 805	-2. 381	1. 00	0.00 H

					•	J U			
	ATOM	190	HE1	HIS A	16128. 364	3. 381	0. 158	1. 00	0.00 H
	ATOM	191	HE2	HIS A	16129. 161	2. 533	-2. 078	1. 00	0.00 H
	ATOM	192	N	GLY A	17135. 238	5. 440	1. 246	1. 00	0.00 N
	ATOM	193	CA	GLY A	17135. 964	6.079	2. 329	1. 00	0.00 C
5	ATOM	194	C	GLY A	17137. 320	5. 446	2. 570	1. 00	0.00 C
	ATOM	195	0	GLY A	17137. 588	4. 929	3. 654	1. 00	0.000
	ATOM	196	H	GLY A	17135. 557	4. 588	0.881	1. 00	0.00 H
	ATOM	197	1HA	GLY A	17136. 104	7. 122	2. 087	1. 00	0.00 H
	ATOM	198	2HA	GLY A	17135. 378	6. 004	3. 233	1. 00	0.00 H
10	ATOM	199	N	LEU A	18138. 179	5. 487	1. 556	1. 00	0. 00 N
	ATOM	200	CA	LEU A	18139. 516	4. 914	1. 663	1. 00	0. 00 C
	ATOM	201	C	LEU A	18140. 514	5. 950	2. 171	1. 00	0.00 C
	ATOM	202	0	LEU A	18140. 889	6. 873	1. 448	1. 00	0.000
	ATOM	203	CB	LEU A	18139. 972	4. 374	0. 306	1. 00	0.00 C
15	ATOM	204	CG	LEU A	18138. 938	3. 521	-0. 431	1. 00	0.00 C
	ATOM	205	CD1	LEU A	18139. 197	3. 545	-1. 929	1. 00	0. 00 C
	ATOM	206	CD2	LEU A	18138. 957	2. 092	0.092	1. 00	0. 00 C
	ATOM	207	H	LEU A	18137. 907	5. 914	0. 717	1. 00	0.00 H
	ATOM	208	HA	LEU A	18139. 471	4. 098	2. 369	1. 00	0.00 H
20	ATOM	209	1HB	LEU A		5. 213	-0. 323	1. 00	0. 00 H
	ATOM	210	2HB	LEU A	18140. 856	3. 774	0. 460	1. 00	0. 00 H
	ATOM	211	HG	LEU A	18137. 954	3. 929	-0.256	1. 00	0. 00 H
	ATOM	212	1HD	1 LEU A	18138. 664	2. 732	-2. 399	1. 00	0. 00 H
	ATOM	213	2HD	1 LEU A	18140. 255	3. 436	-2. 114	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	214	3HD	1 LEU A	18138. 855	4. 484	-2. 338	1. 00	0. 00 H
	ATOM	215	1HD	2 LEU A	18139. 980	1. 770	0. 220	1. 00	0.00 H
	ATOM	216	2HD	2 LEU A	A 18138. 461	1. 443	-0. 615	1. 00	0.00 H
	ATOM	217	3HD	2 LEU A	A 18138. 445	2. 050	1. 041	1. 00	0. 00 H
	ATOM	218	N	GLU	A 19140. 937	5. 792	3. 420	1. 00	0.00 N

	ATOM	219	CA	GLU A	19141. 892	6.714	4. 026	1. 00	0.00 C
	ATOM	220	С	GLU A	19142. 828	5. 978	4. 980	1. 00	0.00 C
	ATOM	221	0	GLU A	19142. 700	4. 771	5. 184	1. 00	0.000
	ATOM	222	CB	GLU A	19141. 153	7. 825	4. 774	1. 00	0.00 C
5	ATOM	223	CG	GLU A	19140. 096	7. 312	5. 737	1. 00	0.00 C
	ATOM	224	CD	GLU A	19140. 078	8. 078	7. 045	1. 00	0.00 C
	ATOM	225	0E1	GLU A	19139. 086	8. 792	7. 302	1. 00	0.000
	ATOM	226	0E2	GLU A	19141. 056	7. 963	7. 814	1. 00	0.000
	ATOM	227	H	GLU A	19140. 601	5. 037	3. 947	1. 00	0.00 H
10	ATOM	228	HA	GLU A	19142. 478	7. 153	3. 233	1. 00	0.00 H
	ATOM	229	1HB	GLU A	19141. 872	8. 403	5. 336	1. 00	0.00 H
	ATOM	230	2HB	GLU A	19140. 672	8. 469	4. 053	1. 00	0.00 H
	ATOM	231	1HG	GLU A	19139. 127	7. 406	5. 270	1. 00	0.00 H
	ATOM	232	2HG	GLU A	19140. 294	6. 271	5. 948	1. 00	0.00 H
15	ATOM	233	N	VAL A	20143. 770	6. 715	5. 562	1. 00	0.00 N
	ATOM	234	CA	VAL A	20144. 726	6. 133	6. 495	1. 00	0.00 C
	ATOM	235	C	VAL A	20144. 014	5. 482	7. 678	1. 00	0. 00 C
	ATOM	236	0	VAL A	20143. 052	6. 032	8. 215	1. 00	0.000
	ATOM	237	CB	VAL A	20145. 712	7. 194	7. 023	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	238		VAL A		6. 547	7. 885	1. 00	0.00 C
	ATOM	239	CG2	2 VAL A	20146. 337	7. 962	5. 868	1. 00	0. 00 C
	ATOM	240	H	VAL A	20143. 820	7. 673	5. 360	1. 00	0. 00 H
	ATOM	241	HA	VAL A	20145. 291	5. 378	5. 968	1. 00	0. 00 H
	ATOM	242	HB	VAL A	20145. 162	7. 893	7. 636	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	243	1HG	1 VAL A	20146. 375	6. 316	8. 857	1. 00	0. 00 H
	ATOM	244	2HG	1 VAL A	20147. 615	7. 229	7. 999	1. 00	0. 00 H
	ATOM	245	3HG	1 VAL A	20147. 129	5. 638	7. 413	1. 00	0. 00 H
	ATOM	246	1HG	2 VAL A	20147. 314	8. 318	6. 159	1. 00	0.00 H
	ATOM	247	2HG	2 VAL A	20145. 708	8. 802	5. 613	1. 00	0.00 H

							304	_		
248	ATOM		3HG2	VAL A	A	20146. 431	7. 310	5. 012	1. 00	0.00 H
249	ATOM		N	GLY A	A	21144. 493	4. 309	8. 077	1. 00	0.00 N
250	ATOM		CA	GLY A	A	21143. 890	3. 603	9. 192	1. 00	0.00 C
251	ATOM		C	GLY A	A	21142. 852	2. 592	8. 746	1. 00	0.00 C
252	5 ATOM	5	0	GLY A	A	21142. 800	1. 477	9. 261	1. 00	0.000
253	ATOM		H	GLY A	A	21145. 263	3. 919	7. 611	1. 00	0.00 H
1 254	ATON		1HA	GLY	A	21144.666	3. 088	9. 740	1. 00	0.00 H
4 255	ATON		2HA	GLY	A	21143. 419	4. 321	9. 846	1. 00	0.00 H
4 256	ATON		N	SER .	A	22142.024	2. 985	7. 783	1. 00	0.00 N
M 257	O ATOM	10	CA	SER	A	22140. 981	2. 106	7. 266	1. 00	0.00 C
d 258	ATON		С	SER	A	22141. 573	1. 041	6. 348	1. 00	0.00 C
M 259	ATO		0	SER	A	22142. 497	1. 314	5. 581	1. 00	0.000
M 260	ATO!		CB	SER	A	22139. 928	2. 918	6. 510	1. 00	0. 00 C
M 261	ATO		0G	SER	A	22139. 576	4. 090	7. 227	1. 00	0.000
M 262	15 ATO	15	Н	SER	A	22142. 115	3. 887	7. 412	1. 00	0.00 H
M 263	ATO		HA	SER	A	22140. 512	1. 619	8. 107	1. 00	0. 00 H
M 264	ATO		1HB	SER	A	22140. 321	3. 206	5. 547	1. 00	0. 00 H
M 265	ATO		2HB	SER	A	22139. 042	2. 316	6. 372	1. 00	0. 00 H
M 266	ATO		HG	SER	A	22140. 307	4. 712	7. 202	1. 00	0. 00 H
M 267	20 ATO	20	N	LEU	A	23141. 037	-0. 171	6. 433	1. 00	0.00 N
M 268	AT0		3 CA	LEU	A	23141. 513	-1. 277	5. 610	1. 00	0. 00 C
M 269	AT0) C	LEU	A	23141. 115	-1. 081	4. 150	1. 00	0.00 C
M 270	AT0		0 0	LEU	A	23140.071	-0. 500	3. 854	1. 00	0.000
M 27	AT0		1 CB	LEU	A	23140. 956	-2.603	6. 129	1. 00	0. 00 C
M 273	25 ATO	25	2 CG	LEU	A	23141. 330	-2. 942	7. 574	1. 00	0. 00 C
M 273	ATO		3 CD	1 LEU	A	23140. 251	-3. 798	8. 217	1. 00	0. 00 C
)M 274	ATO		4 CD	2 LEU	A	23142. 675	-3. 649	7. 623	1. 00	0. 00 C
)M 27	ATO		5 H	LEU	A	23140. 303	-0. 327	7.064	1. 00	0. 00 H
)M 27	ATO		6 HA	LEU	A	23142. 590	-1. 299	5. 677	1. 00	0.00 H
)M 27	ATO		5 H	LEU	A	23140. 303	-0. 327	7.064	1. 0	0

					303			
	MOTA	277 1HB	LEU A	23139. 878	-2. 570	6.056	1. 00	0.00 H
	ATOM	278 2HB	LEU A	23141. 319	-3. 396	5. 492	1. 00	0.00 H
	ATOM	279 HG	LEU A	23141. 411	-2. 026	8. 140	1. 00	0.00 H
	ATOM	280 1HD	1 LEU A	23140. 197	-3.576	9. 273	1. 00	0.00 H
5	ATOM	281 2HD	1 LEU A	23140. 490	-4. 843	8. 080	1. 00	0.00 H
	ATOM	282 3HD	1 LEU A	23139. 298	-3. 584	7. 756	1. 00	0.00 H
	ATOM	283 1HD	2 LEU A	23143. 218	-3. 332	8. 501	1. 00	0.00 H
	ATOM	284 2HI	2 LEU A	23143. 245	-3. 402 .	6. 739	1. 00	0.00 H
	ATOM	285 3HI	2 LEU A	23142. 519	-4. 718	7.662	1. 00	0.00 H
10	ATOM	286 N	ALA A	24141. 955	-1. 570	3. 243	1. 00	0.00 N
	ATOM	287 CA	ALA A	24141. 691	-1. 451	1.815	1. 00	0. 00 C
	ATOM	288 C	ALA A	24142. 305	-2. 615	1. 045	1. 00	0. 00 C
	ATOM	289 0	ALA A	24143. 292	-3. 209	1. 480	1. 00	0.000
	ATOM	290 C	3 ALA A	24142. 226	-0. 127	1. 289	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	291 H	ALA A	24142. 771	-2. 023	3. 542	1. 00	0.00 H
	ATOM	292 H	A ALA A	24140. 621	-1. 462	1. 671	1. 00	0.00 H
	ATOM	293 1H	B ALA A	24142. 507	-0. 239	0. 251	1. 00	0.00 H
	ATOM	294 2H	B ALA A	24143. 091	0. 166	1. 866	1. 00	0.00 H
	ATOM	295 3H	B ALA A	24141. 461	0. 630	1. 375	1. 00	0.00 H
20	ATOM	296 N	GLU A	25141. 715	-2. 937	-0. 102	1. 00	0.00 N
	ATOM	297 C	A GLU A	25142. 205	-4. 032	-0. 932	1. 00	0.00 C
	ATOM	298 C	GLU A	25142. 605	-3. 530	-2. 316	1. 00	0.00 C
	ATOM	299 C	GLU A	25142. 089	-2. 519	-2. 793	1. 00	0.000
	ATOM	300 0	B GLU A	25141. 136	-5. 119	-1.062	1. 00	0.00 C
25	ATOM	301 (G GLU A	25141. 708	-6. 516	-1. 245	1. 00	0. 00 C
	ATOM	302 (D GLU A	25140. 729	-7. 464	-1. 909	1. 00	0. 00 C
	ATOM	303 (E1 GLU A	A 25139. 929	-6. 999	-2. 749	1. 00	
	ATOM	304	E2 GLU A	A 25140. 762	-8. 671	-1. 590	1. 00	0.000
	ATOM	305	I GLU A	A 25140. 932	2 -2. 428	-0. 396	1. 00	0.00 H

			_		•	300			
	ATOM	306	HA	GLU A	25143.075	-4. 452	-0. 449	1. 00	0.00 H
	ATOM	307	1HB	GLU A	25140. 527	-5. 117	-0. 170	1. 00	0.00 H
	ATOM	308	2HB	GLU A	25140. 512	-4. 894	-1. 915	1. 00	0.00 H
	ATOM	309	1HG	GLU A	25142. 594	-6. 451	-1.858	1. 00	0.00 H
5	ATOM	310	2HG	GLU A	25141. 970	-6. 913	-0. 275	1. 00	0.00 H
	ATOM	311	N	VAL A	26143. 528	-4. 243	-2. 954	1. 00	0.00 N
	ATOM	312	CA	VAL A	26143. 998	-3. 869	-4. 282	1. 00	0.00 C
	ATOM	313	С	VAL A	26143. 826	-5. 020	-5. 268	1. 00	0.00 C
	ATOM	314	0	VAL A	26144. 136	-6. 170	-4. 955	1. 00	0.000
10	ATOM	315	CB	VAL A	26145. 480	-3. 446	-4. 258	1. 00	0.00 C
	ATOM	316	CG1	VAL A	26145. 909	-2. 913	-5. 616	1. 00	0. 00 C
	ATOM	317	CG2	VAL A	26145. 722	-2. 410	-3. 170	1. 00	0.00 C
	ATOM	318	H	VAL A	26143. 901	-5. 039	-2. 521	1. 00	0. 00 H
	ATOM	319	HA	VAL A	26143. 411	-3. 027	-4. 621	1. 00	0.00 H
15	ATOM	320	HB	VAL A	26146. 078	-4. 318	-4. 033	1. 00	0.00 H
	ATOM	321	1HG1	VAL A	26145. 900	-1. 833	-5. 598	1. 00	0.00 H
	ATOM	322	2HG1	VAL A	26145. 225	-3. 266	-6.374	1. 00	0.00 H
	ATOM	323	3HG1	VAL A	26146. 905	-3. 261	-5. 841	1. 00	0.00 H
	ATOM	324	1HG2	VAL A	26146. 651	-2.631	-2.663	1. 00	0.00 H
20	ATOM	325	2HG2	VAL A	26144. 909	-2. 434	-2. 460	1. 00	0.00 H
	ATOM	326	3HG2	VAL A	26145. 781	-1. 428	-3. 616	1. 00	0.00 H
	ATOM	327	N	LYS A	27143. 330	-4. 704	-6. 460	1. 00	0. 00 N
	ATOM	328	B CA	LYS A	27143. 116	-5. 712	-7. 491	1. 00	0. 00 C
	ATOM	329) C	LYS A	27144. 437	-6. 118	-8. 137	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	330	0 (LYS A	27144. 790	-5. 631	-9. 211	1. 00	0.000
	ATOM	33	1 CB	LYS A	27142. 155	-5. 184	-8. 558	1. 00	0. 00 C
	ATOM	332	2 CG	LYS A	27140. 694	-5. 475	-8. 257	1. 00	0. 00 C
	ATOM	333	3 CD	LYS A	27139. 793	-4. 342	2 -8.722		
	ATOM	334	4 CE	LYS A	27138. 436	-4. 857	7 -9. 172	1. 00	0.00 C

							507			
	ATOM	335	NZ	LYS	A	27137. 427	-4. 798	-8. 079	1. 00	0.00 N
	ATOM	336	Н .	LYS	A	27143. 102	-3. 769	-6.649	1. 00	0.00 H
	ATOM	337	HA	LYS	A	27142. 677	-6. 579	-7. 021	1. 00	0.00 H
	ATOM	338	1HB	LYS	A	27142. 277	-4. 114	-8. 639	1. 00	0.00 H
5	ATOM	339	2HB	LYS	A	27142. 403	-5. 638	-9.506	1. 00	0.00 H
	ATOM	340	1HG	LYS	A	27140. 405	-6. 382	-8. 767	1. 00	0.00 H
	ATOM	341	2HG	LYS	A	27140. 574	-5. 604	-7. 192	1. 00	0.00 H
	ATOM	342	1HD	LYS	A	27139.650	-3. 651	-7. 905	1. 00	0.00 H
	ATOM	343	2HD	LYS	A	27140. 268	-3. 833	-9. 549	1. 00	0.00 H
10	ATOM	344	1HE	LYS	A	27138. 092	-4. 255	-10.000	1. 00	0.00 H
	ATOM	345	2HE	LYS	A	27138. 544	-5. 883	-9. 497	1. 00	0.00 H
	ATOM	346	1HZ	LYS	A	27136. 494	-4. 552	-8. 466	1. 00	0.00 H
	ATOM	347	2HZ	LYS	A	27137. 700	-4. 079	-7. 379	1. 00	0.00 H
	ATOM	348	3HZ	LYS	A	27137. 361	-5. 721	-7. 603	1. 00	0.00 H
15	ATOM	349	N	GLU	A	28145. 162	-7. 014	-7. 475	1. 00	0.00 N
	ATOM	350	CA	GLU	A	28146. 444	-7. 487	-7. 986	1. 00	0. 00 C
	ATOM	351	C	GLU	A	28146. 465	-9. 010	-8. 076	1. 00	0.00 C
	ATOM	352	0	GLU	A	28145. 504	-9. 678	-7. 694	1. 00	0.000
	ATOM	353	СВ	GLU	A	28147. 585	-6. 998	-7. 090	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	354	CG.	GLU	A	28148. 729	-6. 358	-7. 858	1. 00	0.00 C
	ATOM	355	CD	GLU	Α	28149. 850	-5. 889	-6. 951	1. 00	0. 00 C
	ATOM	356	0E	1 GLU	T A	28150. 027	-4. 661	-6.811	1. 00	0.000
	ATOM	357	7 OE	2 GLU	J A	28150. 550	-6. 751	-6. 378	1. 00	0.000
	ATOM	358	3 H	GLU	JA	28144. 828	3 -7.367	-6.625	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	359	9 HA	GLU	J A	28146. 577	7 -7. 079	-8. 976	1. 00	0. 00 H
	ATOM	360	O 1HB	GLU	J A	28147. 195	-6.271	-6. 394	1.00	0.00 H
	ATOM	36	1 2HB	GL	JA	28147. 979	9 -7. 838	-6. 535	1.00	0.00 H
	ATOM	363	2 1HG	GLI	J A	28149. 129	9 -7.080	-8. 553	1.00	0.00 H
	ATOM	36	3 2HG	GL	U A	28148. 348	8 -5.507	7 -8. 404	1.00	0.00 H

					300	
	ATOM	364	N	ASN A	29147. 568 -9. 551 -8. 582 1. 00 0. 00 N	
	ATOM	365	CA	ASN A	29147. 716 -10. 996 -8. 721 1. 00 0. 00 C	
	ATOM	366	C	ASN A	29147. 613 -11. 688 -7. 363 1. 00 0. 00 C	
	ATOM	367	0	ASN A	29146. 752 -12. 543 -7. 158 1. 00 0. 00 0	
5	ATOM	368	CB	ASN A	29149. 055 -11. 331 -9. 380 1. 00 0. 00 C	
	ATOM	369	CG	ASN A	29148. 926 -11. 543 -10. 876 1. 00 0. 00 C	
	ATOM	370	0D1	ASN A	29149. 065 -12. 662 -11. 371 1. 00 0. 00 0	
	ATOM	371	ND2	ASN A	29148. 660 -10. 465 -11. 605 1. 00 0. 00 N	
	ATOM	372	H	ASN A	29148. 301 -8. 967 -8. 868 1. 00 0. 00 H	
10	ATOM	373	HA	ASN A	29146. 915 -11. 351 -9. 353 1. 00 0. 00 H	
	ATOM	374	1HB	ASN A	29149. 747 -10. 520 -9. 210 1. 00 0. 00 H	
	ATOM	375	2HB	ASN A	29149. 451 -12. 235 -8. 939 1. 00 0. 00 H	
	ATOM	376	1HD2	ASN A	29148. 563 -9. 606 -11. 144 1. 00 0. 00 H	
	ATOM	377	2HD2	ASN A	29148. 571 -10. 574 -12. 575 1. 00 0. 00 H	
15	ATOM	378	N	PRO A	30148. 497 -11. 327 -6. 416 1. 00 0. 00 N	
	ATOM	379	CA	PRO A	30148. 502 -11. 917 -5. 076 1. 00 0. 00 C	
	ATOM	380	C	PRO A	30147. 380 -11. 368 -4. 195 1. 00 0. 00 C	
	ATOM	381	0	PRO A	30147. 416 -10. 208 -3. 786 1. 00 0. 00 0	
	ATOM	382	CB	PRO A		
20	ATOM	383	CG	PRO A		
	ATOM	384	CD	PRO A		
	ATOM	385	HA	PRO A		
	ATOM	386	1HB	PRO A		
	ATOM	387	2HB	PRO A	A 30150. 597 -12. 263 -4. 755 1. 00 0. 00 H	
25	ATOM	388	1HG	PRO A		
	ATOM	389	2HG	PRO I	A 30151. 244 -10. 094 -5. 285 1. 00 0. 00 H	
	ATOM	390) 1HD	PRO A	A 30149. 142 -9. 362 -6. 870 1. 00 0. 00 H	
	ATOM	39 1	l 2HD	PRO A		
	ATOM	392	2 N	PRO .	A 31146.363 -12.196 -3.889 1.00 0.00 N	

							309			
	ATOM	393	CA !	PRO A		31145. 234 -	-11. 777	-3. 052	1. 00	0.00 C
	ATOM	394	C	PRO A		31145.642 -	-11. 550	-1.601	1. 00	0.00 C
	ATOM	395	0	PRO A	L	31145. 519 -	12. 444	-0.764	1. 00	0.000
	ATOM	396	СВ	PRO A	1	31144. 257	-12. 951	-3. 155	1. 00	0.00 C
5	ATOM	397	CG	PRO A	1	31145. 111	-14. 127	-3. 484	1. 00	0.00 C
	ATOM	398	CD	PRO A	A	31146. 234	-13. 598	-4. 331	1. 00	0.00 C
	ATOM	399	HA	PRO A	A	31144. 767	-10. 882	-3. 438	1. 00	0.00 H
	·ATOM	400	1 HB	PRO A	4	31143. 748	-13. 083	-2.212	1. 00	0.00 H
	ATOM	401	2HB	PRO	A	31143. 537	-12. 757	-3. 936	1. 00	0.00 H
10	ATOM	402	1 HG	PRO A	A	31145. 499	-14. 563	-2. 575	1. 00	0.00 H
	ATOM	403	2HG	PRO.	A	31144. 536	-14. 855	-4. 037	1. 00	0.00 H
	ATOM	404	1HD	PRO .	A	31147. 143	-14. 148	-4. 138	1. 00	0. 00 H
	ATOM	405	2HD	PRO	A	31145. 974	-13. 649	-5. 378	1. 00	0.00 H
	ATOM	406	N	PHE	A	32146. 130	-10. 348	-1. 310	1. 00	0.00 N
15	ATOM	407	CA	PHE	A	32146. 557	-10. 002	0.040	1. 00	0. 00 C
	ATOM	408	C	PHE	A	32145. 562	-9. 052	0. 699	1. 00	0. 00 C
	ATOM	409	0	PHE	A	32144. 630	-8. 569	0.056	1. 00	0.000
	ATOM	410	CB	PHE	A	32147. 947	-9. 364	0. 009	1. 00	0. 00 C
	ATOM	411	CG	PHE	A	32148. 016	-8. 116	-0.824	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	412	CD1	PHE	A	32148. 649	-8. 124	-2.056	1. 00	0. 00 C
	ATOM	413	CD2	PHE	A	32147. 447	-6. 935	-0. 374	1. 00	0. 00 C
	ATOM	414	CE 1	PHE	A	32148. 713	-6. 978	-2. 825	1. 00	
	ATOM	415	CE2	PHE	A	32147. 508	-5. 785	-1. 139	1. 00	
	ATOM	416	CZ	PHE	A	32148. 143	-5. 807	-2. 366	1. 00	
25	ATOM	417	H	PHE	A	32146. 203	-9. 678	-2.022	1. 00	
	ATOM	418	НА	PHE	A	32146. 602	-10. 913			
	ATOM	419	1HB	PHE	A					
	ATOM	420	·2HB	PHE	A	32148. 652	2 -10.075	-0. 395	1.00	
	ATOM	421	HD	1 PHE	A	32149. 095	-9. 039	2. 416	1.00	0.00 H

	370

	ATOM	422	HD2	PHE A	32146. 950	-6. 918	0.584	1. 00	0.00 H
	ATOM	423	HE1	PHE A	32149. 211	-6. 997	-3. 784	1. 00	0.00 H
	ATOM	424	HE2	PHE A	32147. 060	-4. 872	-0.778	1. 00	0.00 H
	ATOM	425	HZ	PHE A	32148. 192	-4. 910	-2.965	1. 00	0.00 H
5	ATOM	426	N	TYR A	33145. 770	-8. 785	1. 984	1. 00	0.00 N
	ATOM	427	CA	TYR A	33144. 892	-7. 892	2. 731	1. 00	0.00 C
	ATOM	428	C	TYR A	33145. 696	-7. 001	3.673	1. 00	0.00 C
	ATOM	429	0	TYR A	33146. 335	-7. 487	4. 607	1. 00	0.000
	ATOM	430	CB	TYR A	33143. 865	-8. 699	3. 527	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	431	CG	TYR A	33142. 662	-9. 121	2. 712	1. 00	0.00 C
	ATOM	432	CD1	TYR A	33141. 948	-8. 193	1. 962	1. 00	0.00 C
	ATOM	433	CD2	TYR A	33142. 243	-10. 444	2. 691	1. 00	0. 00 C
	ATOM	434	CE1	TYR A	33140. 848	-8. 576	1. 217	1. 00	. 0. 00 C
	MOTA	435	CE2	TYR A	33141. 145	-10. 833	1. 947	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	436	CZ	TYR A	33140. 452	-9. 896	1. 212	1. 00	0.00 C
	ATOM	437	OH	TYR A	33139. 358	-10. 279	0.469	1. 00	0.000
	ATOM	438	H	TYR A	33146. 531	-9. 200	2. 442	1. 00	0.00 H
	ATOM	439	HA	TYR A	33144. 373	-7. 267	2. 020	1. 00	0.00 H
	ATOM	440	1HB	TYR A	33144. 335	-9. 592	3. 908	1. 00	0.00 H
20	ATOM	441	2HB	TYR A	33143. 512	-8. 102	4. 355	1. 00	0.00 H
	ATOM	442	HD1	TYR A	33142. 261	-7. 160	1. 968	1. 00	0.00 H
	ATOM	443	HD2	TYR A	33142. 788	-11. 177	3. 268	1. 00	0.00 H
	ATOM	444	HE1	TYR A	33140. 306	-7. 840	0. 641	1. 00	0.00 H
	ATOM	445	HE2	TYR A	33140. 835	-11. 869	1. 943	1. 00	0.00 H
25	ATOM	446	HH	TYR A	33139. 593	-11. 028	-0. 083	1. 00	0.00 H
	ATOM	447	N	GLY A	34145. 660	-5. 697	3. 422	1. 00	0.00 N
	ATOM	448	CA	GLY A	34146. 389	-4. 761	4. 257	1. 00	0.00 C
	ATOM	449	C	GLY A	34145. 568	3 -3.537	4. 613	1. 00	0. 00 C
	ATOM	450	0	GLY A	34144. 380	3. 465	4. 294	1. 00	0.000

					371			
	ATOM	451 H	GLY A	34145. 133	-5. 368	2. 664	1. 00	0.00 H
	ATOM	452 1HA	GLY A	34146. 683	-5. 260	5. 168	1. 00	0. 00 H
	ATOM	453 2HA	GLY A	34147. 278	-4. 443	3. 731	1. 00	0. 00 H
	ATOM	454 N	VAL A	35146. 200	-2. 573	5. 275	1. 00	0.00 N
5 .	ATOM	455 CA	VAL A	35145. 520	-1. 348	5. 674	1. 00	0.00 C
	ATOM	456 C	VAL A	35146. 266	-0. 117	5. 168	1. 00	0.00 C
	ATOM	457 0	VAL A	35147. 494	-0. 110	5. 093	1. 00	0.000
	ATOM	458 CB	VAL A	35145. 376	-1. 261	7. 207	1. 00	0.00 C
	ATOM	459 CG	I VAL A	35146. 742	-1. 264	7. 877	1. 00	0.00 C
10	ATOM	460 CG	VAL A	35144. 581	-0.024	7. 601	1. 00	0.00 C
	ATOM	461 H	VAL A	35147. 147	-2. 690	5. 499	1. 00	0.00 H
	ATOM	462 HA	VAL A	35144. 531	-1. 360	5. 241	1. 00	0.00 H
	ATOM	463 HB	VAL A	35144. 834	-2. 131	7. 546	1. 00	0.00 H
	ATOM	464 1HG	1 VAL A	35146. 735	-0. 577	8. 711	1. 00	0.00 H
15	ATOM	465 2HG	1 VAL A	35147. 493	-0. 959	7. 165	1. 00	0.00 H
	ATOM	466 3HG	1 VAL A	35146. 965	-2. 258	8. 232	1. 00	0.00 H
	ATOM	467 1HG	2 VAL A	35144. 998	0. 843	7. 113	1. 00	0.00 H
	ATOM	468 2HG	2 VAL A	35144. 629	0. 108	8. 672	1. 00	0.00 H
	ATOM	469 3HG	2 VAL A	35143. 551	-0. 146	7. 300	1. 00	0.00 H
20	ATOM	470 N	ILE A	36145. 515	0. 923	4. 822	1. 00	0.00 N
	ATOM	471 CA	ILE A	36146. 105	2. 160	4. 324	1. 00	0.00 C
	ATOM	472 C	ILE A	36147. 035	2. 779	5. 362	1. 00	0.00 C
	ATOM	473 0	ILE A	36146. 862	2. 574	6. 564	1. 00	0.000
	ATOM	474 CI	3 ILE A	36145. 023	3. 188	3. 939	1. 00	0.00 C
25	ATOM	475 C	G1 ILE A	36144. 010	2. 562	2. 977	1. 00	0.00 C
	ATOM	476 C	G2 ILE A	36145. 660	4. 422	3. 315	1. 00	0.00 C
	ATOM	477 C	D1 ILE A	36142. 915	3. 515	2. 548	1. 00	0.00 C
	ATOM	478 H	ILE A	36144. 540	0. 859	4. 905	1. 00	0.00 H
	ATOM	479 H	A ILE A	36146.678	1. 923	3. 439	1. 00	0.00 H

			7	3	572			
	ATOM	480 HB I	LE A	36144. 512	3. 494	4. 840	1. 00	0.00 H
	ATOM	481 1HG1 1	LE A	36144. 525	2. 229	2. 089	1. 00	0.00 H
	ATOM	482 2HG1 1	ILE A	36143. 544	1. 715	3. 457	1. 00	0.00 H
	ATOM	483 1HG2	ILE A	36146. 128	5. 015	4. 087	1. 00	0. 00 H
5	ATOM	484 2HG2	ILE A	36144. 900	5. 009	2. 822	1. 00	0.00 H
	ATOM	485 3HG2	ILE A	36146. 404	4. 117	2. 593	1. 00	0.00 H
	ATOM	486 1HD1	ILE A	36142. 149	3. 548	3. 308	1. 00	0.00 H
	ATOM	487 2HD1	ILE A	36142. 486	3. 173	1. 617	1. 00	0.00 H
	ATOM	488 3HD1	ILE A	36143. 330	4. 502	2. 412	1. 00	0.00 H
10	ATOM	489 N	ARG A	37148. 020	3. 537	4. 891	1. 00	0.00 N
	ATOM	490 CA	ARG A	37148. 977	4. 184	5. 780	1. 00	0.00 C
	ATOM	491 C	ARG A	37149. 216	5. 631	5. 364	1. 00	0. 00 C
	ATOM	492 0	ARG A	37148. 844	6. 563	6. 078	1. 00	0.000
	ATOM	493 CB	ARG A	37150. 300	3. 418	5. 782	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	494 CG	ARG A	37150. 144	1. 935	6. 077	1. 00	0. 00 C
	ATOM	495 CD	ARG A	37150. 115	1. 667	7. 572	1. 00	0. 00 C
	ATOM	496 NE	ARG A	37148. 908	2. 196	8. 201	1. 00	0. 00 N
	ATOM	497 CZ	ARG A	37148. 788	2. 420	9. 508	1. 00	0.00 C
	ATOM	498 NH1	ARG A	37149. 800	2. 159	10. 327	1. 00	0.00 N
20	ATOM	499 NH2	ARG A	37147. 654	2. 904	9. 997	1. 00	0.00 N
	ATOM	500 H	ARG A	37148. 105	3.662	3. 924	1. 00	0.00 H
	ATOM	501 HA	ARG A	37148. 563	4. 173	6. 778	1. 00	0.00 H
	ATOM	502 1HB	ARG A	37150. 766	3. 523	4. 813	1. 00	0.00 H
	ATOM	503 2HB	ARG A	37150. 950	3. 845	6. 532	1. 00	0.00 H
25	ATOM	504 1HG	ARG A	37149. 220	1. 587	5. 641	1. 00	0.00 H
	ATOM	505 2HG	ARG A	37150. 976	1. 402	5. 640		0. 00 H
	ATOM	506 1HD	ARG A	37150. 154	0. 600	7. 734		
	ATOM	507 2HD	ARG A	37150. 979	2. 130	8. 025		
	ATOM	508 HE	ARG A	37148. 145	2. 397	7. 619	1. 00	0.00 H

	373
	212

	ATOM	509 1	HH1 A	RG A	37150.	657	1. 793	9. 966	1. 00	0.00 H	
	ATOM	510 2	HH1 A	RG A	37149.	704	2. 329	11. 308	1. 00	0.00 H	•
	ATOM	511 1	HH2 A	RG A	37146.	890	3. 103	9. 384	1. 00	0.00 H	
	ATOM	512 2	HH2 A	ARG A	37147.	565	3. 072	10. 979	1. 00	0.00 H	
5	ATOM	513	N I	TRP A	38149.	841	5. 814	4. 206	1. 00	0.00 N	
	ATOM	514	CA 7	TRP A	38150.	132	7. 149	3. 697	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	515	C 7	TRP A	38149.	473	7. 373	2. 337	1. 00	0.00 C	
	ATOM	516	0	TRP A	38149.	599	6. 550	1. 431	1. 00	0.000	
	ATOM	517	CB '	TRP A	38151.	647	7. 361	3. 589	1. 00	0.00 C	
10	ATOM	518	CG	TRP A	38152	. 027	8. 592	2. 820	1. 00	0. 00 C	
	ATOM	519	CD1	TRP A	38152	. 264	9. 837	3. 329	1. 00	0. 00 C	•
	ATOM	520	CD2	TRP A	38152	. 208	8. 696	1. 403	1. 00	0.00 0	,
	ATOM	521	NE 1	TRP A	38152	. 581	10. 708	2. 314	1. 00	0. 00 N	Į
	ATOM	522	CE2	TRP A	38152	. 554	10. 031	1. 123	1. 00	0.00 (
15	ATOM	523	CE3	TRP A	38152	. 112	7. 789	0.344	1. 00	0.00 (2
	ATOM	524	CZ2	TRP A	38152	. 803	10. 479	-0. 172	1. 00	0.00 (3
	ATOM	525	CZ3	TRP A	38152	2. 360	8. 234	-0.940	1. 00	0.00	C
	ATOM	526	CH2	TRP A	38152	2. 702	9. 569	-1. 189	1. 00	0.00	С
	MOTA	527	H	TRP A	38150). 114	5. 032	3. 682	1. 00	0.00	H
20	ATOM	528	HA	TRP A	38149	9. 728	7. 865	4. 398	1. 00	0.00	
	ATOM	529	1HB	TRP A	3815	2. 062	7. 447	4. 581	1. 00	0.00	
	ATOM	530	2HB	TRP A	3815	2. 086	6. 508	3. 092	1. 00	0. 00	
	ATOM	531	HD1	TRP	3815	2. 207	10. 086	4. 378		0. 00	
	ATOM	532	HE 1	TRP	A 3815	2. 794	11. 659	2. 426		0.00	
25	ATOM	533	HE3	TRP	A 3815	1. 849	6. 756			0.00	
	ATOM	534	HZ2	TRP	A 3815	3. 065	11. 506	-0. 381			
	ATOM	535	HZ3	TRP		2. 290	7. 547				
	ATOM	536	HH2	TRP	A 3815	2. 887	9. 873				
	ATOM	537	N	ILE	A 3914	8. 781	8. 499	2. 204	1. 00	0.00	N

374

						0.045	0 055	1 00	0 00 0
	ATOM	538	CA	ILE A		8. 845	0. 957		0. 00 C
	ATOM	539	C	ILE A	39148. 616	10. 185	0. 433		0. 00 C
	ATOM	540	0	ILE A	39148. 281	11. 239	0. 974	1. 00	0.000
	ATOM	541	CB	ILE A	39146. 583	8. 917	1. 137	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	542	CG1	ILE A	39146. 066	7. 647	1.816	1. 00	0.00 C
	ATOM	543	CG2	ILE A	39145. 898	9. 121	-0. 206	1. 00	0.00 C
	ATOM	544	CD1	ILE A	39144. 781	7. 854	2. 588	1. 00	0.00 C
	ATOM	545	H	ILE A	39148. 726	9. 117	2. 963	1. 00	0.00 H
	ATOM	546	HA	ILE A	39148. 335	8. 077	0. 231	1. 00	0.00 H
10	ATOM	547	HB	ILE A	39146. 356	9. 767	1.761	1. 00	0.00 H
	ATOM	548	1HG1	ILE A	39145. 881	6. 894	1.064	1. 00	0.00 H
	ATOM	549	2HG1	ILE A	39146. 814	7. 285	2.506	1. 00	0.00 H
	ATOM	550	1HG2	ILE A	39146. 213	8. 348	-0.892	1. 00	0.00 H
	ATOM	551	2HG2	ILE A	39146: 169	10. 088	-0. 605	1. 00	0.00 H
15	ATOM	552	3HG2	ILE A	39144. 827	9. 073	-0.076	1. 00	0.00 H
	ATOM	553	1HD1	ILE A	39144. 535	6. 952	3. 127	1. 00	0.00 H
	ATOM	554	2HD 1	ILE A	39143. 983	8. 092	1. 900	1. 00	0.00 H
	ATOM	555	3HD	ILE A	39144. 908	8. 668	3. 286	1. 00	0.00 H
	ATOM	556	N	GLY A	40149. 429	10. 140	-0.617	1. 00	0.00 N
20	ATOM	557	CA	GLY A	40149. 970	11. 360	-1. 185	1. 00	0.00 C
	ATOM	558	C	GLY A	40150. 570	11. 152	-2. 561	1. 00	0.00 C
	ATOM	559	0	GLY A	40150. 382	10. 103	-3. 177	1. 00	0.000
	ATOM	560	H	GLY A	40149.667	9. 272	-1. 006	1. 00	0.00 H
	ATOM	561	1HA	GLY A	40149. 179	12. 091	-1. 257	1. 00	0.00 H
25	ATOM	562	2 2HA	GLY A	40150. 735	11. 740	-0. 525	1. 00	0.00 H
	ATOM	563	3 N	GLN A	41151. 290	12. 159	-3. 044	1. 00	0.00 N
	ATOM	564	4 CA	GLN A	41151.919	12. 094	-4. 355	1. 00	0.00 C
	ATOM	565	5 C	GLN A	41153. 396	12. 478	-4. 267	1. 00	0.00 C
	ĄTOM	560	6 0	GLN A	41153. 728	3 13.616	-3. 935	1. 00	0.000

						313			
	ATOM	567	CB	GLN A	41151. 195	13. 024	-5. 325	1. 00	0.00 C
	ATOM	568	CG	GLN A	41149. 683	12. 862	-5. 309	1. 00	0.00 C
	ATOM	569	CD	GLN A	41148. 955	14. 188	-5. 405	1. 00	0.00 C
	ATOM	570	0E1	GLN A	41148. 905	14. 953	-4. 443	1. 00	0.000
5	ATOM	571	NE2	GLN A	41148. 387	14. 464	-6. 571	1. 00	0.00 N
	ATOM	572	H	GLN A	41151. 398	12. 969	-2. 505	1. 00	0.00 H
	ATOM	573	HA	GLN A	41151. 839	11. 080	-4. 713	1. 00	0.00 H
	ATOM	574	1HB	GLN A	41151. 427	14. 046	-5. 067	1. 00	0.00 H
	ATOM	575	2HB	GLN A	41151. 546	12. 826	-6. 325	1. 00	0.00 H
10	ATOM	576	1HG	GLN A	41149. 390	12. 247	-6. 145	1. 00	0.00 H
	ATOM	577	2HG	GLN A	41149. 396	12. 376	-4. 388	1. 00	0.00 H
	ATOM	578	1HE2	GLN A	41148. 468	13. 805	-7. 292	1. 00	0.00 H
	ATOM	579	2HE2	GLN A	41147. 910	15. 314	-6.665	1. 00	0.00 H
	ATOM	580	N	PRO A	42154. 309	11. 532	-4. 559	1. 00	0.00 N
15	ATOM	581	CA	PRO A	42155. 752	11. 787	-4. 505	1. 00	0.00 C
	ATOM	582	C	PRO A	42156. 172	12. 938	-5. 414	1. 00	0.00 C
	ATOM	583	0	PRO A	42155. 454	13. 294	-6. 350	1. 00	0.000
	ATOM	584	CB	PRO A	42156. 37	10.471	-4. 989	1. 00	0.00 C
	ATOM	585	CG	PRO A	42155. 320	9. 444	-4. 752	1. 00	0.00 C
20	ATOM	586	CD	PRO A	42154.010	0 10. 147	-4. 961	1. 00	0. 00 C
	ATOM	587	HA	PRO- A	42156.07	9 11. 991	-3. 496	1. 00	0.00 H
	ATOM	588	1HB	PRO A	42156.61	6 10. 552	-6. 039	1. 00	0. 00 H
	ATOM	589	2HB	PRO A	A 42157. 26	5 10. 260	-4. 420	1. 00	
	ATOM	590	1HG	PRO A	A 42155. 42	9 8. 634	-5. 458	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	591	2HG	PRO.	A 42155.38	9 9.074	-3. 739	1. 00	0.00 H
	ATOM	592	2 1HD	PRO.	A 42153.71	9 10. 100	-6. 000	1. 00	0.00 H
	ATOM	593	3 2HD	PRO	A 42153.24	4 9. 717	7 -4.331	1.00	0.00 H
	ATOM	594	4 N	PRO	A 43157.34	5 13. 537	7 -5. 151	1.00	0.00 N
	ATOM	59	5 CA	PRO	A 43157.85	8 14.65	3 -5.950	1.00	0. 00 C

				1	:	376			
	ATOM	596	C P	RO A	43158. 331	14. 206	-7. 328	1. 00	0. 00 C
	ATOM	597	0 P	RO A	43159. 507	13. 894	-7. 520	1. 00	0.000
	ATOM	598	CB P	RO A	43159. 035	15. 169	-5. 124	1. 00	0. 00 C
	ATOM	599	CG P	RO A	43159. 493	13. 989	-4. 340	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	600	CD F	RO A	43158. 261	13. 173	-4. 054	1. 00	0.00 C
	ATOM	601	HA I	PRO A	43157. 120	15. 433	-6.060	1. 00	0.00 H
	ATOM	602 1	HB I	PRO A	43159. 809	15. 530	-5. 785	1. 00	0.00 H
	ATOM	603 2	HB 1	PRO A	43158. 703	15. 968	-4. 478	1. 00	0.00 H
	ATOM	604 1	HG 1	PRO A	43160. 198	13. 412	-4. 922	1. 00	0.00 H
10	ATOM	605 2	2HG	PRO A	43159. 948	14. 316	-3. 417	1. 00	0. 00 H
	ATOM	606	1HD	PRO A	43158. 493	12. 119	-4. 080	1. 00	0.00 H
	ATOM	607	2HD	PRO A	43157. 843	13. 445	-3. 096	1. 00	0.00 H
	ATOM	608	N	GLY A	44157. 411	14. 178	-8. 286	1. 00	0. 00 N
	ATOM	609	CA	GLY A	44157. 758	13. 769	-9. 633	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	610	C	GLY A	44156. 560	13. 280	-10. 418	1. 00	0. 00 C
	ATOM	611	0	GLY A	44156. 327	13. 716	-11. 546	1. 00	0.000
	ATOM	612	H	GLY A	44156. 490	14. 438		1. 00	0.00 H
	ATOM	613	1HA	GLY A	44158. 194	14. 610	-10. 151	1. 00	0.00 H
	ATOM	614	2HA	GLY A	44158. 488	12. 976		1. 00	0. 00 H
20	ATOM	615	N	LEU A	45155. 794			1. 00	0. 00 N
	MOTA	616	CA	LEU A	45154. 613		-10. 479		0.00 C
	ATOM	617	C	LEU A	45153. 363	12. 082			0. 00 C
	ATOM	618	0	LEU A	45153. 203				0.000
	ATOM	619	CB	LEU A	45154. 783		3 -10. 708		
25	MOTA	620	CG	LEU A	45155. 251				
	ATOM	621	CD1	LEU A	45154.856	8. 06			
	ATOM	622	CD2	LEU A	45156. 757				
•	ATOM	623	H	LEU A					
	ATOM	624	HA	LEU A	A 45154. 50	5 12.31	3 -11. 43	5 1.00	0.00 H

							311		
	ATOM	625	1HB	LEU	A	45153. 834	9. 915 -11. 032	1. 00	0.00 H
	ATOM	626	2HB	LEU .	A	45155. 504	10. 175 -11. 499	1. 00	0.00 H
	ATOM	627	HG	LEU .	A	45154.770	9. 923 -8. 604	1. 00	0.00 H
	ATOM	628	1HD1	LEU	A	45154. 124	7. 818 -8. 858	1. 00	0.00 H
5	ATOM	629	2HD1	LEU	A	45155. 729	7. 438 -9. 480	1. 00	0.00 H
	ATOM	630	3HD1	LEU	A	45154. 437	7. 883 -10. 593	1. 00	0.00 H
	ATOM	631	1HD2	LEU	A	45156. 974	9. 910 -8. 275	1. 00	0.00 H
	ATOM	632	2HD2	LEU	A	45157. 127	10. 451 -9. 947	1. 00	0.00 H
	ATOM	633	3HD2	LEU	A	45157. 239	8. 733 -9. 562	1. 00	0.00 H
10	MOTA	634	N	ASN	A	46152. 477	12. 930 -10. 162	1. 00	0.00 N
	ATOM	635	CA	ASN	A	46151. 245	13. 251 -9. 454	1. 00	0. 00 C
	ATOM	636	C	ASN	A	46150. 273	12. 078 -9. 511	1. 00	0. 00 C
	ATOM	637	0	ASN	A	46149.690	11. 790 -10. 556	1. 00	0.000
	ATOM	638	CB	ASN	A	46150. 597	14. 498 -10. 061	1. 00	0.00 C
15	ATOM	639	CG	ASN	A	46149. 341	14. 917 -9. 325	1. 00	0.00 C
	ATOM	640	0D1	ASN	A	46149. 358	15. 856 -8. 529	1. 00	0.000
	ATOM	641	ND2	ASN	A	46148. 241	14. 221 -9. 587	1. 00	0.00 N
	ATOM	642	H	ASN	A	46152.654	13. 344 -11. 032	1. 00	0.00 H
	ATOM	643	HA	ASN	A	46151. 494	13. 450 -8. 423	1. 00	0.00 H
20	ATOM	644	1HB	ASN	A	46151. 301	15. 315 -10. 025	1. 00	0.00 H
	ATOM	645	2HB	ASN	A	46150. 338	14. 296 -11. 091	1. 00	0.00 H
	ATOM	646	1HD	2 ASN	A	46148. 301	13. 486 -10. 233	1. 00	0.00 H
	ATOM	647	2HD	2 ASN	A	46147. 413	14. 471 -9. 125	1. 00	0.00 H
	ATOM	648	N	GLU	A	47150. 105	11. 406 -8. 378	1. 00	0. 00 N
25	ATOM	649	CA	GLU	J A	47149. 205	10. 262 -8. 289	1. 00	0. 00 C
	ATOM	650	C	GLU	JA	47148. 956	9. 884 -6. 833	1. 00	0. 00 C
	ATOM	651	. 0	GLU	J A	47149. 896	9. 621 -6. 083	1. 00	0.000
	ATOM	652	CB	GLU	J A	47149. 782	9.066 -9.049	1. 00	0. 00 C
	ATOM	653	B CG	GLI	JA	47151. 289	8. 916 -8. 907	1. 00	0. 00 C

	ATOM	654 (CD (GLU A	I	47151. 881	7. 979	-9. 941	1. 00	0.00 C
	ATOM	655 (DE 1	GLU A	A	47152. 122	8. 429	-11. 081	1. 00	0.000
	ATOM	656	0E2	GLU A	A	47152. 104	6. 795	-9. 612	1. 00	0.000
	ATOM	657	H	GLU A	A	47150. 599	11. 686	-7. 580	1. 00	0.00 H
5	ATOM	658	HA	GLU	A	47148. 266	10. 545	-8. 740	1. 00	0.00 H
	ATOM	659 1	HB	GLU .	A	47149. 317	8. 163	-8. 682	1. 00	0.00 H
	ATOM	660 2	HB	GLU	A	47149. 550	9. 176	-10. 099	1. 00	0.00 H
	ATOM	661 1	HG	GLU	A	47151.746	9. 887	-9. 021	1. 00	0.00 H
	ATOM	662 2	HG	GLU	A	47151. 509	8. 529	-7. 924	1. 00	0.00 H
10	ATOM	663	N	VAL	A	48147. 688	9. 850	-6. 439	1. 00	0.00 N
	ATOM	664	CA	VAL	A	48147. 331	9. 494	-5. 072	1. 00	0.00 C
	ATOM	665	C	VAL	A	48147. 655	8. 030	-4. 795	1. 00	0. 00 C
	ATOM	666	0	VAL	A	48146. 912	7. 133	-5. 191	1. 00	0.000
	ATOM	667	CB	VAL	A	48145. 835	9. 739	-4. 796	1. 00	0.00 C
15	ATOM	668	CG1	VAL	A	48145. 527	9. 554	-3. 319	1. 00	0. 00 C
	ATOM	669	CG2	VAL	A	48145. 427	11. 128	-5. 265	1. 00	0.00 C
	ATOM	670	H	VAL	A	48146. 979	10. 064	-7. 080	1. 00	0.00 H
	ATOM	671	HA	VAL	A	48147. 908	10. 113	-4. 401	1. 00	0.00 H
	ATOM	672	HB	VAL	A	48145. 263	9. 012	-5. 353	1. 00	0.00 H
20	ATOM	673					8. 522		1. 00	0.00 H
	ATOM	674	2HG1	VAL	A	48144. 498	9. 824	-3. 129	1. 00	0.00 H
	ATOM	675	3HG1	VAL	A	48146. 178	10. 186	-2. 733	1. 00	0.00 H
	ATOM	676	1HG2	VAL	A	48145. 171	11. 092	-6.314	1. 00	0.00 H
	ATOM	677	2HG2	VAL	A	48146. 248	11. 813	-5. 118	1. 00	0.00 H
25	ATOM	678	3HG2	VAL	A	48144. 572	11. 462	-4. 697	1. 00	0. 00 H
	ATOM	679	N	LEU	A	49148. 771	7. 795	-4. 114	1. 00	0.00 N
	ATOM	680	CA	LEU	A	49149. 196	6. 439	-3. 787	1. 00	0. 00 C
	ATOM	681	C	LEU	A	49149. 018	6. 158	-2. 301 die −2. 301	1. 00	0. 00 C
	ATOM	682	0	LEU	A	49149. 659	6. 789	-1. 460	1. 00	0.000

						_				0 00 0
	ATOM	683	CB	LEU	A	49150. 657	6. 228	-4. 185		0. 00 C
	ATOM	684	CG	LEU	A	49150. 989	6. 568	-5. 640		0, 00 C
	ATOM	685	CD1	LEU	A	49152. 472	6. 871	-5. 792	1. 00	0. 00 C
	ATOM	686	CD2	LEU	A	49150. 580	5. 427	-6. 559	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	687	H	LEU	A	49149. 325	8. 551	-3. 824	1. 00	0.00 H
	ATOM	688	HA	LEU	A	49148. 577	5. 754	-4. 347	1. 00	0. 00 H
	ATOM	689	1HB	LEU	A	49151. 275	6. 841	-3. 544	1. 00	0. 00 H
	ATOM	690	2HB	LEU	A	49150. 909	5. 192	-4. 016	1. 00	0. 00 H
	ATOM	691	HG	LEU	A	49150. 437	7. 449	-5. 931	1. 00	0.00 H
10	ATOM	692	1HD1	LEU	A	49152. 882	7. 153	-4. 833	1. 00	0.00 H
	ATOM	693	2HD1	LEU	A	49152.604	7. 682	-6. 492	1. 00	0.00 H
	ATOM	694	3HD1	LEU	A	49152. 984	5. 993	-6. 157	1. 00	0.00 H
	ATOM	695	1HD2	LEU	A	49149.667	4. 980	-6. 195	1. 00	0.00 H
	ATOM	696	2HD2	LEU	A	49151. 362	4. 682	-6. 578	1. 00	0.00 H
15	ATOM	697	3HD2	LEU	A	49150. 421	5. 808	-7. 556	1. 00	0.00 H
	ATOM	698	N	ALA	A	50148. 145	5. 210	-1. 983	1. 00	0.00 N
	ATOM	699	CA	ALA	A	50147. 887	4. 849	-0. 596	1. 00	0.00 C
	ATOM	700	C	ALA	A	50148. 794	3. 707	-0. 151	1. 00	0. 00 C
	ATOM	701	0	ALA	A	50148. 698	2. 591	-0.660	1. 00	0.000
20	ATOM	702	CB	AL/	A A	50146. 426	4. 471	-0. 412	1. 00	0.00 C
	ATOM	703	H	ALA	A A	50147.665	4. 741	-2.698	1. 00	0.00 H
	ATOM	704	HA	AL	A A	50148. 091	5. 718	0.013	1. 00	0.00 H
	ATOM	705	1HB	AL	A A	50146.071	4. 857	0. 531	1. 00	0.00 H
	ATOM	706	2HB	AL.	A A	50146. 329	3. 395	-0.421	1. 00	0.00 H
25	ATOM	707	7 3HB	AL.	A A	50145. 841	4. 890	-1. 217	1. 00	0.00 H
	MOTA	708	3 N	GL	Y A	51149. 675	3. 995	0. 801	1. 00	0.00 N
	ATOM	709	O CA	GL	Y A	51150. 587	2. 981	1. 299	1. 00	0.00 C
	ATOM	710	o c	GL	Y A	51149. 892	1. 946	2. 160	1. 00	0.00 C
	ATOM	71	1 0	GL	Y	51149. 589	2. 200	3. 325	1. 00	0.000

						•	300				
	ATOM	712 H	GI	LY A	5114	19. 707	4. 902	1. 170	1. 00	0. 00 H	ł
	ATOM	713 1H	A ĠI	LY A	5115	1. 047	2. 483	0. 458	1. 00	0. 00 I	H
	ATOM	714 2H	A G	LY A	5115	51. 356	3. 462	1. 885	1. 00	0. 00 I	H
	ATOM	715 N	L	EU A	5214	19. 638	0. 775	1. 585	1. 00	0.00 1	N
5	ATOM	716 C	A L	EU A	521	48. 973	-0. 303	2. 309	1. 00	0.00	С
	ATOM	717 0	L	EU A	52 1	49. 989	-1. 169	3. 048	1. 00	0.00	C
	ATOM	718 0	L	EU A	521	51.096	-1. 398	2. 561	1. 00	0.00	0
	ATOM	719 (CB L	EU A	521	48. 157	-1. 166	1. 345	1. 00	0.00	C
	ATOM	720 (CG L	EU A	521	46. 971	-0. 456	0. 688	1. 00	0.00	C
10	ATOM	721 (CD1 L	EU A	521	46. 473	-1. 249	-0.511	1. 00	0.00	C
	ATOM	722	CD2 L	EU A	521	45. 850	-0. 249	1. 695	1. 00	0.00	C
	ATOM	723	H I	EU A	521	49. 904	0.632	0. 653	1. 00	0.00	H
	ATOM	724	HA I	LEU A	521	48. 307	0. 145	3. 030	1. 00	0.00	H
	ATOM	725 1	HB I	LEU A	521	48. 816	-1. 520	0. 565	1. 00	0.00	H
15	ATOM	726 2	HB I	LEU A	521	47. 780	-2. 018	1. 889	1. 00	0.00	H
	ATOM	727	HG I	LEU A	52 1	47. 291	0. 514	0. 337	1. 00	0.00	H
	ATOM	728 1	HD1 I	LEU A	A 52	147. 292	-1. 809	-0. 937	1. 00	0.00	H
	ATOM	729 2	HD1	LEU A	A 52	146. 077	-0. 569	-1. 252	1. 00	0.00	H
	ATOM	730 3	HD1	LEU A	A 52	145. 696	-1. 929	-0. 195	1. 00	0. 00	H
20	ATOM	731 1	HD2	LEU A	A 52	145. 336	-1. 185	1. 860	1. 00	0. 00	H
	ATOM	732 2	HD2	LEU	A 52	145. 154	0. 482	1. 314	1. 00	0.00	H
	ATOM	733 3	BHD2	LEU	A 52	146. 266	0. 102	2. 628	1. 00	0. 00	Н
	ATOM	734	N	GLU .	A 53	149. 603	-1. 646	4. 227	1. 00	0. 00	N
	ATOM	735	CA	GLU	A 53	150. 479	2. 487	5. 035	1. 00	0. 00	C
25	5 ATOM	736	C	GLU	A 53	149. 945	5 -3. 914	5. 110	1. 00	0. 00	C
	ATOM	737	0	GLU	A 53	148. 90	5 -4. 167	5. 719	1. 00	0. 00	0
	ATOM	738	CB	GLU	A 53	150. 619	9 -1. 908	6. 444	1.00	0.00	C
	ATOM	739	CG	GLU	A 53	151. 548	8 -2. 709	7. 342	1. 00	0.00) C
	ATOM	740	CD	GLU	A 53	151. 003	3 -2.872	8. 747	1.00	0.00) C

							301			
	ATOM	741	0E1	GLU	A	53150. 405	-3. 929	9. 034	1. 00	0.000
	ATOM	742	0E2	GLU	A	53151. 176	-1. 940	9. 563	1. 00	0.000
	ATOM	743	H	GLU	A	53148. 708	-1. 428	4. 562	1. 00	0.00 H
	ATOM	744	HA	GLU	A	53151. 451	-2. 503	4. 564	1. 00	0.00 H
į	5 ATOM	745	1HB	GLU	A	53151. 004	-0. 902	6. 370	1. 00	0.00 H
	ATOM	746	2HB	GLU	A	53149. 644	-1. 877	6. 907	1. 00	0.00 H
	ATOM	747	1HG	GLU	A	53151. 686	-3. 690	6. 911	1. 00	0.00 H
	ATOM	748	2HG	GLU	A	53152. 500	-2. 203	7. 396	1. 00	0.00 H
	ATOM	749	N	LEU	A	54150.663	-4. 842	4. 488	1. 00	0.00 N
1	O ATOM	750	CA	LEU	A	54150. 262	-6. 244	4. 484	1. 00	0.00 C
	ATOM	751	C	LEU	A	54150. 392	-6.851	5. 878	1. 00	0.00 C
	ATOM	752	0	LEU	A	54151. 214	-6. 411	6. 682	1. 00	0.000
	ATOM	753	CB	LEU	A	54151. 110	-7. 037	3. 488	1. 00	0.00 C
	ATOM	754	CG	LEU	A	54151. 206	-6. 425	2. 090	1. 00	0.00 C
1	5 ATOM	755	CD1	LEU	A	54152. 397	-6. 999	1. 338	1. 00	0.00 C
	ATOM	756	CD2	LEU	A	54149. 919	-6.664	1. 315	1. 00	0.00 C
	ATOM	757	H	LEU	A	54151. 483	-4. 580	4. 020	1. 00	0.00 H
	ATOM	758	HA	LEU	A	54149. 227	-6. 292	4. 180	1. 00	0.00 H
	ATOM	759	1HB	LEU	A	54152. 108	-7. 127	3. 890	1. 00	0.00 H
2	MOTA 05	760	2HB	LEU	A	54150. 687	-8.026	3. 396	1. 00	0.00 H
	ATOM	761	HG	LEU	A	54151. 352	-5. 358	2. 180	1. 00	0.00 H
	ATOM	762	1HD1	LEU	A	54152. 143	-7. 976	0. 952	1. 00	0.00 H
	ATOM	763	2HD 1	LEU	A	54153. 239	-7. 086	2. 009	1. 00	0.00 H
	ATOM	764	3HD1	LEU	A	54152. 656	-6. 345	0. 519	1. 00	0.00 H
4	25 ATOM	765	1HD2	LEU	A	54149. 250	-5. 828	1. 463	1. 00	0.00 H
	ATOM	766	2HD2	LEU	A	54149. 448	-7. 569	1. 667	1. 00	0.00 H
	ATOM	767	3HD2	LEU	J A	54150. 145	-6. 761	0. 263	1. 00	0.00 H
	ATOM	768	N	GLU	J A	55149. 577	-7. 864	6. 156	1. 00	0.00 N
	ATOM	769	CA	GLU	JA	55149. 603	-8. 531	7. 451	1. 00	0.00 C

382

	ATOM	770	C	GLU A		55150. 652	-9. 638	7. 472	1. 00	0.00 C
	ATOM	771	0	GLU A		55151. 247	-9.925	8. 511	1. 00	0.000
•	ATOM	772	CB	GLU A		55148. 225	-9. 112	7. 777	1. 00	0.00 C
	ATOM	773	CG	GLU A		55147. 239	-8. 081	8. 300	1. 00	0.00 C
5	ATOM	774	CD	GLU A		55147. 170	-8. 058	9. 815	1. 00	0.00 C
	ATOM	775	0E1	GLU A		55146. 195	-8. 603	10. 374	1. 00	0.000
	ATOM	776	0E2	GLU A		55148. 091	-7. 495	10. 444	1. 00	0.000
	ATOM	777	H	GLU A		55148. 945	-8. 169	5. 473	1. 00	0.00 H
	ATOM	778	HA	GLU A		55149. 859	-7. 795	8. 199	1. 00	0.00 H
10	ATOM	779	1HB	GLU A	L	55147. 812	-9. 551	6. 880	1. 00	0.00 H
	ATOM	780	2HB	GLU A	L	55148. 339	-9. 882	8. 525	1. 00	0. 00 H
	ATOM	781	1HG	GLU A	L	55147. 543	-7. 103	7. 955	1. 00	0.00 H
	ATOM	782	2HG	GLU A	1	55146. 258	-8. 311	7. 913	1. 00	0.00 H
	ATOM	783	N	ASP A	1	56150.874	-10. 258	6. 317	1. 00	0.00 N
15	ATOM	784	CA	ASP A	I	56151.851	-11. 333	6. 202	1. 00	0.00 C
	ATOM	785	C	ASP A	A	56153. 173	-10.811	5. 649	1. 00	0.00 C
	ATOM	786	0	ASP A	A	56153. 208	-10. 169	4. 599	1. 00	0.000
	ATOM	787	CB	ASP A	A	56151. 313	-12. 446	5. 301	1. 00	0.00 C
	ATOM	788	CG	ASP A	A	56150. 352	-13. 365	6. 029	1. 00	0.00 C
20	ATOM	789	OD 1	L ASP A	A	56149. 236	-13. 588	5. 512	1. 00	0.000
	ATOM	790	OD2	2 ASP A	A	56150. 715	-13. 864	7. 114	1. 00	0.000
	ATOM	791	H	ASP	A	56150. 368	-9. 984	5. 523	1. 00	0.00 H
	ATOM	792	HA	ASP	A	56152. 022	-11. 733	7. 190	1. 00	0.00 H
	ATOM	793	1HB	ASP .	A	56150. 793	-12. 004	4. 464	1. 00	0.00 H
25	ATOM	794	2HB	ASP	A	56152. 140	-13. 036	4. 934	1. 00	0.00 H
	ATOM	795	N	GLU	A	57154. 259	-11. 088	6. 363	1. 00	0. 00 N
	ATOM	796	C A	GLU	A	57155. 584	1 -10. 645	5. 943	1. 00	0. 00 C
	ATOM	797	C C	GLU	A	57156. 033	3 -11. 387	4. 689	1. 00	0. 00 C
	ATOM	798	3 0	GLU	A	57156. 555	-12. 499	4. 766	1. 00	0.000

	ATOM	799	CB	GLU A	57156. 597 -10. 862	7. 068	1. 00	0.00 C
	ATOM	800	CG	GLU A	57156.634 -9.728	8. 079	1. 00	0. 00 C
	ATOM	801	CD	GLU A	57157. 934 -9. 686	8. 859	1. 00	0. 00 C
	ATOM	802	0E1	GLU A	57158. 886 -9. 025	8. 391	1. 00	0.000
5	ATOM	803	0E2	GLU A	57158. 001 -10. 312	9. 938	1. 00	0.000
	ATOM	804	H	GLU A	57154. 167 -11. 603	7. 192	1. 00	0. 00 H
	ATOM	805	HA	GLU A	57155. 525 - 9. 590	5. 722	1. 00	0. 00 H
	ATOM	806	1HB	GLU A	57156. 348 -11. 774	7. 591	1. 00	0.00 H
•	ATOM	807	2HB	GLU A	57157. 582 -10. 963	6. 636	1. 00	0.00 H
10	ATOM	808	1HG	GLU A	57156. 517 -8. 792	7. 557	1. 00	0.00 H
	ATOM	809	2HG	GLU A	57155. 819 -9. 856	8. 776	1. 00	0.00 H
	ATOM	810	N	CYS A	58155. 825 -10. 764	3. 533	1. 00	0.00 N
	ATOM	811	CA	CYS A	58156. 210 -11. 364	2. 261	1. 00	0. 00 C
	ATOM	812	C	CYS A	58157. 455 -10. 689	1. 695	1. 00	0.00 C
15	ATOM	813	0	CYS A	58157. 512 -9. 465	1. 580	1. 00	0.000
	ATOM	814	CB	CYS A	58155. 060 -11. 263	1. 258	1. 00	0. 00 C
	ATOM	815	SG	CYS A	58155. 200 -12. 400	-0. 142	1. 00	0.00 S
	ATOM	816	H	CYS A	58155. 405 -9. 879	3. 536	1. 00	0.00 H
	ATOM	817	HA	CYS A	58156. 429 -12. 406	2. 440	1. 00	0.00 H
20	ATOM	818	1HB	CYS A				0.00 H
	ATOM	819	2HB	CYS A	58155. 023 -10. 257	0.864	1. 00	0.00 H
	ATOM	820	HG	CYS A	58155. 346 -13. 282	0. 206	1. 00	0.00 H
	ATOM	821	N	ALA A	59158. 450 -11. 497	1. 343	1. 00	0.00 N
	ATOM	822	2 CA	ALA A	59159. 695 -10. 978	0. 787	1. 00	0.00 C
25	ATOM	823	3 C	ALA A	A 59159. 453 -10. 283	-0. 548	1. 00	0.00 C
	ATOM	824	4 0	ALA A	A 59158. 956 -10. 893	-1. 495	1. 00	0.000
	ATOM	82	5 CI	3 ALA	A 59160. 709 -12. 100	0. 625	1. 00	0. 00 C
	ATOM	82	6 H	ALA .	A 59158. 345 -12. 464	1. 458	1. 00	0.00 H
	ATOM	82	7 H	A ALA	A 59160. 097 -10. 259	1. 487	1. 00	0.00 H

				3	70-			
	ATOM	828 1HB	ALA A	59161. 226 -	12. 256	1. 561	1. 00	0.00 H
	ATOM	829 2HB	ALA A	59161.421 -	11. 833	-0. 141	1. 00	0.00 H
	ATOM	830 3HB	ALA A	59160. 197 -	13. 008	0. 341	1. 00	0.00 H
	ATOM	831 N	GLY A	60159. 808	-9. 005	-0.618	1. 00	0. 00 N
5	ATOM	832 CA	GLY A	60159.622	-8. 249	-1.842	1. 00	0. 00 C
	ATOM	833 C ·	GLY A	60159. 105	-6.847	-1. 587	1. 00	0.00 C
	ATOM	834 0	GLY A	60159. 364	-5. 931	-2.367	1. 00	0.000
	ATOM	835 H	GLY A	60160. 200	-8. 570	0. 169	1. 00	0.00 H
	ATOM	836 1HA	GLY A	60160. 568	-8. 184	-2. 359	1. 00	0.00 H
10	ATOM	837 2HA	GLY A	60158. 916	-8. 772	-2. 471	1. 00	0.00 H
	ATOM	838 N	CYS A	61158. 372	-6. 679	-0. 491	1. 00	0.00 N
	ATOM	839 CA	CYS A	61157. 818	-5. 378	-0. 135	1. 00	0.00 C
	ATOM	840 C	CYS A	61158.817	-4. 564	0. 680	1. 00	0. 00 C
	ATOM	841 0	CYS A	61159.828	-5. 091	1. 147	1. 00	0.000
15	ATOM	842 CB	CYS A	61156. 519	-5. 553	0.656	1. 00	0. 00 C
	ATOM	843 SG	CYS A	61155. 273	-6. 557	-0. 185	1. 00	0. 00 S
	ATOM	844 H	CYS A	61158. 200	-7. 447	0.092	1. 00	0.00 H
	ATOM	845 HA	CYS A	61157.602	-4. 848	-1. 050	1. 00	0.00 H
	ATOM	846 1HI	CYS A	61156.742	-6. 029	1. 598	1. 00	0.00 H
20	ATOM	847 2HI	CYS A	61156. 087	-4. 581	0. 843	1. 00	0.00 H
	ATOM	848 H	G CYS A	61154. 755	-7. 009	0. 485	1. 00	0.00 H
	ATOM	849 N	THR A	62158. 529	-3. 278	0. 848	1. 00	0.00 N
	ATOM	850 C	A THR A	62159. 402	-2. 391	1. 608	1. 00	0.00 C
	ATOM	851 C	THR A	62158. 917	-2. 249	3. 047	1. 00	0.00 C
25	ATOM	852 0	THR A	62157. 942	-2. 885	3. 448	1. 00	0.000
	ATOM	853 C	B THR A	62159. 471	-1. 016	0. 942	1. 00	0. 00 C
	ATOM	854 0	G1 THR A	62158. 253	-0. 718	0. 283	1. 00	0.000
	ATOM	855 C	G2 THR A	A 62160. 584	-0. 898	-0.076	1. 00	0.00 C
	ATOM	856 H	THR A	A 62157. 709	-2. 916	0. 453	1. 00	0.00 H

	ATOM	857	HA	THR A	1	62160. 390	-2.827	1. 616	1. 00	0.00 H
	ATOM	858	HB	THR A		62159. 637	-0. 267	1. 703	1. 00	0.00 H
	ATOM	859	HG1	THR A		62158. 243	0. 209	0. 033	1. 00	0.00 H
	ATOM	860	1HG2	THR A		62161. 538	-0. 993	0.421	1. 00	0.00 H
5	ATOM	861	2HG2	THR A		62160. 526	0.064	-0.563	1. 00	0.00 H
	ATOM	862	3HG2	THR A		62160. 483	-1. 681	-0.812	1. 00	0. 00 H
	ATOM	863	N	ASP A	L	63159. 602	-1. 412	3. 818	1. 00	0.00 N
	ATOM	864	CA	ASP A	L.	63159. 240	-1. 185	5. 212	1. 00	0.00 C
	ATOM	865	C	ASP A	1	63158. 612	0. 192	5. 394	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	866	0	ASP A	1	63158. 751	0.814	6. 448	1. 00	0.000
	ATOM	867	CB	ASP A	A	63160. 473	-1. 319	6. 108	1. 00	0. 00 C
	ATOM	868	CG	ASP A	A	63161. 586	-0. 372	5. 706	1. 00	0.00 C
	ATOM	869	OD 1	ASP	A	63162. 107	-0. 513	4. 580	1. 00	0.000
	ATOM	870	OD 2	ASP .	A	63161. 935	0. 512	6. 517	1. 00	0.000
15	ATOM	871	H	ASP	A	63160. 370	-0. 933	3. 440	1. 00	0.00 H
	ATOM	872	HA	ASP	A	63158. 518	-1. 938	5. 493	1. 00	0.00 H
	ATOM	873	1HB	ASP	A	63160. 193	-1. 104	7. 129	1. 00	0.00 H
	ATOM	874	2HB	ASP	A	63160. 846	-2. 331	6. 048	1. 00	0.00 H
	ATOM	875	N	GLY	A	64157. 919	0.662	4. 363	1. 00	0. 00 N
20	ATOM	876	CA	GLY	A				1. 00	0.00 C
	ATOM	877	C	GLY	A	64158. 053	3. 031	3. 681	1. 00	
	ATOM	878	3 0	GLY	A	64158. 129	4. 177	4. 125		0.000
	ATOM	879) H	GLY	A	64157. 841	0. 122	3. 548		0.00 H
	ATOM	880) 1HA	GLY	A	64156. 289	1. 887			
25	ATOM	883	1 2HA	GLY	A	64157. 192	2. 256	5. 466	1. 00	
	ATOM	883	2 N	THR	A	65158. 628	2. 654	2. 544	1. 00	
	ATOM	88	3 CA	THR	A	65159. 40	1 3. 587	1. 733		
	ATOM	88	4 C	THR	A	65159. 06	6 3. 428			
	ATOM	88	5 0	THR	A	65159. 26	7 2. 360	0. 328	3 1.00	0.000

386

						-	000			
	ATOM	886	CB	THR A		65160. 898	3. 371	1. 955	1. 00	0.00 C
	ATOM	887	0G1	THR A		65161. 198	1. 990	2. 046	1. 00	0.000
	ATOM	888	CG2	THR A		65161. 419	4. 037	3. 210	1. 00	0. 00 C
	ATOM	889	H	THR A		65158. 532	1. 726	2. 243	1. 00	0.00 H
5	ATOM	890	HA	THR A		65159. 141	4. 589	2. 042	1. 00	0.00 H
	ATOM	891	НВ	THR A		65161. 439	3. 780	1. 113	1. 00	0.00 H
	ATOM	892	HG1	THR A	L	65160.877	1. 539	1. 261	1. 00	0.00 H
	ATOM	893	1HG2	THR A	L	65161.665	5. 067	2. 995	1. 00	0.00 H
	ATOM	894	2HG2	THR A	l	65162.303	3. 520	3. 551	1. 00	0.00 H
10	ATOM	895	3HG2	THR A	ł	65160.661	4. 001	3. 978	1. 00	0.00 H
	ATOM	896	N	PHE A	A	66158. 556	4. 496	-0. 352	1. 00	0.00 N
	ATOM	897	CA	PHE A	A	66158. 193	4. 473	-1. 764	1. 00	0. 00 C
	ATOM	898	C	PHE A	A	66159. 281	5. 122	-2. 615	1. 00	0. 00 C
	ATOM	899	0	PHE	A	66159. 440	6. 343	-2. 613	1. 00	0.000
15	ATOM	900	CB	PHE	A	66156.862	5. 195	-1. 982	1. 00	0. 00 C
	ATOM	901	CG	PHE	A	66156. 296	5. 008	-3. 360	1. 00	0. 00 C
	ATOM	902	CD1	PHE	A	66155. 867	3. 760	-3. 784	1. 00	0. 00 C
	ATOM	903	CD2	PHE	A	66156. 194	6. 080	-4. 233	1. 00	0. 00 C
	ATOM	904	CEI	PHE	A	66155. 346	3. 585	-5. 052	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	905	CE	PHE	A	66155. 674	5. 910	-5. 502	1. 00	0. 00 C
	ATOM	906	CZ	PHE	A	66155. 249	4. 662	-5. 912	1. 00	0. 00 C
	ATOM	907	H	PHE	A	66158. 419	5. 317	0. 164	1. 00	0.00 H
	ATOM	908	HA	PHE	A	66158. 086	3. 442	-2.063	1. 00	0. 00 H
	MOTA	909	1HB	PHE	A	66156. 138	4. 821	-1. 272	1. 00	0.00 H
25	ATOM	910	2HB	PHE	A	66157. 004	6. 254	-1. 820	1. 00	0. 00 H
	ATOM	911	HD	1 PHE	A	66155. 942	2. 918	-3. 112	1. 00	0.00 H
	ATOM	912	2 HD	2 PHE	A	66156. 525	7. 056	-3. 913	1. 00	0.00 H
	ATOM	913	3 HE	1 PHE	A	66155. 016	2. 608	-5. 371	1.00	0.00 H
	ATOM	914	4 HE	2 PHE	A	66155. 599	6. 754	-6. 172	1.00	0.00 H

					•	<i>.</i>			
	ATOM	915	HZ	PHE A	66154. 843	4. 527	-6. 904	1. 00	0.00 H
	ATOM	916	N	ARG A	67160.027	4. 296	-3. 341	1. 00	0. 00 N
	ATOM	917	CA	ARG A	67161. 100	4. 789	-4 . 198	1. 00	0.00 C
	ATOM	918	C	ARG A	67162. 157	5. 521	-3. 378	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	919	0	ARG A	67162. 675	6. 557	-3. 798	1. 00	0.000
	ATOM	920	CB	ARG A	67160. 534	5. 719	-5. 274	1. 00	0. 00 C
	ATOM	921	CG	ARG A	67159. 459	5. 073	-6. 133	1. 00	0. 00 C
	ATOM	922	CD	ARG A	67159. 356	5. 744	-7. 493	1. 00	0. 00 C
	ATOM	923	NE	ARG A	67159. 127	4. 777	-8. 564	1. 00	0.00 N
10	ATOM	924	CZ	ARG A	67159. 155	5. 084	-9.859	1. 00	0. 00 C
	ATOM	925	NH 1	ARG A	67159. 400	6. 331	-10. 247	1. 00	0.00 N
	ATOM	926	NH2	ARG A	67158. 938	4. 145	-10. 769	1. 00	0. 00 N
	ATOM	927	H	ARG A	67159. 851	3. 333	-3.302	1. 00	0. 00 H
	ATOM	928	HA	ARG A	67161. 559	3. 937	-4. 677	1. 00	0.00 H
15	ATOM	929	1HB	ARG A	67160. 107	6. 587	-4. 794	1. 00	0.00 H
	ATOM	930	2HB	ARG A	67161. 340	6. 035	-5.920	1. 00	0.00 H
	ATOM	931	1HG	ARG A	67159. 705	4. 031	-6. 275	1. 00	0.00 H
	ATOM	932	2HG	ARG A	67158. 509	5. 156	-5. 626	1. 00	0.00 H
	ATOM	933	1HD	ARG A	67158. 534	6. 444	-7. 473	1. 00	0.00 H
20	ATOM	934	2HD	ARG A	67160. 275	6. 275			0.00 H
	ATOM	935	HE	ARG A	67158. 944	3. 850	-8. 305	1. 00	0.00 H
	ATOM	936	1HH	1 ARG A	67159. 565	7. 044	-9.566	1. 00	0.00 H
	ATOM	937	2HH	1 ARG A	67159. 421	6. 555	-11. 221	1. 00	0.00 H
	ATOM	938	1HH	2 ARG A	67158. 753	3. 205	-10. 481	1. 00	0.00 H
25	ATOM	939	2HH	2 ARG A	67158. 958	4. 375	-11. 741	1. 00	0.00 H
	ATOM	940	N	GLY A	68162. 473	4. 977	7 -2. 208	1. 00	0.00 N
	ATOM	941	CA	GLY A	68163.468	5. 592	2 -1.349	1. 00	0.00 C
	ATOM	942	c C	GLY A	A 68162. 935	6. 814	4 - 0.627	1. 00	0.00 C
	ATOM	943	0	GLY A	A 68163. 691	7. 72	8 -0.297	1. 00	0.000

					•	500			
	ATOM	944	H	GLY A	68162. 027	4. 152	-1. 926	1. 00	0.00 H
	ATOM	945	1HA	GLY A	68163. 792	4. 868	-0.617	1. 00	0.00 H
	ATOM	946	2HA	GLY A	68164. 315	5. 885	-1. 950	1. 00	0.00 H
	ATOM	947	N	THR A	69161. 629	6. 830	-0. 382	1. 00	0.00 N
5	ATOM	948	CA	THR A	69160. 994	7. 950	0. 305	1. 00	0.00 C
	ATOM	949	C	THR A	69160.067	7. 454	1. 411	1. 00	0.00 C
	ATOM	950	0	THR A	69158. 900	7. 147	1. 164	1. 00	0.000
	ATOM	951	CB	THR A	69160. 209	8. 807	-0.689	1. 00	0. 00 C
	ATOM	952	0G1	THR A	69160. 975	9. 048	-1.855	1. 00	0.000
10	ATOM	953	CG2	THR A	69159. 796	10. 148	-0. 125	1. 00	0. 00 C
	ATOM	954	H	THR A	69161.078	6.073	-0.669	1. 00	0.00 H
	ATOM	955	HA	THR A	69161.774	8. 551	0.749	1. 00	0.00 H
	ATOM	956	HB	THR A	69159. 312	8. 277	-0. 974	1. 00	0. 00 H
	ATOM	957	HG1	THR A	69160. 699	8. 445	-2.550	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	958	1HG2	THR A	69160. 366	10. 356	0. 768	1. 00	0. 00 H
	ATOM	959	2HG2	THR A	69158. 743	10. 129	0. 117	1. 00	0.00 H
	ATOM	960	3HG2	THR A	69159. 982	10. 920	-0. 858	1. 00	0.00 H
	ATOM	961	N	ARG A	70160. 593	7. 377	2. 629	1. 00	0. 00 N
	ATOM	962	CA	ARG A	70159. 811	6. 918	3. 771	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	963	C	ARG A	70158. 618	7. 835	4. 018	1. 00	0. 00 C
	ATOM	964	0	ARG A	70158. 749	9. 059	4. 005	1. 00	0.000
	ATOM	965	CB	ARG A	70160. 689	6. 855	5. 023	1. 00	0. 00 C
	ATOM	966	G CG	ARG A	70159. 948	6. 370	6. 260	1. 00	0. 00 C
	ATOM	967	CD	ARG A	70160. 069	7. 358	7. 410	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	968	3 NE	ARG A	70160. 228	6. 685	8. 697	1. 00	0. 00 N
	ATOM	969	e cz	ARG A	70161. 380	6. 178	9. 131	1. 00	
	ATOM	970) NH	1 ARG A	70162. 475	6. 264	8. 385	1. 00	0. 00 N
	ATOM	97	1 NH	2 ARG A	70161. 437	5. 582	10. 315	1. 00	0. 00 N
	ATOM	973	2 H	ARG A	70161. 529	7. 635	2. 762	1. 00	0.00 H

							309			
	ATOM	973 I	HA A	RG A	7	70159. 448	5. 926	3. 546	1. 00	0.00 H
	ATOM	974 11	HB A	RG A	7	70161. 513	6. 181	4. 838	1. 00	0.00 H
	ATOM	975 21	HB A	ARG A	7	70161. 079	7. 841	5. 225	1. 00	0.00 H
	ATOM	976 1	HG A	ARG A	•	70158. 904	6. 245	6. 016	1. 00	0.00 H
5	ATOM	977 2	HG A	ARG A		70160. 363	5. 421	6. 567	1. 00	0.00 H
	ATOM	978 1	HD A	ARG A		70160. 928	7. 989	7. 237	1. 00	0.00 H
	ATOM	979 2	HD A	ARG A		70159. 177	7. 966	7. 440	1. 00	0.00 H
	ATOM	980	HE A	ARG A	L	70159. 436	6. 606	9. 267	1. 00	0.00 H
	ATOM	981 1	HH1	ARG A	l	70162. 438	6. 711	7. 492	1. 00	0.00 H
10	ATOM	982 2	HH1	ARG A	1	70163. 337	5. 881	8. 717	1. 00	0.00 H
	ATOM	983 1	HH2	ARG A	1	70160. 615	5. 515	10.880	1. 00	0.00 H
	ATOM	984 2	2HH2	ARG A	A	70162.303	5. 202	10.641	1. 00	0.00 H
	ATOM	985	N	TYR A	A	71157. 454	7. 233	4. 243	1. 00	0.00 N
	ATOM	986	CA	TYR A	A	71156. 236	7. 995	4. 494	1. 00	0.00 C
15	ATOM	987	C	TYR A	A	71155. 691	7. 705	5. 889	1. 00	0. 00 C
	ATOM	988	0	TYR	A	71155. 213	8. 606	6. 578	1. 00	0.000
	ATOM	989	CB	TYR .	A	71155. 177	7.661	3. 442	1. 00	0.00 C
	ATOM	990	CG	TYR	A	71155. 365	8. 402	2. 137	1. 00	0.00 C
	ATOM	991	CD1	TYR	A	71155. 369	7. 722	0. 925	1. 00	0.00 C
20	ATOM	992	CD2	TYR	A	71155. 540	9. 780	2. 117	1. 00	0.00 C
	ATOM	993	CE1	TYR	A	71155. 542	8. 396	-0. 270	1. 00	0. 00 C
	ATOM	994	CE2	TYR	A	71155. 713	3 10. 460	0. 926	1. 00	0. 00 C
	ATOM	995	CZ	TYR	A	71155. 713	9. 764	-0. 263	1. 00	0. 00 C
	ATOM	996	ОН	TYR	A	71155. 88	5 10. 437	-1. 451	1. 00	0.000
25	ATOM	997	H	TYR	A	71157. 41	5 6. 255	4. 240	1. 00	0.00 H
	ATOM	998	HA	TYR	A	71156. 48	9. 044	4. 426	1.00	0. 00 H
	ATOM	999	1HB	TYR	A	71155. 20	9 6. 604	3. 230	1.00	0.00 H
	ATOM	1000	2HB	TYR	A	71154. 20	2 7. 916	3. 83	1.00	0.00 H
	ATOM	1001	HD 1	TYR	A	71155. 23	5 6. 651	0. 924	1.00	0.00 H

							390			
	ATOM	1002	HD2	TYR A	A	71155. 541	10. 323	3.050	1. 00	0.00 H
	ATOM	1003	HE 1	TYR A	A	71155. 541	7. 849	-1. 202	1. 00	0.00 H
	ATOM	1004	HE2	TYR	A	71155. 847	11. 532	0. 931	1. 00	0.00 H
	ATOM	1005	НН	TYR	A	71155. 181	10. 199	-2.060	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1006	N	PHE .	A	72155. 770	6. 445	6. 299	1. 00	0.00 N
	ATOM	1007	CA	PHE	A	72155. 285	6. 036	7. 613	1. 00	0.00 C
	ATOM	1008	C	PHE	A	72156. 210	4. 994	8. 234	1. 00	0.00 C
	ATOM	1009	0	PHE	A	72157. 229	4. 626	7. 649	1. 00	0.000
	ATOM	1010	CB	PHE	A	72153. 866	5. 476	7. 505	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1011	CG	PHE	A	72153. 694	4. 488	6. 386	1. 00	0.00 C
	ATOM	1012	CD1	PHE	A	72153. 520	4. 923	5. 082	1. 00	0.00 C
	ATOM	1013	CD2	PHE	A	72153. 705	3. 126	6. 639	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1014	CE1	PHE	A	72153. 360	4. 017	4.050	1. 00	0.00 C
	ATOM	1015	CE2	PHE	A	72153. 546	2. 215	5.612	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1016	CZ	PHE	A	72153. 374	2. 662	4. 316	1. 00	0.00 C
	ATOM	1017	H	PHE	A	72156. 163	5. 772	5. 705	1. 00	0.00 H
	ATOM	1018	HA	PHE	A	72155. 270	6. 910	8. 247	1. 00	0.00 H
	ATOM	1019	1HB	PHE	A	72153. 612	4. 977	8. 429	1. 00	0.00 H
	ATOM	1020	2HB	PHE	A	72153. 176	6. 290	7. 341	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1021	HD	1 PHE	A	72153. 509	5. 983	4. 874	1. 00	0.00 H
	MOTA	1022	HD	2 PHE	A	72153. 839	2. 776	7. 652	1. 00	0.00 H
	ATOM	1023	HE	1 PHE	A	72153. 225	4. 369	3. 039	1. 00	0.00 H
	ATOM	1024	HE	2 PHE	A	72153. 557	1. 156	5. 822	1. 00	0.00 H
	ATOM	1025	HZ	PHE	A	72153. 250	1. 952	3. 511	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1026	N	THR	R A	73155. 849	4. 521	9. 422	1. 00	0.00 N
	ATOM	1027	CA	THE	R A	73156. 646	3. 521	10. 122	1. 00	0.00 C
	ATOM	1028	C	THE	R A	73155. 865	2. 224	10. 297	1.00	0.00 C
	ATOM	1029	0	THE	R A	73154. 87	2. 180	11. 028	3 1.00	0.000
	ATOM	1030) CB	THI	R A	73157. 08	5 4.053	11. 487	7 1.00	0.00 C

					•	J			
	ATOM	1031	0G1	THR A	73157. 756	3. 047	12. 225	1. 00	0.000
	ATOM	1032	CG2	THR A	73155. 934	4. 552	12. 333	1. 00	0.00 C
	ATOM	1033	H	THR A	73155. 026	4. 853	9. 839	1. 00	0.00 H
	ATOM	1034	HA	THR A	73157. 523	3. 320	9. 526	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1035	HB	THR A	73157. 767	4. 877	11. 339	1. 00	0.00 H
	ATOM	1036	HG1	THR A	73158. 668	3. 311	12. 370	1. 00	0.00 H
	ATOM	1037	1HG2	THR A	73156. 046	5. 613	12. 504	1. 00	0.00 H
	ATOM	1038	2HG2	THR A	73155. 932	4. 033	13. 281	1. 00	0.00 H
	ATOM	1039	3HG2	THR A	73155. 002	4. 368	11. 819	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1040	N	CYS A	74156. 311	1. 172	9.622	1. 00	0.00 N
•	ATOM	1041	CA	CYS A	74155. 651	-0. 126	9. 704	1. 00	0. 00 C
	MOTA	1042	C	CYS A	74156. 672	-1. 259	9.654	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1043	0	CYS A	74157. 867	-1. 025	9. 475	1. 00	0.000
	ATOM	1044	CB	CYS A	74154. 644	-0. 282	8. 562	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1045	SG	CYS A	74152. 993	0. 348	8. 944	1. 00	0. 00 S
	ATOM	1046	H	CYS A	74157. 105	1. 270	9. 056	1. 00	0.00 H
	ATOM	1047	HA	CYS A	74155. 125	-0. 172	10. 644	1. 00	0.00 H
	ATOM	1048	1HB	CYS A	74155. 007	0. 252	7. 697	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1049	2HB	CYS A	74154. 548	-1. 330	8. 318	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	1050	HG	CYS A	74153. 037	0. 799	9. 791	1. 00	0.00 H
	ATOM	1051	N	ALA A	75156. 192	-2. 488	9. 816	1. 00	0.00 N
	ATOM	1052	CA	ALA A	75157.063	-3. 657	9. 791	1. 00	0.00 C
	ATOM	1053	C	ALA A	75157. 708	-3. 832	8. 420	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1054	0	ALA A	75157. 169	-3. 385	7. 408	1. 00	0.000
25	ATOM	1055	CB	ALA A	75156. 281	-4. 906	10. 171	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1056	H	ALA A	75155. 231	-2. 611	9. 956	1. 00	0.00 H
	ATOM	1057	HA	ALA A	75157. 840	-3. 510	10. 527	1. 00	0.00 H
	ATOM	1058	1HB	ALA A	75155. 259	-4. 806	9. 836	1. 00	0.00 H
	ATOM	1059	2HB	ALA A	75156. 298	-5. 028	11. 244	1.00	0.00 H

							392			
	ATOM	1060 3	BHB	ALA A	1	75156. 730	-5.769	9. 703	1. 00	0.00 H
	ATOM	1061	N	LEU A	1	76158. 864	-4. 486	8. 395	1. 00	0.00 N
	ATOM	1062	CA	LEU A	I	76159. 583	-4.720	7. 148	1. 00	0.00 C
	ATOM	1063	C	LEU A	A	76158. 884	-5. 784	6. 309	1. 00	0.00 C
Į	5 ATOM	1064	Ò	LEU A	A	76158. 277	-6. 711	6. 844	1. 00	0.000
	ATOM	1065	CB	LEU A	A	76161.023	-5. 147	7. 437	1. 00	0.00 C
	ATOM	1066	CG	LEU	A	76161. 915	-4. 055	8. 031	1. 00	0.00 C
	ATOM	1067	CD1	LEU .	A	76161. 985	-4. 187	9. 545	1. 00	0.00 C
	ATOM	1068	CD2	LEU .	A	76163. 309	-4. 116	7. 425	1. 00	0.00 C
1	O ATOM	1069	H	LEU	A	76159. 244	-4. 819	9. 235	1. 00	0.00 H
	ATOM	1070	HA	LEU	A	76159. 597	-3. 794	6. 595	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1071	1HB	LEU	A	76160. 998	-5. 979	8. 127	1. 00	0.00 H
	ATOM	1072	2HB	LEU	A	76161. 469	-5. 483	6. 513	1. 00	0.00 H
	ATOM	1073	HG	LEU	A	76161. 491	-3. 088	7. 800	1. 00	0.00 H
1	5 ATOM	1074	1HD1	LEU	A	76161. 129	-4. 740	9. 897	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1075	2HD1	LEU	A	76161. 987	-3. 203	9. 991	1. 00	0.00 H
	ATOM	1076	3HD1	LEU	A	76162. 890	-4. 708	9. 819	1. 00	0.00 H
	ATOM	1077	1HD2	LEU	A	76163. 238	-4. 403	6. 386	1. 00	0.00 H
	ATOM	1078	2HD2	LEU	A	76163. 903	-4. 844	7. 959	1. 00	0.00 H
2	20 ATOM	1079	3HD2	2 LEU	A	76163. 778	-3. 146	7. 499	1. 00	0.00 H
	ATOM	1080	N	LYS	A	77158. 974	-5. 644	4. 990	1. 00	0.00 N
	ATOM	1081	CA	LYS	A	77158. 350	-6. 593	4. 075	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1082	C	LYS	A	77156. 836	6. 610	4. 257	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1083	0	LYS	A	77156. 193	3 -7. 648	4. 097	1. 00	0. 00 0
	25 ATOM	1084	CB	LYS	A	77158. 918	3 -7. 997	4. 297	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1085	CG	LYS	A	77160. 430	6 -8.038	4. 345	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1086	CD	LYS	A	77161. 04	4 -7. 809	2. 971	1. 00	0.00 C
	ATOM	1087	CE	LYS	A	77162. 49	7 -7. 372	3. 069	1. 00	0.00 C
	ATOM	1088	NZ	LYS	A	77163. 33	5 -7. 988	2. 004	1. 00	0. 00 N

							393			
	ATOM	1089	H	LYS A	,	77159. 473	-4. 884	4. 623	1. 00	0.00 H
	ATOM	1090	HA	LYS A	,	77158. 575	-6. 278	3. 067	1. 00	0.00 H
	ATOM	1091	1HB	LYS A	1	77158. 538	-8. 382	5. 231	1. 00	0.00 H
	ATOM	1092	2HB	LYS A		77158. 587	-8. 637	3. 492	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1093	1HG	LYS A		77160. 787	-7. 268	5. 015	1. 00	0.00 H
	ATOM	1094	2HG	LYS A	L	77160. 749	-9. 005	4. 710	1. 00	0.00 H
	ATOM	1095	1HD	LYS A	L	77160. 993	-8. 729	2. 407	1. 00	0.00 H
	ATOM	1096	2HD	LYS A	1	77160. 480	-7. 041	2. 462	1. 00	0.00 H
	ATOM	1097	1HE	LYS A	1	77162. 544	-6. 298	2. 975	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1098	2HE	LYS A	I	77162. 883	-7. 667	4. 034	1. 00	0.00 H
	ATOM	1099	1HZ	LYS A	A	77164.058	-7. 312	1. 683	1. 00	0.00 H
	ATOM	1100	2HZ	LYS	A	77162. 743	-8. 255	1. 192	1. 00	0.00 H
	ATOM	1101	3HZ	LYS	A	77163. 809	-8. 840	2. 368	1. 00	0.00 H
	ATOM	1102	N	LYS	A	78156. 273	-5. 453	4. 593	1. 00	0.00 N
15	ATOM	1103	CA	LYS	A	78154. 833	-5. 336	4. 796	1. 00	0.00 C
	ATOM	1104	. C	LYS	A	78154. 337	-3. 953	4. 387	1. 00	0.00 C
	ATOM	1105	0	LYS	A	78153. 462	-3. 379	5. 035	1. 00	0.000
	ATOM	1106	CB	LYS	A	78154. 482	-5. 606	6. 260	1. 00	0.00 C
	ATOM	1107	7 CG	LYS	A	78154. 975	-6. 951	6. 768	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1108	3 CD	LYS	A	78154. 548	-7. 196	8. 206	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1109	e CE	LYS	A	78153. 329	-8. 101	8. 279		0. 00 C
	ATOM	1110	O NZ	LYS	A	78152. 528	-7. 854	9. 510	1. 00	
	ATOM	111	1 H	LYS	A	78156. 838	3 -4.661	4. 705	1. 00	
	ATOM	111	2 HA	LYS	A	78154. 350	-6. 076	4. 177	1. 00	
25	ATOM	111	3 1 H B	LYS	A	78154. 920	-4. 831	6.873	1. 00	
	ATOM	111	4 2HB	LYS	A	78153. 408	3 -5. 575	6. 372	1. 00	0.00 H
	ATOM	111	5 1HG	LYS	A	78154. 567	7 -7. 732	6. 143	3 1.00	0.00 H
	ATOM	111	6 2HG	G LYS	A	78156. 054	4 -6. 971	6. 712	2 1.00	0.00 H
	ATOM	111	7 1HI) LYS	A	78155. 36	3 -7.662	8. 738	3 1.00	0.00 H

							J) (
	ATOM	1118 2	HD I	LYS A		78154. 310	-6. 247	8. 667	1. 00	0.00 H
	ATOM	1119 1	HE I	LYS A		78152. 709	-7. 919	7. 414	1. 00	0.00 H
	ATOM	1120 2	HE I	LYS A		78153. 660	-9. 129	8. 274	1. 00	0.00 H
	ATOM	1121 1	HZ I	LYS A		78151. 535	-8. 120	9. 347	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1122 2	HZ	LYS A		78152. 568	-6. 849	9. 768	1. 00	0.00 H
	ATOM	1123 3	BHZ !	LYS A		78152. 903	-8. 419	10. 299	1. 00	0.00 H
	ATOM	1124	N .	ALA A		79154. 903	-3. 423	3. 306	1. 00	0.00 N
	ATOM	1125	CA	ALA A		79154. 517	-2. 107	2. 811	1. 00	0.00 C
	ATOM	1126	C	ALA A		79154. 453	-2. 093	1. 287	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1127	0	ALA A	L	79155. 479	-1. 991	0.614	1. 00	0.000
	ATOM	1128	CB	ALA A	L	79155. 491	-1. 050	3. 310	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1129	H	ALA A	1	79155. 595	-3.929	2.832	1. 00	0.00 H
	ATOM	1130	HA	ALA A	1	79153. 538	-1.876	3. 204	1. 00	0.00 H
	ATOM	1131	1HB	ALA A	A	79154. 952	-0. 139	3. 526	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1132	2HB	ALA A	A	79156. 234	-0.858	2. 551	1. 00	0.00 H
	ATOM	1133	3HB	ALA A	A	79155. 976	-1. 402	4. 208	1. 00	0.00 H
	ATOM	1134	N	LEU A	A	80153. 242	-2. 196	0.749	1. 00	0.00 N
	ATOM	1135	CA	LEU	A	80153. 045	-2. 195	-0.696	1. 00	0. 00 C
	MOTA	1136	C	LEU	A	80152. 259	-0. 964	-1. 137	1. 00	0. 00 C
20	MOTA	1137	0	LEU .	A	80151. 060	-0. 857	-0. 880	1. 00	0.000
	ATOM	1138	CB	LEU	A	80152. 312	-3. 465	-1. 132	1. 00	0.00 C
	ATOM	1139	CG	LEU	A	80152. 003	-3. 553	-2. 627	1. 00	0.00 C
	ATOM	1140	CD1	LEU	A	80153. 212	-4. 072	-3. 391	1. 00	0.00 C
	ATOM	1141	CD2	LEU	A	80150. 795	-4. 445	-2.870	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	1142	H	LEU	A	80152. 462	-2. 275	1. 338	1. 00	0.00 H
	ATOM	1143	HA	LEU	A	80154. 018	-2. 173	-1. 164	1. 00	0.00 H
	ATOM	1144	1HB	LEU	A	80152. 919	-4. 317	-0. 859	1. 00	0.00 H
	ATOM	1145	2HB	LEU	A	80151. 379	-3. 521	-0. 592	1. 00	0.00 H
	ATOM	1146	HG	LEU	A	80151.773	-2.566	-3. 000	1. 00	0.00 H

							373			
	ATOM	1147	HD1	LEU A		80154. 113	-3. 837	-2. 843	1. 00	0.00 H
	ATOM	1148	2HD1	LEU A		80153. 251	-3.604	-4. 364	1. 00	0.00 H
	ATOM	1149	3HD1	LEU A		80153. 131	-5. 142	-3. 509	1. 00	0.00 H
	ATOM	1150	1HD2	LEU A		80149. 892	-3. 857	-2. 792	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1151	2HD2	LEU A	L	80150. 775	-5. 234	-2. 131	1. 00	0.00 H
	ATOM	1152	3HD2	LEU A	1	80150. 858	-4. 877	-3.857	1. 00	0.00 H
	ATOM	1153	N	PHE A	1	81152. 943	-0. 039	-1. 802	1. 00	0.00 N
	ATOM	1154	CA	PHE A	1	81152. 309	1. 184	-2. 279	1. 00	0.00 C
	ATOM	1155	C	PHE A	I	81151. 493	0. 917	-3. 540	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1156	0	PHE A	A	81151. 877	0. 102	-4. 379	1. 00	0.000
	ATOM	1157	CB	PHE A	A	81153. 364	2. 255	-2.559	1. 00	0.00 C
	ATOM	1158	CG	PHE A	A	81154. 090	2. 718	-1. 328	1. 00	0.00 C
	ATOM	1159	CD1	PHE A	A	81155. 218	2. 048	-0.880	1. 00	0.00 C
	ATOM	1160	CD2	PHE A	A	81153. 645	3.822	-0.619	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1161	CE1	PHE A	A	81155. 888	2. 471	0. 252	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1162	CE2	PHE .	A	81154. 311	4. 250	0.515	1. 00	0.00 C
	ATOM	1163	CZ	PHE .	A	81155. 435	3. 573	0. 950	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1164	H	PHE	A	81153. 896	-0. 182	-1. 977	1. 00	0.00 H
	ATOM	1165	HA	PHE	A	81151.646	1. 538	-1. 505	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1166	1HB	PHE	A	81154. 096	1. 859	-3. 247	1. 00	0.00 H
	ATOM	1167	2HB	PHE	A	81152. 885	3. 115	-3. 006	1. 00	0.00 H
	ATOM	1168	HD1	PHE	A	81155. 574	1. 187	-1. 426	1. 00	0.00 H
	ATOM	1169	HD2	PHE	A	81152. 767	4. 351	-0. 958	1. 00	0.00 H
	ATOM	1170	HE 1	PHE	A	81156. 766	1. 940	0. 591	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1171	HE2	PHE	A	81153. 954	5. 111	1. 059	1. 00	0.00 H
	ATOM	1172	HZ	PHE	A	81155. 957	3. 906	1. 835	1. 00	0.00 H
	ATOM	1173	N	VAL	A	82150. 364	1. 608	-3. 667	1. 00	0.00 N
	ATOM	1174	CA	VAL	A	82149. 494	1. 444	-4. 825	1. 00	0.00 C
	ATOM	1175	C	VAL	A	82148. 612	2. 671	-5. 027	1. 00	0.00 C

							390			
	ATOM	1176	0	VAL .	A	82148. 497	3. 519	-4. 142	1. 00	0.000
	ATOM	1177	CB	VAL .	A	82148. 598	0. 200	-4. 684	1. 00	0.00 C
	ATOM	1178	CG1	VAL	A	82149. 428	-1.071	-4. 779	1. 00	0.00 C
	ATOM	1179	CG2	VAL	A	82147. 827	0. 243	-3. 373	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1180	H	VAL	A	82150. 111	2. 242	-2. 965	1. 00	0.00 H
	ATOM	1181	HA	VAL	A	82150. 120	1. 314	-5. 697	1. 00	0.00 H
	ATOM	1182	HB	VAL	A	82147. 885	0. 200	-5. 496	1. 00	0.00 H
	ATOM	1183	1HG1	VAL	A	82150. 036	-1. 038	-5. 671	1. 00	0.00 H
	ATOM	1184	2HG1	VAL	A	82148. 771	-1. 927	-4. 824	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1185	3HG1	VAL	A	82150.066	-1. 150	-3. 912	1. 00	0.00 H
	ATOM	1186	1HG2	VAL	A	82148. 388	0.808	-2. 643	1. 00	0.00 H
	ATOM	1187	2HG2	VAL	A	82147. 675	-0. 762	-3. 011	1. 00	0.00 H
	ATOM	1188	3HG2	VAL	A	82146. 869	0.716	-3. 534	1. 00	0.00 H
	ATOM	1189	N	LYS	A	83147. 991	2. 760	-6. 199	1. 00	0.00 N
15	ATOM	1190	CA	LYS	A	83147. 118	3. 884	-6.518	1. 00	0.00 C
	ATOM	1191	C	LYS	A	83145. 833	3. 826	-5. 700	1. 00	0.00 C
	ATOM	1192	0	LYS	A	83145. 108	2. 831	-5. 732	1. 00	0.000
	ATOM	1193	CB	LYS	A	83146. 786	3. 890	-8. 012	1. 00	0.00 C
	ATOM	1194	CG	LYS	A	83148. 004	4. 058	-8. 904	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1195	CD	LYS	A	83147. 623	4. 036	-10. 376	1. 00	0.00 C
	ATOM	1196	CE	LYS	A	83148. 408	5.068	-11. 171	1. 00	0.00 C
	ATOM	1197	NZ	LYS	A	83148. 692	4. 605	-12. 557	1. 00	0.00 N
	ATOM	1198	H	LYS	A	83148. 122	2. 052	-6.864	1. 00	0.00 H
	ATOM	1199	HA	LYS	A	83147. 645	4. 793	-6. 272	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1200	1HB	LYS	A	83146. 305	2. 957	-8. 265	1. 00	0.00 H
	ATOM	1201	2HB	LYS	A	83146. 104	4. 703	-8. 214	1. 00	0.00 H
	ATOM	1202	1HG	LYS	A	83148. 476	5. 002	-8. 680	1. 00	0.00 H
	ATOM	1203	2HG	LYS	A	83148. 695	3. 251	-8. 709	1. 00	0.00 H
	ATOM	1204	1HD	LYS	A	83147. 829	3. 055	-10. 778	1. 00	0.00 H

							00.			
	ATOM	1205	2HD	LYS	A	83146. 568	4. 250 -	-10. 469	1. 00	0.00 H
	ATOM	1206	1HE	LYS	A	83147. 833	5. 980 -	-11. 217	1. 00	0.00 H
	ATOM	1207	2HE	LYS	A	83149. 343	5. 258 -	-10.664	1. 00	0.00 H
	ATOM	1208	1HZ	LYS	A	83147. 835	4. 193 -	-12. 979	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1209	2HZ	LYS	A	83149. 440	3. 882 -	-12. 546	1. 00	0.00 H
	ATOM	1210	3HZ	LYS	A	83149. 006	5. 404	-13. 143	1. 00	0.00 H
	ATOM	1211	N	LEU	A	84145. 559	4. 900	-4. 967	1. 00	0.00 N
	ATOM	1212	CA	LEU	A	84144. 362	4. 977	-4. 138	1. 00	0.00 C
	ATOM	1213	C	LEU	A	84143. 103	4. 813	-4. 985	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	1214	0	LEU	A	84142. 124	4. 210	-4. 547	1. 00	0.000
	ATOM	1215	CB	LEU	A	84144. 324	6. 314	-3. 395	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1216	CG	LEU	A	84143. 055	6. 569	-2. 580	1. 00	0.00 C
	ATOM	1217	CD1	LEU	A	84143. 085	5. 777	-1. 283	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1218	CD2	LEU	A	84142. 896	8. 055	-2. 295	1. 00	0.00 C
15	ATOM	1219	H	LEU	A	84146. 177	5.660	-4. 986	1. 00	0.00 H
	ATOM	1220	HA	LEU	A	84144. 405	4. 175	-3. 419	1. 00	0.00 H
	ATOM	1221	1HB	LEU	A	84145. 170	6. 352	-2. 725	1. 00	0.00 H
	ATOM	1222	2HB	LEU	A	84144. 426	7. 107	-4. 120	1. 00	0.00 H
	ATOM	1223	HG	LEU	A	84142. 197	6. 243	-3. 150	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1224	1HD1	LEU	A	84142. 799	4. 753	-1. 479	1. 00	0.00 H
	ATOM	1225	2HD 1	LEU	A	84142. 394	6. 214	-0. 577	1. 00	0.00 H
	ATOM	1226	3HD1	LEU	A	84144. 083	5. 798	-0.870	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1227	1HD2	LEU	A	84143. 784	8. 425	-1. 805	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1228	2HD2	LEU	A	84142. 040	8. 209	-1. 654	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1229	3HD2	LEU	A	84142. 750	8. 586	-3. 224	1. 00	0.00 H
	ATOM	1230	N	LYS	A	85143. 138	5. 352	-6. 199	1. 00	0.00 N
	ATOM	1231	CA	LYS	A	85141. 999	5. 264	-7. 106	1. 00	0.00 C
	ATOM	1232	C	LYS	A	85141.717	3. 814	-7. 488	1. 00	0.00 C
	ATOM	1233	0	LYS	A	85140. 589	3. 461	-7. 832	1. 00	0.000

						390			
	ATOM	1234	CB	LYS A	85142. 259	6.093	-8. 365	1. 00	0.00 C
	ATOM	1235	CG	LYS A	85143. 453	5. 615	-9. 173	1. 00	0.00 C
	ATOM	1236	CD	LYS A	85143. 781	6. 575	-10. 306	1. 00	0.00 C
	ATOM	1237	CE	LYS A	85144. 955	7. 474	-9. 953	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1238	NZ	LYS A	85144. 679	8. 301	-8. 746	1. 00	0.00 N
	ATOM	1239	H	LYS A	85143. 948	5. 819	-6. 491	1. 00	0.00 H
	ATOM	1240	HA	LYS A	85141. 137	5. 662	-6. 595	1. 00	0.00 H
	ATOM	1241	1HB	LYS A	85141. 384	6. 050	-8. 997	1. 00	0.00 H
	ATOM	1242	2HB	LYS A	85142. 433	7. 118	-8. 077	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1243	1HG	LYS A	85144. 310	5. 538	-8. 521	1. 00	0.00 H
	ATOM	1244	2HG	LYS A	85143. 229	4. 643	-9. 590	1. 00	0.00 H
	ATOM	1245	1HD	LYS A	85144. 031	6.004	-11. 188	1. 00	0.00 H
	ATOM	1246	2HD	LYS A	85142. 914	7. 189	-10. 506	1. 00	0.00 H
	ATOM	1247	1HE	LYS A	85145. 821	6.858	-9. 766	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1248	2HE	LYS A	85145. 154	8. 129	-10. 789	1. 00	0.00 H
	ATOM	1249	1HZ	LYS A	85145. 546	8. 784	-8. 437	1. 00	0.00 H
	ATOM	1250	2HZ	LYS A	85144. 337	7. 698	-7. 970	1. 00	0.00 H
	ATOM	1251	3HZ	LYS A	85143. 953	9. 015	-8. 959	1. 00	0.00 H
	ATOM	1252	N	SER A	86142. 750	2. 976	-7. 427	1. 00	0.00 N
20	ATOM	1253	CA	SER A	86142. 608	1. 565	-7. 767	1. 00	0.00 C
	ATOM	1254	C	SER A	86142. 494	0.710	-6.509	1. 00	0.00 C
	ATOM	1255	0	SER A	86142. 923	-0. 444	-6. 490	1. 00	0.000
	ATOM	1256	CB	SER A	86143. 800	1. 100	-8. 607	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1257	0G	SER A	86143. 657	1. 500	-9. 959	1. 00	0.000
25	ATOM	1258	H	SER A	86143. 625	3. 314	-7. 147	1. 00	0.00 H
	ATOM	1259	HA	SER A	86141. 704	1. 453	-8. 347	1. 00	0.00 H
	ATOM	1260	1HB	SER A	86144. 707	1. 531	-8. 211	1. 00	0.00 H
	ATOM	1261	2HB	SER A	86143. 866	0. 023	-8.568	1. 00	0.00 H
	ATOM	1262	HG	SER A	86143. 468	2. 440	-9. 997	1. 00	0.00 H

ATOM 1. 284 1.00 0.00 N CYS A 87141. 913 -5.4601263 N 0.575 -4.1981.00 0.00 C ATOM CA CYS A 87141.742 1264 0.304 1.00 0.00 C ATOM C CYS A 87140. 267 -3.9231265 ATOM CYS A 87139.397 1.064 -4.3461.00 0.000 1266 0 0.00 C **ATOM** CYS A 87142.347 1.382 -3.0481.00 5 1267 CB 1.00 0.00 S ATOM 1268 SG CYS A 87144. 153 1. 474 -3.0811.00 0.00 H **ATOM** H CYS A 87141. 592 2. 207 -5.5371269 -0.3691.00 0.00 H **ATOM** HA CYS A 87142. 262 -4.2741270 1271 1HB 1.00 0.00 H **ATOM** CYS A 87141.968 2. 393 -3.089ATOM 1272 2HB CYS A 87142.057 0.933 -2. 110 1.00 0.00 H 10 ATOM 1273 HG CYS A 87144.471 1. 371 -2.1811.00 0.00 H ATOM 1274 N ARG A 88139.992 -0.786-3. 212 1.00 0.00 N 88138.620 1.00 0.00 C **ATOM** 1275 CA ARG A -1.156-2.8820.00 C -1.3721.00 ATOM 1276 C ARG A 88138. 440 -1.289ARG A 88139. 327 -1.781-0.6741.00 0.000 15 ATOM 1277 0 ATOM 0.00 C 1278 CB ARG A 88138. 247 -2.472-3.5691.00 0.00 C ATOM 1279 ARG A 88137.641 -2.286-4. 950 1.00 CG 0.00 C **ATOM** 1280 CD ARG A 88136. 123 -2.374-4.9091.00 ARG A 88135.530 -2.222-6.2361.00 0.00 N ATOM 1281 NE 0.00 C 20 ATOM 1282 CZ ARG A 88135.476 -1.068-6.8971.00 -6.3590.00 N 1283 NH1 ARG A 88135. 977 0.037 1.00 ATOM -1.019-8.0991.00 0.00 N **ATOM** 1284 NH2 ARG A 88134.919 H -2.9030.00 H **ATOM** 1285 ARG A 88140.729 -1.3541.00 **ATOM** 1286 HA ARG A 88137. 971 -0.374-3.2461.00 0.00 H 1287 1HB -3.077-3.6691.00 0.00 H 25 ATOM ARG A 88139. 136 -2.997-2.9530.00 H **ATOM** 1288 2HB ARG A 88137. 533 1.00 ATOM 1289 1HG -5.3300.00 H ARG A 88137. 924 -1.3161.00 ATOM 1290 2HG ARG A 88138.019 -3.056-5.6061.00 0.00 H1291 1HD ARG A 88135.842 -3.335-4.5071.00 0.00 H ATOM

							1 00			
	ATOM	1292	2HD	ARG	A	88135. 749	-1. 591	-4. 265	1. 00	0.00 H
	ATOM	1293	HE	ARG	A	88135. 152	-3.023	-6.656	1. 00	0.00 H
	ATOM	1294	1HH1	ARG	A	88136. 399	0.007	-5. 453	1. 00	0.00 H
	ATOM	1295	2HH1	ARG	A	88135. 934	0. 901	-6.861	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1296	1HH2	ARG	A	88134. 539	-1.848	-8. 509	1. 00	0.00 H
	ATOM	1297	2HH2	ARG	A	88134. 878	-0. 152	-8. 596	1. 00	0.00 H
	MOTA	1298	N	PR0	A	89137. 282	-0.854	-0.841	1. 00	0.00 N
	ATOM	1299	CA	PRO	A	89136. 995	-0. 931	0. 595	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1300	C	PRO	A	89137. 153	-2. 347	1. 140	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	1301	0	PR0	A	89136. 565	-3. 293	0.616	1. 00	0.000
	ATOM	1302	CB	PRO	A	89135. 534	-0. 482	0.696	1. 00	0.00 C
	ATOM	1303	CG	PR0	A	89135. 303	0. 344	-0.521	1. 00	0.00 C
	ATOM	1304	CD	PRO	A	89136. 166	-0. 254	-1. 596	1. 00	0.00 C
	ATOM	1305	HA	PR0	A	89137. 622	-0. 257	1. 160	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1306	1HB	PRO	A	89134. 889	-1. 349	0.715	1. 00	0.00 H
	ATOM	1307	2HB	PR0	A	89135. 394	0. 097	1. 597	1. 00	0.00 H
	ATOM	1308	1HG	PRO	A	89134. 262	0. 297	-0.805	1. 00	0.00 H
	ATOM	1309	2HG	PR0	A	89135. 596	1. 367	-0. 332	1. 00	0.00 H
	ATOM	1310	1HD	PR0	A	89135. 619	-1. 009	-2. 142	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1311	2HD	PR0	A	89136. 522	0. 515	-2. 265	1. 00	0.00 H
	ATOM	1312	N	ASP	A	90137. 949	-2. 484	2. 196	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1313	CA	ASP	Α	90138. 183	-3. 784	2. 811	1. 00	0.00 C
	ATOM	1314	L C	ASP	Α	90137. 359	-3. 937	4. 086	1. 00	0.00 C
	ATOM	1315	0	ASP	A	90137. 749	-3. 455	5. 149	1. 00	0.000
25	ATOM	1316	CB	ASF	A	90139. 668	-3. 964	3. 127	1. 00	0.00 C
	ATOM	1317	CG	ASF	A	90140. 101	-5. 416	3. 066	1. 00	0.00 C
	ATOM	1318	3 OD	1 ASF	A	90139. 932	-6. 041	1. 997	1. 00	0.000
	ATOM	1319	OD:	2 ASI	A	90140. 609	-5. 928	4. 085	1. 00	0.000
	ATOM	1320) H	ASI	A	90138. 389	-1. 691	2. 569	1. 00	0.00 H

							401			
	ATOM	1321	HA	ASP A	l	90137. 878	-4. 544	2. 107	1. 00	0.00 H
	ATOM	1322	1HB	ASP A	L	90140. 253	-3. 403	2. 413	1. 00	0.00 H
	ATOM	1323	2HB	ASP A	l	90139. 866	-3. 589	4. 120	1. 00	0.00 H
	ATOM	1324	N	SER A	1	91136. 220	-4. 611	3. 972	1. 00	0.00 N
5	ATOM	1325	CA	SER A	I	91135. 343	-4. 826	5. 118	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1326	C	SER A	1	91135. 563	-6. 209	5. 723	1. 00	0.00 C
	ATOM	1327	0	SER A	I	91134. 646	-6. 803	6. 289	1. 00	0.000
	MOTA	1328	CB	SER A	A	91133. 879	-4. 667	4. 702	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1329	OG	SER A	A	91133. 091	-4. 194	5. 781	1. 00	0.000
10	ATOM	1330	H	SER A	A	91135. 962	-4. 972	3. 098	1. 00	0.00 H
	ATOM	1331	HA	SER A	A	91135. 579	-4. 079	5. 859 ·	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1332	1HB	SER A	A	91133. 812	-3. 962	3. 887	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1333	2HB	SER A	A	91133. 492	-5. 624	4. 383	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1334	HG	SER A	A	91132. 300	-4. 732	5.861	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	1335	N	ARG	A	92136. 787	-6. 715	5. 600	1. 00	0.00 N
	ATOM	1336	CA	ARG	A	92137. 126	-8. 028	6. 137	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1337	C	ARG .	A	92137. 058	-8. 025	7.660	1. 00	0. 00 C
	MOTA	1338	0	ARG .	A	92136. 757	-9. 045	8. 281	1. 00	0.000
	ATOM	1339	CB	ARG	A	92138. 525	-8. 444	5. 677	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1340	CG	ARG	A	92138. 648	-8. 601	4. 171	1. 00	0.00 C
	ATOM	1341	CD	ARG	A	92137. 984	-9. 879	3. 686	1. 00	0.00 C
	ATOM	1342	NE	ARG	A	92136. 678	-9.622	3. 082	1. 00	0.00 N
	ATOM	1343	CZ	ARG	A	92136. 048	-10. 481	2. 285	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1344	NH 1	ARG	A	92136. 599	-11. 654	1. 994	1. 00	0.00 N
25	ATOM	1345	NH2	ARG	A	92134. 864	-10. 169	1. 777	1. 00	0.00 N
	ATOM	1346	H	ARG	A	92137. 477	-6. 195	5. 139	1. 00	0.00 H
	ATOM	1347	HA	ARG	A	92136. 406	-8. 738	5. 757	1. 00	0.00 H
	ATOM	1348	1HB	ARG	A	92139. 234	-7. 696	5. 999	1. 00	0.00 H
	ATOM	1349	2HB	ARG	A	92138. 776	-9. 388	6. 138	1. 00	0.00 H

							402	_		
	ATOM	1350	1HG	ARG	A	92138. 176	-7. 758	3. 690	1. 00	0.00 H
	ATOM	1351	2HG	ARG	A	92139. 696	-8.627	3. 906	1. 00	0.00 H
	ATOM	1352	1HD	ARG	A	92138. 623	-10. 346	2. 952	1. 00	0.00 H
	ATOM	1353	2HD	ARG	A	92137. 856	-10. 545	4. 527	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1354	HE	ARG	A	92136. 248	-8. 764	3. 281	1. 00	0.00 H
	ATOM	1355	1HH1	ARG	A	92137. 492	-11. 896	2. 373	1. 00	0.00 H
	ATOM	1356	2HH1	ARG	A	92136. 120	-12. 295	1. 395	1. 00	0.00 H
	ATOM	1357	1HH2	ARG	A	92134. 444	-9. 288	1. 993	1. 00	0.00 H
	ATOM	1358	2HH2	ARG	A	92134. 390	-10. 815	1. 177	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1359	N	PHE	A	93137. 340	-6.872	8. 258	1. 00	0.00 N
	ATOM	1360	CA	PHE	A	93137. 310	-6. 734	9. 709	1. 00	0.00 C
	ATOM	1361	C	PHE	A	93136. 350	-5. 627	10. 133	1. 00	0.00 C
	ATOM	1362	0	PHE	A	93136. 554	-4. 973	11. 155	1. 00	0.000
	ATOM	1363	CB	PHE	A	93138. 713	-6. 439	10. 243	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1364	CG	PHE	A	93139. 735	-7. 465	9. 842	1. 00	0.00 C
	ATOM	1365	CD1	PHE	A	93140. 148	-7. 570	8. 523	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1366	CD2	PHE	A	93140. 281	-8. 323	10. 782	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1367	CE 1	PHE	A	93141. 090	-8. 512	8. 151	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1368	CE2	PHE	A	93141. 222	-9. 267	10. 416	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	1369	CZ	PHE	A	93141. 626	-9. 361	9. 099	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1370	H	PHE	A	93137. 572	-6. 093	7. 709	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1371	HA	PHE	A	93136. 966	-7. 671	10. 124	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1372	1HB	PHE	A	93139. 039	-5. 481	9. 867	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1373	2HB	PHE	A	93138. 680	-6. 406	11. 321	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	1374	HD 1	PHE	A	93139. 731	-6. 905	7. 782	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1375	HD2	PHE	Ą	93139. 965	-8. 250	11. 813	1. 00	0.00 H
	ATOM	1376	HE	PHE	A	93141. 403	-8. 585	7. 120	1. 00	0.00 H
	ATOM	1377	HE	2 PHE	A	93141. 639	-9. 930	11. 159	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1378	HZ	PHE	E A	93142. 361	-10. 099	8. 811	1. 00	0. 00 H
	•									

	ATOM	1379	N	ALA A	A	94135. 303	-5. 421	9. 339	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1380	CA	ALA A	1	94134. 313	-4. 393	9. 632	1. 00	0.00 C
	ATOM	1381	C	ALA A	A	94133. 083	-4. 992	10. 307	1. 00	0.00 C
	ATOM	1382	0	ALA A	A	94132. 438	-5. 889	9. 763	1. 00	0.000
5	ATOM	1383	CB	ALA A	A	94133. 918	-3. 663	8. 357	1. 00	0.00 C
	ATOM	1384	H	ALA A	A	94135. 195	-5. 975	8. 537	1. 00	0.00 H
	ATOM	1385	HA	ALA A	A	94134. 765	-3. 677	10. 302	1. 00	0.00 H
	ATOM	1386	1HB	ALA A	A	94134. 109	-2.606	8. 472	1. 00	0.00 H
	ATOM	1387	2HB	ALA A	A	94132. 867	-3. 819	8. 161	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1388	ЗНВ	ALA A	A	94134. 498	-4. 044	7. 530	1. 00	0.00 H
	ATOM	1389	N	SER A	A	95132. 763	-4. 490	11. 495	1. 00	0.00 N
	ATOM	1390	CA	SER A	A	95131. 610	-4. 975	12. 245	1. 00	0.00 C
	ATOM	1391	C	SER A	A	95130. 308	-4. 529	11. 587	1. 00	0.00 C
	ATOM	1392	0	SER A	A	95129. 946	-3. 354	11. 637	1. 00	0.000
15	ATOM	1393	CB	SER A	A	95131. 664	-4. 470	13. 688	1. 00	0.00 C
	ATOM	1394	0G	SER	A	95131. 564	-3. 058	13. 739	1. 00	0.000
	ATOM	1395	H	SER	A	95133. 315	-3. 776	11. 877	1. 00	0.00 H
	ATOM	1396	HA	SER	A	95131. 648	-6. 054	12. 249	1. 00	0.00 H
	ATOM	1397	1HB	SER .	A	95130. 845	-4. 897	14. 247	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1398	2HB	SER .	A	95132. 600	-4. 770	14. 136	1. 00	0.00 H
	ATOM	1399	HG	SER .	A	95132. 373	-2. 667	13. 400	1. 00	0.00 H
	ATOM	1400	N	LEU .	A	96129. 608	-5. 477	10. 970	1. 00	0.00 N
	ATOM	1401	CA	LEU .	A	96128. 346	-5. 182	10. 302	1. 00	0.00 C
	ATOM	1402	C	LEU	A	96127. 436	-6. 404	10. 293	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1403	0	LEU	A	96126. 247	-6. 309	10.601	1. 00	0.000
	ATOM	1404	CB	LEU	A	96128. 601	-4. 708	8. 870	1. 00	0.00 C
	ATOM	1405	CG	LEU	A	96127. 648	-3. 623	8. 366	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1406	CD1	LEU	A	96128. 191	-2. 242	8. 694	1. 00	0.00 C
	ATOM	1407	CD2	LEU	A	96127. 421	-3. 768	6.869	1. 00	0.00 C

					404			
	ATOM	1408 H	LEU A	96129. 949	-6. 395	10. 965	1. 00	0.00 H
	ATOM	1409 H	A LEU A	96127. 859	-4. 393	10. 851	1. 00	0.00 H
	ATOM	1410 1H	B LEU A	96129. 611	-4. 326	8.814	1. 00	0.00 H
	ATOM	1411 2H	B LEU A	96128. 520	-5. 561	8. 212	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1412 H	G LEU A	96126. 695	-3. 733	8.862	1. 00	0.00 H
	ATOM	1413 1H	ID1 LEU A	96129. 269	-2. 255	8.634	1. 00	0.00 H
	ATOM	1414 2H	ID1 LEU A	96127. 889	-1.963	9.694	1. 00	0.00 H
	ATOM	1415 3H	ID1 LEU A	96127. 801	-1. 524	7. 987	1. 00	0.00 H
	ATOM	1416 1F	ID2 LEU A	96126. 537	-4. 363	6. 695	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1417 2F	HD2 LEU A	96128. 275	-4. 253	6. 421	1. 00	0.00 H
	ATOM	1418 3H	HD2 LEU A	96127. 289	-2. 790	6. 429	1. 00	0.00 H
	ATOM	1419 N	N GLN A	97128. 003	-7. 548	9. 937	1. 00	0.00 N
	ATOM	1420	CA GLN A	97127. 247	-8. 794	9. 885	1. 00	0.00 C
	ATOM	1421	C GLN A	97126. 955	-9. 315	11. 292	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1422	O GLN A	97125. 796	-9. 457	11. 681	1. 00	0.000
	ATOM	1423	CB GLN A	97128. 014	-9. 848	9. 081	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1424	CG GLN A	97127. 274	-10. 326	7. 843	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1425	CD GLN A	97127. 055	-9. 219	6. 831	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1426	OE1 GLN A	97127. 736	-8. 193	6. 859	1. 00	0.000
20	ATOM	1427	NE2 GLN A	97126. 102	-9. 421	5. 929	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1428	H GLN A	97128. 953	-7. 555	9. 703	1. 00	0.00 H
	ATOM	1429	HA GLN A	97126. 309	-8. 591	9. 390	1. 00	0.00 H
	ATOM	1430 1	HB GLN A	97128. 959	-9. 428	8. 770	1. 00	0.00 H
	ATOM	1431 2	HB GLN A	97128. 202	-10. 703	9. 714	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1432 1	HG GLN A	97127. 849	-11. 112	7. 376	1. 00	0.00 H
	ATOM	1433 2				8. 143	1. 00	0.00 H
	ATOM	1434 1	HE2 GLN A	97125. 600	-10. 262		1. 00	0. 00 H
	ATOM	1435 2	HE2 GLN A	97125. 939	-8. 721		1. 00	0. 00 H
	ATOM	1436	N PRO A	98128. 007	-9. 608	12. 075	1. 00	0.00 N

ATOM 98127. 855 -10. 116 13.442 1.00 0.00 C 1437 CA PRO A **ATOM** PRO A 98127. 388 -9.03614. 412 1. 00 0.00 C 1438 C ATOM PRO A 98127. 027 -7.93314.001 1. 00 0.000 1439 0 98129. 266 -10. 584 13.802 1.00 0.00 C ATOM PRO A 1440 CB 5 ATOM PRO A 98130. 167 -9.73612. 973 1.00 0.00 C 1441 CG PRO A 1.00 ATOM 1442 CD98129. 426 -9.47011.691 0.00 C PRO A ATOM 98127. 174 -10. 952 13.480 1.00 0.00 H 1443 HA ATOM 1444 1HB 1.00 0.00 H PRO A 98129. 439 -10. 434 14. 858 ATOM 1445 2HB 1.00 0.00 H PRO A 98129. 375 -11. 630 13. 558 ATOM 1446 1HG PRO A 98130. 372 -8. 809 13. 488 1.00 0.00 H 10 ATOM 1447 2HG PRO A 98131.086 -10.266 12. 772 1. 00 0.00 H **ATOM** 1448 1HD PRO A 98129.634 -8.470 11. 337 1.00 0.00 H 98129.695 -10.199 10.941 0.00 H ATOM 1449 2HD PRO A 1.00 0.00 N ATOM 1450 N SER A 99127. 397 -9.36115. 700 1. 00 1.00 0.00 C 15 ATOM 1451 CA SER A 99126. 974 -8.42016. 730 ATOM 1452 C SER A 99128. 013 -8.32517. 842 1.00 0.00 C SER A 99127. 894 -8.98418.875 1.00 0.000ATOM 1453 0 **ATOM** SER A 99125. 624 -8.84117. 313 1.00 0.00 C 1454 CB 0.000 ATOM 1455 0G SER A 99125. 449 -10. 245 17. 232 1.00 20 ATOM 1456 H SER A 99127. 696 -10. 257 15. 965 1.00 0.00 H ATOM 1457 HA SER A 99126. 869 -7.44916. 269 0.00 H 1.00 ATOM 1458 1HB SER A -8.54518. 351 0.00 H 99125. 573 1.00 ATOM 1459 2HB SER A 99124. 830 -8.35916. 762 1.00 0.00 H **ATOM** 1460 HG 99125. 229 -10. 489 16. 329 1.00 0.00 H SER A 25 ATOM 1461 N GLY A 100129. 034 -7.50217.623 1.00 0.00 N ATOM CA GLY A 100130.080 -7. 338 1462 18. 614 1.00 0.00 C C ATOM GLY A 100129.626 -6.51419.806 1463 1.00 0.00 C ATOM 1464 0 GLY A 100128. 689 -5.72319.694 1.00 0.000 **MOTA** 1465 H GLY A 100129. 076 -7.00316. 780 1.00 0.00 H

							406			
	ATOM	1466	1HA	GLY	A	100130. 389	-8. 312	18. 962	1. 00	0.00 H
	ATOM	1467	2HA	GLY	A	100130. 925	-6. 847	18. 153	1. 00	0.00 H
	ATOM	1468	N	PR0	A	101130. 277	-6. 678	20. 969	1. 00	0.00 N
	ATOM	1469	CA	PR0	A	101129. 924	-5. 935	22. 183	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1470	C	PR0	A	101130. 281	-4. 456	22. 081	1. 00	0.00 C
	ATOM	1471	0	PR0	A	101130. 835	-4. 008	21. 078	1. 00	0.000
	ATOM	1472	CB	PRO	A	101130. 760	-6.613	23. 272	1. 00	0.00 C
	ATOM	1473	CG	PR0	A	101131. 923	-7. 196	22. 548	1. 00	0.00 C
	ATOM	1474	CD	PRO	A	101131. 408	-7. 600	21. 194	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1475	НА	PR0	A	101128. 874	-6. 036	22. 418	1. 00	0.00 H
	ATOM	1476	1HB	PR0	A	101131. 075	-5. 877	23. 998	1. 00	0.00 H
	ATOM	1477	2HB	PR0	A	101130. 173	-7. 379	23. 757	1. 00	0.00 H
	ATOM	1478	1HG	PR0	A	101132. 702	-6. 456	22. 446	1. 00	0.00 H
	ATOM	1479	2HG	PRO	A	101132. 292	-8.060	23. 080	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1480	1HD	PR0	A	101132. 171	-7.462	20. 442	1. 00	0.00 H
	ATOM	1481	2HD	PRO	A	101131. 071	-8.625	21. 207	1. 00	0.00 H
	ATOM	1482	N	SER	A	102129. 959	-3. 702	23. 127	1. 00	0.00 N
	ATOM	1483	CA	SER	A	102130. 245	-2. 272	23. 156	1. 00	0.00 C
	ATOM	1484	C	SER	A	102131. 024	-1. 897	24. 413	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1485	0	SER	A	102132. 035	-1. 200	24. 344	1. 00	0.000
	ATOM	1486	CB	SER	A	102128. 945	-1. 469	23. 089	1. 00	0.00 C
	ATOM	1487	0G	SER	A	102127. 980	-2. 124	22. 284	1. 00	0.000
	ATOM	1488	H	SER	A	102129. 518	-4. 116	23. 899	1. 00	0.00 H
	ATOM	1489	HA	SER	A	102130. 847	-2. 037	22. 291	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1490	1HB	SER	A	102128. 544	-1. 353	24. 086	1. 00	0.00 H
	ATOM	1491	2HB	SER	A	102129. 146	-0. 495	22. 668	1. 00	0.00 H
	ATOM	1492	HG	SER	A	102128. 380	-2. 382	21. 450	1. 00	0.00 H
	ATOM	1493	N	SER	. A	103130. 545	-2. 367	25. 561	1. 00	0.00 N
	ATOM	1494	CA	SER	. A	103131. 197	-2. 082	26. 834	1. 00	0.00 C

407	
-----	--

							,			
	ATOM	1495	C	SER	A	103130. 874	-3. 160	27.863	1. 00	0.00 C
	ATOM	1496	0	SER	A	103131. 771	-3. 823	28. 384	1. 00	0.000
	ATOM	1497	CB	SER	A	103130. 760	-0. 712	27. 358	1. 00	0.00 C
	ATOM	1498	0G	SER	A	103131. 620	0. 311	26. 891	1. 00	0.000
5	ATOM	1499	H	SER	A	103129. 734	-2. 918	25. 551	1. 00	0.00 H
	ATOM	1500	HA	SER	A	103132. 262	-2.069	26.665	1. 00	0.00 H
	ATOM	1501	1HB	SER	A	103129. 756	-0. 503	27. 021	1. 00	0.00 H
	ATOM	1502	2HB	SER	A	103130. 783	-0.720	28. 438	1. 00	0.00 H
	ATOM	1503	HG	SER	A	103132. 396	0.360	27. 455	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1504	N	GLY	A	104129. 588	-3. 329	28. 153	1. 00	0.00 N
	ATOM	1505	CA	GLY	A	104129. 170	-4. 328	29. 119	1. 00	0.00°C
	ATOM	1506	C	GLY	A	104127. 832	-4. 001	29. 751	1. 00	0.00 C
	ATOM	1507	0	GLY	A	104127. 823	-3. 345	30. 815	1. 00	0.000
	ATOM	1508	OXT	GLY	A	104126. 794	-4. 397	29. 183	1. 00	0.000
15	ATOM	1509	H	GLY	A	104128. 917	-2. 771	27. 707	1. 00	0.00 H
	ATOM	1510	1HA	GLY	A	104129. 097	-5. 284	28. 622	1. 00	0.00 H
	ATOM	1511	2HA	GLY	A	104129. 917	-4. 395	29. 897	1. 00	0.00 H
	TER	1512	GLY	A 10	4					
	ENDMDL									

立体構造座標表8

	ATOM	1	N	GLY Å	1135. 862	21. 326	-5. 428	1.00	0.00 N
	ATOM	2	CA	GLY A	1136. 784	22. 453	-5. 740	1.00	0.00 C
	ATOM	3	C	GLY A	1136. 436	23. 144	-7. 044	1.00	0.00 C
25	ATOM	4	0	GLY A	1135. 778	24. 184	-7. 046	1.00	0.000
	ATOM	5	1H	GLY A	1134. 965	21. 447	-5. 941	1.00	0. 00 H
	ATOM	6	2H	GLY A	1135.664	21. 298	-4. 408	1.00	0.00 H
	ATOM	7	3H	GLY A	1136. 294	20. 423	-5. 712	1.00	0.00 H
	ATOM	8	1HA	GLY A	1136. 736	23. 175	-4. 938	1.00	0.00 H



	ATOM 9 2	ΉΔ	GLY A	1137. 793	22. 071 -5. 805	1.00	0.00 H
		N	SER A	•	22. 565 -8. 154		0. 00 N
	ATOM10	CA	SER A	2136. 611	23. 132 -9. 471	1. 00	0. 00 C
		C	SER A	2135. 133	23. 008 -9. 825	1. 00	0. 00 C
E	ATOM12		SER A		21. 906 -10. 024		0.000
5	ATOM13	0			22. 432 -10. 532	1. 00	0. 00 C
	ATOM14	CB	SER A		23. 351 -11. 518	•	0.000
	ATOM15	0G	SER A				0. 00 H
	ATOM16	H	SER A	2137. 399			
	ATOM17	HA	SER A	2136. 876	24. 178 -9. 441	1.00	0.00 H
10	ATOM18		SER A	2138. 326	21. 986 -10. 063		0. 00 H
	ATOM19		SER A	2136. 876	21. 663 -11. 012	1. 00	0.00 H
	ATOM20	HG	SER A	2138. 856	23. 456 -11. 454	1. 00	0.00 H
	ATOM21	N	SER A	3134. 452	24. 146 -9. 904	1. 00	0.00 N
	ATOM22	CA	SER A	3133. 032	24. 166 -10. 234	1. 00	0. 00 C
15	ATOM23	С	SER A	3132. 822	24. 039 -11. 740	1. 00	0.00 C
	ATOM24	0	SER A	3133. 076	24. 979 -12. 494	1. 00	0.000
	ATOM25	CB	SER A	3132. 385	25. 455 -9. 725	1. 00	0.00 C
	ATOM26	0G	SER A	3132. 929	26. 590 -10. 375	1. 00	0.000
	ATOM27	H	SER A	3134. 915	24. 993 -9. 735	1. 00	0.00 H
20	ATOM28	HA	SER A	3132. 567	23. 323 -9. 747	1. 00	0.00 H
	ATOM29	1HB	SER A	3131. 323	25. 422 -9. 915	1. 00	0.00 H
	ATOM30	2HB	SER A	3132. 558	25. 547 -8. 663	1. 00	0.00 H
	ATOM31	HG	SER A	3132. 626	26. 615 -11. 286	1. 00	0.00 H
	ATOM32	N	GLY A	4132. 358	22. 871 -12. 172	1. 00	0.00 N
25	ATOM33	CA	GLY A	4132. 122	22. 643 -13. 585	1. 00	0.00 C
	ATOM34	C	GLY A	4132. 095	21. 169 -13. 938	1.00	0.00 C
	ATOM35	0	GLY A	4132. 285	20. 314 -13. 073	1. 00	0.000
	ATOM36	H	GLY A	4132. 174	22. 159 -11. 525	1.00	0.00 H
	ATOM37	1HA	GLY A	4131. 175	23. 084 -13. 857	1.00	0.00 H

					409		
	ATOM38	2HA	GLY A	4132. 906	23. 123 -14. 151	1. 00	0.00 H
	ATOM39	N	SER A	5131. 857	20. 871 -15. 211	1. 00	0.00 N
	ATOM40	CA	SER A	5131. 806	19. 490 -15. 676	1. 00	0.00 C
	ATOM41	C	SER A	5130. 700	18. 717 -14. 963	1. 00	0.00 C
5	ATOM42	0	SER A	5130. 136	19. 190 -13. 977	1. 00	0.000
	ATOM43	СВ	SER A	5133. 153	18. 803 -15. 448	1. 00	0.00 C
	ATOM44	0G	SER A	5133. 460	17. 916 -16. 510	1. 00	0.000
	ATOM45	H	SER A	5131.714	21. 598 -15. 853	1. 00	0.00 H
	ATOM46	HA	SER A	5131. 593	19. 505 -16. 734	1. 00	0.00 H
10	ATOM47	1HB	SER A	5133. 930	19. 550 -15. 385	1. 00	0.00 H
	ATOM48	2HB	SER A	5133. 118	18. 242 -14. 526	1. 00	0.00 H
	ATOM49	HG	SER A	5133. 809	18. 414 -17. 252	1. 00	0.00 H
	ATOM50	N	SER A	6130.397	17. 527 -15. 469	1. 00	0.00 N
	ATOM51	CA	SER A	6129. 360	16. 689 -14. 880	1. 00	0.00 C
15	ATOM52	C	SER A	6129.754	15. 216 -14. 934	1. 00	0. 00 C
	ATOM53	0	SER A	6129. 519	14. 536 -15. 934	1. 00	0.000
	ATOM54	CB	SER A	6128.031	16. 900 -15. 608	1. 00	0. 00 C
	ATOM55	0G	SER A	6128. 003	18. 156 -16. 264	1. 00	0.000
	ATOM56	H	SER A	6130. 884	17. 203 -16. 256	1.00	0.00 H
20	ATOM57	HA	SER A	6129. 244	16. 980 -13. 847	1.00	0.00 H
	ATOM58	1HB	SER A	6127. 897	16. 121 -16. 343	1.00	0.00 H
	ATOM59	2HB	SER A	6127. 222	16. 863 -14. 893	1. 00	0.00 H
	ATOM60	HG	SER A	6127. 925	18. 856 -15. 612	1. 00	0.00 H
	ATOM61	N	GLY A	7130. 352	14. 729 -13. 853	1. 00	0.00 N
25	ATOM62	CA	GLY A	7130. 769	13. 340 -13. 798	1. 00	0.00 C
	ATOM63	C	GLY A	7131. 372	12. 967 -12. 458	1. 00	0.00 C
	ATOM64	0	GLY A	7132. 589	12. 825 -12. 335	1. 00	0.000
	ATOM65	H	GLY A	7130. 513	15. 317 -13. 085	1. 00	0.00 H
	ATOM66	1HA	GLY A	7129. 910	12. 711 -13. 981	1. 00	0.00 H

	ATOM67	2HA	GLY A	L	7131. 502	13. 165	-14. 571	1. 00	0.00 H
	ATOM68	N	LEU A	L	8130. 520	12. 809	-11. 450	1. 00	0.00 N
	ATOM69	CA	LEU A	L	8130. 974	12. 451	-10. 112	1. 00	0.00 C
	ATOM70	C	LEU A	1	8130. 399	11. 105	-9. 684	1. 00	0.00 C
5	ATOM71	0	LEU A	1	8129. 312	10. 718	-10. 114	1. 00	0.000
	ATOM72	CB	LEU A	l	8130. 573	13. 532	-9. 107	1. 00	0.00 C
	ATOM73	CG	LEU A	l	8130. 735	14. 970	-9. 605	1. 00	0.00 C
	ATOM74	CD1	LEU A	A	8129. 892	15. 921	-8. 770	1. 00	0.00 C
	ATOM75	CD2	LEU A	I	8132. 199	15. 382	-9. 570	1.00	0.00 C
10	ATOM76	H	LEU A	A	8129. 561	12. 936	-11. 611	1. 00	0.00 H
	ATOM77	HA	LEU	A	8132. 051	12. 376	-10. 136	1.00	0.00 H
	ATOM78	1HB	LEU	A	8129. 538	13. 379	-8. 841	1.00	0.00 H
	ATOM79	2HB	LEU .	A	8131. 177	13. 412	-8. 221	1. 00	0.00 H
	ATOM80	HG	LEU	A	8130. 392	15. 031	-10.627	1. 00	0.00 H
15	ATOM81	1HD1	LEU .	A.	8129. 871	16. 892	-9. 242	1. 00	0.00 H
	ATOM82	2HD1	LEU	A	8130. 321	16. 010	-7. 782	1. 00	0.00 H
	ATOM83	3HD1	LEU	A	8128. 885	15. 537	-8. 692	1. 00	0.00 H
	ATOM84	1HD2	LEU	A	8132. 656	15. 168	-10. 525	1. 00	0.00 H
	ATOM85	2HD2	LEU	A	8132. 710	14. 832	-8. 795	1. 00	0.00 H
20	ATOM86	3HD2	LEU	A	8132. 270	16. 441	-9. 367	1. 00	0.00 H
	ATOM87	N	ALA	A	9131. 134	10. 395	-8. 834	1. 00	0.00 N
	ATOM88	CĄ	ALA	A	9130. 696	9. 092	-8. 348	1. 00	0.00 C
	ATOM89	C	ALA	A	9131. 453	8. 694	-7. 086	1. 00	0.00 C
	ATOM90	0	ALA	A	9131. 772	7. 522	-6. 886	1. 00	0.000
25	ATOM91	CB	ALA	A	9130. 878	8. 038	-9. 430	1. 00	0.00 C
	ATOM92	H	ALA	A	9131. 991	10. 756	-8. 527	1. 00.	0.00 H
	ATOM93	HA	ALA	A	9129. 643	9. 160	-8. 118	1. 00	0.00 H
	ATOM94	1HB	ALA	A	9129. 990	7. 996	-10. 045	1. 00	0.00 H
	ATOM95	2HB	ALA	A	9131. 042	7. 075	-8. 970	1. 00	0.00 H

								411						
	ATOM96	ЗНВ	ALA .	A 9	131.	. 728	8. 2	95 -	10. 04	4 1.	00	0. 00	H	
	ATOM97	N	MET .	A 10	131	. 737	9. 6	75 -	-6. 23	88 1.	00	0.00	N	
	ATOM98	CA	MET	A 10	132	. 457	9. 4	.27 ·	-4. 99	94 1.	00	0.00	C	
	ATOM99	C	MET	A 10	132	. 314	10. 6	808	-4. 03	35 1.	00	0.00	C	
5	ATOM	100	0	MET .	A	10133.	291	11.	291	-3. 72	28	1. 00	0. 00	0
	ATOM	101	CB	MET	A	10133.	936	9.	159	-5. 28	30	1. 00	0.00	C
	ATOM	102	CG	MET'	A	10134.	602	10.	248	-6. 10	06	1. 00	0.00	C
	ATOM	103	SD	MET	A	10136.	400	10.	200	-5. 99	97	1. 00	0.00	S
	ATOM	104	CE	MET	A	10136.	829	11.	766	-6. 7	51	1. 00	0. 00	C
10	ATOM	105	H	MET	A	10131.	456	10.	589	-6.4	52	1. 00	0.00	H
	ATOM	106	HA	MET	A	10132.	025	8.	550	-4. 5	32	1. 00	0.00	H
	ATOM	107	1HB	MET	A	10134.	463	9.	076	-4. 3	42	1. 00	0. 00	H
	ATOM	108	2HB	MET	A	10134.	023	8.	226	-5.8	17	1. 00	0.00	H
	ATOM	109	1HG	MET	A	10134.	315	10.	123	-7. 1	40	1. 00	0. 00	H
15	ATOM	110	2HG	MET	A	10134	259	11.	209	-5. 7	52	1. 00	0. 00	H
	ATOM	111	1HE	MET	A	10137.	179	11.	598	-7. 7	58	1. 00	0.00	H
	ATOM	112	2HE	MET	A	10137	606	12.	244	-6. 1	74	1. 00	0. 00	H
	ATOM	113	3HE	MET	A	10135	. 957	12.	404	-6. 7	76	1. 00	0. 00	H
	ATOM	114	N	PR0	A	11131	. 087	10.	866	-3.5	50	1. 00	0. 00	N
20	ATOM	115	CA	PR0	A	11130	. 821	11.	971	-2.6	24	1. 00	0.00	C
	ATOM	116	C	PRO	A	11131	. 642	11.	867	-1. 3	40	1. 00	0.00	C
	ATOM	117	0	PRO	A	11132	. 251	12.	845	-0. 9	80	1. 00	0. 00	0
	ATOM	118	CB	PRO	A	11129	. 326	11.	848	-2. 3	315	1. 00	0.00	C
	ATOM	119	CG	PRO	A	11128	. 762	11.	010	-3.4	112	1. 00	0. 00	C
25	ATOM	120	CD	PRO	A	11129	. 869	10.	. 103	-3. 8	367	1. 00	0.00	C
	ATOM	121	HA	PRO	A	11131	. 015	12.	. 926	-3. (92	1. 00	0.00	H
	ATOM	122	1HB	PRO	A	11129	. 192	2 11	. 379	-1. 8	351	1. 00	0.00	H
	ATOM	123	3 2HB	PRO	A	11128	8. 878	3 12	. 831	-2. 3	304	1. 00	0.00	H
	ATOM	124	l 1HG	PR0	A	11127	. 936	3 10	. 427	-3. (36	1. 00	0.00	H

							412		,	
	ATOM	125 2	HG	PRO.	A	11128. 436	11. 641	-4. 225	1. 00	0.00 H
	ATOM	126 1	HD	PRO	A	11129. 843	9. 171	-3. 321	1. 00	0.00 H
	ATOM	127 2	2HD	PR0	A	11129. 794	9. 920	-4. 929	1. 00	0.00 H
	ATOM	128	N	PRO	A	12131. 677	10. 677	-0. 709	1. 00	0.00 N
5	ATOM	129	CA	PRO	A	12132. 438	10. 469	0. 528	1. 00	0.00 C
	ATOM	130	C	PRO	A	12133. 904	10. 857	0. 370	1. 00	0.00 C
	ATOM	131	0	PR0	A	12134. 589	11. 145	1. 352	1. 00	0.000
	ATOM	132	CB	PR0	A	12132. 309	8. 965	0. 784	1. 00	0. 00 C
	ATOM	133	CG	PRO	A	12131. 074	8. 556	0.061	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	134	CD	PR0	A	12130. 989	9. 447	-1. 146	1. 00	0.00 C
	ATOM	135	HA	PR0	A	12132. 008	11. 017	1. 353	1. 00	0.00 H
	ATOM	136	1HB	PR0	A	12133. 180	8. 455	0. 397	1. 00	0. 00 H
	ATOM	137	2HB	PR0	A	12132. 223	8. 783	1. 845	1. 00	0.00 H
	ATOM	138	1HG	PR0	A	12131. 149	7. 522	-0. 240	1. 00	0.00 H
15	ATOM	139	2HG	PR0	A	12130. 212	8. 703	0.695	1. 00	0.00 H
	ATOM	140	1HD	PR0	A	12131. 501	8. 996	-1. 984	1. 00	0. 00 H
	ATOM	141	2HD	PR0	A	12129. 959	9. 647	-1. 395	1. 00	0.00 H
	ATOM	142	N	GLY	A	13134. 378	10. 862	-0.872	1. 00	0.00 N
	ATOM	143	CA	GLY	A	13135. 761	11. 216	-1. 136	1. 00	0.00 C
20	ATOM	144	C	GLY	A	13136. 420	10. 278	-2. 127	1. 00	0.00 C
	ATOM	145	0	GLY	A	13136. 953	10. 716	-3. 146	1. 00	0.000
	ATOM	146	H	GLY	A	13133. 785	10.624	-1.616	1. 00	0.00 H
	ATOM	147	1HA	GLY	A	13135. 794	12. 220	-1. 531	1. 00	0.00 H
	ATOM	148	2HA	GLY	A	13136. 311	11. 187	-0. 208	1. 00	0.00 H
25	ATOM	149	N	ASN	A	14136. 385	8. 983	-1.827	1. 00	0.00 N
	ATOM	150	CA	ASN	A	14136. 984	7. 980	-2.698	1. 00	0.00 C
	ATOM	15,1	C	ASN	A	14136. 171	6. 690	-2. 683	1. 00	0.00 C
	ATOM	152	0	ASN	A	14136. 322	5. 861	-1. 785	1. 00	0.000
	ATOM	153	CB	ASN	A	14138. 424	7. 694	-2. 268	1. 00	0.00 C

						•	413			
	ATOM	154	CG	ASN A	A	14139. 315	8. 916	-2.382	1. 00	0.00 C
	ATOM	155	0D1	ASN	A	14140. 077	9. 056	-3. 338	1. 00	0.000
	ATOM	156	ND2	ASN .	A	14139. 222	9. 809	-1. 403	1. 00	0.00 N
	ATOM	157	H	ASN .	A	14135. 946	8. 697	-0.999	1. 00	0.00 H
5	ATOM	158	HA	ASN	A	14136. 990	8. 375	-3. 704	1. 00	0.00 H
	ATOM	159	1HB	ASN	A	14138. 428	7. 364	-1. 240	1. 00	0.00 H
	ATOM	160	2HB	ASN	A	14138. 832	6. 914	-2.894	1. 00	0.00 H
	ATOM	161	1HD2	ASN	A	14138. 593	9. 631	-0. 673	1. 00	0.00 H
	ATOM	162	2HD2	ASN	A	14139. 787	10. 609	-1.451	1. 00	0.00 H
10	ATOM	163	N	SER	A	15135. 310	6. 527	-3. 682	1. 00	0.00 N
	ATOM	164	CA	SER	A	15134. 470	5. 338	-3. 787	1. 00	0. 00 C
	ATOM	165	C	SER	A	15133. 494	5. 253	-2.616	1. 00	0.00 C
	ATOM	166	0	SER	A	15132. 317	5. 585	-2. 753	1. 00	0.000
	ATOM	167	CB	SER	A	15135. 336	4. 076	-3. 840	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	168	OG	SER	A	15135. 576	3. 678	-5. 179	1. 00	0.000
	ATOM	169	H	SER	A	15135. 237	7. 224	-4. 368	1. 00	0.00 H
	ATOM	170	HA	SER	A	15133. 905	5. 413	-4. 704	1. 00	0.00 H
	ATOM	171	1HB	SER	A	15136. 284	4. 272	-3. 361	1. 00	0. 00 H
	ATOM	172	2HB	SER	A	15134. 832	3. 273	-3. 323	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	173	HG	SER	A	15136. 355	4. 129	-5. 512	1. 00	0. 00 H
	ATOM	174	N	HIS	A	16133. 990	4. 808	-1. 466	1. 00	0.00 N
	ATOM	175	CA	HIS	A	16133. 161	4. 680	-0. 273	1. 00	0. 00 C
	ATOM	176	C	HIS	A	16133. 758	5. 463	0. 892	1. 00	0. 00 C
	ATOM	177	0	HIS	A	16133. 046	6. 158	1. 616	1. 00	0.000
25	ATOM	178	CB	HIS	A	16133. 007	3. 208	0. 111	1. 00	0.00 C
	ATOM	179) CG	HIS	A	16131. 982	2. 480	-0. 703	1. 00	0. 00 C
	ATOM	180) ND:	1 HIS	A	16130. 635	2. 772			
	ATOM	181	CD:	2 HIS	A	16132. 113	1. 469	-1. 593	1. 00	0. 00 C
	ATOM	182	CE	1 HIS	A	16129. 982	1. 969	-1. 475	1. 00	0. 00 C

O 2004/016	5781							PCT/JP:	2003/010288
						414			
ATOM	183	NE2	HIS	A	16130. 856	1. 170	-2.059	1. 00	0.00 N
ATOM	184	H	HIS	A	16134. 936	4. 559	-1. 419	1. 00	0.00 H
ATOM	185	HA	HIS	A	16132. 187	5. 087	-0.502	1. 00	0.00 H
ATOM	186	1HB	HIS	A	16133. 953	2. 708	-0.024	1. 00	0.00 H
ATOM	187	2HB	HIS	A	16132. 715	3. 143	1. 149	1. 00	0.00 H
ATOM	188	HD1	HIS	A	16130. 219	3. 462	-0.095	1. 00	0.00 H
ATOM	189	HD2	HIS	A	16133. 035	0. 986	-1. 884	1. 00	0.00 H
ATOM	190	HE 1	HIS	A	16128. 915	1.969	-1. 642	1. 00	0.00 H
ATOM	191	HE2	HIS	A	16130. 650	0. 540	-2. 779	1. 00	0.00 H
ATOM	192	N	GLY	A	17135. 070	5. 345	1. 066	1. 00	0.00 N
ATOM	193	CA	GLY	A	17135. 741	6. 047	2. 144	1. 00	0.00 C
ATOM	194	С	GLY	A	17137. 087	5. 436	2. 485	1. 00	0.00 C
ATOM	195	0	GLY	A	17137. 242	4. 806	3. 530	1. 00	0.000
ATOM	196	H	GLY	A	17135. 587	4. 777	0. 457	1. 00	0.00 H

5 A' A' A A A 10 A A A A ATOM 0.00 H **ATOM** GLY A 17135.889 7.076 1.853 1.00 15 197 1HA **ATOM** GLY A 17135. 113 3.022 0.00 H 198 2HA 6.019 1.00 ATOM 199 N LEU A 18138.060 5. 623 1.600 1.00 0.00 N LEU A 18139.399 5.086 1.811 ATOM 0.00 C 200 CA 1.00 2.328 ATOM LEU A 18140. 344 6. 167 0.00 C \mathbf{C} 1.00 201 20 **ATOM** 202 LEU A 18140.685 7. 103 1.606 0.000 1.00 0 0.511 LEU A 18139. 946 4. 493 1.00 0.00 C ATOM 203 CB ATOM LEU A 18139.060 -0.1380.00 C 204 CG 3. 428 1.00 3. 188 -1.579ATOM 1.00 0.00 C 205 CD1 LEU A 18139. 482 ATOM CD2 LEU A 0.659 1.00 0.00 C 206 18139. 115 2. 134 ATOM 207 LEU A 0.784 0.00 H H 18137.874 6. 134 1.00 25 LEU A 2.551 ATOM 208 HA 18139. 328 4. 303 1.00 0.00 H LEU A -0.1960.00 H ATOM 209 18140.082 1HB 5. 298 1.00 LEU A 0.718 210 2HB 18140.908 4. 051 1.00 0.00 H

ATOM HG LEU A 18138.037 ATOM 3. 776 -0.1441.00 0.00 H 211

							415	_		
	ATOM	212	1HD1	LEU .	A	18139. 230	2. 178	-1.864	1.00	0.00 H
	ATOM	213	2HD1	LEU .	A	18140. 549	3. 332	-1.670	1. 00	0.00 H
	ATOM	214	3HD1	LEU	A	18138. 969	3. 883	-2. 226	1. 00	0.00 H
	ATOM	215	1HD2	LEU	A	18140. 134	1. 935	0. 954	1. 00	0.00 H
5	ATOM	216	2HD2	LEU	A	18138. 751	1. 320	0.050	1. 00	0.00 H
	ATOM	217	3HD2	LEU	A	18138. 497	2. 226	1. 540	1. 00	0.00 H
	ATOM	218	N	GLU	A	19140. 763	6. 029	3. 581	1. 00	0.00 N
	ATOM	219	CA	GLU	A	19141. 670	6. 993	4. 194	1. 00	0.00 C
	ATOM	220	C	GLU	A	19142. 671	6. 294	5. 108	1. 00	0.00 C
10	ATOM	221	0	GLU	A	19142. 581	5. 089	5. 338	1. 00	0.000
	ATOM	222	CB	GLU	A	19140. 878	8. 036	4. 986	1. 00	0.00 C
	ATOM	223	CG	GLU	A	19139. 943	7. 432	6. 022	1. 00	0. 00 C
	ATOM	224	CD	GLU	A	19138. 972	8. 446	6. 592	1. 00	0.00 C
	ATOM	225	0E1	GLU	A	19138. 749	8. 429	7. 820	1. 00	0.000
15	ATOM	226	0E2	GLU	A	19138. 435	9. 259	5. 810	1. 00	0.000
	ATOM	227	H	GLU	A	19140. 458	5. 260	4. 107	1. 00	0.00 H
	ATOM	228	HA	GLU	A	19142. 209	7. 491	3. 402	1. 00	0.00 H
	ATOM	229	1HB	GLU	A	19141. 573	8. 686	5. 497	1. 00	0.00 H
	ATOM	230	2HB	GLU	A	19140. 288	8. 623	4. 298	1. 00	0.00 H
20	ATOM	231	1HG	GLU	A	19139. 378	6. 637	5. 558	1. 00	0.00 H
	ATOM	232	2HG	GLU	A	19140. 535	7. 027	6.830	1. 00	0.00 H
	ATOM	233	N	VAL	A	20143. 626	7. 060	5. 626	1. 00	0.00 N
	ATOM	234	CA	VAL	A	20144. 644	6. 514	6. 516	1. 00	0.00 C
	ATOM	235	C	VAL	A	20144. 014	5. 893	7. 757	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	236	0	VAL	A	20143. 157	6. 499	8. 401	1. 00	0.000
	ATOM	237	CB	VAL	A	20145. 649	7. 598	6. 952	1. 00	0. 00 C
	ATOM	238	G CG	1 VAL	A	20146. 811	6. 976	7. 710	1. 00	0.00 C
	ATOM	239	CG	2 VAL	A	20146. 147	8. 381	5. 747	1. 00	0. 00 C
	ATOM	240	H	VAL	A	20143. 645	8. 015	5. 406	1. 00	0.00 H



	ATOM	241	HA	VAL A	A	20145. 184	5. 750	5. 976	1. 00	0.00 H
	ATOM	242	HB	VAL A	A	20145. 142	8. 284	7. 615	1. 00	0.00 H
	ATOM	243	1HG1	VAL A	A	20147. 087	6. 042	7. 244	1. 00	0.00 H
	ATOM	244	2HG1	VAL A	A	20146. 517	6. 793	8. 733	1. 00	0.00 H
5	ATOM	245	3HG1	VAL A	A	20147. 655	7. 650	7. 693	1. 00	0.00 H
	ATOM	246	1HG2	VAL A	A	20147. 116	8. 803	5. 967	1. 00	0.00 H
	ATOM	247	2HG2	VAL A	A	20145. 451	9. 175	5. 521	1. 00	0.00 H
	ATOM	248	3HG2	VAL A	A	20146. 227	7. 720	4. 897	1. 00	0.00 H
	ATOM	249	N	GLY	A	21144. 445	4. 680	8. 089	1. 00	0.00 N
10	ATOM	250	CA	GLY .	A	21143. 912	3. 996	9. 253	1. 00	0.00 C
	ATOM	251	С	GLY .	A	21142. 916	2. 914	8. 885	1. 00	0.00 C
	ATOM	252	0	GLY	A	21142. 848	1. 876	9. 542	1. 00	0.000
	ATOM	253	H	GLY	A	21145. 130	4. 247	7. 539	1. 00	0.00 H
	ATOM	254	1HA	GLY	A	21144. 730	3. 548	9. 799	1. 00	0.00 H
15	ATOM	255	2HA	GLY	A	21143. 424	4. 720	9. 888	1. 00	0.00 H
	ATOM	256	N	SER	A	22142. 142	3. 158	7. 834	1. 00	0.00 N
	ATOM	257	CA	SER	A	22141. 145	2. 196	7. 379	1. 00	0. 00 C
	ATOM	258	C	SER	A	22141. 791	1. 093	6. 546	1. 00	0. 00 C
	ATOM	259	0	SER	A	22142. 817	1. 309	5. 902	1. 00	0.000
20	ATOM	260	CB	SER	A	22140.061	2. 901	6. 561	1. 00	0.00 C
	ATOM	261	OG	SER	A	22139. 134	3. 563	7. 404	1. 00	0.000
	ATOM	262	H	SER	A	22142. 245	4. 005	7. 350	1. 00	0. 00 H
	ATOM	263	HA.	SER	A	22140. 691	1. 752	8. 253	1. 00	0. 00 H
	ATOM	264	1HB	SER	A	22140. 522	3. 631	5. 911	1. 00	0.00 H
25	ATOM	265	5 2HB	SER	A	22139. 532	2. 172	5. 965	1. 00	0.00 H
	ATOM	266	6 HG	SER	A	22139. 608	4. 049	8. 083	1. 00	0.00 H
	ATOM	267	7 N	LEU	A	23141. 182	-0. 088	6. 563	1. 00	0.00 N
	ATOM	268	B CA	LEU	A	23141. 698	-1. 224	5. 809	1. 00	0.00 C
	ATOM	269	9 C	LEU	A	23141. 307	-1. 125	4. 338	1. 00	0.00 C

						-			
	ATOM	270	0	LEU A	23140. 274	-0. 549	3. 998	1. 00	0.000
	ATOM	271	CB	LEU A	23141. 177	-2. 535	6. 399	1. 00	0.00 C
	ATOM	272	CG	LEU A	23141. 354	-2.680	7. 911	1. 00	0.00 C
	ATOM	273	CD1	LEU A	23140. 277	-3. 584	8. 491	1. 00	0.00 C
5	ATOM	274	CD2	LEU A	23142. 738	-3. 221	8. 235	1. 00	0. 00 C
	ATOM	275	H	LEU A	23140. 367	-0. 198	7. 095	1. 00	0.00 H
	ATOM	276	HA.	LEU A	23142. 775	-1. 210	5. 884	1. 00	0.00 H
	ATOM	277	1HB	LEU A	23140. 123	-2. 612	6. 172	1. 00	0.00 H
	ATOM	278	2HB	LEU A	23141. 693	-3. 352	5. 919	1. 00	0.00 H
10	ATOM	279	HG	LEU A	23141. 257	-1. 708	8. 373	1. 00	0.00 H
	ATOM	280	1HD1	LEU A	23140. 028	-3. 253	9. 489	1. 00	0.00 H
	ATOM	281	2HD1	LEU A	23140. 642	-4. 600	8. 529	1. 00	0.00 H
	ATOM	282	3HD1	LEU A	23139. 396	-3. 540	7.868	1. 00	0. 00 H
	ATOM	283	1HD2	LEU A	23143. 421	-2. 963	7. 439	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	284	2HD2	LEU A	23142. 691	-4. 296	8. 333	1. 00	0.00 H
	ATOM	285	3HD2	LEU A	23143. 085	-2. 791	9. 162	1. 00	0.00 H
	ATOM	286	N	ALA A	24142. 140	-1. 689	3. 470	1. 00	0.00 N
	ATOM	287	CA	ALA A	24141. 882	-1.663	2. 035	1. 00	0. 00 C
	ATOM	288	C	ALA A	24142. 477	-2. 887	1. 349	1. 00	0.00 C
20	ATOM	289	0	ALA A	24143. 416	-3. 502	1. 856	1. 00	0.000
	ATOM	290	.CB	ALA A	24142. 439	-0. 388	1. 421	1. 00	0.00 C
	ATOM	291	H	ALA A	24142. 948	-2. 133	3. 802	1. 00	0.00 H
	ATOM	292	HA	ALA A	24140. 811	-1. 667	1. 890	1. 00	0.00 H
	ATOM	293	1HB	ALA A	24143. 407	-0. 591	0. 986	1. 00	0.00 H
25	ATOM	294	2HB	ALA A	24142. 541	0. 365	2. 188	1. 00	0.00 H
	ATOM	295	3HB	ALA A	24141. 767	-0. 034	0. 654	1. 00	0. 00 H
	ATOM	296	S N	GLU A	25141. 926	-3. 237	0. 191	1. 00	0. 00 N
	ATOM	297	7 CA	GLU A	25142. 403	-4. 388	-0. 566	1. 00	0.00 C
	ATOM	298	3 C	GLU A	25142. 632	-4. 020	-2. 029	1.00	0.00 C

					•	418			
	ATOM	299	0	GLU A	25141. 891	-3. 223	-2.602	1. 00	0.000
	ATOM	300	СВ	GLU A	25141. 401	-5. 540	-0. 470	1. 00	0.00 C
	ATOM	301	CG	GLU A	25142. 005	-6. 899	-0. 780	1. 00	0.00 C
	ATOM	302	CD	GLU A	25141.078	-7. 776	-1. 599	1. 00	0.00 C
5	ATOM	303	0E1	GLU A	25141. 583	-8. 664	-2. 319	1. 00	0.000
	ATOM	304	0E2	GLU A	25139. 847	-7. 577	-1.520	1. 00	0.000
	ATOM	305	H	GLU A	25141. 181	-2. 708	-0. 163	1. 00	0.00 H
	ATOM	306	HA	GLU A	25143. 341	-4. 703	-0. 135	1. 00	0.00 H
	ATOM	307	1HB	GLU A	25140. 998	-5. 569	0. 532	1. 00	0.00 H
10	ATOM	308	2HB	GLU A	25140. 596	-5. 360	-1. 167	1. 00	0.00 H
	ATOM	309	1HG	GLU A	25142. 920	-6. 755	-1. 332	1. 00	0.00 H
	ATOM	310	2HG	GLU A	25142. 223	-7. 402	0. 152	1. 00	0.00 H
	ATOM	311	N	VAL A	26143. 664	-4. 607	-2.627	1. 00	0. 00 N
	ATOM	312	CA	VAL A	26143. 992	-4. 340	-4. 022	1. 00	0.00 C
15	ATOM	313	C	VAL A	26143. 563	-5. 497	-4. 918	1. 00	0. 00 C
	ATOM	314	0	VAL A	26143. 381	-6. 622	-4. 450	1. 00	0.000
	ATOM	315	CB	VAL A	26145. 500	-4. 093	-4. 208	1. 00	0. 00 C
	ATOM	316	CG	1 VAL A	26145. 793	-3. 607	-5. 619	1. 00	0. 00 C
	ATOM	317	CG	2 VAL A	26146. 010	-3. 097	-3. 177	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	318	H	VAL A	26144. 220	-5. 233	-2. 117	1. 00	0. 00 H
	MOTA	319	HA	VAL A	26143. 462	-3. 448	-4. 325	1. 00	0. 00 H
	ATOM	320	HB	VAL A	A 26146. 019	-5. 029	-4. 060		0. 00 H
	ATOM	321	1HG	31 VAL	A 26145. 913				0.00 H
	ATOM	322	2 2HC	31 VAL	A 26146. 700	-3. 022			0.00 H
25	ATOM	323	3 H(31 VAL	A 26144. 972	2 -2. 997	-5.968		0.00 H
	ATOM	324	4 1HC	G2 VAL	A 26146.053	-3.572	2 -2. 209		
	ATOM	32	5 2HO	G2 VAL	A 26145. 34				
	ATOM	32	6 3H	G2 VAL	A 26146. 99	8 -2. 762			
	ATOM	32	7 N	LYS	A 27143. 40°	2 -5.215	-6.206	3 1.00	0.00 N

						717			
	ATOM	328	CA	LYS A	27142. 994	-6. 233	-7. 167	1. 00	0.00 C
	ATOM	329	C	LYS A	27144. 201	-6. 795	-7. 911	1. 00	0.00 C
	ATOM	330	0	LYS A	27144. 125	-7. 090	-9. 103	1. 00	0.000
	ATOM	331	CB	LYS A	27141. 991	-5. 650	-8. 164	1. 00	0.00 C
5	ATOM	332	CG	LYS A	27142. 567	-4. 539	-9. 028	1. 00	0. 00 C
	ATOM	333	CD	LYS A	27141. 949	-4. 536	-10. 418	1. 00	0.00 C
	ATOM	334	CE	LYS A	27142. 791	-5. 328	-11. 406	1. 00	0.00 C
	ATOM	335	NZ	LYS A	27141. 989	-6. 363	-12. 115	1. 00	0.00 N
	ATOM	336	H	LYS A	27143. 561	-4. 300	-6. 518	1. 00	0.00 H
10	ATOM	337	НА	LYS A	27142. 519	-7. 033	-6.620	1. 00	0.00 H
	ATOM	338	1HB	LYS A	27141.647	-6. 440	-8. 815	1. 00	0.00 H
	ATOM	339	2HB	LYS A	27141. 149	-5. 252	-7.619	1. 00	0.00 H
	ATOM	340	1HG	LYS A	27142. 369	-3. 589	-8. 556	1. 00	0.00 H
	ATOM	341	2HG	LYS A	27143. 634	-4. 683	-9. 117	1. 00	0.00 H
15	MOTA	342	1HD	LYS A	27140. 966	-4. 979	-10. 364	1. 00	0.00 H
	MOTA	343	2HD	LYS A	27141. 868	-3. 516	-10. 762	1. 00	0.00 H
	ATOM	344	1HE	LYS A	27143. 204	-4. 646	-12. 134	1. 00	0.00 H
	ATOM	345	2HE	LYS A	27143. 595	-5. 812	-10.871	1. 00	0. 00 H
	ATOM	346	1HZ	LYS A	27142. 045	-7. 269	-11. 606	1. 00	0.00 H
20	ATOM	347	2HZ	LYS A	27142. 351	-6. 497	-13. 081	1. 00	0. 00 H
	ATOM	348	3HZ	LYS A	27140. 993	-6.068	-12. 168	1. 00	0. 00 H
	ATOM	349	N	GLU A	28145. 314	-6. 940	-7. 199	1. 00	0. 00 N
	ATOM	350	CA	GLU A	28146. 537	-7. 467	-7. 793	1. 00	0.00 C
	ATOM	351	C	GLU A	28146. 479	-8. 988	-7. 899	1. 00	0.00 C
25	ATOM	352	0	GLU A	28145. 509	-9. 614	-7. 472	1. 00	0.000
	ATOM	353	CB	GLU A	28147. 753	-7. 046	-6.964	1. 00	0.00 C
	ATOM	354	CG	GLU A	28148. 886	-6. 467	-7. 797	1. 00	0. 00 C
	ATOM	355	CD	GLU A	28150. 212	-6. 475	-7.064	1. 00	0.00 C
	ATOM	356	0E	1 GLU A	28150. 759	-5. 379	-6.815	1. 00	0.000

ATOM

ATOM

ATOM

ATOM

ATOM

ATOM

5

16781				420		PCT/JP	2003/010288
357	0E2	GLU A	28150. 704	-7. 575	-6. 738	1. 00	0.000
358	H	GLU A	28145. 312	-6. 687	-6. 252	1. 00	0.00 H
359	HA	GLU A	28146. 628	-7. 052	-8. 786	1. 00	0.00 H
360	1HB	GLU A	28147. 445	-6. 299	-6. 248	1. 00	0.00 H
361	2HB	GLU A	28148. 131	-7. 908	-6. 433	1. 00	0.00 H
362	1HG	GLU A	28148. 987	-7. 052	-8. 699	1. 00	0.00 H
363	2HG	GLU A	28148. 639	-5. 448	-8. 058	1. 00	0.00 H
364	N	ASN A	29147. 525	-9. 576	-8. 471	1. 00	0.00 N
365	CA	ASN A	29147. 594	-11. 024	-8. 632	1. 00	0.00 C
366	C	ASN A	29147. 522	-11. 726	-7. 277	1. 00	0.00 C
367	0	ASN A	29146. 628	-12. 537	-7. 037	1. 00	0.000
368	СВ	ASN A	29148. 882	-11. 416	-9. 358	1. 00	0.00 C
369	CG	ASN A	29148. 671	-11. 604	-10. 847	1. 00	0.00 C
370	OD 1	ASN A	29148. 987	-12.657	-11. 403	1. 00	0.000
371	ND2	ASN A	29148. 135	-10. 581	-11. 504	1. 00	0.00 N

ATOM ATOM ATOM ATOM 10 ATOM ATOM **ATOM ATOM ATOM** 15 0.00 H ATOM -8.7911.00 372 H ASN A 29148. 269 -9. 024 ASN A 0.00 H 29146. 747 -11. 331 -9.2281.00 ATOM 373 HA 1.00 0.00 H ATOM ASN A 29149. 620 -10. 641 -9.214374 1HB 0.00 H ATOM ASN A 29149. 253 -12. 343 -8.9461.00 375 2HB 1.00 0.00 H 20 ATOM 376 1HD2 ASN A 29147. 909 -9. 774 -10. 996 377 2HD2 ASN A 29147. 987 -10. 675 -12. 468 0.00 H 1.00 ATOM 30148. 467 -11. 421 0.00 N -6.3721.00 N PRO A **ATOM** 378 PRO A 30148. 507 -12. 026 -5.0391.00 0.00 C CA ATOM 379 PRO A -4.0990.00 C 380 C 30147. 460 -11. 429 1.00 **ATOM** 0.000 PRO A 30147. 579 -10. 276 -3.6821.00 25 **ATOM** 381 0 PRO A 30149. 915 -11. 691 -4.5491.00 0.00 C 382 CB ATOM 30150. 256 -10. 414 **-5.** 236 1.00 0.00 C CG PRO A ATOM 383 384 -6.5761.00 0.00 C ATOM CD PRO A 30149. 572 -10. 463 ATOM HA PRO A 30148. 384 -13. 098 **-**5. 085 1. 00 0.00 H 385

					4:	21			
	ATOM	386	1HB	PRO A	30149. 908 -1	1. 575	-3. 475	1. 00	0.00 H
	ATOM	387	2HB	PRO A	30150. 595 -1	2. 482	-4. 827	1. 00	0.00 H
	ATOM	388	1HG	PRO A	30149. 888 -	-9. 578	-4. 658	1, 00	0.00 H
	ATOM	389	2HG	PRO A	30151. 326 -1	10. 340	-5.363	1. 00	0.00 H
5	ATOM	390	1HD	PRO A	30149. 191 -	-9. 487	-6. 840	1. 00	0.00 H
	ATOM	391	2HD	PRO A	30150. 254 -	10. 817	-7. 334	1. 00	0.00 H
	ATOM	392	N	PRO A	31146. 417 -	12. 204	-3. 751	1. 00	0.00 N
	MOTA	393	CA	PRO A	31145. 353 -	11. 735	-2.857	1. 00	0. 00 C
	ATOM	394	C	PRO A	31145. 844 -	11. 540	-1.426	1. 00	0.00 C
10	ATOM	395	0	PRO A	31145. 741 -	12. 443	-0. 595	1. 00	0.000
	ATOM	396	CB	PRO A	31144. 313 -	12. 857	-2.917	1. 00	0. 00 C
	ATOM	397	CG	PRO A	31145. 088 -	14. 071	-3. 297	1. 00	0.00·C
	ATOM	398	CD	PRO A	31146. 191 -	13. 592	-4. 199	1. 00	0.00 C
	ATOM	399	HA	PRO A	31144. 914 -	10. 815	-3. 213	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	400	1HB	PRO A	31143. 847 -	12. 973	-1. 949	1. 00	0. 00 H
	ATOM	401	2HB	PRO A	31143. 565 -	12. 620	-3. 658	1. 00	0. 00 H
	ATOM	402	1HG	PRO A	31145. 501 -	14. 535	-2. 413	1. 00	0. 00 H
	ATOM	403	2HG	PRO A	31144. 449 -	14. 766	-3. 823	1. 00	0. 00 H
	ATOM	404	1HD	PRO A	31147. 078 -	-14. 192	-4. 061	1. 00	0.00 H
20	ATOM	405	2HD	PRO A	31145. 872 -	-13. 617	-5. 230	1. 00	0. 00 H
	ATOM	406	N	PHE A			-1. 146	1. 00	0. 00 N
	ATOM	407	CA	PHE A			0. 185	1. 00	0. 00 C
	ATOM	408	C	PHE A		−9. 083	0. 912	1. 00	0. 00 C
	ATOM	409	0	PHE A		-8. 562	0. 324	1. 00	0.000
25	MOTA	410	CB	PHE A	32148. 283	-9. 430	0. 090	1. 00	0. 00 C
	ATOM	411		PHE A		-8. 366	-0. 964	1. 00	0. 00 C
	ATOM	412		1 PHE A		−7. 185	-0. 859	1. 00	0. 00 C
	ATOM	413		2 PHE A		-8. 548	-2. 059		0. 00 C
	ATÓM	414	CE	1 PHE A	32147. 796	-6. 205	-1. 827	1. 00	0. 00 C

							422			
	ATOM	415	CE2	PHE	A	32149. 34	6 -7. 572	-3. 030	1. 00	0.00 C
	ATOM	416	CZ	PHE	A	32148. 62	6 -6.397	-2. 914	1. 00	0.00 C
	ATOM	417	H	PHE	A	32146. 43	0 -9.677	-1. 850	1. 00	0.00 H
	ATOM	418	HA	PHE	A	32146. 94	1 -10.963	0.744	1. 00	0.00 H
5	ATOM	419	1HB	PHE	A	32148. 54	0 -8. 987	1. 040	1. 00	0.00 H
	ATOM	420	2HB	PHE	A	32148. 99	4 -10. 210	-0. 141	1. 00	0.00 H
	ATOM	421	HD1	PHE	A	32147. 03	8 -7.032	-0.010	1. 00	0.00 H
	ATOM	422	HD2	PHE	A	32149. 79	6 -9.465	-2. 151	1. 00	0.00 H
	ATOM	423	HE 1	PHE	A	32147. 23	2 -5. 289	-1. 734	1. 00	0.00 H
10	ATOM	424	HE2	PHE	A	32149. 99	5 -7.724	-3. 879	1. 00	0.00 H
	ATOM	425	HZ	PHE	A	32148.71	2 -5.632	-3.672	1. 00	0.00 H
	ATOM	426	N	TYR	A	33146. 21	7 -8.856	2. 193	1. 00	0.00 N
	ATOM	427	CA	TYR	A	33145. 39	7 -7. 958	2. 999	1. 00	0.00 C
	ATOM	428	C	TYR	A	33146. 26	9 -6. 990	3. 793	1. 00	0.00 C
15	ATOM	429	0	TYR	A	33147. 27	70 -7. 387	4. 389	1. 00	0.000
	ATOM	430	CB	TYR	A	33144. 51	1 -8.763	3. 952	1. 00	0.00 C
	ATOM	431	CG	TYR	A	33143. 24	19 -9. 290	3. 306	1. 00	0.00 C
	ATOM	432	CD1	TYR	A	33142. 90	03 -10.632	3. 406	1. 00	0.00 C
	ATOM	433	CD2	TYR	. A	33142. 40)5 -8. 447	2. 595	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	434	CE 1	TYR	. A	33141. 7	51 -11. 118	2. 817	1. 00	0. 00 C
	ATOM	435	CE2	TYR	. A	33141. 2	51 -8.925	2. 003	1. 00	0. 00 C
	ATOM	436	CZ	TYR	A	33140. 9	29 -10. 261	2. 116	1. 00	0. 00 C
	ATOM	437	ОН	TYR	A	33139. 7	81 -10.740	1. 529	1. 00	0.000
	ATOM	438	H	TYR	A	33146. 9	87 -9. 300	2. 605	1. 00	0.00 H
25	MOTA	439	HA	TYR	A	33144. 7	69 -7. 392		1. 00	0. 00 H
	ATOM	440	1HB	TYR	R A	33145. 0	69 -9.608	4. 325	1. 00	0. 00 H
	ATOM	441	2HB	TYR			22 -8. 134		1. 00	0. 00 H
	ATOM	442	·HD1	TYR	R A		49 -11. 302		1. 00	0. 00 H
	ATOM	443	HD2	2 TYF	R A	33142. 6	61 -7.401	2. 507	1. 00	0. 00 H

	423
--	-----

	ATOM	444	HE1	TYR A	33141. 500 -	12. 165	2. 907	1. 00	0.00 H
	ATOM	445	HE2	TYR A	33140. 609	-8. 253	1. 455	1. 00	0.00 H
	ATOM	446	НН	TYR A	33139. 736 -	-10. 436	0.620	1. 00	0.00 H
	ATOM	447	N	GLY A	34145. 880	-5. 719	3. 796	1. 00	0.00 N
5	ATOM	448	CA	GLY A	34146. 637	-4. 715	4. 519	1. 00	0. 00 C
	ATOM	449	C	GLY A	34145. 778	-3. 546	4. 957	1. 00	0.00 C
	ATOM	450	0	GLY A	34144. 551	-3. 643	4. 984	1. 00	0.000
	ATOM	451	H	GLY A	34145. 074	-5. 462	3. 302	1. 00	0.00 H
	ATOM	452	1HA	GLY A	34147. 077	-5. 172	5. 393	1. 00	0.00 H
10	ATOM	453	2HA	GLY A	34147. 427	-4. 348	3. 881	1. 00	0.00 H
	ATOM	454	N	VAL A	35146. 423	-2. 435	5. 301	1. 00	0. 00 N
	ATOM	455	CA	VAL A	35145.710	-1. 242	5. 740	1. 00	0. 00 C
	ATOM	456	C	VAL A	35146. 363	0. 022	5. 187	1. 00	0. 00 C
	ATOM	457	0	VAL A	35147. 577	0. 070	4. 991	1. 00	0.000
15	ATOM	458	CB	VAL A	35145. 657	-1. 154	7. 279	1. 00	0. 00 C
	MOTA	459	CG1	VAL A	35147. 060	-1.060	7. 861	1. 00	0. 00 C
	ATOM	460	CG2	VAL A	35144. 809	0.029	7. 720	1. 00	0. 00 C
	ATOM	461	H	VAL A	35147. 402	-2. 420	5. 259	1. 00	0. 00 H
	ATOM	462	HA	VAL A	35144. 698	-1. 304	5. 370	1. 00	0.00 H
20	ATOM	463	HB	VAL A	35145. 199	-2. 057	7. 654	1. 00	0.00 H
	ATOM	464	1HG1	VAL A	35147. 690	-1. 812	7. 406	1. 00	0. 00 H
	ATOM	465	2HG1	VAL A	35147. 020	-1. 222	8. 927	1. 00	0. 00 H
	ATOM	466	3HG1	VAL A	35147. 468	-0. 080	7. 660	1. 00	0.00 H
	ATOM	467	1HG2	2 VAL A	35143. 784	-0. 133	7. 423	1. 00	0.00 H
25	ATOM	468	2HG2	2 VAL A	35145. 180	0. 932	7. 257	1. 00	
	ATOM	469	3HG2	2 VAL A	35144. 861	0. 129	8. 795	1. 00	
	ATOM	470	N	ILE A	36145. 548	1. 042	4. 939	1. 00	0.00 N
	ATOM	471	CA	ILE A	36146. 046	2. 306	4. 409	1. 00	
	ATOM	472	C	ILE A	36146. 970	2. 992	5. 410	1. 00	0. 00 C

							424			
	ATOM	473	0	ILE	A	36146. 688	3. 027	6. 607	1. 00	0.000
	ATOM	474	CB	ILE	A	36144. 891	3. 262	4. 051	1. 00	0. 00 C
	ATOM	475	CG1	ILE	A	36143. 876	2. 558	3. 149	1. 00	0.00 C
	ATOM	476	CG2	ILE	A	36145. 430	4. 514	3. 374	1. 00	0.00 C
5	ATOM	477	CD1	ILE	A	36142. 709	3. 435	2. 752	1. 00	0.00 C
	ATOM	478	H	ILE	A	36144. 590	0. 943	5. 117	1. 00	0.00 H
	ATOM	479	HA	ILE	A	36146. 603	2. 093	3. 508	1. 00	0.00 H
	ATOM	480	HB	ILE	A	36144. 404	3. 561	4. 967	1. 00	0.00 H
	ATOM	481	1HG1	ILE	A	36144. 369	2. 234	2. 246	1. 00	0.00 H
10	ATOM	482	2HG1	ILE	A	36143. 482	1. 695	3. 667	1. 00	0.00 H
	ATOM	483	1HG2	ILE	A	36146. 162	4. 235	2. 630	1. 00	0.00 H
	ATOM	484	2HG2	ILE	A	36145. 893	5. 152	4. 112	1. 00	0.00 H
	ATOM	485	3HG2	ILE	A	36144. 618	5.044	2. 898	1. 00	0.00 H
	ATOM	486	1HD1	ILE	A	36142. 535	3. 343	1. 690	1. 00	0.00 H
15	ATOM	487	2HD1	ILE	A	36142. 935	4. 464	2. 992	1. 00	0.00 H
	ATOM	488	3HD1	ILE	A	36141. 826	3. 126	3. 290	1. 00	0.00 H
	ATOM	489	N	ARG	A	37148. 076	3. 535	4. 910	1. 00	0.00 N
	ATOM	490	CA	ARG	A	37149. 042	4. 220	5. 761	1. 00	0. 00 C
	ATOM	491	C	ARG	A	37149. 240	5.664	5. 308	1. 00	0.00 C
20	ATOM	492	0	ARG	A	37148. 974	6. 601	6.060	1. 00	0.000
	ATOM	493	CB	ARG	A	37150. 382	3. 480	5. 742	1. 00	0.00 C
	ATOM	494	CG	ARG	A	37150. 258	1. 992	6. 024	1. 00	0.00 C
	ATOM	495	CD	ARG	A	37149. 607	1. 733	7. 373	1. 00	0.00 C
	ATOM	496	NE	ARG	A	37150. 302	2. 420	8. 458	1. 00	0. 00 N
25	ATOM	497	CZ	ARG	A	37149. 765	2. 653	9. 653	1. 00	0. 00 C
	ATOM	498	NH 1	l ARG	A	37148. 527	2. 255	9. 921	1. 00	0.00 N
	ATOM	499	NH2	2 ARG	A	37150. 467	3. 285	10. 584	1. 00	0. 00 N
	ATOM	500) H	ARC	A	37148. 246	3. 474	3. 947	1. 00	0.00 H
	ATOM	501	l HA	ARC	A	37148. 656	4. 221	6. 768	1. 00	0. 00 H

							125			
	ATOM	502	1HB	ARG	A	37150. 835	3. 605	4. 769	1.00	0.00 H
	ATOM	503	2HB	ARG	A	37151. 030	3. 914	6. 489	1. 00	0.00 H
	ATOM	504	1HG	ARG	A	37149.657	1. 537	5. 251	1. 00	0.00 H
	ATOM	505	2HG	ARG	A	37151. 245	1. 553	6.020	1. 00	0.00 H
5	ATOM	506	1HD	ARG	A	37148. 585	2. 079	7. 337	1. 00	0.00 H
	ATOM	507	2HD	ARG	A	37149. 620	0.670	7. 565	1. 00	0.00 H
	ATOM .	508	HE	ARG	A	37151. 219	2. 724	8. 288	1. 00	0.00 H
	ATOM	509	1HH1	ARG	A	37147. 992	1. 778	9. 224	1. 00	0.00 H
	ATOM	510	2HH1	ARG	A	37148. 129	2. 432	10.820	1. 00	0.00 H
10	ATOM	511	1HH2	ARG	A	37151. 400	3. 585	10. 387	1. 00	0.00 H
	ATOM	512	2HH2	ARG	A	37150.063	3. 460	11. 482	1. 00	0.00 H
	ATOM	513	N	TRP	A	38149. 705	5. 835	4. 075	1. 00	0.00 N
	ATOM	514	CA	TRP	A	38149. 938	7. 166	3. 525	1. 00	0. 00 C
	ATOM	515	C	TRP	A	38149. 254	7. 323	2. 169	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	516	0	TRP	A	38149. 360	6. 454	1. 304	1. 00	0.000
	ATOM	517	CB	TRP	A	38151. 441	7. 431	3. 388	1. 00	0. 00 C
	ATOM	518	CG	TRP	A	38151. 763	8. 666	2. 600	1. 00	0. 00 C
	ATOM	519	CD1	TRP	A	38151. 926	9. 931	3. 086	1. 00	0. 00 C
	ATOM	520	CD2	TRP	A	38151. 955	8. 752	1. 183	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	521	NE 1	TRP	A	38152. 207	10. 799	2. 058	1. 00	0.00 N
	ATOM	522	CE2	TRP	A	38152. 231	10. 098	0.880	1. 00	0.00 C
	ATOM	523	CE3	TRP	A	38151. 921	7. 821	0. 141	1. 00	0.00 C
	ATOM	524	CZ2	TRP	A	38152. 471	10. 535	-0. 422	1. 00	0. 00 C
	ATOM	525	CZ3	TRP	A	38152. 159	8. 254	-1. 149	1. 00	0.00 C
25	ATOM	526	CH2	TRF	A	38152. 431	9. 601	-1. 420	1. 00	0.00 C
	ATOM	527	H	TRF	A	38149. 898	5. 049	3. 523	1. 00	0.00 H
	ATOM	528	HA	TRF	A	38149. 516	7. 885	4. 211	1. 00	0. 00 H
	ATOM	529	1HB	TRF	A	38151. 871	7. 544	4. 373	1. 00	0.00 H
	ATOM	530	2HB	TRI	A	38151. 904	6. 589	2. 894	1. 00	0.00 H

						426			
	ATOM	531	HD1 7	TRP A	38151. 842	10. 198	4. 129	1. 00	0.00 H
	ATOM	532	HE1	TRP A	38152. 366	11. 761	2. 153	1. 00	0.00 H
	ATOM	533	HE3	TRP A	38151.713	6. 779	0. 331	1. 00	0.00 H
	ATOM	534	HZ2	TRP A	38152. 679	11. 570	-0.648	1. 00	0.00 H
5	ATOM	535	HZ3	TRP A	38152. 138	7. 548	-1.966	1. 00	0. 00 H
	ATOM	536	HH2	TRP A	38152.612	9. 895	-2. 444	1. 00	0.00 H
	MOTA	537	N	ILE A	39148. 559	8. 442	1. 993	1. 00	0.00 N
	ATOM	538	CA	ILE A	39147. 864	8. 725	0.744	1. 00	0.00 C
	ATOM	539	C	ILE A	39148. 314	10.064	0. 170	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	540	0	ILE A	39147. 947	11. 122	0.681	1. 00	0.000
	ATOM	541	CB	ILE A	39146. 337	8. 750	0. 942	1. 00	0. 00 C
	ATOM	542	CG1	ILE A	39145. 876	7. 502	1. 698	1. 00	0. 00 C
	ATOM	543	CG2	ILE A	39145. 630	8. 855	-0. 400	1. 00	0.00 C
	ATOM	544	CD1	ILE A	39144. 499	7. 639	2. 309	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	545	H	ILE A	39148. 519	9. 097	2. 721	1. 00	0. 00 H
	ATOM	546	HA	ILE A	39148. 104	7. 941	0. 041	1. 00	0.00 H
	ATOM	547	HB	ILE A	39146. 085	9. 626	1. 522	1. 00	0.00 H
	ATOM	548	1HG1	ILE A	39145. 854	6. 665	1. 016	1. 00	0.00 H
	ATOM	549	2HG1	ILE A	39146. 575	7. 294	2. 494	1. 00	0.00 H
20	ATOM	550	1HG2	ILE A	39146. 098	9. 626	-0. 994	1. 00	0.00 H
	ATOM	551	2HG2	ILE A	39144. 590	9. 104	-0. 243	1. 00	0.00 H
	ATOM	552	3HG2	ILE A	39145. 699	7. 909	-0. 918	1. 00	0.00 H
	ATOM	553	1HD1	ILE A	39144. 001	8. 499		1. 00	0.00 H
	ATOM	554	2HD1	ILE A	39144. 590				0.00 H
25	ATOM	555	3HD1	ILE A	39143. 922		2. 099		0.00 H
	ATOM	556	N	GLY A	40149. 115				0.00 N
	ATOM	557	CA	GLY A	40149. 604				
	ATOM	558	C	GLY A					
	ATOM	559	0	GLY A	40150.068	9. 916	-3. 447	1. 00	0.000

9. 141 0.00 H H GLY A 40149.379 -1.2521.00 ATOM 560 GLY A 40148.785 11. 925 -1.6031.00 0.00 H ATOM 561 1HA 562 2HA GLY A 40150.353 11.667 -0.8621.00 0.00 H ATOM ATOM 563 N GLN A 41150.892 12.010 -3.3941.00 0.00 N41151.525 11.919 -4.7031.00 0.00 C 5 ATOM 564 CA GLN A 12.311 -4.6181.00 0.00 C 565 C GLN A 41153.000 ATOM GLN A 41153. 325 13.461 -4.3211.00 0.000**ATOM** 566 0 GLN A 41150.799 12.825 -5.6961.00 0.00 C **ATOM** 567 CB GLN A 41149. 288 12.653 -5.6851.00 0.00 C **ATOM** 568 CG ATOM 569 CD GLN A 41148. 551 13.969 -5.8251.00 0.00 C 10 -4.8811.00 0.000 ATOM 570 OE1 GLN A 41148. 474 14. 755 -7.009 14. 216 1.00 0.00 N **ATOM** NE2 GLN A 41148. 004 571 12.844 -2.8861.00 0.00 H **ATOM** GLN A 41150.968 572 H ATOM 10.897 -5.0401.00 0.00 H HA GLN A 41151. 451 573 0.00 H **ATOM** 574 1HB GLN A 41151. 023 13.853 -5.4561.00 15 1.00 0.00 H 41151. 158 12.610 -6.690**ATOM** 575 2HB GLN A 1.00 0.00 H 41149.005 12.010 -6.504**ATOM** 576 1HG GLN A 12.192 -4.7521.00 0.00 H 577 2HG GLN A 41148.999 ATOM 0.00 H ATOM 578 1HE2 GLN A 41148. 106 13. 544 -7.7151.00 0.00 H -7.1301.00 20 **ATOM** 579 2HE2 GLN A 41147. 522 15.061 0.00 N 42153. 917 11.361 -4.8761.00 ATOM 580 N PRO A 0.00 C PRO A 42155.360 11.623 -4.8221.00 ATOM 581 CA PRO A 42155.779 12. 746 -5.7661.00 0.00 C **ATOM** 582 C 0.000 **ATOM** 0 PRO A 42155.066 13.071 -6.7151.00 583 0.00 C PRO A 42155.986 10. 295 -5.2611.00 25 ATOM 584 CB PRO A -5.0001.00 0.00 C CG 42154. 937 9. 272 **ATOM** 585 PRO A -5.2371.00 0.00 C CD 42153. 626 9. 962 ATOM 586 PRO A -3.8191.00 0.00 H 587 HA 42155.680 11.861 **ATOM** 588 1HB PRO A 10.344 **-6**. 311 1.00 0.00 H **ATOM** 42156. 239

1.00 0.00 C

ATOM

ATOM

617

C

	WO 2 004/016	781							PCT/JP	2003/010288
							428			
	ATOM	589	2HB	PR0	A	42156.877	10. 105	-4. 680	1. 00	0.00 H
	ATOM	590	1HG	PR0	A	42155. 053	8. 442	-5. 681	1. 00	0.00 H
	ATOM	591	2HG	PR0	A	42155. 002	8. 931	-3.976	1. 00	0.00 H
	ATOM	592	1HD	PRO	A	42153. 340	9. 882	-6.276	1. 00	0.00 H
5	ATOM	593	2HD	PR0	A	42152. 859	9. 550	-4. 598	1. 00	0. 00 H
	ATOM	594	N	PR0	A	43156. 951	13. 355	-5. 515	1. 00	0.00 N
	ATOM	595	CA	PRO	A	43157. 466	14. 446	-6. 347	1. 00	0. 00 C
	ATOM	596	C	PR0	A	43157. 941	13. 958	-7. 711	1. 00	0. 00 C
	ATOM	597	0	PRO	A	43159. 115	13. 636	-7. 891	1. 00	0.000
10	ATOM	598	CB	PRO	A	43158. 643	14. 986	-5. 535	1. 00	0. 00 C
	ATOM	599	CG	PR0	A	43159. 098	13. 830	-4. 714	1. 00	0.00 C
	ATOM	600	CD	PR0	A	43157.863	13. 027	-4. 403	1. 00	0. 00 C
	ATOM	601	HA	PR0	A	43156. 729	15. 225	-6. 481	1. 00	0.00 H
	ATOM	602	1HB	PR0	A	43159. 419	15. 323	-6. 207	1. 00	0.00 H
15	ATOM	603	2HB	PRO	A	43158. 312	15. 805	-4. 915	1. 00	0. 00 H
	ATOM	604	1HG	PRO	A	43159. 800	13. 233	-5. 277	1. 00	0. 00 H
	ATOM	605	2HG	PR0	A	43159. 553	14. 185	-3.800	1. 00	0. 00 H
	ATOM	606	1HD	PRO	A	43158. 092	11. 973	-4. 391	1. 00	0. 00 H
	ATOM	607	2HD	PR0	A	43157. 442	13. 334	-3. 457	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	608	N	GLY	A	44157. 022	13. 906	-8. 667	1. 00	0. 00 N
	ATOM	609	CA	GLY	A	44157. 369	13. 457	-10.002	1. 00	0. 00 C
	ATOM	610	C	GLY	A	44156. 170	12. 942	-10. 771	1. 00	0. 00 C
	ATOM	611	0	GLY	A	44155. 925	13. 359	-11. 903	1. 00	0.000
	ATOM	612	H	GLY	A	44156. 101	14. 175	-8. 467	1. 00	0. 00 H
25	5 ATOM	613	1HA	GLY	A	44157. 804	14. 281	-10. 546	1. 00	0.00 H
	ATOM	614	2HA	GLY	A	44158. 100	12. 664	-9. 924	1. 00	0.00 H
	ATOM	615	N	LEU	J A	45155. 420	12. 034	-10. 156	1. 00	0. 00 N

616 CA LEU A 45154. 240 11. 463 -10. 793 1. 00 0. 00 C

LEU A 45152. 994 11. 726 -9. 956

429
マレノ

	ATOM	618	0	LEU A	45152. 847	11. 184 -8. 860	1. 00	0.000
	ATOM	619	CB	LEU A	45154. 422	9. 959 -10. 999	1. 00	0.00 C
	ATOM	620	CG	LEU A	45154. 906	9. 191 -9. 766	1. 00	0.00 C
	ATOM	621	CD1	LEU A	45154. 533	7. 718 -9. 873	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	622	CD2	LEU A	45156. 411	9. 354 -9. 592	1. 00	0.00 C
	ATOM	623	H	LEU A	45155. 664	11. 743 -9. 251	1. 00	0.00 H
	ATOM	624	HA	LEU A	45154. 119	11. 938 -11. 754	1. 00	0.00 H
	ATOM	625	1HB	LEU A	45153. 476	9. 542 -11. 310	1. 00	0.00 H
	ATOM	626	2HB	LEU A	45155. 140	9. 810 -11. 791	1. 00	0.00 H
10	ATOM	627	HG	LEU A	45154. 421	9. 594 -8. 889	1. 00	0.00 H
	MOTA	628	1HD1	LEU A	45155. 414	7. 111 -9. 728	1. 00	0.00 H
	ATOM	629	2HD1	LEU A	45154. 117	7. 521 -10. 849	1. 00	0.00 H
	ATOM	630	3HD1	LEU A	45153. 803	7. 477 -9. 114	1. 00	0.00 H
	ATOM	631	1HD2	LEU A	45156.770	10. 126 -10. 257	1. 00	0.00 H
15	ATOM	632	2HD2	LEU A	45156. 904	8. 422 -9. 824	1. 00	0.00 H
	ATOM	633	3HD2	LEU A	45156.626	9. 631 -8. 571	1. 00	0.00 H
	ATOM	634	N	ASN A	46152. 096	12. 558 -10. 474	1. 00	0.00 N
	ATOM	635	CA	ASN A	46150. 868	12. 879 -9. 761	1. 00	0. 00 C
	ATOM	636	C	ASN A	46149. 905	11. 697 -9. 796	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	637	0	ASN A	46149. 319	11. 390 -10. 834	1. 00	0.000
	ATOM	638	CB	ASN A	46150. 205	14. 113 -10. 378	1. 00	0. 00 C
	ATOM	639	CG	ASN A	46149. 419	14. 917 -9. 361	1. 00	0. 00 C
	ATOM	640	ÒD 1	ASN A	46148. 199	15. 047 -9. 464	1. 00	0.000
	ATOM	641	ND2	ASN A	46150. 117	15. 463 -8. 372	1. 00	0.00 N
25	ATOM	642	H	ASN A	46152. 264	12. 961 -11. 350	1. 00	0.00 H
	ATOM	643	HA	ASN A	46151. 123	13. 092 -8. 733	1. 00	0.00 H
	ATOM	644	1HB	ASN A	46150. 967	14. 749 -10. 800	1. 00	0.00 H
	ATOM	645	2HB	ASN A	46149. 530	13. 797 -11. 160	1. 00	0.00 H
	ATOM	646	1HD2	2 ASN A	46151. 086	15. 318 -8. 353	1. 00	0.00 H

			-				430			
	ATOM	647	2HD2	ASN	A	46149.634	15. 989	-7. 700	1. 00	0.00 H
	ATOM	648	N	GLU	A	47149. 747	11. 040	-8.654	1. 00	0.00 N
	ATOM	649	CA	GLU	A	47148. 857	9. 891	-8. 546	1. 00	0.00 C
	ATOM	650	C	GLU	A	47148. 612	9. 532	-7. 084	1. 00	0.00 C
5	ATOM	651	0	GLU	A	47149. 551	9. 232	-6. 346	1. 00	0.000
	ATOM	652	CB	GLU	A	47149. 445	8. 687	-9. 288	1. 00	0.00 C
	ATOM	653	CG	GLU	A	47150. 953	8. 556	-9. 150	1. 00	0. 00 C
	ATOM	654	CD	GLU	A	47151. 556	7. 633	-10. 192	1. 00	0.00 C
	ATOM	655	0E1	GLU	A	47151.850	6. 467	-9. 853	1. 00	0.000
10	ATOM	656	0E2	GLU	A	47151. 731	8.076	-11. 347	1. 00	0.000
	ATOM	657	H	GLU	A	47150. 243	11. 335	-7.862	1. 00	0.00 H
	ATOM	658	HA	GLU	A	47147. 916	10. 158	-9.000	1. 00	0.00 H
	ATOM	659	1HB	GLU	A	47148. 991	7. 786	-8. 902	1. 00	0.00 H
	ATOM	660	2HB	GLU	A	47149. 208	8. 776	-10. 338	1. 00	0.00 H
15.	ATOM	661	1HG	GLU	A	47151. 398	9. 534	-9. 258	1. 00	0.00 H
	ATOM	662	2HG	GLU	A	47151. 182	8. 166	-8. 169	1. 00	0.00 H
	ATOM	663	N	VAL	A	48147. 351	9. 557	-6.671	1. 00	0.00 N
	ATOM	664	CA	VAL	A	48146. 997	9. 226	-5. 298	1. 00	0.00 C
	ATOM	665	C	VAL	A	48147. 343	7. 775	-4. 989	1. 00	0.00 C
20	ATOM	666	0	VAL	. A	48146. 591	6.861	-5. 329	1. 00	0.000
	ATOM	667	CB	VAL	, A	48145. 499	9. 456	-5.029	1. 00	0.00 C
	ATOM	668	CG1	VAL	, A	48145. 192	9. 299	-3. 547	1. 00	0.00 C
	ATOM	669	CG2	VAL	. A	48145. 072	10. 828	-5. 527	1. 00	0. 00 C
	ATOM	670	H	VAI	. A	48146. 643	9. 799	-7. 304	1. 00	0.00 H
25	ATOM	671	HA	VAI	. A	48147. 567	9. 869	-4. 641	1. 00	0.00 H
	ATOM	672	НВ	VAI	A	48144. 938	8. 708	-5. 570	1. 00	0.00 H
	ATOM	673	1HG	VAI	A	48144. 163	9. 571	-3. 362	1. 00	0.00 H
	ATOM	674	2HG	l VAI	LA	48145. 843	9. 943	-2. 974	1. 00	0. 00 H
	ATOM	675	3HG	l VAI	LA	48145. 351	8. 273	-3. 252	1. 00	0. 00 H

ATOM

WO 2004/016781		781							PCT/JP2003/010288	
							431			
	ATOM	676	1HG2	VAL A	A	48144. 130	11. 099	-5. 073	1. 00	0.00 H
	ATOM	677	2HG2	VAL A	٨	48144. 958	10. 801	-6.601	1. 00	0.00 H
	ATOM	678	3HG2	VAL A	A	48145. 822	11. 558	-5. 263	1. 00	0.00 H
	ATOM	679	N	LEU A	A	49148. 487	7. 569	-4. 345	1. 00	0.00 N
5	ATOM	680	CA	LEU A	A	49148. 934	6. 227	-3. 994	1. 00	0.00 C
	ATOM	681	C	LEU .	A	49148. 788	5. 983	-2. 498	1. 00	0.00 C
	ATOM	682	0	LEU .	A	49149. 449	6. 633	-1. 687	1. 00	0.000
	ATOM	683	CB	LEU .	A	49150. 390	6. 023	-4. 417	1. 00	0.00 C
	ATOM	684	CG	LEU .	A	49150.667	6. 237	-5. 906	1. 00	0.00 C
10	ATOM	685	CD1	LEU	A	49152. 113	6.656	-6. 125	1. 00	0.00 C
	ATOM	686	CD2	LEU	A	49150. 352	4. 974	-6. 693	1. 00	0.00 C
	ATOM	687	H	LEU	A	49149. 045	8. 336	-4. 102	1. 00	0.00 H
	ATOM	688	HA	LEU	A	49148. 313	5. 521	-4. 524	1. 00	0.00 H
	ATOM	689	1HB	LEU	A	49151. 005	6. 711	-3. 855	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	690	2HB	LEU	A	49150. 680	5. 015	-4. 162	1. 00	0. 00 H
	ATOM	691	HG	LEU	A	49150. 032	7. 029	-6. 275	1. 00	0. 00 H
	ATOM	692	1HD1	LEU	A	49152. 177	7. 734	-6. 140	1. 00	0. 00 H
	ATOM	693	2HD1	LEU	A	49152. 464	6. 261	-7. 067	1. 00	0.00 H
	ATOM	694	3HD1	LEU	A	49152. 725	6. 271	-5. 323	1. 00	0.00 H
20) ATOM	695	1HD2	LEU	A	49151. 242	4. 367	-6. 770	1. 00	0. 00 H
	ATOM	696	2HD2	LEU	A	49150. 012	5. 241	-7. 682	1. 00	0. 00 H
	ATOM	697	3HD2	LEU	A	49149. 579	4. 416	-6. 185	1. 00	0.00 H
	ATOM	698	N	ALA	A	50147. 919	5. 047	-2. 139	1. 00	0.00 N
	ATOM	699	CA	ALA	A	50147. 689	4. 724	-0. 738	1. 00	0. 00 C
2	5 ATOM	700	C	ALA	A	50148. 600	3. 591	-0. 281	1. 00	0.00 C
	ATOM	701	0	ALA	A	50148. 489	2. 461	-0. 758	1. 00	0.000
	ATOM	702	CB	ALA	A	50146. 230	4. 357	-0. 514	1. 00	0. 00 C
	ATOM	703	Н	ALA	A	50147. 421	4. 564	-2. 831	1. 00	0.00 H

704 HA ALA A 50147. 909 5. 608 -0. 156 1. 00 0. 00 H

							732			
	ATOM	705	1HB	ALA	A	50145. 901	4. 754	0. 435	1. 00	0.00 H
	ATOM	706	2HB	ALA	A	50146. 126	3. 282	-0.509	1. 00	0.00 H
	ATOM	707	3HB	ALA	A	50145. 628	4. 775	-1. 307	1. 00	0.00 H
	ATOM	708	N	GLY	A	51149. 502	3. 899	0.645	1. 00	0.00 N
5	ATOM	709	CA	GLY	A	51150. 420	2. 895	1. 151	1. 00	0. 00 C
	ATOM	710	C	GLY	A	51149. 722	1. 838	1. 983	1. 00	0.00 C
	ATOM	711	0	GLY	A	51149. 241	2. 120	3. 081	1. 00	0.000
	ATOM	712	H	GLY	A	51149. 545	4.816	0. 988	1. 00	0.00 H
	ATOM	713	1HA	GLY	A	51150. 907	2. 415	0. 315	1. 00	0.00 H
10	ATOM	714	2HA	GLY	A	51151. 168	3. 381	1. 759	1. 00	0.00 H
	ATOM	715	N	LEU	A	52149.667	0. 617	1.461	1. 00	0.00 N
	ATOM	716	CA	LEU	A	52149. 023	-0. 486	2. 164	1. 00	0. 00 C
	ATOM	717	C	LEU	A	52150.052	-1. 340	2. 897	1. 00	0. 00 C
	ATOM	718	0	LEU	A	52151.062	-1. 744	2. 320	1. 00	0.000
15	ATOM	719	CB	LEU	A	52148. 231	-1. 352	1. 183	1. 00	0.00 C
	ATOM	720	CG	LEU	A	52146. 974	-0. 695	0.609	1. 00	0.00 C
	ATOM	721	CD1	LEU	A	52146. 452	-1. 490	-0. 579	1. 00	0. 00 C
	ATOM	722	CD2	LEU	A	52145. 903	-0. 569	1. 680	1. 00	0.00 C
	ATOM	723	H	LEU	A	52150.068	0. 453	0. 582	1. 00	0.00 H
20	ATOM	724	HA	LEU	A	52148. 342	-0.064	2. 889	1. 00	0.00 H
	ATOM	725	1HB	LEU	A	52148. 882	-1. 616	0.362	1. 00	0.00 H
	ATOM	726	2HB	LEU	A	52147. 935	-2. 258	1. 692	1. 00	0.00 H
	ATOM	727	HG	LEU	A	52147. 222	0. 298	0. 262	1. 00	0.00 H
	ATOM	728	1HD1	LEU	A	52145. 685	-2. 174	-0. 246	1. 00	0.00 H
25	ATOM	729	2HD1	LEU	A	52147. 263	-2. 047	-1. 023	1. 00	0.00 H
	ATOM	730	3HD1	LEU	A	52146. 037	-0. 812	-1. 311	1. 00	0.00 H
	ATOM	731	1HD2	LEU	A	52145. 344	0. 343	1. 526	1. 00	0.00 H
	ATOM	732	2HD2	LEU	I A	52146. 368	-0. 544	2. 655	1. 00	0.00 H
	ATOM	733	3HD2	LEU	J A	52145. 234	-1. 414	1. 622	1. 00	0.00 H

							433			
	ATOM	734	N	GLU	A	53149. 790	-1. 612	4. 171	1. 00	0.00 N
	ATOM	735	CA	GLU	A	53150. 694	-2. 418	4. 983	1. 00	0.00 C
	ATOM	736	C	GLU	A	53150. 200	-3. 859	5.076	1. 00	0.00 C
	ATOM	737	0	GLU	A	53149. 205	-4. 142	5. 744	1. 00	0.000
5	ATOM	738	CB	GLU	A	53150. 826	-1. 819	6. 384	1. 00	0. 00 C
	ATOM	739	CG	GLU	A	53151. 783	-2. 584	7. 284	1. 00	0.00 C
	ATOM	740	CD	GLU	A	53151. 317	-2. 629	8. 726	1. 00	0.00 C
	ATOM	741	0E1	GLU	A	53151. 200	-1. 550	9. 345	1. 00	0.000
	ATOM	742	0E2	GLU	A	53151. 071	-3. 742	9. 236	1. 00	0.000
10	ATOM	743	H	GLU	A	53148. 969	-1. 262	4. 575	1. 00	0.00 H
	ATOM	744	HA	GLU	A	53151. 662	-2. 413	4. 505	1. 00	0.00 H
	ATOM	745	1HB	GLU	A	53151. 182	-0. 804	6. 297	1. 00	0.00 H
	ATOM	746	2HB	GLU	A	53149. 854	-1. 812	6.853	1. 00	0.00 H
	ATOM	747	1HG	GLU	A	53151. 870	-3. 597	6. 919	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	748	2HG	GLU	A	53152. 751	-2. 105	7. 248	1. 00	0.00 H
	ATOM	749	N	LEU	A	54150. 903	-4. 765	4. 405	1. 00	0.00 N
	ATOM	750	CA	LEU	A	54150. 537	-6. 176	4. 412	1. 00	0.00 C
	ATOM	751	C	LEU	A	54150. 705	-6. 775	5.805	1. 00	0.00 C
	ATOM	752	0	LEU	A	54151. 577	-6. 360	6. 568	1. 00	0.000
20	ATOM	753	CB	LEU	A	54151. 389	-6. 950	3. 404	1. 00	0.00 C
	ATOM	754	CG	LEU	A	54151. 447	-6. 342	2.002	1. 00	0.00 C
	ATOM	755	CD1	LEU	I A	54152. 766	-6. 680	1. 327	1. 00	0.00 C
	ATOM	756	CD2	LEU	J A	54150. 276	6. 829	1. 162	1. 00	0. 00 C
•	ATOM	757	H	LEU	J A	54151. 686	3 -4. 477	3. 891	1. 00	0.00 H
25	MOTA	758	HA	LEU	JA	54149. 498	3 -6. 250	4. 124	1. 00	0.00 H
	ATOM	759	1HB	LEU	J A	54152. 396	6 -7.013	3. 790	1. 00	0. 00 H
	ATOM	760	2HB	LEU	J A	54150. 990	7. 951	3. 321	1. 00	0.00 H
	ATOM	761	HG	LEU	J A	54151. 378	3 -5. 266	2. 081	1. 00	0.00 H
	ATOM	762	1HD1	LEU	J A	54153. 136	6 -7.620	1. 710	1. 00	0. 00 H

ATOM

•	W U 2004/016	/91							PC I/JP	2003/010288
							434			
	ATOM	763	2HD1	LEU .	A	54153. 485	-5. 901	1. 531	1. 00	0.00 H
	ATOM	764	3HD1	LEU .	A	54152. 615	-6. 761	0. 261	1. 00	0.00 H
	ATOM	765	1HD2	LEU .	A	54149. 455	-7. 099	1. 811	1. 00	0.00 H
	ATOM	766	2HD2	LEU .	A	54150. 578	-7. 692	0. 589	1. 00	0.00 H
5	ATOM	767	3HD2	LEU	A	54149. 962	-6. 043	0. 492	1. 00	0.00 H
	ATOM	768	N	GLU	A	55149. 864	-7. 752	6. 128	1. 00	0.00 N
	ATOM	769	CA	GLU	A	55149. 920	-8. 408	7. 429	1. 00	0.00 C
	ATOM	770	C	GLU	A	55151.075	-9. 402	7. 489	1. 00	0.00 C
	ATOM	771	0	GLU	A	55151.677	-9. 606	8. 543	1. 00	0.000
10	ATOM	772	CB	GLU	A	55148. 600	-9. 124	7. 719	1. 00	0.00 C
	ATOM	773	CG	GLU	A	55147. 559	-8. 237	8. 381	1. 00	0.00 C
	ATOM	774	CD	GLU	A	55146. 145	-8. 576	7. 952	1. 00	0. 00 C
	ATOM	775	0E 1	GLU	A	55145. 281	-7. 675	7. 989	1. 00	0.000
	ATOM	776	0E2	GLU	A	55145. 902	-9. 743	7. 576	1. 00	0.000
15	ATOM	777	H	GLU	A	55149. 191	-8. 038	5. 477	1. 00	0.00 H
	ATOM	778	HA	GLU	A	55150. 077	-7. 646	8. 178	1. 00	0.00 H
	ATOM	779	1HB	GLU	A	55148. 191	-9. 491	6. 789	1. 00	0.00 H
	ATOM	780	2HB	GLU	A.	55148. 794	-9. 962	8. 371	1. 00	0. 00 H
	ATOM	781	1HG	GLU	A	55147. 631	-8. 356	9. 452	1. 00	0.00 H
20	ATOM	782	2HG	GLU	A	55147. 762	-7. 209	8. 120	1. 00	0.00 H
	ATOM	783	N	ASP	A	56151. 380	-10. 017	6. 351	1. 00	0.00 N
	ATOM	784	CA	ASP	A	56152. 464	-10. 989	6. 275	1. 00	0. 00 C
	ATOM	785	C	ASP	A	56153. 720	-10. 358	5. 682	1. 00	0.00 C
	ATOM	786	0	ASP	A	56153. 639	-9. 461	4. 844	1. 00	0.000
25	ATOM	787	CB	ASP	A	56152. 038	-12. 194	5. 434	1. 00	0.00 C
	ATOM	788	CG	ASP	A	56152. 656	-13. 489	5. 924	1. 00	0. 00 C
	ATOM	789	0D1	ASP	A	56151. 930	-14. 502	5. 999	1. 00	0.000
	ATOM	790	0D2	ASP	A	56153. 866	-13. 489	6. 233	1. 00	0.000

791 H ASP A 56150. 865 -9. 811 5. 544 1. 00 0. 00 H

1	WO 2004/016	781							PCT/JP	2003/010288
							435			
	ATOM	792	HA	ASP .	A	56152. 682 -	-11. 322	7. 278	1. 00	0. 00 H
	ATOM	793	1HB	ASP .	A	56150. 963 -	-12. 292	5. 474	1. 00	0.00 H
	ATOM	794	2HB	ASP .	A	56152. 343 -	-12. 036	4. 409	1. 00	0.00 H
	ATOM	795	N	GLU	A	57154. 880 -	-10. 835	6. 122	1. 00	0.00 N
5	ATOM	796	CA	GLU	A	57156. 153 -	-10. 318	5. 635	1. 00	0. 00 C
	ATOM	797	C	GLU	A	57156. 464	-10. 862	4. 244	1. 00	0.00 C
	ATOM	798	0	GLU	A	57157. 189	-11. 845	4. 098	1. 00	0.000
	ATOM	799	CB	GLU	A	57157. 281	-10. 684	6. 601	1. 00	0.00 C
	ATOM	800	CG	GLU	A	57157. 059 ·	-10. 172	8. 016	1. 00	0.00 C
10	ATOM	801	CD	GLU	A	57156. 643	-11. 271	8. 975	1. 00	0.00 C
	ATOM	802	0E1	GLU	A	57155. 525	-11. 806	8. 817	1. 00	0.000
	ATOM	803	0E2	GLU	A	57157. 435	-11. 596	9. 885	1. 00	0.000
	ATOM	804	H	GLU	A	57154. 880	-11. 552	6. 790	1. 00	0.00 H
	ATOM	805	HA	GLU	A	57156. 074	-9. 242	5. 579	1. 00	0.00 H
15	ATOM	806	1HB	GLU	A	57157. 370	-11. 760	6. 641	1. 00	0.00 H
	ATOM	807	2HB	GLU	A	57158. 206	-10. 268	6. 231	1. 00	0.00 H
	ATOM	808	1HG	GLU	A	57157. 977	-9. 732	8. 374	1. 00	0.00 H
	ATOM	809	2HG	GLU	A	57156. 284	-9. 419	7. 995	1. 00	0.00 H
	ATOM	810	N	CYS	A	58155. 911	-10. 214	3. 224	1. 00	0.00 N
20	ATOM	811	CA	CYS	A	58156. 129	-10. 631	1. 844	1. 00	0.00 C
	ATOM	812	C	CYS	A	58157. 505	-10. 192	1. 354	1. 00	0.00 C
	ATOM	813	0	CYS	A	58157. 859	-9. 016	1. 437	1. 00	0.000
	ATOM	814	CB	CYS	A	58155. 043	-10. 051	0. 935	1. 00	0.00 C
	ATOM	815	SG	CYS	A	58153. 516	-11. 020	0. 901	1. 00	0.00 S
25	ATOM	816	H	CYS	A	58155. 341	-9. 436	3. 404	1. 00	0.00 H
	ATOM	817	HA	CYS	A	58156. 076	-11. 709	1. 812	1. 00	0.00 H
	ATOM	818	1HB	CYS	A	58154. 793	-9. 057	1. 275	1. 00	0.00 H
	ATOM	819	2HB	CYS	A	58155. 420	-9.996	-0. 075	1. 00	0.00 H
	ATOM	820	HG	CYS	A	58153. 511	-11. 593	1. 672	1. 00	0.00 H

436
436

	ATOM	821	N	ALA A	59158. 278	-11. 145	0. 842	1. 00	0.00 N
	ATOM	822	CA	ALA A	59159. 615	-10. 857	0. 338	1. 00	0.00 C
	ATOM	823	C	ALA A	59159. 552	-10. 057	-0. 958	1. 00	0.00 C
	ATOM	824	0	ALA A	59159. 080	-10. 551	-1. 981	1. 00	0.000
5	ATOM	825	CB	ALA A	59160. 388	-12. 149	0. 126	1. 00	0. 00 C
	ATOM	826	H	ALA A	59157. 939	-12.064	0.802	1. 00	0.00 H
	ATOM	827	HA	ALA A	59160. 133	-10. 274	1. 085	1. 00	0.00 H
	ATOM	828	1HB	ALA A	59159. 764	-12. 860	-0. 395	1. 00	0.00 H
	ATOM	829	2HB	ALA A	59160. 677	-12. 557	1. 084	1. 00	0.00 H
10	ATOM	830	ЗНВ	ALA A	59161. 272	-11. 948	-0. 460	1. 00	0.00 H
	ATOM	831	N	GLY A	60160. 031	-8. 818	-0. 907	1. 00	0.00 N
	ATOM	832	CA	GLY A	60160. 020	-7. 970	-2.084	1. 00	0.00 C
	ATOM	833	C	GLY A	60159. 553	-6. 560	-1. 778	1. 00	0.00 C
	ATOM	834	0	GLY A	60159. 945	-5. 608	-2. 455	1. 00	0.000
15	ATOM	835	H	GLY A	60160.396	-8. 478	-0.063	1. 00	0. 00 H
	ATOM	836	1HA	GLY A	60161. 020	-7. 926	-2. 491	1. 00	0.00 H
	ATOM	837	2HA	GLY A	60159.362	-8. 403	-2.821	1. 00	0.00 H
	ATOM	838	N	CYS A	61158.713	-6. 425	-0. 757	1. 00	0.00 N
	ATOM	839	CA	CYS A	61158. 192	-5. 122	-0.363	1. 00	0.00 C
20	ATOM	840	C	CYS A	61159. 189	-4. 380	0. 519	1. 00	0.00 C
	ATOM	841	0	CYS A	61160. 222	-4. 931	0.904	1. 00	0.000
	ATOM	842	CB	CYS A	61156.861	-5. 283	0. 375	1. 00	0.00 C
	ATOM	843	SG	CYS A	61155. 608	-6 . 197	-0. 553	1. 00	0.00 S
	ATOM	844	H	CYS A	61158. 438	-7. 221	-0. 257	1. 00	0.00 H
25	ATOM	845	HA	CYS A	61158. 026	-4. 545	-1. 262	1. 00	0.00 H
	ATOM	846	1HB	CYS A	61157. 035	-5. 812	1. 301	1. 00	0.00 H
	ATOM	847	2HB	CYS A	61156. 460	-4. 305	0. 595	1. 00	0.00 H
	ATOM	848	HG	CYS A	61154. 811	-5. 662	-0. 582	1. 00	0.00 H
	ATOM	849	N	THR A	62158. 876	-3. 128	0.835	1. 00	0.00 N

							437			
	ATOM	850	CA	THR	A	62159. 746	-2. 310	1. 673	1. 00	0. 00 C
	ATOM	851	С	THR	A	62159. 171	-2. 169	3. 078	1. 00	0. 00 C
	ATOM	852	0	THR	A	62158. 132	-2. 748	3. 397	1. 00	0.000
	ATOM	853	CB	THR	A	62159. 940	-0. 929	1. 047	1. 00	0.00 C
5	ATOM	854	0 G1	THR	A	62158. 694	-0. 283	0.860	1. 00	0.000
	ATOM	855	CG2	THR	A	62160. 641	-0. 973	-0. 294	1. 00	0.00 C
	ATOM	856	H	THR	A	62158. 040	-2. 744	0. 498	1. 00	0.00 H
	ATOM	857	HA	THR	A	62160.704	-2. 805	1. 737	1. 00	0.00 H
	ATOM	858	HB	THR	A	62160. 540	-0. 325	1.712	1.00	0.00 H
10.	ATOM	859	HG1	THR	A	62158. 840	0.602	0. 518	1.00	0.00 H
	ATOM	860	1HG2	THR	A	62160. 440	-1. 919	-0.774	1. 00	0.00 H
	ATOM	861	2HG2	THR	A	62161.705	-0.862	-0. 148	1. 00	0.00 H
	ATOM	862	3HG2	THR	A	62160. 277	-0. 169	-0. 917	1. 00	0.00 H
	ATOM	863	N	ASP	A	63159. 853	-1. 394	3. 916	1. 00	0. 00 N
15	ATOM	864	CA	ASP	A	63159. 410	-1. 175	5. 289	1. 00	0.00 C
	ATOM	865	C	ASP	A	63158. 661	0. 148	5. 414	1. 00	0.00 C
	ATOM	866	0	ASP	A	63158. 703	0.800	6. 457	1. 00	0.000
	ATOM	867	CB	ASP	A	63160. 606	-1. 189	6. 241	1. 00	0.00 C
	ATOM	868	CG	ASP	A	63161. 704	-0. 240	5.805	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	869	OD 1	ASP	A	63161.752	0. 893	6. 328	1. 00	0.000
	ATOM	870	OD2	ASP	A	63162. 517	-0. 629	4. 939	1. 00	0.000
	ATOM	871	H	ASP	A	63160. 674	-0. 958	3.604	1. 00	0. 00 H
	ATOM	872	HA	ASP	A	63158. 741	-1. 980	5. 553	1. 00	0. 00 H
	ATOM	873	1HB	ASP	A	63160. 276	-0. 899	7. 227	1. 00	0.00 H
25	ATOM	874	2HB	ASP	A	63161.013	-2. 189	6. 282	1. 00	0.00 H
	ATOM	875	N	GLY	. A	64157. 976	0. 538	4. 344	1. 00	0.00 N
	ATOM	876	CA	GLY	. A	64157. 227	1. 781	4. 356	1. 00	0.00 C
	ATOM	877	C	GLY	7 A	64157. 980	2. 918	3. 692	1. 00	0.00 C
	ATOM	878	0	GLY	A N	64158. 006	4. 037	4. 204	1. 00	0.000

							430			
	ATOM	879	H	GLY	A	64157. 978	-0.022	3. 540	1. 00	0.00 H
	ATOM	880	1HA	GLY	A	64156. 292	1. 631	3. 836	1. 00	0.00 H
	ATOM	881	2HA	GLY	A	64157. 018	2. 053	5. 380	1. 00	0.00 H
	ATOM	882	N	THR	A	65158. 594	2. 630	2. 549	1. 00	0.00 N
5	ATOM	883	CA	THR	A	65159. 351	3. 636	1814	1. 00	0. 00 C
	ATOM	884	C	THR	A	65159. 077	3. 536	0. 317	1. 00	0.00 C
	ATOM	885	0	THR	A	65159. 346	2. 511	-0.307	1. 00	0.000
	ATOM	886	CB	THR	A	65160.848	3. 475	2. 081	1. 00	0.00 C
	ATOM	887	0G1	THR	A	65161. 266	2. 148	1. 810	1. 00	0.000
10	ATOM	888	CG2	THR	A	65161. 239	3. 795	3. 508	1. 00	0. 00 C
	ATOM	889	H	THR	A	65158. 536	1. 720	2. 192	1. 00	0.00 H
	ATOM	890	HA	THR	A	65159. 035	4. 608	2. 162	1. 00	0.00 H
	ATOM	891	HB	THR	A	65161.394	4. 143	1. 431	1. 00	0.00 H
	ATOM	892	HG1	THR	A	65161.056	1. 927	0. 900	1. 00	0.00 H
15	ATOM	893	1HG2	THR	A	65160. 578	4. 555	3. 900	1. 00	0.00 H
,	ATOM	894	2HG2	THR	A	65162. 256	4. 158	3. 530	1. 00	0.00 H
	ATOM	895	3HG2	THR	A	65161.162	2. 904	4. 112	1. 00	0.00 H
	ATOM	896	N	PHE	A	66158. 540	4. 610	-0. 254	1. 00	0.00 N
	ATOM	897	CA	PHE	A	66158. 230	4. 645	-1. 678	1. 00	0.00 C
20	ATOM	898	C	PHE	A	66159. 285	5. 435	-2. 446	1. 00	0.00 C
	ATOM	899	0	PHE	A	66159. 348	6. 660	-2.351	1. 00	0.000
	ATOM	900	CB	PHE	A	66156. 848	5. 261	-1. 905	1. 00	0.00 C
	ATOM	901	CG	PHE	A	66156. 258	4. 935	-3. 248	1. 00	0. 00 C
	ATOM	902	CD 1	PHE	A	66155. 882	5. 945	-4. 118	1. 00	0.00 C
25	ATOM	903	CD2	PHE	A	66156. 081	3. 618	-3. 638	1. 00	0.00 C
	ATOM	904	CE 1	PHE	A	66155. 340	5. 647	-5. 354	1. 00	0.00 C
	ATOM	905	CE2	PHE	A	66155. 538	3. 314	-4. 873	1. 00	0.00 C
	ATOM	906	CZ	PHE	A	66155. 167	4. 330	-5. 732	1. 00	0.00 C
	ATOM	907	H	PHE	E A	66158. 348	5. 398	0. 296	1. 00	0.00 H

							439	·		
	ATOM	908	HA	PHE	A	66158. 224	3. 628	-2. 040	1. 00	0.00 H
	ATOM	909	1HB	PHE	A	66156. 171	4. 898	-1. 148	1. 00	0.00 H
	ATOM	910	2HB	PHE	A	66156. 925	6. 337	-1.827	1. 00	0.00 H
	ATOM	911	HD1	PHE	A	66156. 018	6.976	-3.824	1. 00	0.00 H
5	ATOM	912	HD2	PHE	A	66156.370	2. 822	-2. 968	1. 00	0.00 H
	ATOM	913	HE1	PHE	A	66155. 051	6. 445	-6.023	1. 00	0.00 H
	ATOM	914	HE2	PHE	A	66155. 404	2. 283	-5. 166	1. 00	0.00 H
	ATOM	915	HZ	PHE	A	66154. 743	4. 096	-6.696	1. 00	0.00 H
	MOTA	916	N	ARG	A	67160. 111	4. 724	-3. 207	1. 00	0.00 N
10	ATOM	917	CA	ARG	A	67161. 164	5. 358	-3. 991	1. 00	0. 00 C
	ATOM	918	C	ARG	A	67162. 128	6. 124	-3. 090	1. 00	0.00 C
	ATOM	919	0	ARG	A	67162. 576	7. 219	-3. 430	1. 00	0.000
	ATOM	920	CB	ARG	A	67160. 557	6. 304	-5. 029	1. 00	0. 00 C
	ATOM	921	CG	ARG	A	67159. 739	5. 593	-6. 096	1. 00	0.00 C
15	ATOM	922	CD	ARG	A	67160. 131	6. 041	-7. 495	1. 00	0.00 C
	MOTA	923	NE	ARG	A	67161.016	5. 080	-8. 150	1. 00	0.00 N
	ATOM	924	CZ	ARG	A	67161. 773	5. 370	-9. 206	1. 00	0.00 C
	ATOM	925	NH 1	ARG	A	67161.755	6. 590	-9. 731	1. 00	0.00 N
	ATOM	926	NH2	ARG	A	67162. 549	4. 437	-9. 741	1. 00	0.00 N
20	ATOM	927	Н	ARG	A	67160. 011	3. 750	-3. 241	1. 00	0.00 H
	ATOM	928	HA	ARG	A	67161. 71	4. 580	-4. 503	1. 00	0.00 H
	ATOM	929	1HB	ARG	A	67159. 912	7. 008	-4. 523	1. 00	0.00 H
	ATOM	930	2HB	ARG	A	67161. 353	6. 846	-5. 516	1. 00	0.00 H
	ATOM	931	1HG	ARG	A	67159. 904	4. 529	-6. 012	1. 00	0.00 H
25	ATOM	932	2 HG	ARG	A	67158. 693	3 5. 810	-5. 938	1. 00	0.00 H
	ATOM	933	3 1HD	ARG	A	67159. 23	6 6. 154	-8. 088	1. 00	0.00 H
	ATOM	934	4 2HD	ARG	A	67160. 63	8 6. 994	-7. 425	1. 00	0.00 H
	ATOM	935	HE	ARG	A	67161.04	8 4. 172	-7. 783	1. 00	0.00 H
	ATOM	936	3 1HH	1 ARG	i A	67161. 17	2 7. 297	-9. 333	1. 00	0.00 H

						440			
	ATOM	937	2HH 1	ARG A	67162. 325	6. 801	-10. 524	1. 00	0.00 H
	ATOM	938	1HH2	ARG A	67162. 566	3. 516	-9. 351	1. 00	0.00 H
•	ATOM	939	2HH2	ARG A	67163. 117	4. 653	-10. 535	1. 00	0.00 H
	ATOM	940	N	GLY A	68162. 443	5. 540	-1. 939	1. 00	0.00 N
5	ATOM	941	CA	GLY A	68163. 351	6. 182	-1. 006	1. 00	0.00 C
	ATOM	942	C	GLY A	68162. 706	7. 342	-0. 275	1. 00	0.00 C
	ATOM	943	0	GLY A	68163. 385	8. 287	0. 127	1. 00	0.000
	ATOM	944	H	GLY A	68162. 055	4. 667	-1.721	1. 00	0.00 H
	ATOM	945	1HA	GLY A	68163. 679	5. 452	-0. 281	1. 00	0.00 H
10	ATOM	946	2HA	GLY A	68164. 210	6. 546	-1. 550	1. 00	0.00 H
	ATOM	947	N	THR A	69161. 389	7. 272	-0. 102	1. 00	0.00 N
	ATOM	948	CA	THR A	69160.651	8. 325	0. 585	1. 00	0.00 C
	ATOM	949	C	THR A	69159. 735	7. 739	1. 654	1. 00	0.00 C
	ATOM	950	0	THR A	69158. 604	7. 347	1. 369	1. 00	0.000
15	ATOM	951	CB	THR A	69159. 829	9. 137	-0. 417	1. 00	0.00 C
	ATOM	952	0G1	THR A	69160. 590	9. 421	-1. 578	1. 00	0.000
	ATOM	953	CG2	THR A	69159. 336	10. 454	0. 141	1. 00	0.00 C
	ATOM	954	H	THR A	69160. 902	6. 493	-0. 445	1. 00	0.00 H
	ATOM	955	HA	THR A	69161. 368	8. 976	1.061	1. 00	0.00 H
20	ATOM	956	HB	THR A	69158. 965	8. 558	-0. 711	1. 00	0.00 H
	ATOM	957	HG1	THR A	69161. 292	10. 038	-1. 358	1. 00	0.00 H
	ATOM	958	1HG2	THR A	69159. 985	11. 252	-0. 190	1. 00	0.00 H
-	ATOM	959	2HG2	THR A	69159. 340	10. 412	1. 220	1. 00	0. 00 H
	ATOM	960	3HG2	THR A	69158. 331	10. 639	-0. 208	1. 00	0.00 H
25	ATOM	961	N	ARG A	70160. 232	7. 682	2. 886	1. 00	0. 00 N
	ATOM	962	CA	ARG A	70159. 457	7. 143	3. 998	1. 00	0. 00 C
	ATOM	963	C	ARG A	70158. 310	8. 077	4. 365	1. 00	0. 00 C
	MOTA	964	0	ARG A	70158. 529	9. 234	4. 725	1. 00	0.000
	ATOM	965	CB	ARG A	70160. 359	6. 919	5. 213	1. 00	0.00 C

							441			
	ATOM	966	CG	ARG	A	70159.662	6. 210	6.364	1. 00	0.00 C
	ATOM	967	CD	ARG	A	70159. 925	6. 903	7.691	1. 00	0.00 C
	ATOM	968	NE	ARG	A	70159. 851	5. 977	8. 819	1. 00	0.00 N
	ATOM	969	CZ	ARG	A	70160. 254	6. 275	10.051	1. 00	0.00 C
5	ATOM	970	NH1	ARG	A	70160. 761	7. 472	10. 320	1. 00	0.00 N
	ATOM	971	NH2	ARG	A	70160. 151	5. 374	11. 018	1. 00	0.00 N
	ATOM	972	H	ARG	A	70161. 141	8. 009	3. 050	1. 00	0.00 H
	ATOM	973	HA	ARG	A	70159. 048	6. 193	3. 686	1. 00	0.00 H
	ATOM	974	1HB	ARG	A	70161. 208	6. 324	4. 913	1. 00	0.00 H
10	ATOM	975	2HB	ARG	A	70160. 709	7. 878	5. 567	1. 00	0. 00 H
	ATOM	976	1HG	ARG	A	70158. 599	6. 203	6. 178	1. 00	0.00 H
	ATOM	977	2HG	ARG	A	70160. 026	5. 194	6. 421	1. 00	0.00 H
	ATOM	978	1HD	ARG	A	70160. 912	7. 343	7. 663	1. 00	0.00 H
	ATOM	979	2HD	ARG	A	70159. 189	7. 682	7. 827	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	980	HE	ARG	A	70159. 482	5. 085	8. 647	1. 00	0. 00 H
	ATOM	981	1HH1	ARG	A	70160. 841	8. 157	9. 595	1. 00	0. 00 H
	ATOM	982	2HH1	ARG	A	70161. 062	7. 690	11. 248	1. 00	0. 00 H
	ATOM	983	1HH2	ARG	A	70159. 771	4. 470	10. 820	1. 00	0.00 H
	ATOM	984	2HH2	ARG	A	70160. 454	5. 598	11. 945	1. 00	0. 00 H
20	MOTA	985	N	TYR	A	71157. 086	7. 567	4. 275	1. 00	0.00 N
	ATOM	986	CA	TYR	A	71155. 903	8. 356	4. 599	1. 00	0. 00 C
	ATOM	987	C	TYR	A	71155. 381	8. 004	5. 988	1. 00	0. 00 C
	ATOM	988	0	TYR	A	71154. 877	8. 865	6. 710	1. 00	0.000
	ATOM	989	CB	TYR	A	71154. 808	8. 125	3. 556	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	990	CG	TYR	A	71155. 153	8. 667	2. 187	1. 00	0. 00 C
	ATOM	991	CD1	TYR	A	71155. 218	7. 826	1. 083	1. 00	0. 00 C
	ATOM	992	CD2	TYR	A	71155. 413	10. 018	1. 998	1. 00	0. 00 C
	ATOM	993	CE1	TYR	A	71155. 533	8. 316	-0. 170	1. 00	0. 00 C
	ATOM	994	CE2	TYR	A	71155. 727	10. 517	0. 748	1. 00	0.00 C

			_				442			
	ATOM	995	CZ	TYR	A	71155. 786	9.662	-0. 332	1. 00	0. 00 C
	ATOM	996	ОН	TYR	A	71156. 099	10. 155	-1. 578	1. 00	0.000
	ATOM	997	H	TYR	A	71156. 976	6. 638	3. 983	1. 00	0.00 H
	ATOM	998	HA	TYR	A	71156. 187	9. 397	4. 587	1. 00	0.00 H
5	ATOM	999	1HB	TYR	A	71154. 633	7.064	3. 458	1. 00	0.00 H
	ATOM	1000	2HB	TYR	A	71153. 901	8. 607	3.886	1. 00	0.00 H
	ATOM	1001	HD1	TYR	A	71155. 019	6. 773	1. 213	1. 00	0.00 H
	ATOM	1002	HD2	TYR	A	71155. 367	10. 685	2. 846	1. 00	0.00 H
	ATOM	1003	HE 1	TYR	A	71155. 578	7. 646	-1.016	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1004	HE2	TYR	A	71155. 926	11. 571	0. 622	1. 00	0.00 H
	ATOM	1005	НН	TYR	A	71155. 373	9. 983	-2. 182	1. 00	0.00 H
	ATOM	1006	N	PHE	A	72155. 504	6. 733	6. 357	1. 00	0.00 N
	ATOM	1007	CA	PHE	A	72155. 045	6. 266	7. 659	1. 00	0.00 C
	ATOM	1008	C	PHE	A	72156. 020	5. 251	8. 248	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1009	0	PHE	A	72157. 052	4. 949	7. 649	1. 00	0.000
	ATOM	1010	CB	PHE	A	72153. 653	5. 642	7. 538	1. 00	0.00 C
	ATOM	1011	CG	PHE	A	72153. 543	4. 631	6. 433	1. 00	0.00 C
	ATOM	1012	CD1	PHE	A	72153. 294	5. 033	5. 130	1. 00	0.00 C
	ATOM	1013	CD2	PHE	A	72153. 689	3. 278	6.696	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1014	CE1	PHE	A	72153. 193	4. 104	4. 111	1. 00	0.00 C
	ATOM	1015	CE2	PHE	A	72153. 588	2. 345	5.682	1. 00	0.00 C
	ATOM	1016	CZ	PHE	A	72153. 340	2. 759	4. 388	1. 00	0.00 C
	ATOM	1017	H	PHE	A	72155. 914	6. 094	5. 737	1. 00	0.00 H
	ATOM	. 1018	HA	PHE	A	72154. 990	7. 120	8. 317	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1019	1HB	PHE	A	72153. 406	5. 147	8. 465	1. 00	0.00 H
	ATOM	1020	2HB	PHE	A	72152. 931	6. 422	7. 349	1. 00	0.00 H
	ATOM	1021	HD 1	PHE	A	72153. 179	6. 084	4. 913	1. 00	0.00 H
	ATOM	1022	HD2	PHE	A	72153. 884	2. 954	7. 708	1. 00	0.00 H
	ÁTOM	1023	HE1	PHE	A	72152. 997	4. 431	3. 101	1. 00	0.00 H

443	,
-----	---

	ATOM	1024	HE2	PHE	A	72153. 705	1. 294	5. 901	1. 00	0.00 H
	ATOM	1025	HZ	PHE	A	72153. 262	2. 032	3. 593	1. 00	0.00 H
	ATOM	1026	N	THR	A	73155. 687	4. 731	9. 424	1. 00	0.00 N
	ATOM	1027	CA	THR	A	73156. 534	3. 750	10.094	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1028	C	THR	A	73155. 833	2. 399	10. 188	1. 00	0.00 C
	ATOM	1029	0	THR	A	73154. 813	2. 263	10.862	1. 00	0.000
	ATOM	1030	CB	THR	A	73156. 909	4. 241	11. 493	1. 00	0.00 C
	ATOM	1031	0G1	THR	A	73157. 700	3. 278	12. 167	1. 00	0.000
	ATOM	1032	CG2	THR	A	73155. 709	4. 539	12. 365	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1033	H	THR	A	73154. 851	5. 012	9. 852	1. 00	0.00 H
	MOTA	1034	HA	THR	A	73157. 434	3. 636	9. 510	1. 00	0.00 H
	ATOM	1035	HB	THR	A	73157. 486	5. 150	11. 401	1. 00	0.00 H
	ATOM	1036	HG1	THR	A	73158. 049	3.660	12. 976	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1037	1HG2	THR	A	73155. 202	3. 617	12. 608	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	1038	2HG2	THR	A	73155. 032	5. 192	11. 834	1. 00	0.00 H
	ATOM	1039	3HG2	THR	A	73156. 035	5. 021	13. 274	1. 00	0.00 H
	ATOM	1040	N	CYS	A	74156. 388	1. 402	9. 505	1. 00	0.00 N
	ATOM	1041	CA	CYS	A	74155. 816	0.060	9. 512	1. 00	0.00 C
	ATOM	1042	C	CYS	A	74156. 913	-0. 999	9. 554	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1043	0	CYS	A	74158. 096	-0. 687	9. 422	1. 00	0.000
	ATOM	1044	CB	CYS	A	74154. 939	-0. 148	8. 276	1. 00	0.00 C
	ATOM	1045	SG	CYS	A	74153. 237	0. 427	8. 475	1. 00	0.00 S
	ATOM	1046	H	CYS	A	74157. 201	1. 572	8. 985	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1047	HA	CYS	A	74155. 205	-0. 035	10. 396	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	1048	1HB	CYS	A	74155. 370	0. 387	7. 443	1. 00	0.00 H
	ATOM	1049	2HB	CYS	A	74154. 905	-1. 202	8. 042	1. 00	0.00 H
	ATOM	1050	HG	CYS	A	74152. 753	0. 204	7. 676	1. 00	0.00 H
	ATOM	1051	N	ALA	A	75156. 512	-2. 252	9. 739	1. 00	0.00 N
	ATOM	1052	CA	ALA	A	75157. 461	-3. 357	9. 799	1. 00	0.00 C

	ATOM	1053	C	ALA A	75158. 197	-3. 521	8. 474	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1054	0	ALA A	75157. 960	-2. 774	7. 524	1. 00	0.000
	ATOM	1055	CB	ALA A	75156. 745	-4. 647	10. 170	1. 00	0.00 C
	ATOM	1056	H	ALA A	75155. 554	-2. 438	9. 837	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1057	HA	ALA A	75158. 180	-3. 137	10. 574	1. 00	0.00 H
	ATOM	1058	1HB	ALA A	75156. 801	-4. 796	11. 238	1. 00	0.00 H
	ATOM	1059	2HB	ALA A	75157. 215	-5. 478	9. 665	1. 00	0.00 H
	ATOM	1060	ЗНВ	ALA A	75155. 709	-4. 583	9. 869	1. 00	0.00 H
	ATOM	1061	N	LEU A	76159. 091	-4. 502	8. 416	1. 00	0.00 N
10	ATOM	1062	CA	LEU A	76159. 862	-4. 764	7. 206	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1063	C	LEU A	76159. 161	-5. 793	6.326	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1064	0	LEU A	76158. 560	-6. 745	6.825	1. 00	0.000
	ATOM	1065	CB	LEU A	76161. 265	-5. 256	7. 566	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1066	CG	LEU A	76162. 272	-4. 153	7. 899	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1067	CD1	LEU A	76163. 265	-4. 636	8. 945	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1068	CD2	LEU A	76162. 999	-3. 700	6.642	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1069	H	LEU A	76159. 236	-5. 064	9. 206	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1070	HA	LEU A	76159. 945	-3. 836	6.659	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1071	1HB	LEU A	76161. 185	-5. 912	8. 421	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	1072	2HB	LEU A	76161. 650	-5. 823	6. 733	1. 00	0.00 H
	ATOM	1073	HG	LEU A	76161. 745	-3. 304	8. 307	1. 00	0.00 H
	ATOM	1074	1HD1	LEU A	76164. 124	-5. 069	8. 454	1. 00	0.00 H
	ATOM	1075	2HD1	LEU A	76162. 795	-5. 380	9. 572	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1076	3HD1	LEU A	76163. 582	-3. 801	9. 554	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1077	1HD2	LEU A	76162. 395	-3. 926	5. 775	1. 00	0.00 H
	ATOM	1078	2HD2	LEU A	76163. 945	-4. 216	6. 567	1. 00	0.00 H
	ATOM	1079	3HD2	LEU A	76163. 173	-2. 636	6. 690	1. 00	0.00 H
	ATOM	1080	N	LYS A	77159. 241	-5. 595	5. 014	1. 00	0.00 N
	ATOM	1081	CA	LYS A	77158. 615	-6. 506	4.063	1. 00	0.00 C

						445	_		
	ATOM	1082	c	LYS A	77157. 102	-6. 545	4. 261	1. 00	0.00 C
	ATOM	1083	0	LYS A	77156. 473	-7. 591	4. 107	1. 00	0.000
	ATOM	1084	CB	LYS A	77159. 196	-7. 914	4. 213	1. 00	0.00 C
	ATOM	1085	CG	LYS A	77160. 695	-7. 980	3. 971	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1086	CD	LYS A	77161. 038	-7. 712	2. 515	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1087	CE	LYS A	77162. 514	-7. 398	2. 339	1. 00	0.00 C
	ATOM	1088	NZ	LYS A	77163. 360	-8. 619	2. 449	1. 00	0.00 N
	ATOM	1089	H	LYS A	77159. 734	-4. 817	4. 677	1. 00	0.00 H
	ATOM	1090	HA	LYS A	77158. 826	-6. 143	3.069	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1091	1HB	LYS A	77158. 998	-8. 268	5. 213	1. 00	0.00 H
	ATOM	1092	2HB	LYS A	77158. 709	-8. 569	3. 505	1. 00	0.00 H
	ATOM	1093	1HG	LYS A	77161. 183	-7. 239	4. 587	1. 00	0.00 H
	ATOM	1094	2HG	LYS A	77161. 050	-8. 965	4. 240	1. 00	0.00 H
	ATOM	1095	1HD	LYS A	77160. 794	-8. 586	1. 931	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	1096	2HD	LYS A	77160. 456	-6. 871	2. 167	1. 00	0.00 H
	ATOM	1097	1HE	LYS A	77162. 662	-6. 956	1. 364	1. 00	0.00 H
	ATOM	1098	2HE	LYS A	77162. 813	-6. 693	3. 101	1. 00	0.00 H
	ATOM	1099	1HZ	LYS A	77162. 813	-9. 459	2. 167	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1100	2HZ	LYS A	77163. 682	-8. 743	3. 430	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1101	3HZ	LYS A	77164. 191	-8. 536	1. 831	1. 00	0.00 H
	ATOM	1102	N	LYS A	78156. 526	-5. 398	4. 602	1. 00	0.00 N
	ATOM	1103	CA	LYS A	78155. 087	-5. 300	4.821	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1104	C	LYS A	78154. 565	-3. 928	4. 407	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1105	0	LYS A	78153. 672	-3. 373	5. 047	1. 00	0.000
25	ATOM	1106	CB	LYS A	78154. 754	-5. 564	6. 291	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1107	CG	LYS A	78155. 276	-6. 897	6. 803	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1108	CD	LYS A	78155. 037	-7. 051	8. 296	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1109	CE	LYS A	78153. 738	-7. 786	8. 580	1. 00	. 0. 00 C
	ATOM	1110	NZ	LYS A	78153. 489	-7. 930	10. 040	1. 00	0. 00 N

10

15

20

25

ATOM

ATOM

1138

WO 2004/01	6781						PCT/JP	2003/01028
					446			•
ATOM	1111	H	LYS A	78157. 081	-4. 597	4. 709	1. 00	0.00 H
ATOM	1112	HA	LYS A	78154. 609	-6. 053	4. 212	1. 00	0.00 H
ATOM	1113	1HB	LYS A	78155. 187	-4. 778	6.892	1. 00	0.00 H
ATOM	1114	2HB	LYS A	78153. 682	-5. 551	6. 413	1. 00	0.00 H
ATOM	1115	1HG	LYS A	78154. 768	-7. 695	6. 283	1. 00	0.00 H
ATOM	1116	2HG	LYS A	78156. 337	-6.956	6.609	1. 00	0.00 H
ATOM	1117	1HD	LYS A	78155. 857	-7. 608	8.726	1. 00	0.00 H
ATOM	1118	2HD	LYS A	78154. 992	-6. 070	8. 746	1. 00	0.00 H
ATOM	1119	1HE	LYS A	78152. 923	-7. 233	8. 138	1. 00	0.00 H
ATOM	1120	2HE	LYS A	78153. 790	-8. 768	8. 132	1. 00	0.00 H
ATOM	1121	1HZ	LYS A	78152. 472	-7. 847	10. 240	1. 00	0.00 H
ATOM	1122	2HZ	LYS A	78153. 995	-7. 189	10. 566	1. 00	0.00 H
ATOM	1123	3HZ	LYS A	78153. 820	-8.860	10. 369	1. 00	0.00 H
ATOM	1124	N	ALA A	79155. 130	-3. 385	3. 333	1. 00	0.00 N
MOTA	1125	CA	ALA A	79154. 722	-2. 078	2. 834	1. 00	0. 00 C
ATOM	1126	C	ALA A	79154. 661	-2.066	1. 311	1. 00	0.00 C
ATOM	1127	0	ALA A	79155. 692	-2. 045	0. 638	1. 00	0.000
ATOM	1128	CB	ALA A	79155. 673	-1.002	3. 334	1. 00	0. 00 C
ATOM	1129	H	ALA A	79155. 838	-3.876	2. 865	1. 00	0.00 H
ATOM	1130	HA	ALA A	79153. 737	-1.864	3. 225	1. 00	0.00 H
ATOM	1131	1HB	ALA A	79156. 179	-1. 352	4. 222	1. 00	0.00 H
ATOM	1132	2HB	ALA A	79155. 115	-0. 107	3. 567	1. 00	0. 00 H
ATOM	1133	ЗНВ	ALA A	79156. 402	-0. 782	2. 568	1. 00	0. 00 H
ATOM	1134	N	LEU A	80153. 445	-2.077	0. 772	1. 00	0. 00 N
ATOM	1135	CA	LEU A	80153. 250	-2.068	-0. 674	1. 00	0.00 C
ATOM	1136	C	LEU A	80152. 372	-0. 893	-1. 095	1. 00	0. 00 C
ATOM	1137	0	LEU A	80151. 191	-0. 835	-0.752	1. 00	0.000

CB LEU A 80152.617 -3.383 -1.131 1.00 0.00 C

1139 CG LEU A 80152.301 -3.464 -2.626 1.00 0.00 C

							44/			
	ATOM	1140	CD1	LEU	A	80153. 582	-3. 431	-3. 445	1. 00	0.00 C
	ATOM	1141	CD2	LEU	A	80151. 501	-4. 721	-2.933	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1142	H	LEU	A	80152.662	-2. 093	1. 360	1. 00	0.00 H
	ATOM	1143	HA	LEU	A	80154. 218	-1. 962	-1. 139	1. 00	0.00 H
5	ATOM	11'44	1HB	LEU	A	80153. 294	-4. 189	-0. 883	1. 00	0.00 H
	ATOM	1145	2HB	LEU	A	80151. 698	-3. 526	-0. 585	1. 00	0.00 H
	ATOM	1146	HG	LEU	A	80151. 704	-2.608	-2. 907	1. 00	0.00 H
	ATOM	1147	1HD1	LEU	A	80153. 460	-4. 038	-4. 330	1. 00	0.00 H
	ATOM	1148	2HD1	LEU	A	80154. 399	-3. 819	-2. 852	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1149	3HD1	LEU	A	80153. 799	-2. 413	-3. 734	1. 00	0.00 H
	ATOM	1150	1HD2	LEU	A	80151.751	-5. 074	-3. 924	1. 00	0.00 H
	ATOM	1151	2HD2	LEU	A	80150. 446	-4. 496	-2. 887	1. 00	0.00 H
	ATOM	1152	3HD2	LEU	A	80151.739	-5. 485	-2. 209	1. 00	0.00 H
	ATOM	1153	N	PHE	A	81152. 956	0. 039	-1. 839	1. 00	0. 00 N
15	ATOM	1154	CA	PHE	A	81152. 227	1. 212	-2. 307	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1155	C	PHE	A	81151. 468	0. 904	-3. 594	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1156	0	PHE	A	81151. 964	0. 183	-4. 460	1. 00	0.000
	ATOM	1157	CB	PHE	A	81153. 188	2. 379	-2. 536	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1158	CG	PHE	A	81153. 792	2. 916	-1. 270	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1159	CD1	PHE	A	81154. 989	2. 410	-0. 788	1. 00	0.00 C
	ATOM	1160	CD2	PHE	A	81153. 164	3. 928	-0. 561	1. 00	0.00 C
	ATOM	1161	CE	l PHE	A	81155. 547	2. 902	0. 377	1. 00	0.00 C
	ATOM	1162	CE	2 PHE	A	81153. 717	4. 425	0. 603	1. 00	0.00 C
	ATOM	1163	CZ	PHE	A	81154. 910	3. 911	1. 073	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1164	Н	PHE	A	81153. 900	-0.064	-2. 079	1. 00	0.00 H
	ATOM	1165	HA	PHE	E A	81151. 516	1. 487	-1. 543	1. 00	0.00 H
	ATOM	1166	1HB	PHE	E A	81153. 995	2. 052	-3. 175	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1167	2HB	PHE	E A	81152. 657	3. 185	-3.020	1. 00	0.00 H
	ATOM	1168	B HD	1 PHE	E A	81155. 488	1. 622	-1. 332	1. 00	0.00 H

							448			
	ATOM	1169	HD2	PHE A	A	81152. 231	4. 330	-0. 928	1. 00	0.00 H
	ATOM	1170	HE1	PHE A	A	81156. 480	2. 499	0.742	1. 00	0.00 H
	ATOM	1171	HE2	PHE A	A	81153. 216	5. 213	1. 146	1. 00	0.00 H
	ATOM	1172	HZ	PHE A	A	81155. 344	4. 297	1. 983	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1173	N	VAL A	A	82150. 265	1. 454	-3.713	1. 00	0.00 N
	ATOM	1174	CA	VAL:	A	82149. 439	1. 238	-4. 894	1. 00	0.00 C
	ATOM	1175	C	VAL A	A	82148. 475	2. 400	-5. 112	1. 00	0.00 C
	ATOM	1176	0	VAL A	A	82148. 288	3. 238	− 4 . 230	1. 00	0.000
	ATOM	1177	CB	VAL A	A	82148. 632	-0.069	-4. 784	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1178	CG1	VAL A	A	82149. 555	-1. 276	-4.862	1. 00	0.00 C
	ATOM	1179	CG2	VAL .	A	82147. 821	-0.090	-3. 498	1. 00	0.00 C
	ATOM	1180	H	VAL .	A	82149. 925	2.020	-2. 988	1. 00	0.00 H
	ATOM	1181	HA	VAL .	A	82150. 095	1. 161	-5. 750	1. 00	0.00 H
	ATOM	1182	HB	VAL .	A	82147. 946	-0. 116	-5. 618	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1183	1HG1	VAL	A	82150. 262	-1. 240	-4. 048	1. 00	0.00 H
	ATOM	1184	2HG1	VAL	A	82150.086	-1. 262	-5. 802	1. 00	0.00 H
	ATOM	1185	3HG1	VAL	A	82148. 970	-2. 181	-4. 792	1. 00	0.00 H
	ATOM	1186	1HG2	VAL	A	82147. 469	0. 907	-3. 279	1. 00	0.00 H
	ATOM	1187	2HG2	VAL	A	82148. 442	-0. 439	-2. 686	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1188	3HG2	VAL	A	82146. 976	-0. 752	-3. 616	1. 00	0.00 H
	ATOM	1189	N	LYS	A	83147. 867	2. 443	-6. 292	1. 00	0.00 N
	ATOM	1190	CA	LYS	A	83146. 922	3. 502	-6. 627	1. 00	0.00 C
	ATOM	1191	C	LYS	A	83145. 691	3. 437	-5. 732	1. 00	0.00 C
	ATOM	1192	0	LYS	A	83145. 092	2. 376	-5. 556	1. 00	0.000
25	ATOM	1193	CB	LYS	A	83146. 505	3. 398	-8. 096	1. 00	0.00 C
	ATOM	1194	CG	LYS	A	83147. 637	3. 674	-9. 071	1. 00	0.00 C
	ATOM	1195	CD	LYS	A	83147. 323	3. 133	-10. 456	1. 00	0.00 C
	ATOM	1196	CE	LYS	A	83148.071	3. 897	-11. 536	1. 00	0.00 C
	ATOM	1197	NZ	LYS	A	83149. 309	3. 187	-11. 962	1. 00	0.00 N

							449			
	ATOM	1198 I	H]	LYS A	L	83148. 058	1. 747	-6. 955	1. 00	0.00 H
	ATOM	1199 I	HA I	LYS A		83147. 415	4. 449	-6. 470	1. 00	0.00 H
	ATOM	1200 11	HB 1	LYS A	L	83146. 134	2. 401	-8. 281	1. 00	0.00 H
	ATOM	1201 2	HB !	LYS A	l.	83145. 714	4. 108	-8. 285	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1202 1	HG :	LYS A	l.	83147. 789	4. 740	-9. 138	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1203 2	HG	LYS A	1	83148. 538	3. 203	-8. 705	1. 00	0.00 H
	ATOM	1204 1	HD	LYS A	l	83147. 611	2. 093	-10. 500	1. 00	0.00 H
	ATOM	1205 2	HD	LYS A	1	83146. 261	3. 221	-10.634	1. 00	0.00 H
	ATOM	1206 1	HE	LYS A	I	83147. 422	4. 015	-12. 391	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1207 2	HE	LYS A	A	83148. 339	4. 871	-11. 150	1. 00	0.00 H
	ATOM	1208 1	HZ	LYS A	A	83149. 120	2. 620	-12. 814	1. 00	0.00 H
	ATOM	1209 2	HZ	LYS A	A	83149. 638	2. 556	-11. 205	1. 00	0.00 H
	ATOM	1210 3	HZ	LYS A	A	83150.060	3. 875	-12. 176	1. 00	0.00 H
	ATOM	1211	N	LEU A	A	84145. 318	4. 580	-5. 169	1. 00	0. 00 N
15	ATOM	1212	CA	LEU A	A	84144. 158	4. 661	-4. 291	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1213	C	LEU A	A	84142. 865	4. 491	-5. 082	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1214	0	LEU A	A	84141. 879	3. 961	-4. 572	1. 00	0.000
	ATOM	1215	CB	LEU	A	84144. 151	6. 002	-3. 554	1. 00	0.00 C
	ATOM	1216	CG	LEU .	A	84142. 910	6. 266	-2. 698	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1217	CD1	LEU .	A	84142. 912	5. 375	-1. 467	1. 00	0.00 C
	ATOM	1218	CD2	LEU	A	84142. 843	7. 733	-2. 298	1. 00	0.00 C
	ATOM	1219	H	LEU	A	84145. 837	5. 392	-5. 350	1. 00	0.00 H
	ATOM	1220	HA	LEU	A	84144. 233	3. 863	-3. 568	1. 00	0.00 H
	ATOM	1221	1HB	LEU	A	84145. 020	6. 041	-2. 914	1. 00	0. 00 Ĥ
25	ATOM	1222	2HB	LEU	A	84144. 229	6. 791	-4. 287	1. 00	0.00 H
	ATOM	1223	HG	LEU	A	84142. 027	6. 036	-3. 275	1. 00	0.00 H
	ATOM	1224	1 HD 1	LEU	A	84143. 333	4. 414	-1. 719	1. 00	0.00 H
	ATOM	1225	2HD 1	LEU	A	84141. 899	5. 244	-1. 115	1. 00	0.00 H
	ATOM	1226	3HD 1	LEU	A	84143. 505	5. 835	-0. 689	1. 00	0.00 H

							450			
	ATOM	1227	1HD2	LEU A	1	84142. 606	8. 332	-3. 164	1. 00	0.00 H
	ATOM	1228	2HD2	LEU A	I	84143. 798	8. 040	-1. 898	1. 00	0.00 H
	ATOM	1229	3HD2	LEU A	ł	84142. 078	7.866	-1. 547	1. 00	0.00 H
	ATOM	1230	N	LYS A	1	85142. 879	4. 942	-6. 332	1. 00	0.00 N
5	ATOM	1231	CA	LYS A	A	85141. 709	4. 839	-7. 195	1. 00	0.00 C
	ATOM	1232	C	LYS A	A	85141. 357	3. 378	-7. 464	1. 00	0.00 C
	ATOM	1233	0	LYS A	A	85140. 198	3. 045	-7. 713	1. 00	0.000
	ATOM	1234	CB	LYS A	A	85141. 956	5. 567	-8. 517	1. 00	0.00 C
	ATOM	1235	CG	LYS A	A	85143. 160	5. 042	-9. 284	1.00	0.00 C
10	ATOM	1236	CD	LYS A	A	85144. 320	6. 026	-9. 247	1. 00	0.00 C
	ATOM	1237	CE	LYS A	A	85144. 051	7. 236	-10. 128	1. 00	0.00 C
	ATOM	1238	NZ	LYS	A	85144. 712	7. 112	-11. 457	1. 00	0.00 N
	ATOM	1239	H	LYS	A	85143.696	5. 354	-6. 683	1. 00	0.00 H
	ATOM	1240	HA	LYS	A	85140. 880	5. 308	-6. 686	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	1241	1HB	LYS	A	85141. 083	5. 459	-9. 143	1. 00	0.00 H
	ATOM	1242	2HB	LYS	A	85142. 114	6. 616	-8. 313	1. 00	0.00 H
	ATOM	1243	1HG	LYS	A	85143. 479	4. 111	-8. 842	1. 00	0.00 H
	ATOM	1244	2HG	LYS .	A	85142. 875	4. 876	-10. 312	1. 00	0.00 H
	MOTA	1245	1HD	LYS	A	85144. 464	6. 360	-8. 231	1. 00	0.00 H
20	MOTA	1246	2HD	LYS	A	85145. 212	5. 528	-9. 596	1. 00	0.00 H
	ATOM	1247	1HE	LYS	A	85142. 985	7. 331	-10. 273	1. 00	0.00 H
	ATOM	1248	2HE	LYS	A	85144. 426	8. 119	-9. 630	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1249	1HZ	LYS	A	85145. 717	6. 869	-11. 335	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1250	2HZ	LYS	A	85144. 645	8. 011	-11. 975	1. 00	0.00 H
2 5	ATOM	1251	3HZ	LYS	A	85144. 251	6. 367	-12. 017	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1252	N	SER	A	86142. 363	2. 511	-7. 412	1. 00	0.00 N
	ATOM	1253	CA	SER	A	86142. 158	1. 087	-7. 651	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1254	. C	SER	A	86142. 188	0. 306	-6. 341	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1255	0	SER	A	86142.608	-0.850	-6. 306	1. 00	0.000

	ATOM	1256	CB	SER A	A	86143. 227	0. 549	-8. 603	1. 00	0.00 C
	ATOM	1257	0G	SER A	A	86143. 165	1. 200	-9. 861	1. 00	0.000
	ATOM	1258	H	SER	A	86143. 265	2. 837	-7. 209	1. 00	0.00 H
	ATOM	1259	HA	SER	A	86141. 187	0. 965	-8. 107	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1260	1 HB	SER .	A	86144. 204	0. 714	-8. 176	1. 00	0.00 H
	ATOM	1261	2HB	SER	A	86143. 073	-0. 510	-8. 752	1. 00	0.00 H
	ATOM	1262	HG	SER	A	86142. 249	1. 269	-10. 141	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1263	N	CYS	A	87141. 740	0. 946	-5. 266	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1264	CA	CYS	A	87141. 714	0. 312	-3. 953	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	1265	C	CYS	A	87140. 288	-0.056	-3. 555	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1266	0	CYS	A	87139. 363	0. 738	-3. 721	1. 00	0.000
	ATOM	1267	CB	CYS	A	87142. 326	1. 241	-2. 903	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1268	SG	CYS	A	87144. 133	1. 202	-2. 848	1. 00	0. 00 S
	ATOM	1269	H	CYS	A	87141. 417	1. 868	-5. 358	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	1270	HA	CYS	A	87142. 303	-0. 591	-4. 011	1. 00	0.00 H
	ATOM	1271	1HB	CYS	A.	87142. 027	2. 256	-3. 113	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1272	2HB	CYS	A	87141. 961	0. 958	-1. 927	1. 00	0.00 H
	ATOM	1273	HG	CYS	A	87144. 438	0.603	-3. 533	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1274	N	ARG	A	88140. 119	-1. 265	-3. 030	1. 00	0.00 N
20	ATOM	1275	CA	ARG	A	88138. 806	-1. 737	-2. 610	1. 00	0.00 C
	ATOM	1276	C	ARG	A	88138. 683	-1. 722	-1. 085	1. 00	0.00 C
	ATOM	1277	0	ARG	A	88139. 522	-2. 287	-0. 385	1. 00	0.000
	ATOM	1278	CB	ARG	A	88138. 558	-3. 152	-3. 140	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1279	CG	ARG	A	88137. 514	-3. 212	-4. 244	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1280	CD	ARG	A	88136. 107	-3. 286	-3. 675	1. 00	0.00 C
	ATOM	1281	NE	ARG	A	88135. 160	-3. 860	-4. 628	1. 00	0.00 N
	ATOM	1282	CZ	ARG	A	88133. 845	-3. 915	-4. 425	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1283	NH 1	ARG	A	88133. 319	-3. 434	-3. 305	1. 00	0.00 N
	ATOM	1284	NH2	2 ARG	A	88133.055	-4. 454	-5. 343	1. 00	0.00 N

ATOM

16781							PCT/JP	2003/010288
					452			
1285	H	ARG A		88140. 895	-1.853	-2. 924	1. 00	0.00 H
1286	HA	ARG A		88138. 067	-1.072	-3. 029.	1. 00	0.00 H
1287	1HB	ARG A		88139. 485	-3. 544	-3. 530	1. 00	0.00 H
1288	2HB	ARG A		88138. 226	-3. 779	-2. 326	1. 00	0.00 H
1289	1HG	ARG A		88137. 598	-2. 327	-4. 856	1. 00	0.00 H
1290	2HG	ARG A		88137. 695	-4. 089	-4. 849	1. 00	0.00 H
1291	1HD	ARG A		88136. 123	-3. 898	-2. 786	1. 00	0.00 H
1292	2HD	ARG A		88135. 784	-2. 288	-3. 417	1. 00	0.00 H
1293	HE	ARG A	L	88135. 522	-4. 222	-5. 463	1. 00	0.00 H
1294	1HH1	ARG A		88133. 909	-3. 027	-2. 609	1. 00	0.00 H
1295	2HH1	ARG A	L	88132. 330	-3. 480	-3. 158	1. 00	0.00 H
1296	1HH2	ARG A	1	88133. 446	-4. 818	-6. 189	1. 00	0.00 H
1297	2HH2	ARG A	١	88132. 067	-4. 496	-5. 191	1. 00	0.00 H
1298	N	PRO A	I	89137. 633	-1. 072	-0. 548	1. 00	0. 00 N
1299	CA	PRO A	A	89137. 417	-0. 994	0. 901	1. 00	0.00 C
1300	C	PRO A	ł	89137. 404	-2.369	1. 559	1. 00	0.00 C
1301	0	PRO A	A	89136. 670	-3. 264	1. 136	1. 00	0.000
1302	CB	PRO A	A	89136. 041	-0. 332	1. 024	1. 00	0.00 C
1303	CG	PRO A	A	89135. 870	0. 429	-0.245	1. 00	0.00 C
1304	CD	PRO A	A	89136. 580	-0. 368	-1. 303	1. 00	0.00 C
1305	HA	PRO A	A	89138. 161	-0. 375	1. 379	1. 00	0.00 H
1306	1HB	PRO	A	89135. 282	-1. 091	1. 136	1. 00	0.00 H
1307	2HB	PRO.	A	89136. 031	0. 326	1.881	1. 00	0.00 H
1308	1HG	PRO.	A	89134. 819	0. 515	-0. 482	1. 00	0.00 H
1309	2HG	PRO	A	89136. 316	1. 408	-0. 150	1. 00	0.00 H
1310	1HD	PRO	A	89135. 902	-1. 070	-1. 765	1. 00	0.00 H
1311	2HD	PRO	A	89137. 011	0. 289	-2. 044	1. 00	0.00 H
1312	N	ASP	A	90138. 220	-2. 533	2. 594	1. 00	0.00 N
	1285 1286 1287 1288 1289 1290 1291 1292 1293 1294 1295 1296 1297 1298 1299 1300 1301 1302 1303 1304 1305 1306 1307 1308 1309 1310	1285 H 1286 HA 1287 1HB 1288 2HB 1289 1HG 1290 2HG 1291 1HD 1292 2HD 1293 HE 1294 1HH1 1295 2HH1 1296 1HH2 1297 2HH2 1298 N 1299 CA 1300 C 1301 O 1302 CB 1303 CG 1304 CD 1305 HA 1306 1HB 1307 2HB 1308 1HG 1309 2HG 1310 1HD 1311 2HD	1285 H ARG A 1286 HA ARG A 1287 1HB ARG A 1288 2HB ARG A 1289 1HG ARG A 1290 2HG ARG A 1291 1HD ARG A 1292 2HD ARG A 1293 HE ARG A 1294 1HH1 ARG A 1295 2HH1 ARG A 1296 1HH2 ARG A 1297 2HH2 ARG A 1298 N PRO A 1299 CA PRO A 1300 C PRO A 1301 O PRO A 1302 CB PRO A 1302 CB PRO A 1304 CD PRO A 1305 HA PRO 1306 1HB PRO 1307 2HB PRO 1307 2HB PRO 1308 1HG PRO 1309 2HG PRO 1310 1HD PRO 1310 1HD PRO 1311 2HD PRO	1285 H ARG A 1287 1HB ARG A 1288 2HB ARG A 1289 1HG ARG A 1290 2HG ARG A 1291 1HD ARG A 1292 2HD ARG A 1293 HE ARG A 1294 1HH1 ARG A 1295 2HH1 ARG A 1296 1HH2 ARG A 1297 2HH2 ARG A 1298 N PRO A 1299 CA PRO A 1300 C PRO A 1300 C PRO A 1301 O PRO A 1302 CB PRO A 1303 CG PRO A 1304 CD PRO A 1305 HA PRO A 1306 1HB PRO A 1307 2HB PRO A 1307 2HB PRO A 1308 1HG PRO A 1309 2HG PRO A 1309 2HG PRO A	1285 H ARG A 88140. 895 1286 HA ARG A 88138. 067 1287 1HB ARG A 88139. 485 1288 2HB ARG A 88137. 598 1290 2HG ARG A 88137. 695 1291 1HD ARG A 88135. 784 1292 2HD ARG A 88135. 784 1293 HE ARG A 88135. 522 1294 1HH1 ARG A 88133. 909 1295 2HH1 ARG A 88132. 330 1296 1HH2 ARG A 88132. 330 1296 1HH2 ARG A 88133. 446 1297 2HH2 ARG A 88133. 446 1297 2HH2 ARG A 88137. 633 1299 CA PRO A 89137. 633 1299 CA PRO A 89137. 404 1301 O PRO A 89137. 404 1301 C PRO A 89136. 670 1302 CB PRO A 89136. 670 1304 CD PRO A 89136. 580 1305 HA PRO A 89136. 580 1306 1HB PRO A 89136. 580 1307 2HB PRO A 89136. 031 1308 1HG PRO A 89136. 031 1308 1HG PRO A 89136. 316 1310 1HD PRO A 89135. 902 1311 2HD PRO A 89135. 902	1285 H ARG A 88140. 895 -1. 853 1286 HA ARG A 88138. 067 -1. 072 1287 1HB ARG A 88138. 226 -3. 779 1288 2HB ARG A 88138. 226 -3. 779 1289 1HG ARG A 88137. 598 -2. 327 1290 2HG ARG A 88137. 695 -4. 089 1291 1HD ARG A 88135. 784 -2. 288 1292 2HD ARG A 88135. 784 -2. 288 1293 HE ARG A 88135. 522 -4. 222 1294 1HH1 ARG A 88133. 909 -3. 027 1295 2HH1 ARG A 88132. 330 -3. 480 1296 1HH2 ARG A 88132. 330 -3. 480 1297 2HH2 ARG A 88132. 067 -4. 496 1298 N PRO A 89137. 633 -1. 072 1299 CA PRO A 89137. 404 -2. 369 1301 O PRO A 89137. 404 -2. 369 1301 O PRO A 89136. 670 -3. 264 1302 CB PRO A 89136. 670 -3. 264 1303 CG PRO A 89135. 870 O. 429 1304 CD PRO A 89135. 870 O. 429 1305 HA PRO A 89136. 580 -0. 368 1305 HA PRO A 89136. 580 -0. 368 1307 2HB PRO A 89136. 031 O. 326 1308 1HG PRO A 89136. 031 O. 326 1309 2HG PRO A 89136. 316 1. 408 1310 1HD PRO A 89135. 902 -1. 070 1311 2HD PRO A 89135. 902 -1. 070	1285 H ARG A 88140. 895 -1. 853 -2. 924 1286 HA ARG A 88138. 067 -1. 072 -3. 029 1287 1HB ARG A 88139. 485 -3. 544 -3. 530 1288 2HB ARG A 88139. 485 -3. 779 -2. 326 1289 1HG ARG A 88137. 598 -2. 327 -4. 856 1290 2HG ARG A 88137. 695 -4. 089 -4. 849 1291 1HD ARG A 88135. 784 -2. 288 -3. 417 1293 HE ARG A 88135. 784 -2. 288 -3. 417 1293 HE ARG A 88132. 330 -3. 027 -2. 609 1294 1HH1 ARG A 88133. 446 -4. 818 -6. 189 1295 2HH1 ARG A 88133. 446 -4. 818 -6. 189 1297 2HH2 AR	1285 H ARG A 88140. 895 -1. 853 -2. 924 1. 00 1286 HA ARG A 88138. 067 -1. 072 -3. 029 1. 00 1287 1HB ARG A 88138. 067 -1. 072 -3. 029 1. 00 1288 2HB ARG A 88138. 226 -3. 779 -2. 326 1. 00 1289 1HG ARG A 88137. 598 -2. 327 -4. 856 1. 00 1290 2HG ARG A 88137. 695 -4. 089 -4. 849 1. 00 1291 1HD ARG A 88135. 784 -2. 288 -3. 417 1. 00 1292 2HD ARG A 88135. 784 -2. 288 -3. 417 1. 00 1293 HE ARG A 88133. 909 -3. 027 -2. 609 1. 00 1294 1HH1 ARG A 88133. 446 -4. 818 -6. 189 1. 00

1313 CA ASP A 90138.302 -3.801 3.309 1.00 0.00 C

						453			
	ATOM	1314	C	ASP A	90137. 533	-3. 735	4. 624	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1315	0	ASP A	90138. 011	-3. 166	5. 606	1. 00	0.000
	ATOM	1316	CB	ASP A	90139. 763	-4. 165	3. 578	1. 00	0.00 C
	ATOM	1317	CG	ASP A	90139. 987	-5. 664	3. 624	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1318	0D1	ASP A	90140. 017	-6. 226	4. 739	1. 00	0.000
	ATOM	1319	OD2	ASP A	90140. 130	-6. 275	2. 544	1.00	0.000
	ATOM	1320	H	ASP A	90138. 781	-1. 783	2. 885	1. 00	0.00 H
	ATOM	1321	HA	ASP A	90137. 860	-4. 562	2. 685	1. 00	0.00 H
	ATOM	1322	1HB	ASP A	90140. 381	-3. 751	2. 796	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1323	2HB	ASP A	90140.063	-3. 746	4. 527	1. 00	0.00 H
	ATOM	1324	N	SER A	91136. 339	-4. 319	4. 637	1.00	0.00 N
	ATOM	1325	CA	SER A	91135. 506	-4. 326	5. 834	1. 00	0.00 C
	ATOM	1326	C	SER A	91135. 639	-5. 649	6. 582	1. 00	0.00 C
	ATOM	1327	0	SER A	91134. 700	-6. 099	7. 237	1. 00	0.000
15	ATOM	1328	CB	SER A	91134. 042	-4. 084	5. 463	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1329	0G	SER A	91133. 352	-3. 424	6. 510	1. 00	0.000
	ATOM	1330	H	SER A	91136. 012	-4. 757	3. 824	1. 00	0.00 H
	ATOM	1331	HA	SER A	91135. 842	-3. 527	6. 476	1. 00	0.00 H
	ATOM	1332	1HB	SER A	91133. 994	-3. 472	4. 575	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1333	2HB	SER A	91133. 560	-5. 032	5. 272	1. 00	0.00 H
	ATOM	1334	HG	SER A	91133. 254	-4. 021	7. 255	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1335	N	ARG A	92136. 812	-6. 266	6. 479	1. 00	0.00 N
	ATOM	1336	CA	ARG A	92137.067	-7. 537	7. 147	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1337	C	ARG A	92137. 066	-7. 367	8. 663	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	1338	0	ARG A	92136. 736	-8. 295	9. 401	1. 00	0.000
	ATOM	1339	CB	ARG A	92138. 406	-8. 118	6. 689	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1340	CG	ARG A	92138. 307	-8. 944	5. 417	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1341	CD	ARG A	92137. 309	-10. 081	5. 568	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1342	NE	ARG A	92136.010	-9. 750	4. 987	1. 00	0.00 N

							454			
	ATOM	1343	CZ	ARG .	A	92134. 911	-10. 481	5. 164	1.00	0.00 C
	ATOM	1344	NH1	ARG	A	92134. 949	-11. 582	5. 903	1. 00	0.00 N
	ATOM	1345	NH2	ARG	A	92133.771	-10. 109	4. 598	1. 00	0.00 N
	ATOM	1346	H	ARG	A	92137. 522	-5. 857	5. 942	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1347	HA	ARG	A	92136. 276	-8. 219	6. 873	1. 00	0.00 H
	ATOM	1348	1HB	ARG	A	92139. 095	-7. 305	6. 511	1. 00	0.00 H
	ATOM	1349	2HB	ARG	A	92138. 800	-8. 748	7. 472	1. 00	0.00 H
	ATOM	1350	1HG	ARG	A	92137. 988	-8. 305	4. 607	1. 00	0.00 H
	ATOM	1351	2HG	ARG	A .	92139. 279	-9. 357	5. 191	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1352	1HD	ARG	A	92137. 701	-10. 956	5. 072	1. 00	0.00 H
	ATOM	1353	2HD	ARG	A	92137. 180	-10. 293	6.619	1. 00	0.00 H
	ATOM	1354	HE	ARG	A	92135. 953	-8. 941	4. 437	1. 00	0.00 H
	ATOM	1355	1HH1	ARG	A	92135. 807	-11. 868	6. 332	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1356	2HH1	ARG	A	92134. 121	-12. 127	6. 032	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	1357	1HH2	ARG	A	92133. 736	-9. 280	4. 040	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1358	2HH2	ARG	A	92132. 945	-10. 658	4. 730	1. 00	0.00 H
	ATOM	1359	N	PHE	A	93137. 439	-6. 176	9. 122	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1360	CA	PHE	A	93137. 481	-5. 887	10. 550	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1361	C	PHE	A	93136. 780	-4. 569	10. 863	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	1362	0	PHE	A	93137. 137	-3. 875	11. 815	1. 00	0.000
	ATOM	1363	CB	PHE	A	93138. 930	-5. 835	11. 037	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1364	CG	PHE	A	93139. 691	−7. 106	10. 797	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1365	CD 1	PHE	A	93140. 083	-7. 907	11. 858	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1366	CD2	PHE	A	93140. 013	-7. 503	9. 508	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	1367	CE	PHE	Α	93140. 783	-9. 078	11. 639	1. 00	0.00 C
	ATOM	1368	CE2	2 PHE	A	93140. 713	-8. 673	9. 283	1. 00	0.00 C
	ATOM	1369	CZ	PHE	A	93141. 098	-9. 462	10. 350	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1370) H	PHE	A	93137. 693	-5. 476	8. 484		
	ATOM	1371	HA	PHE	A	93136. 968	-6. 685	11. 065	1. 00	0. 00 H

							455			
	ATOM	1372	1HB	PHE A	:	93139. 446	-5. 036	10. 524	1. 00	0.00 H
	ATOM	1373	2HB	PHE A	(93138. 938	-5. 637	12. 100	1. 00	0.00 H
	ATOM	1374	HD1	PHE A		93139. 836	-7. 607	12.866	1. 00	0.00 H
	ATOM	1375	HD2	PHE A		93139. 713	-6.887	8.674	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1376	HE1	PHE A		93141. 083	-9. 693	12. 475	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1377	HE2	PHE A		93140. 959	-8. 971	8. 275	1. 00	0.00 H
	ATOM	1378	HZ	PHE A		93141. 645	-10. 376	10. 176	1. 00	0.00 H
	ATOM	1379	N	ALA A		94135. 778	-4. 230	10. 057	1. 00	0.00 N
	ATOM	1380	CA	ALA A		94135. 027	-2. 996	10. 252	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1381	C	ALA A	L	94133. 691	-3. 270	10. 933	1. 00	0.00 C
	ATOM	1382	0	ALA A	L	94132. 872	-4. 038	10. 431	1. 00	0.000
	ATOM	1383	CB	ALA A	1	94134. 809	-2. 296	8. 918	1. 00	0.00 C
	ATOM	1384	H	ALA A	1	94135. 538	-4. 825	9. 315	1. 00	0.00 H
	ATOM	1385	HA	ALA A	l	94135. 614	-2. 345	10. 882	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1386	1HB	ALA A	A	94134. 850	-3. 021	8. 120	1. 00	0.00 H
	ATOM	1387	2HB	ALA A	A	94135. 580	-1. 554	8. 772	1. 00	0.00 H
	ATOM	1388	3HB	ALA A	A	94133. 842	-1. 815	8. 918	1. 00	0.00 H
	ATOM	1389	N	SER A	A	95133. 478	-2. 635	12. 081	1. 00	0.00 N
	ATOM	1390	CA	SER	A	95132. 240	-2. 810	12. 832	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1391	C	SER .	A	95131. 059	-2. 200	12. 085	1. 00	0.00 C
	ATOM	1392	0	SER	A	95131. 135	-1. 074	11. 594	1. 00	0.000
•	ATOM	1393	CB	SER	A	95132. 369	5 -2. 173	14. 217	1. 00	0.00 C
	ATOM	1394	OG	SER	A	95131. 40	5 -2. 708	15. 114	1. 00	0.000
	ATOM	1395	H	SER	A	95134. 169	9 -2. 034	12. 431	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1396	HA.	SER	A	95132. 07	0 -3.870	12. 947	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1397	1HB	SER	A	95133. 35	2 -2. 365	14. 611	1. 00	0.00 H
	ATOM	1398	3 2HB	SER	A	95132. 21	0 -1. 108	14. 137		
	ATOM	1399) HG	SER	A	95130. 54	4 -2.721	14. 690	1. 00	0.00 H
	ATOM	1400) N	LEU	A	96129. 96	5 -2.952	12. 003	1. 00	0.00 N

						456			
ATOM	1401	CA	LEU	A	96128. 767	-2. 486	11. 316	1. 00	0.00 C
ATOM	1402	C	LEU	A	96127. 508	-2. 961	12. 035	1. 00	0.00 C
ATOM	1403	0	LEU	A	96127. 307	-4. 159	12. 230	1. 00	0.000
ATOM	1404	CB	LEU	A	96128.759	-2. 981	9.868	1. 00	0.00 C
ATOM	1405	CG	LEU	A	96129. 541	-2. 112	8. 882	1. 00	0.00 C
ATOM	1406	CD1	LEU	A	96129. 667	-2. 811	7. 537	1. 00	0.00 C
ATOM	1407	CD2	LEU	A	96128. 869	-0. 757	8. 719	1. 00	0.00 C
ATOM	1408	H	LEU	A	96129. 965	-3. 841	12. 415	1. 00	0.00 H
ATOM	1409	HA	LEU	A	96128. 783	-1. 407	11. 317	1. 00	0.00 H
ATOM	1410	1HB	LEU	A	96129. 176	-3. 978	9. 849	1. 00	0.00 H
ATOM	1411	2HB	LEU	A	96127. 733	-3. 033	9. 534	1. 00	0.00 H
ATOM	1412	HG	LEU	A	96130. 537	-1. 949	9. 267	1. 00	0.00 H
ATOM	1413	1HD1	LEU	A	96128. 875	-2. 478	6. 882	1. 00	0.00 H
ATOM	1414	2HD1	LEU	A	96129. 590	-3. 880	7. 679	1. 00	0.00 H
ATOM	1415	3HD1	LEU	A	96130. 623	-2. 574	7. 096	1. 00	0.00 H
ATOM	1416	1HD2	LEU	A	96128. 830	-0. 257	9. 676	1. 00	0.00 H
ATOM	1417	2HD2	LEU	A	96127. 866	-0. 895	8. 344	1. 00	0.00 H
ATOM	1418	3HD2	LEU	A	96129. 435	-0. 156	8. 022	1. 00	0.00 H
ATOM	1419	N	GLN	A	97126. 665	-2. 011	12. 428	1. 00	0.00 N
ATOM	1420	CA	GLN	A	97125. 425	-2. 332	13. 127	1. 00	0.00 C
ATOM	1421	C	GLN	A	97124. 243	-2. 354	12. 156	1. 00	0.00 C
ATOM	1422	0	GLN	A	97123. 755	-1. 304	11. 739	1. 00	0.000
ATOM	1423	CB	GLN	A	97125. 167	-1. 315	14. 240	1. 00	0. 00 C
ATOM	1424	CG	GLN	A	97125. 424	-1. 863	15. 634	1. 00	0.00 C
ATOM	1425	CD	GLN	A	97124. 146	-2. 256	16. 350	1. 00	0.00 C
ATOM	1426	0E1	GLN	A	97123. 962	-1. 951	17. 528	1. 00	0.000
ATOM	1427	NE2	GLN	A	97123. 255	-2. 938	15. 639	1. 00	0.00 N
ATOM	1428	H	GLN	A	97126. 881	-1. 073	12. 244	1. 00	0.00 H
ATOM	1429	HA	GLN	A	97125. 537	-3. 311	13. 565	1. 00	0. 00 H
	ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM	ATOM 1402 ATOM 1403 ATOM 1404 ATOM 1405 ATOM 1406 ATOM 1407 ATOM 1408 ATOM 1409 ATOM 1410 ATOM 1411 ATOM 1412 ATOM 1413 ATOM 1415 ATOM 1416 ATOM 1416 ATOM 1417 ATOM 1418 ATOM 1418 ATOM 1420 ATOM 1420 ATOM 1421 ATOM 1422 ATOM 1423 ATOM 1423 ATOM 1424 ATOM 1425 ATOM 1426 ATOM 1427 ATOM 1427 ATOM 1428	ATOM 1402 C ATOM 1403 O ATOM 1404 CB ATOM 1405 CG ATOM 1406 CD1 ATOM 1407 CD2 ATOM 1408 H ATOM 1409 HA ATOM 1410 1HB ATOM 1411 2HB ATOM 1412 HG ATOM 1413 1HD1 ATOM 1414 2HD1 ATOM 1415 3HD1 ATOM 1416 1HD2 ATOM 1417 2HD2 ATOM 1418 3HD2 ATOM 1419 N ATOM 1420 CA ATOM 1421 C ATOM 1423 CB ATOM 1424 CG ATOM 1425 CD ATOM 1425 CD ATOM 1426 OE1 ATOM 1426 OE1 ATOM 1427 NE2 ATOM 1427 NE2	ATOM 1402 C LEU ATOM 1403 0 LEU ATOM 1404 CB LEU ATOM 1405 CG LEU ATOM 1406 CD1 LEU ATOM 1407 CD2 LEU ATOM 1408 H LEU ATOM 1410 1HB LEU ATOM 1411 2HB LEU ATOM 1412 HG LEU ATOM 1413 1HD1 LEU ATOM 1414 2HD1 LEU ATOM 1416 1HD2 LEU ATOM 1417 2HD2 LEU ATOM 1418 3HD2 LEU ATOM 1419 N GLN ATOM 1420 CA GLN ATOM 1421 C GLN ATOM 1422 O GLN ATOM 1423 CB GLN ATOM 1424 CG GLN	ATOM 1402 C LEU A ATOM 1403 O LEU A ATOM 1404 CB LEU A ATOM 1405 CG LEU A ATOM 1406 CD1 LEU A ATOM 1407 CD2 LEU A ATOM 1408 H LEU A ATOM 1410 1HB LEU A ATOM 1411 2HB LEU A ATOM 1412 HG LEU A ATOM 1413 1HD1 LEU A ATOM 1414 2HD1 LEU A ATOM 1415 3HD1 LEU A ATOM 1416 1HD2 LEU A ATOM 1418 3HD2 LEU A ATOM 1418 3HD2 LEU A ATOM 1420 CA GLN A ATOM 1420	ATOM 1402 C LEU A 96127. 508 ATOM 1403 0 LEU A 96127. 307 ATOM 1404 CB LEU A 96128. 759 ATOM 1405 CG LEU A 96129. 541 ATOM 1406 CD1 LEU A 96129. 667 ATOM 1407 CD2 LEU A 96128. 869 ATOM 1408 H LEU A 96128. 869 ATOM 1409 HA LEU A 96128. 869 ATOM 1410 1HB LEU A 96129. 965 ATOM 1410 1HB LEU A 96129. 733 ATOM 1411 2HB LEU A 96129. 176 ATOM 1412 HG LEU A 96129. 733 ATOM 1413 1HD1 LEU A 96129. 875 ATOM 1416 1HD2 LEU A 96129. 830 ATOM 1417 2HD2 LEU A 96129. 435 ATOM 1418	ATOM 1401 CA LEU A 96128.767 -2.486 ATOM 1402 C LEU A 96127.508 -2.961 ATOM 1403 O LEU A 96127.307 -4.159 ATOM 1404 CB LEU A 96128.759 -2.981 ATOM 1405 CG LEU A 96129.667 -2.811 ATOM 1407 CD2 LEU A 96128.869 -0.757 ATOM 1408 H LEU A 96128.783 -1.407 ATOM 1409 HA LEU A 96128.783 -1.407 ATOM 1410 1HB LEU A 96129.965 -3.841 ATOM 1410 1HB LEU A 96129.965 -3.841 ATOM 1411 2HB LEU A 96129.176 -3.978 ATOM 1412 2HB LEU A 96129.590 -3.880 ATOM 1414 2HD LEU A 96128.830 -0.257	ATOM 1401 CA LEU A 96128.767 -2. 486 11. 316 ATOM 1402 C LEU A 96127.508 -2. 961 12. 035 ATOM 1403 O LEU A 96127.307 -4. 159 12. 230 ATOM 1404 CB LEU A 96128.759 -2. 981 9. 868 ATOM 1405 CG LEU A 96129.541 -2. 112 8. 882 ATOM 1406 CD1 LEU A 96129.667 -2. 811 7. 537 ATOM 1407 CD2 LEU A 96129.965 -3. 841 12. 415 ATOM 1408 H LEU A 96129.965 -3. 841 12. 415 ATOM 1410 HB LEU A 96129.965 -3. 841 12. 415 ATOM 1411 2HB LEU A 96129.763 -3. 978 9. 849 ATOM 1412 HG LEU A 96129.7733 -3. 933 9. 267 ATOM	ATOM 1401 CA LEU A 96128.767 -2.486 11.316 1.00 ATOM 1402 C LEU A 96127.508 -2.961 12.035 1.00 ATOM 1403 O LEU A 96127.307 -4.159 12.230 1.00 ATOM 1404 CB LEU A 96128.759 -2.981 9.868 1.00 ATOM 1406 CG LEU A 96129.667 -2.811 7.537 1.00 ATOM 1407 CD2 LEU A 96129.667 -2.811 7.537 1.00 ATOM 1408 LEU A 96129.667 -2.811 7.537 1.00 ATOM 1408 HA LEU A 96129.8783 -1.407 11.317 1.00 ATOM 1411 HB LEU A 96129.176 -3.978 9.849 1.00 ATOM 1412 HB LEU A 96129.507 -3.880 7.679 1.00 ATOM <

							457			
	ATOM	1430	1HB	GLN	A	97125. 810	-0. 461	14. 089	1. 00	0.00 H
	ATOM	1431	2HB	GLN	A	97124. 138	-0. 993	14. 187	1. 00	0.00 H
	ATOM	1432	1HG	GLN	A	97126. 055	-2. 735	15. 554	1. 00	0.00 H
	ATOM	1433	2HG	GLN	A	97125. 928	-1. 107	16. 218	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1434	1HE2	GLN	A	97123. 470	-3. 146	14. 705	1. 00	0.00 H
	ATOM	1435	2HE2	GLN	A	97122. 420	-3. 205	16.076	1. 00	0.00 H
	ATOM	1436	N	PRO	A	98123. 766	-3. 555	11. 782	1. 00	0.00 N
	ATOM	1437	CA	PRO	A	98122. 638	-3. 700	10. 858	1. 00	0.00 C
	ATOM	1438	C	PRO	A	98121. 303	-3. 372	11. 518	1. 00	0.00 C
10	ATOM	1439	0	PRO	A	98121. 041	-3. 783	12. 649	1. 00	0.000
	ATOM	1440	CB	PRO	A	98122. 694	-5. 176	10. 467	1. 00	0.00 C
	ATOM	1441	CG	PRO	A	98123. 315	-5. 851	11.641	1. 00	0.00 C
	ATOM	1442	CD	PRO	A	98124. 286	-4. 863	12. 229	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1443	HA	PRO	A	98122. 765	-3. 085	9. 979	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	1444	1HB	PRO	A	98121. 694	-5. 541	10. 282	1. 00	0.00 H
	ATOM	1445	2HB	PRO	A	98123. 298	-5. 295	9. 581	1. 00	0.00 H
	ATOM	1446	1HG	PR0	A	98122. 553	-6. 103	12. 364	1. 00	0.00 H
	ATOM	1447	2HG	PRO	A	98123. 834	-6. 741	11. 320	1. 00	0.00 H
	ATOM	1448	1HD	PR0	A	98124. 284	-4. 928	13. 307	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1449	2HD	PRO	A	. 98125. 279	-5. 033	11. 841	1. 00	0.00 H
	MOTA	1450	N	SER	A	99120. 462	-2. 631	10. 804	1. 00	0.00 N
	ATOM	1451	CA	SER	. A	99119. 153	-2. 249	11. 322	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1452	C	SER	A	99118. 076	-3. 219	10. 847	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1453	0	SER	. A	99117. 225	-3. 649	11.627	1. 00	0.000
25	ATOM	1454	CB	SER	A	99118. 803	-0. 826	10.882	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1455	OG.	SER	A	99117. 906	-0. 216	11. 794	1. 00	0.000
	ATOM	1456	Н	SER	A	99120. 727	-2. 335	9. 909	1. 00	0.00 H
	ATOM	1457	HA.	SER	A	99119. 200	-2. 282	12. 399	1. 00	0.00 H
	ATOM	1458	3 1HB	SER	A	99119. 705	-0. 235	10. 834	1. 00	0.00 H

			_				438					
	ATOM	1459	2HB	SER A	L	99118. 341	-0. 857	9. 907	1. 00	0. 0	0]	Ħ
	ATOM	1460	HG	SER A	L	99117. 119	0. 070	11. 326	1. 00	0. 0	0]	H
	ATOM	1461	N	GLY A	l	100118. 117	-3. 561	9. 563	1. 00	0. 0	0]	N
	ATOM	1462	CA	GLY A	1	100117. 140	-4. 477	9.006	1. 00	0. 0	0	C
5	ATOM	1463	C	GLY A	l	100117. 762	-5. 478	8. 050	1. 00	0. 0	0	C
	ATOM	1464	0	GLY A	Į	100118. 930	-5. 840	8. 200	1. 00	0. 0	0	0
	ATOM	1465	H	GLY A	1	100118. 819	-3. 187	8. 988	1. 00	0. 0	0	H
	ATOM	1466	1HA	GLY A	I	100116.667	-5. 015	9. 815	1. 00	0. 0	0	H
	ATOM	1467	2HA	GLY A	I	100116. 390	-3. 909	8. 478	1. 00	0. 0	0	H
10	ATOM	1468	N	PRO A	4	101117. 001	-5. 947	7. 047	1. 00	0. 0	0	N
	ATOM	1469	CA	PRO A	A	101117. 498	-6. 916	6.065	1. 00	0. 0	0	C
	ATOM	1470	C	PRO A	A	101118. 546	-6. 311	5. 135	1. 00	0. 0	0	C
	ATOM	1471	0	PRO A	A	101119. 493	-6. 984	4. 730	1. 00	0. 0	0	0
	ATOM	1472	CB	PRO A	A	101116. 244	-7. 303	5. 277	1. 00	0. 0	0	C
15	ATOM	1473	CG	PRO	A	101115. 329	-6. 138	5. 425	1. 00	0. 0	0	C
	ATOM	1474	CD	PRO .	A	101115. 598	-5. 570	6. 791	1. 00	0.0	0	C
	ATOM	1475	HA	PRO.	A	101117. 909	-7. 791	6. 546	1. 00	0. 0	0	H
	ATOM	1476	1HB	PRO.	A	101116. 503	-7. 474	4. 243	1. 00	0. 0	0	H
	ATOM	1477	2HB	PRO	A	101115. 813	-8. 199	5. 699	1. 00	0. 0	0	H
20	ATOM	1478	1HG	PR0	A	101115. 545	-5. 402	4.664	1. 00	0. (
	ATOM	1479	2HG	PRO	A	101114. 302	-6. 465	5. 351	1. 00	0. (0	H
	ATOM	1480	1HD	PR0	A	101115. 482	-4. 497	6. 784	1. 00	0. (0	H
	ATOM	1481	2HD	PR0	A	101114. 940	-6. 018	7. 522	1. 00	0. (00	H
	ATOM	1482	N	SER	A	102118. 367	-5. 037	4. 801	1. 00	0. (00	N
25	ATOM	1483	CA	SER	A	102119. 297	-4. 341	3. 919	1. 00	0. (00	C
	ATOM	1484	C	SER	A	102118. 912	-2. 873	3. 773	1. 00	0. (00	C
	ATOM	1485	0	SER	A	102119. 748	-1. 983	3. 931	1. 00	0.	00	0
	ATOM	1486	CB	SER	A	102119. 328	-5. 012	2. 544	1. 00	0.	00	C
	ATOM	1487	0G	SER	A	102118. 028	-5. 404	2. 138	1. 00	0.	00	0

1	5	O
-	. 1	7

							737			
	ATOM	1488	H	SER	A	102117. 592	-4. 554	5. 156	1. 00	0.00 H
	ATOM	1489	HA	SER	A	102120. 281	-4. 401	4. 361	1. 00	0.00 H
	ATOM	1490	1HB	SER	A	102119. 724	-4. 319	1. 817	1. 00	0.00 H
	ATOM	1491	2HB	SER	A	102119. 958	-5. 888	2. 587	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1492	HG	SER	A	102117. 584	-4.662	1. 720	1. 00	0.00 H
	ATOM	1493	N	SER	A	103117. 641	-2.626	3. 472	1. 00	0.00 N
	ATOM	1494	CA	SER	A	103117. 145	-1. 265	3. 305	1. 00	0.00 C
	ATOM	1495	C	SER	A	103115. 622	-1. 246	3. 240	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1496	0	SER	A	103114. 978	-2. 295	3. 195	1. 00	0.000
10	ATOM	1497	CB	SER	A	103117. 729	-0. 639	2. 037	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1498	0G	SER	A	103118. 925	0.066	2. 321	1. 00	0.000
	ATOM	1499	H	SER	A	103117. 022	-3. 378	3. 359	1. 00	0.00 H
	ATOM	1500	HA	SER	A	103117. 465	-0. 689	4. 160	1. 00	0.00 H
	ATOM	1501	1HB	SER	A	103117. 946	-1. 417	1. 321	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1502	2HB	SER	A	103117. 011	0.048	1. 615	1. 00	0.00 H
	ATOM	1503	HG	SER	A	103119. 621	-0. 234	1. 732	1. 00	0.00 H
	ATOM	1504	N	GLY	A	104115. 049	-0.046	3. 236	1. 00	0.00 N
	ATOM	1505	CA	GLY	A	104113. 605	0.086	3. 176	1. 00	0.00 C
	ATOM	1506	C	GLY	A	104113. 168	1. 467	2. 728	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1507	0	GLY	A	104112. 708	2. 251	3. 585	1. 00	0.000
	ATOM	1508	OXT	GLY	A	104113. 285	1.764	1. 521	1. 00	0.000
	ATOM	1509	H	GLY	A	104115. 612	0. 755	3. 273	1. 00	0.00 H
	ATOM	1510	1HA	GLY	A	104113. 216	-0. 645	2. 484	1. 00	0.00 H
	MOTA	1511	2HA	GLY	A	104113. 196	-0. 108	4. 157	1. 00	0.00 H
25	TER	1512	GLY .	A 10	4					

ENDMDL

立体構造座標表 9

ATOM 1 N GLY A 1127. 996 -5. 495 4. 967 1. 00 0. 00 N

	ATOM 2	CA	GLY A	1127. 436	-4. 222	5. 499	1.00	0.00 C
	ATOM 3	С	GLY A	1127. 407	-3. 121	4. 459	1.00	0.00 C
	ATOM 4	0	GLY A	1126. 530	-2. 258	4. 483	1. 00	0.000
	ATOM 5 1	H	GLY A	1129. 036	-5. 459	4. 975	1. 00	0.00 H
5	ATOM 6 2	H	GLY A	1127. 674	-5. 646	3. 989	1. 00	0.00 H
	ATOM 7 3	H	GLY A	1127. 683	-6. 296	5. 551	1. 00	0.00 H
	ATOM 8 1	HA	GLY A	1126. 428	-4. 402	5. 845	1. 00	0.00 H
	ATOM 9 2	HA	GLY A	1128. 040	-3.898	6. 334	1. 00	0.00 H
	ATOM10	N	SER A	2128. 369	-3. 150	3. 543	1. 00	0.00 N
10	ATOM11	CA	SER A	2128. 452	-2. 145	2. 488	1.00	0.00 C
	ATOM12	C	SER A	2127. 262	-2. 254	1. 539	1. 00	0.00 C
	ATOM13	0	SER A	2126. 460	-1. 327	1. 425	1. 00	0.000
	ATOM14	CB	SER A	2129. 758	-2. 301	1. 707	1. 00	0.00 C
	ATOM15	0G	SER A	2130. 194	-3. 649	1. 704	1. 00	0.000
15	ATOM16	H	SER A	2129. 040	-3.863	3. 576	1. 00	0.00 H
	ATOM17	HA	SER A	2128. 436	-1. 172	2. 956	1. 00	0.00 H
	ATOM18	1HB	SER A	2129. 604	-1. 984	0. 686	1. 00	0.00 H
	ATOM19 2	2HB	SER A	2130. 522	-1. 688	2. 163	1. 00	0.00 H
	ATOM20	HG	SER A	2130. 040	-4. 034	0. 839	1. 00	0.00 H
20	ATOM21	N	SER A	3127. 155	-3. 392	0.861	1. 00	0.00 N
	ATOM22	CA	SER A	3126. 063	-3.622	-0. 079	1. 00	0.00 C
	ATOM23	С	SER A	3124. 712	-3. 534	0. 624	1. 00	0.00 C
	ATOM24	0	SER A	3124. 618	-3. 732	1. 836	1. 00	0.000
	ATOM25	CB	SER A	3126. 216	-4. 989	-0. 747	1. 00	0.00 C
25	ATOM26	0G	SER A	3126. 958	-4. 889	-1.950	1. 00	0.000
	ATOM27	H	SER A	3127. 825	-4. 094	0. 995	1. 00	0.00 H
	ATOM28	HA	SER A	3126. 111	-2. 853	-0. 836	1. 00	0.00 H
	ATOM29	1HB	SER A	3126. 733	-5. 659	-0. 076	1. 00	0.00 H
	ATOM30	2HB	SER A	3125. 239	-5. 388	-0. 972	1. 00	0.00 H

	PC
◥	

**	2004/010	,01			461			01,012000
	ATOM31	HG	SER A	3127. 724	-4. 327	-1. 809	1. 00	0.00 H
	ATOM32	N	GLY A	4123.668	-3. 236	-0. 143	1. 00	0.00 N
	ATOM33	CA	GLY A	4122. 338	-3. 127	0. 425	1. 00	0.00 C
	ATOM34	C	GLY A	4122. 252	-2.063	1. 500	1. 00	0.00 C
5	ATOM35	0	GLY A	4123. 271	-1. 522	1. 928	1. 00	0.000
	ATOM36	H	GLY A	4123.804	-3.088	-1. 103	1. 00	0.00 H
	ATOM37	1HA	GLY A	4121.641	-2.885	-0. 364	1. 00	0.00 H
	ATOM38	2HA	GLY A	4122.062	-4.080	0.853	1. 00	0.00 H
	ATOM39	N	SER A	5121.032	-1.761	1. 938	1. 00	0.00 N
10	ATOM40	CA	SER A	5120.812	-0.752	2. 971	1. 00	0.00°C
	ATOM41	C	SER A	5121. 111	0. 647	2. 440	1. 00	0.00 C
	ATOM42	0	SER A	5120. 218	1. 488	2. 344	1. 00	0.000
	ATOM43	CB	SER A	5121.680	-1.042	4. 198	1. 00	0.00 C
	ATOM44	0G	SER A	5120. 979	-0.763	5. 397	1. 00	0.000
15	ATOM45	H	SER A	5120. 260	-2. 229	1. 555	1. 00	0.00 H
	ATOM46	HA	SER A	5119.773	-0.799	3. 259	1. 00	0.00 H
	ATOM47	1HB	SER A	5121.964	-2.085	4. 197	1. 00	0. 00 H
	ATOM48	2HB	SER A	5122. 568	-0. 428	4. 162	1. 00	0. 00 H
	ATOM49	HG	SER A	5120. 189	-1. 306	5. 440	1. 00	0.00 H
20	ATOM50	N	SER A	6122. 373	0.889	2. 097	1. 00	0.00 N
	ATOM51	CA	SER A	6122. 793	2. 186	1. 576	1. 00	0.00 C
	ATOM52	C	SER A	6122. 700	3. 261	2. 653	1. 00	0.00 C
	ATOM53	0	SER A	6121. 654	3. 883	2. 837	1. 00	0.000
	ATOM54	CB	SER A	6121. 937	2. 580	0. 369	1. 00	0.00 C
25	ATOM55	0G	SER A	6121. 576	1. 443	-0. 394	1. 00	0.000
	ATOM56	H	SER A	6123. 040	0. 178	2. 198	1. 00	0.00 H
	ATOM57	HA	SER A	6123. 822	2. 098	1. 262	1. 00	0.00 H
	ATOM58	1HB	SER A	6121. 038	3.068	0. 713	1. 00	0.00 H
	ATOM59	2HB	SER A	6122. 497	3. 259	-0. 259	1. 00	0.00 H

						462	,		
	ATOM60	HG	SER	A	6120.764	1. 623	-0. 873	1.00	0.00 H
	ATOM61	N	GLY	A	7123. 804	3. 476	3. 363	1. 00	0.00 N
	ATOM62	CA	GLY	A	7123. 829	4. 477	4. 412	1. 00	0.00 C
	ATOM63	C	GLY	A	7125. 104	5. 296	4. 400	1. 00	0.00 C
5	ATOM64	0	GLY	A	7125. 065	6. 520	4. 527	1. 00	0.000
	ATOM65	H	GLY	A	7124. 609	2. 950	3. 170	1. 00	0.00 H
	ATOM66	1HA	GLY	A	7122. 986	5. 140	4. 283	1.00	0.00 H
	ATOM67	2HA	GLY	A	7123. 740	3. 983	5. 369	1.00	0.00 H
	ATOM68	N	LEU	A	8126. 238	4. 620	4. 248	1.00	0.00 N
10	ATOM69	CA	LEU	A	8127. 532	5. 292	4. 219	1. 00	0.00 C
	ATOM70	C	LEU	A	8128. 105	5. 309	2. 805	1.00	0.00 C
	ATOM71	0	LEU	A	8128. 927	4. 466	2. 448	1. 00	0.000
	ATOM72	CB	LEU	A	8128. 512	4. 600	5. 169	1. 00	0.00 C
	ATOM73	CG	LEU	A	8127. 931	4. 217	6. 531	1. 00	0. 00 C
15	ATOM74	CD1	LEU	A	8128. 639	2. 991	7. 087	1. 00	0.00 C
	ATOM75	CD2	LEU	A	8128. 039	5. 384	7. 502	1. 00	0.00 C
	ATOM76	H	LEU	A	8126. 204	3. 645	4. 152	1. 00	0.00 H
	ATOM77	HA	LEU	A	8127. 384	6. 310	4. 548	1. 00	0.00 H
	ATOM78	1HB	LEU	A	8128. 872	3. 702	4. 689	1. 00	0.00 H
20	ATOM79	2HB	LEU	A	8129. 349	5. 261	5. 333	1.00	0.00 H
	ATOM80	HG	LEU	A	8126. 885	3. 974	6. 415	1. 00	0.00 H
	ATOM81	1HD1	LEU	A	8128. 427	2. 901	8. 143	1. 00	0.00 H
	ATOM82	2HD1	LEU	A	8129. 705	3. 094	6. 942	1. 00	0.00 H
	ATOM83	3HD1	LEU	A	8128. 288	2. 108	6. 573	1. 00	0.00 H
25	ATOM84	1HD2	LEU	A	8127. 268	5. 299	8. 253	1. 00	0.00 H
	ATOM85	2HD2	LEU	A	8127. 917	6. 312	6.964	1. 00	0.00 H
	ATOM86	3HD2	LEU	A	8129. 008	5. 368	7. 978	1. 00	0.00 H
	ATOM87	N	ALA	A	9127. 663	6. 274	2. 004	1. 00	0.00 N
	88MOTA	CA	ALA	A	9128. 131	6. 400	0. 630	1. 00	0.00 C

								463						
	ATOM89	C	ALA	A 91	28.	306	7. 86	64	0. 2	41	1. 00	0.00	С	
	ATOM90	0	ALA	A 91	127.	411	8. 68	33	0. 4	50	1. 00	0.00	0	
	ATOM91	CB	ALA	A 9	127.	166	5. 71	10 -	-0. 3	21	1. 00	0.00	С	
	ATOM92	H	ALA	A 9	127.	007	6. 91	17	2. 3	47	1. 00	0.00	H	
5	ATOM93	НА	ALA	A 9	129.	880	5. 90)3	0. 5	58	1. 00	0.00	H	
	ATOM94	1HB	ALA	A 9	126.	500	6. 44	44 -	-0. 7	53	1. 00	0.00	H	
	ATOM95	2HB	ALA	A 9	126.	588	4. 97	76	0. 2	22	1. 00	0.00	H	
	ATOM96	ЗНВ	ALA	A 9	127.	721	5. 22	22 -	-1. 1	07	1. 00	0.00	H	
	ATOM97	N	MET	A 10	129.	464	8. 18	86 ·	-0. 3	26	1. 00	0.00	N	
10	ATOM98	CA	MET	A 10	129.	. 755	9. 5	53	-0. 7	46	1. 00	0.00	C	
	ATOM99	C	MET	A 10	130	. 359	9. 5'	75	-2. 1	48	1. 00	0.00	C	
	ATOM	100	0	MET	A	10131.	577	9.	500	-2.	309	1. 00	0.00	0
	ATOM	101	CB	MET	A	10130.	713	10.	218	0.	244	1. 00	0.00	C
	ATOM	102	CG	MET	A	10130.	546	11.	726	0.	332	1. 00	0.00	Ċ
15	ATOM	103	SD	MET	A	10132.	032	12.	556	0.	926	1. 00	0.00	S
	ATOM	104	CE	MET	A	10132.	482	11.	502	2.	302	1. 00	0.00	C
	ATOM	105	H	MET	A	10130.	137	7.	489	-0.	466	1. 00	0. 00	H
	ATOM	106	HA	MET	A	10128.	826	10.	101	-0.	756	1. 00	0. 00	H
	ATOM	107	1HB	MET	A	10130.	546	9.	801	1.	225	1. 00	0. 00	
20	ATOM	108	2HB	MET	A	10131.	728	10.	800		059	1. 00	0. 00	
	ATOM	109	1HG	MET	A	10130.	307	12.	107		649	1. 00	0.00	
	ATOM	110	2HG	MET	A	10129.	733	11.	945	1.	009	1. 00	0. 00	
	ATOM	111	1HE	MET	A	10131.	660	10.	838		531	1. 00	0. 00	
	ATOM		2HE		A	10132.			111		. 166	1. 00	0. 00	
25	ATOM	113	3HE			10133.		10.	919		. 040	1. 00	0.00	
	ATOM	114	N	PR0		11129.			679		. 186	1. 00	0. 00	
	ATOM	115	CA			11129.			712		. 578	1. 00	0.00	
	ATOM	116	C	PR0		11130			829		. 830	1. 00	0.00	
	ATOM	117	0	PR0	A	11132	013	10.	604	-5	. 461	1. 00	0.00	0

		•				464			
	ATOM	118	CB	PRO A	11128. 690	9. 958	-5. 383	1. 00	0.00 C
	MOTA	119	CG	PRO A	11127. 575	9. 536	-4. 490	1. 00	0.00 C
	MOTA	120	CD	PRO A	11128. 044	9. 776	-3.082	1. 00	0.00 C
	ATOM	121	HA	PRO A	11130. 404	8. 768	-4.869	1. 00	0.00 H
5	ATOM	122	1HB	PRO A	11128. 619	11. 004	-5.640	1. 00	0. 00 H
	ATOM	123	2HB	PRO A	11128. 714	9. 365	-6. 286	1. 00	0.00 H
	ATOM	124	1HG	PRO A	11126. 699	10. 131	-4. 695	1. 00	0.00 H
	ATOM	125	2HG	PRO A	11127. 361	8. 488	-4. 639	1. 00	0.00 H
	ATOM	126	1HD	PRO A	11127. 745	10. 759	-2. 747	1. 00	0.00 H
10	ATOM	127	2HD	PRO A	11127. 654	9. 016	-2. 420	1. 00	0.00 H
	ATOM	128	N	PRO A	12130. 705	12. 051	-4. 336	1. 00	0.00 N
	ATOM	129	CA	PRO A	12131. 611	13. 191	-4. 516	1. 00	0.00 C
	ATOM	130	C	PRO A	12132. 995	12. 918	-3. 938	1. 00	0.00 C
	ATOM	131	0	PRO A	12133. 971	13. 573	-4. 303	1. 00	0.000
15	ATOM	132	CB	PRO A	12130. 928	14. 329	-3. 749	1. 00	0.00 C
	ATOM	133	CG	PRO A	12129. 499	13. 920	-3. 643	1. 00	0.00 C
	ATOM	134	CD	PRO A	12129. 506	12. 421	-3.563	1. 00	0.00 C
	ATOM	135	HA	PRO A	12131. 705	13. 460	-5. 558	1. 00	0.00 H
	ATOM	136	1HB	PRO A	12131. 382	14. 431	-2. 775	1. 00	0.00 H
20	ATOM	137	2HB	PRO A	12131. 033	15. 251	-4. 300	1. 00	0.00 H
	ATOM	138	1HG	PRO A	12129. 061	14. 342	-2. 750	1. 00	0.00 H
	ATOM	139	2HG	PRO A	12128. 957	14. 246	-4. 519	1. 00	0.00 H
	ATOM	140	1HD	PRO A	12129. 593	12. 098	-2. 536	1. 00	0.00 H
	ATOM	141	2HD	PRO A	12128. 615	12. 015	-4. 013	1. 00	0.00 H
25	ATOM	142	N	GLY A	13133. 070	11. 946	-3. 033	1. 00	0.00 N
	ATOM	143	CA	GLY A	13134. 339	11. 603	-2. 418	1. 00	0.00 C
	ATOM	144	C	GLY A	13135. 224	10. 780	-3. 333	1. 00	0.00 C
	ATOM	145	0	GLY A	13135. 246	10. 995	-4. 545	1. 00	0.000
	ATOM	146	H	GLY A	13132. 258	11. 458	-2. 781	1. 00	0.00 H



	ATOM	147	1HA	GLY	A	13134. 858	12. 515	-2. 158	1. 00	0.00 H
	ATOM	148	2HA	GLY	A	13134. 149	11. 040	-1. 517	1. 00	0.00 H
	ATOM	149	N	ASN	A	14135. 956	9. 835	-2. 753	1. 00	0.00 N
	ATOM	150	CA	ASN	A	14136. 846	8. 976	-3. 524	1. 00	0.00 C
5	ATOM	151	C	ASN	A	14136. 100	7. 759	-4.061	1. 00	0. 00 C
	ATOM	152	0	ASN	A	14136. 231	7. 404	-5. 232	1. 00	0.000
	ATOM	153	CB	ASN	A	14138. 027	8. 525	-2.662	1. 00	0.00 C
	ATOM	154	CG	ASN	A	14138. 857	9. 692	-2. 162	1. 00	0.00 C
	ATOM	155	OD 1	ASN	A	14138. 854	10. 769	-2. 756	1. 00	0.000
10	ATOM	156	ND2	ASN	A	14139. 573	9. 481	-1.064	1. 00	0. 00 N
	ATOM	157	H	ASN	A	14135. 895	9. 712	-1. 782	1. 00	0.00 H
	ATOM	158	HA	ASN	A	14137. 220	9. 551	-4. 358	1. 00	0.00 H
	ATOM	159	1HB	ASN	A	14137. 653	7. 982	-1. 806	1. 00	0.00 H
	ATOM	160	2HB	ASN	A	14138. 663	7. 876	-3. 245	1. 00	0.00 H
15	ATOM ·	161	1HD2	ASN	A	14139. 527	8. 597	-0. 644	1. 00	0. 00 H
•	ATOM	162	2HD2	ASN	A	14140. 120	10. 217	-0.719	1. 00	0.00 H
	ATOM	163	N	SER	A	15135. 315	7. 125	-3. 196	1. 00	0.00 N
	ATOM	164	CA	SER	A	15134. 547	5. 947	-3. 583	1. 00	0. 00 C
	ATOM	165	C	SER	A	15133. 644	5. 488	-2. 442	1. 00	0.00 C
20	ATOM	166	0	SER	A	15132. 494	5. 108	-2.662	1. 00	0.000
	ATOM	167	CB	SER	A	15135. 486	4. 812	-3. 996	1. 00	0.00 C
	ATOM	168	0G	SER	A	15136. 245	4. 351	-2.892	1. 00	0.000
	ATOM	169	H	SER	A	15135. 251	7. 455	-2. 275	1. 00	0. 00 H
	ATOM	170	HA	SER	A	15133. 930	6. 217	-4. 427	1. 00	0. 00 H
25	MOTA	171	1HB	SER	A	15134. 904	3. 989	-4. 385	1. 00	0.00 H
	ATOM	172	2HB	SER	A	15136. 162	5. 168	-4. 759	1. 00	0. 00 H
	ATOM	173	HG	SER	A	15137. 023	4. 903	-2. 786	1. 00	0.00 H
	ATOM	174	N	HIS	A	16134. 175	5. 525	-1. 224	1. 00	0.00 N
	ATOM	175	CA	HIS	A	16133. 417	5. 111	-0.049	1. 00	0. 00 C



	ATOM	176	C	HIS	A	16133. 979	5. 757	1. 214	1. 00	0. 00 C
	ATOM	177	0	HIS	A	16133. 236	6. 307	2. 026	1. 00	0.000
	ATOM	178	CB	HIS	A	16133. 435	3. 586	0.086	1. 00	0.00 C
	ATOM	179	CG	HIS	A	16132. 079	2. 962	-0.010	1. 00	0.00 C
5	ATOM	180	ND 1	HIS	A	16131. 135	3. 053	0. 991	1. 00	0.00 N
	ATOM	181	CD2	HIS	A	16131. 507	2. 232	-0. 998	1. 00	0.00 C
	ATOM	182	CE 1	HIS	A	16130. 042	2. 407	0.624	1. 00	0.00 C
	ATOM	183	NE 2	HIS	A	16130. 242	1. 900	-0. 578	1. 00	0.00 N
	ATOM	184	Н	HIS	A	16135. 097	5. 836	-1. 113	1. 00	0.00 H
10	ATOM	185	HA	HIS	A	16132. 397	5. 439	-0. 181	1. 00	0.00 H
	ATOM	186	1HB	HIS	A	16134. 049	3. 170	-0. 699	1. 00	0.00 H
	ATOM	187	2HB	HIS	A	16133. 858	3. 320	1. 044	1. 00	0.00 H
	ATOM	188	HD 1	HIS	A	16131. 249	3. 521	1. 845	1. 00	0.00 H
	ATOM	189	HD2	HIS	A	16131. 962	1. 962	-1. 940	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	190	HE 1	HIS	A	16129. 139	2. 311	1. 208	1. 00	0.00 H
	ATOM	191	HE2	HIS	A	16129. 625	1. 303	-1. 049	1. 00	0.00 H
	ATOM	192	N	GLY	A	17135. 297	5. 683	1. 373	1. 00	0.00 N
	ATOM	193	CA	GLY	A	17135. 936	6. 264	2. 539	1. 00	0.00 C
	ATOM	194	C	GLY	A	17137. 228	5. 562	2. 903	1. 00	0.00 C
20	ATOM	195	0	GLY	A	17137. 354	5.004	3. 994	1. 00	0.000
	ATOM	196	H	GLY	A	17135. 839	5. 232	0.693	1. 00	0.00 H
	ATOM	197	1HA	GLY	A	17136. 149	7. 304	2. 339	1.00	0.00 H
	ATOM	198	2HA	GLY	A	17135. 257	6. 203	3. 377	1. 00	0.00 H
	ATOM	199	N	LEU	A	18138. 193	5. 587	1. 989	1. 00	0.00 N
25	ATOM	200	CA	LEU	A	18139. 483	4. 948	2. 219	1. 00	0.00 C
	ATOM	201	C	LEU	A	18140. 546	5. 982	2. 577	1. 00	0.00 C
	ATOM	202	0	LEU	A	18140. 944	6. 792	1. 741	1. 00	0.000
	ATOM	203	CB	LEU	A	18139. 915	4. 162	0. 980	1. 00	0.00 C
	ATOM	204	CG	LEU	A	18138. 847	3. 235	0.396	1. 00	0.00 C



	ATOM	205	CD1	LEU	A	18139. 067	3. 043	-1. 097	1. Ò0	0. 00 C
	ATOM	206	CD2	LEU	A	18138. 857	1. 894	1. 114	1. 00	0.00 C
	ATOM	207	H	LEU	A	18138. 033	6.049	1. 139	1. 00	0.00 H
	ATOM	208	HA	LEU	A	18139. 370	4. 264	3. 047	1. 00	0.00 H
5	ATOM	209	1HB	LEU	A	18140. 207	4. 868	0. 216	1. 00	0.00 H
	ATOM	210	2HB	LEU	A	18140. 775	3. 563	1. 240	1. 00	0.00 H
	ATOM	211	HG	LEU	A	18137. 875	3. 684	0. 534	1. 00	0.00 H
	ATOM	212	1HD1	LEU	A	18138. 111	2. 991	-1. 597	1. 00	0.00 H
	ATOM	213	2HD1	LEU	A	18139. 612	2. 126	-1. 266	1. 00	0.00 H
10	ATOM	214	3HD1	LEU	A	18139. 632	3. 876	-1. 488	1. 00	0.00 H
	ATOM	215	1HD2	LEU	A	18137. 880	1. 440	1. 041	1. 00	0.00 H
	ATOM	216	2HD2	LEU	A	18139. 107	2. 045	2. 154	1. 00	0.00 H
	ATOM	217	3HD2	LEU	A	18139. 590	1. 246	0.658	1. 00	0.00 H
	ATOM	218	N	GLU	A	19141. 003	5. 945	3. 825	1. 00	0.00 N
15	ATOM	219	CA	GLU	A	19142. 020	6. 879	4. 293	1. 00	0.00 C
	ATOM	220	C	GLU	A	19143. 006	6. 186	5. 228	1. 00	0.00 C
	ATOM	221	0	GLU	A	19142. 874	4. 996	5. 513	1. 00	0.000
	ATOM	222	CB	GLU	A	19141. 365	8.062	5. 010	1. 00	0.00 C
	ATOM	223	CG	GLU	A	19140. 356	7. 647	6.069	1. 00	0.00 C
20	ATOM	224	CD	GLU	A	19140. 441	8. 499	7. 320	1. 00	0.00 C
	ATOM	225	0E 1	GLU	A	19139. 379	8. 824	7. 891	1. 00	0.000
	ATOM	226	0E2	GLU	A	19141. 570	8. 843	7. 730	1. 00	0.000
	ATOM	227	H	GLU	A	19140. 647	5. 276	4. 445	1. 00	0.00 H
	MOTA	228	HA	GLU	A	19142. 556	7. 246	3. 431	1. 00	0.00 H
25	ATOM	229	1HB	GLU	A	19142. 135	8. 649	5. 487	1. 00	0.00 H
	ATOM	230	2HB	GLU	A	19140. 856	8. 674	4. 280	1. 00	0.00 H
	ATOM	231	1HG	GLU	A	19139. 363	7. 738	5. 657	1. 00	0.00 H
	ATOM	232	2HG	GLU	A	19140. 540	6. 618	6. 340	1. 00	0.00 H
	ATOM	233	N	VAL	A	20143. 994	6. 939	5. 702	1. 00	0.00 N

		,					468			
	ATOM	234	CA	VAL	A	20145. 003	6. 398	6.605	1. 00	0.00 C
	ATOM	235	C	VAL	A	20144. 363	5. 835	7. 870	1. 00	0.00 C
	ATOM	236	0	VAL	A	20143. 408	6. 402	8. 400	1. 00	0.000
	ATOM	237	CB	VAL	A	20146. 035	7. 470	7. 000	1. 00	0.00 C
5	ATOM	238	CG1	VAL	A	20147. 175	6. 849	7. 793	1. 00	0. 00 C
	ATOM	239	CG2	VAL	A	20146. 563	8. 184	5. 765	1. 00	0.00 C
	ATOM	240	H	VAL	A	20144. 045	7. 882	5. 438	1. 00	0.00 H
	ATOM	241	HA	VAL	A	20145. 520	5. 603	6. 089	1. 00	0.00 H
	ATOM	242	HB	VAL	A	20145. 546	8. 199	7. 628	1. 00	0.00 H
10	ATOM	243	1HG1	VAL	A	20146. 826	6. 589	8. 781	1. 00	0.00 H
	ATOM	244	2HG1	VAL	A	20147. 987	7. 558	7. 873	1. 00	0.00 H
	ATOM	245	3HG1	VAL	A	20147. 523	5.960	7. 289	1. 00	0.00 H
	ATOM	246	1HG2	VAL	A	20145. 905	9. 001	5. 513	1. 00	0. 00 H
	ATOM	247	2HG2	VAL	A	20146. 608	7. 489	4. 939	1. 00	0.00 H
15	ATOM	248	3HG2	VAL	A	20147. 552	8. 568	5. 965	1. 00	0. 00 H
	ATOM	249	N	GLY	A	21144. 897	4. 714	8. 348	1. 00	0.00 N
	ATOM	250	CA	GLY	A	21144. 365	4.094	9. 547	1. 00	0. 00 C
	ATOM	251	C	GLY	A	21143. 362	2. 999	9. 237	1. 00	0. 00 C
	ATOM	252	0	GLY	A	21143. 332	1. 968	9. 909	1. 00	0.000
20	ATOM	253	H	GLY	A	21145. 657	4. 307	7. 882	1. 00	0. 00 H
	ATOM	254	1HA	GLY	A	21145. 181	3. 670	10. 111	1. 00	0. 00 H
	ATOM	255	2HA	GLY	A	21143. 881	4. 850	10. 147	1. 00	0. 00 H
	ATOM	256	N	SER	A	22142. 540	3. 222	8. 216	1. 00	0. 00 N
	ATOM	257	CA	SER	. A	22141. 533	2. 247	7. 819	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	258	C	SER	. A	22142. 140	1. 169	6. 927	1. 00	0. 00 C
	ATOM	259	0	SER	. A	22143. 184	1. 377	6. 308	1. 00	0.000
	ATOM	260	CB	SER	A	22140. 381	2. 940	7. 088	1. 00	0. 00 C
	ATOM	261	0G	SER	A	22139. 915	4. 061	7. 820	1. 00	0.000
	ATOM	262	H	SER	A	22142. 615	4. 063	7. 719	1. 00	0.00 H

		•					469			
	ATOM	263	HA	SER	A	22141. 150	1. 782	8. 716	1. 00	0. 00 H
	ATOM	264	1HB	SER	A	22140. 722	3. 275	6. 120	1. 00	0. 00 H
	ATOM	265	2HB	SER	A	22139. 566	2. 244	6. 962	1. 00	0. 00 H
	ATOM	266	HG	SER	A	22139. 825	3. 824	8. 746	1. 00	0.00 H
5	ATOM	267	N	LEU	A	23141. 480	0. 017	6. 867	1. 00	0. 00 N
	ATOM	268	CA	LEU	A	23141. 956	-1. 095	6. 052	1. 00	0.00 C
	ATOM	269	C	LEU	A	23141. 365	-1. 033	4. 648	1. 00	0. 00 C
	ATOM	270	0	LEU	A	23140. 256	-0. 536	4. 451	1. 00	0.000
	ATOM	271	CB	LEU	A	23141. 597	-2. 428	6. 711	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	272	CG	LEU	A	23142. 398	-2. 764	7. 970	1. 00	0. 00 C
	ATOM	273	CD1	LEU	A	23141. 572	-3. 626	8. 913	1. 00	0. 00 C
	ATOM	274	CD2	LEU	A	23143. 697	-3. 466	7. 602	1. 00	0.00 C
	ATOM	275	H	LEU	A	23140. 655	-0. 089	7. 384	1. 00	0.00 H
	ATOM	276	HA	LEU	A	23143. 031	-1. 017	5. 981	1. 00	0.00 H
15	ATOM	277	1HB	LEU	A	23140. 549	-2. 406	6. 971	1. 00	0.00 H
	ATOM	278	2HB	LEU	A	23141. 755	-3. 216	5. 990	1. 00	0.00 H
	ATOM	279	HG	LEU	A	23142. 646	-1. 848	8. 485	1. 00	0.00 H
	ATOM	280	1HD1	LEU	A	23141. 798	-4. 668	8. 739	1. 00	0.00 H
	ATOM	281	2HD 1	LEU	A	23140. 522	-3. 451	8. 734	1. 00	0.00 H
20	ATOM	282	3HD1	LEU	A	23141. 811	-3. 372	9. 935	1. 00	0.00 H
	ATOM	283	1HD2	LEU	A	23144. 307	-3. 580	8. 485	1. 00	0.00 H
	ATOM	284	2HD2	LEU	A	23144. 230	-2. 877	6.870	1. 00	0.00 H
	ATOM	285	3HD2	LEU	A	23143. 475	-4. 439	7. 190	1. 00	0. 00 H
	ATOM	286	N	ALA	A	24142. 112	-1. 543	3. 674	1. 00	0.00 N
25	ATOM	287	CA	ALA	A	24141. 663	-1. 547	2. 287	1. 00	0.00 C
	ATOM	288	C	ALA	A	24142. 247	-2. 733	1. 526	1. 00	0.00 C
	ATOM	289	0	ALA	A	24143. 268	-3. 294	1. 920	1. 00	0.000
	ATOM	290	CB	ALA	A	24142. 041	-0. 242	1. 605	1. 00	0.00 C
	ATOM	291	H	ALA	A	24142. 987	-1. 926	3. 894	1. 00	0.00 H

10

15

20

25

ATOM

ATOM

ATOM

318

319

320

H

HA

HB

VAL A

VAL A

VAL A

26143.776

26143. 184

26145.735

O 2004/016781 PCT/JP2003/010288										
						470				
ATOM	292	HA	ALA	A	24140. 585	-1.627	2. 286	1. 00	0.00 H	
ATOM	293	1HB	ALA	A	24143. 115	-0. 194	1. 488	1. 00	0.00 H	
ATOM	294	2HB	ALA	A	24141.710	0. 590	2. 210	1. 00	0.00 H	
ATOM	295	3HB	ALA	A	24141. 571	-0. 191	0. 635	1. 00	0.00 H	
ATOM	296	N	GLU	A	25141.590	-3. 108	0. 432	1. 00	0.00 N	
ATOM	297	CA	GLU	A	25142.043	-4. 228	-0. 385	1. 00	0. 00 C	
ATOM	2,98	C	GLU	A	25142. 350	-3. 772	-1. 808	1. 00	0.00 C	
ATOM	299	0	GLU	A	25141.727	-2. 844	-2. 321	1. 00	0.000	
ATOM	300	CB	GLU	A	25140. 984	-5. 332	-0. 407	1. 00	0.00 C	
ATOM	301	CG	GLU	A	25141. 514	-6. 676	-0. 879	1. 00	0.00 C	
ATOM	302	CD	GLU	A	25140. 504	-7. 441	-1. 711	1. 00	0.00 C	
ATOM	303	0E1	GLU	A	25140. 920	-8. 347	-2. 463	1. 00	0.000	
ATOM	304	0E2	GLU	A	25139. 298	-7. 134	-1. 611	1. 00	0.000	
ATOM	305	H	GLU	A	25140. 781	-2. 621	0. 169	1. 00	0.00 H	
ATOM	306	HA	GLU	A	25142. 947	-4. 617	0.058	1. 00	0.00 H	
ATOM	307	1HB	GLU	A	25140. 589	-5. 454	0. 590	1. 00	0.00 H	
ATOM	308	2HB	GLU	A	25140. 184	-5. 032	-1.068	1. 00	0.00 H	
ATOM	309	1HG	GLU	A	25142. 399	-6. 511	-1. 476	1. 00	0.00 H	
ATOM	310	2HG	GLU	A	25141.771	-7. 270	-0. 013	1. 00	0.00 H	
ATOM	311	N	VAL	A	26143. 315	-4. 433	-2. 442	1. 00	0.00 N	
ATOM	312	CA	VAL	A	26143.705	-4. 095	-3. 805	1. 00	0.00 C	
ATOM	313	С	VAL	A	26143. 324	-5. 207	-4. 777	1. 00	0.00 C	
ATOM	314	0	VAL	A	26143. 308	-6. 383	-4. 414	1. 00	0.000	
ATOM	315	CB	VAL	A	26145. 219	-3. 835	-3. 909	1. 00	0. 00 C	
ATOM	316	CG1	VAL	A	26145. 574	-3. 289	-5. 284	1. 00	0. 00 C	
ATOM	317	CG2	VAL	A	26145. 674	-2. 882	-2. 814	1. 00	0.00 C	

-5. 165

-3. 191

-4. 775

-1. 979

-4.086

-3.776

1.00

1.00

1.00

0.00 H

0.00 H

0.00 H

1	
•	

									,	
	ATOM	321	1HG1	VAL	A	26145.885	-4. 100	-5. 925	1. 00	0.00 H
	ATOM	322	2HG1	VAL	A	26146. 379	-2. 575	-5. 190	1. 00	0.00 H
	ATOM	323	3HG1	VAL	A	26144.710	-2.802	-5. 712	1. 00	0.00 H
	ATOM	324	1HG2	VAL	A	26145. 138	-1. 948	-2. 905	1. 00	0.00 H
5	ATOM	325	2HG2	VAL	A	26146. 733	-2. 700	-2. 913	1. 00	0.00 H
	ATOM	326	3HG2	VAL	A	26145. 472,	-3. 321	-1. 849	1. 00	0.00 H
	ATOM	327	N	LYS	A	27143. 019	-4. 827	-6. 013	1. 00	0.00 N
	ATOM	328	CA	LYS	A	27142. 638	-5. 792	-7. 038	1. 00	0. 00 C
	ATOM	329	C	LYS	A	27143. 856	-6. 246	-7. 835	1. 00	0.00 C
10	ATOM	330	0	LYS	A	27144. 131	-5. 728	-8. 917	1. 00	0.000
	ATOM	331	CB	LYS	A	27141. 596	-5. 184	-7. 978	1. 00	0. 00 C
	ATOM	332	CG	LYS	A	27140. 860	-6. 215	-8.820	1. 00	0.00 C
	ATOM	333	CD	LYS	A	27141. 342	-6. 206	-10. 262	1. 00°	0.00 C
	ATOM	334	CE	LYS	A	27141. 289	-7. 596	-10. 876	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	335	NZ	LYS	A	27141. 792	-7. 605	-12. 277	1. 00	0.00 N
	ATOM	336	H	LYS	A	27143. 050	-3. 875	-6. 241	1. 00	0.00 H
	ATOM	337	HA	LYS	A	27142. 208	-6. 649	-6. 542	1. 00	0.00 H
	ATOM	338	1HB	LYS	A	27140. 867	-4. 647	-7. 389	1. 00	0.00 H
	ATOM	339	2HB	LYS	A	27142. 089	-4. 491	-8. 645	1. 00	0.00 H
20	ATOM	340	1HG	LYS	A	27141. 031	-7. 196	-8. 400	1. 00	0.00 H
	ATOM	341	2HG	LYS	A	27139. 803	-5. 993	-8. 801	1. 00	0.00 H
	ATOM	342	1 HD	LYS	A	27140. 712	-5. 546	-10. 838	1. 00	0.00 H
	ATOM	343	2HD	LYS	A	27142. 362	-5. 850	-10. 289	1. 00	0.00 H
	ATOM	344	1HE	LYS	A	27141. 897	-8. 262	-10.281	1. 00	0.00 H
25	ATOM	345	2HE	LYS	A	27140. 265	-7. 940	-10. 867	1. 00	0.00 H
	ATOM	346	1HZ	LYS	A	27142. 831	-7. 630	-12. 284	1. 00	0.00 H
	ATOM	347	2HZ	LYS	A	27141. 475	-6. 749	-12. 776	1. 00	0.00 H
	ATOM	348	3HZ	LYS	A	27141. 431	-8. 439	-12. 781	1. 00	0.00 H
	ATOM	349	N	GLU	A	28144. 583	-7. 219	-7. 294	1. 00	0.00 N
							•			

ATOM

V	VO 2004/016	781							PCT/JP2	2003/010288
		,					472			
	ATOM	350	CA	GLU	A	28145. 772	-7. 744	-7. 955	1. 00	0.00 C
	ATOM	351	C	GLU	A	28145. 696	-9. 263	-8. 080	1. 00	0.00 C
	MOTA	352	0	GLU	A	28144. 649	-9. 864	-7. 844	1. 00	0.000
	ATOM	353	CB	GLU	A	28147. 030	-7. 343	-7. 180	1. 00	0.00 C
5	ATOM	354	CG	GLU	A	28148. 126	-6. 764	-8. 060	1. 00	0.00 C
	ATOM	355	CD	GLU	A	28148. 802	-5. 560	-7. 433	1. 00	0.00 C
	ATOM	356	0E1	GLU	A	28149. 942	-5. 707	-6. 944	1. 00	0.000
	ATOM	357	0E2	GLU	A	28148. 191	-4. 471	-7. 431	1. 00	0.000
	ATOM	358	H	GLU	A	28144. 312	-7. 593	-6. 429	1. 00	0.00 H
10	ATOM	359	HA	GLU	A	28145. 817	-7. 315	-8. 945	1. 00	0.00 H
	ATOM	360	1HB	GLU	A	28146. 763	-6. 603	-6. 441	1. 00	0.00 H
	ATOM	361	2HB	GLU	A	28147. 424	-8. 215	-6. 678	1. 00	0.00 H
	ATOM	362	1 HG	GLU	A	28148. 871	-7. 526	-8. 233	1. 00	0.00 H
	ATOM	363	2HG	GLU	A	28147. 693	-6. 465	-9. 003	1. 00	0.00 H
15	ATOM	364	N	ASN	A	29146. 815	-9. 877	-8. 453	1. 00	0.00 N
	ATOM	365	CA	ASN	A	29146. 875	-11. 325	-8. 608	1. 00	0.00 C
	ATOM	366	C	ASN	A	29146. 931	-12. 016	-7. 247	1. 00	0. 00 C
	ATOM	367	0	ASN	A	29146. 068	-12. 831	-6. 920	1. 00	0.000
	ATOM	368	CB	ASN	A	29148. 093	-11. 719	-9. 448	1. 00	0.00 C
20	ATOM	369	CG	ASN	A	29147. 735	-11. 979	-10.898	1. 00	0. 00 C
	ATOM	370	OD 1	ASN	A	29147. 584	-13. 127	-11. 316	1. 00	0.000
	ATOM	371	ND2	ASN	A	29147. 598	-10. 910	-11.674	1. 00	0.00 N
	ATOM	372	H	ASN	A	29147. 619	-9. 344	-8.626	1. 00	0.00 H
	ATOM	373	HA	ASN	A	29145. 978	-11. 640	-9. 121	1. 00	0.00 H
25	ATOM	374	1HB	ASN	A	29148. 819	-10. 921	-9. 413	1. 00	0.00 H
	ATOM	375	2HB	ASN	A	29148. 531	-12. 617	-9. 037	1. 00	0.00 H
	ATOM	376	1HD2	ASN	A	29147. 734	-10. 027	-11. 273	1. 00	0.00 H
	ATOM	377	2HD2	ASN	A	29147. 368	-11. 049	-12.616	1. 00	0.00 H

378 N PRO A 30147. 953 -11. 697 -6. 434 1. 00 0. 00 N

		_		****	_		
ATOM	379	CA	PRO A	30148. 120 -12. 289	-5. 105	1. 00	0.00 C
ATOM	380	C	PRO A	30147. 205 -11. 646	-4.063	1. 00	0.00 C
MOTA	381	0	PRO A	30147. 389 -10. 485	-3. 701	1. 00	0.000
ATOM	382	CB	PRO A	30149. 583 -11. 995	-4. 782	1. 00	0.00 C
ATOM	383	CG	PRO A	30149. 872 -10. 721	-5. 497	1. 00	0.00 C
ATOM	384	CD	PRO A	30149. 028 -10. 735	-6. 746	1. 00	0.00 C
ATOM	385	HA	PRO A	30147. 959 -13. 357	-5. 123	1. 00	0.00 H
ATOM	386	1HB	PRO A	30149. 705 -11. 890	-3. 714	1. 00	0.00 H
MOTA	387	2HB	PRO A	30150. 205 -12. 800	-5. 145	1. 00	0.00 H
ATOM	388	1HG	PRO A	30149. 602 -9. 881	-4. 872	1. 00	0.00 H
ATOM	389	2HG	PRO A	30150. 920 -10. 674	-5. 754	1. 00	0.00 H
ATOM	390	1HD	PRO A	30148. 621 -9. 752	-6. 936	1. 00	0.00 H
ATOM	391	2HD	PRO A	30149. 612 -11. 070	-7. 590	1. 00	0.00 H
ATOM	392	N	PRO A	31146. 201 -12. 393	-3. 566	1. 00	0.00 N
ATOM	393	CA	PRO A	31145. 261 -11. 880	-2. 562	1. 00	0.00 C
ATOM	394	C	PRO A	31145. 954 -11. 524	-1. 252	1. 00	0. 00 C
ATOM	395	0	PRO A	31146. 396 -12. 403	-0. 513	1. 00	0.000
ATOM	396	CB	PRO A	31144. 280 -13. 041	-2. 347	1. 00	0.00 C
ATOM	397	CG	PRO A	31144. 464 -13. 934	-3. 527	1. 00	0.00 C
ATOM	398	CD	PRO' A	31145. 900 -13. 784	-3. 937	1. 00	0.00 C
ATOM	399	HA	PRO A	31144. 725 -11. 017	-2. 930	1. 00	0.00 H
ATOM	400	1HB	PRO A	31144. 523 -13. 553	-1. 427	1. 00	0.00 H
ATOM	401	2HB	PRO A	31143. 272 -12. 660	-2. 297	1. 00	0.00 H
ATOM	402	1 HG	PRO A	31144. 257 -14. 958	-3. 251	1. 00	0. 00 H
ATOM	403	2HG	PRO A	31143. 812 -13. 622	-4. 330	1. 00	0.00 H
ATOM	404	1HD	PRO A	31146. 524 -14. 474	-3. 389	1. 00	0.00 H
ATOM	405	2HD	PRO A	31146. 009 -13. 933	-5. 000	1. 00	0.00 H
ATOM	406	N	PHE A	32146. 045 -10. 228	-0. 969	1. 00	0.00 N
MOTA	407	CA	PHE A	32146. 685 -9. 757	0. 254	1. 00	0.00 C

							474			
	ATOM	408	C	PHE	A	32145. 819	-8. 715	0. 955	1. 00	0.00 C
	MOTA	409	0	PHE	A	32144. 887	-8. 169	0. 365	1.00	0.000
	ATOM	410	CB	PHE	A	32148.062	-9. 169	-0. 058	1. 00	0.00 C
	ATOM	411	CG	PHE	A	32148.060	-8. 215	-1. 219	1. 00	0.00 C
5	ATOM	412	CD1	PHE	A	32148.759	-8. 514	-2. 377	1. 00	0.00 C
	ATOM	413	CD2	PHE	A	32147. 362	-7. 020	-1. 150	1. 00	0.00 C
	ATOM	414	CE1	PHE	A	32148. 759	-7. 640	-3. 448	1. 00	0.00 C
	ATOM	415	CE2	PHE	A	32147. 359	-6. 142	-2. 217	1. 00	0.00 C
	ATOM	416	CZ	PHE	A	32148. 059	-6. 452	-3. 368	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	417	H	PHE	A	32145. 674	-9. 573	-1. 596	1. 00	0.00 H
	ATOM	418	HA	PHE	A	32146. 807	-10. 605	0. 911	1. 00	0.00 H
	ATOM	419	1HB	PHE	A	32148. 421	-8. 635	0. 809	1. 00	0.00 H
	ATOM	420	2HB	PHE	A	32148. 746	-9. 973	-0. 287	1. 00	0. 00 H
	ATOM	421	HD1	PHE	A	32149. 306	-9. 443	-2. 442	1. 00	0.00 H
15	ATOM	422	HD2	PHE	A	32146. 815	-6. 776	-0. 252	1. 00	0.00 H
	ATOM	423	HE 1	PHE	A	32149. 308	-7. 885	-4. 346	1. 00	0.00 H
	ATOM	424	HE2	PHE	A	32146. 811	-5. 213	-2. 153	1. 00	0.00 H
	ATOM	425	HZ	PHE	A	32148. 059	-5. 767	-4. 202	1. 00	0.00 H
	ATOM	426	N	TYR	A	33146. 135	-8. 443	2. 217	1. 00	0.00 N
20	MOTA	427	CA	TYR		33145. 387	-7. 466	2. 999	1. 00	0. 00 C
	ATOM	428	С	TYR	. A	33146. 331			1. 00	0. 00 C
	ATOM	429	0	TYR	A	33147. 344	-6. 948	4. 290	1. 00	0.000
	ATOM	430	CB	TYR	A	33144. 472	-8. 176		1. 00	0.00 C
	ATOM	431		TYR				3. 366	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	432		TYR			-10. 149		1. 00	0. 00 C
	ATOM	433	CD2	2 TYR	A	33142. 360	-8. 023	-	1. 00	0.00 C
	ATOM	434		1 TYR					. 1. 00	0. 00 C
	ATOM	435		2 TYP					1. 00	0. 00 C
	ATOM	436	CZ	TYF	R A	33140. 992	-9. 931	2. 200	1. 00	0. 00 C

,					4	75			
	ATOM	437	ОН	TYR A	33139. 875 -	10. 494	1. 624	1. 00	0.000
	ATOM	438	H	TYR A	33146. 890	-8. 911	2. 633	1. 00	0.00 H
	ATOM	439	HA	TYR A	33144. 781	-6. 890	2. 316	1. 00	0.00 H
	ATOM	440	1HB	TYR A	33145. 026	-8. 963	4. 486	1. 00	0.00 H
5	ATOM	441	2HB	TYR A	33144. 141	-7. 464	4. 740	1. 00	0.00 H
	ATOM	442	HD1	TYR A	33143.656 -	10. 763	4. 081	1. 00	0.00 H
	ATOM	443	HD2	TYR A	33142. 556	-6.968	2. 505	1. 00	0.00 H
	ATOM	444	HE1	TYR A	33141.663 -	11. 774	3. 053	1. 00	0.00 H
	ATOM	445	HE2	TYR A	33140. 561	-7. 968	1. 472	1. 00	0.00 H
10	ATOM	446	НН	TYR A	33140. 098 -	-11. 360	1. 275	1. 00	0.00 H
	ATOM	447	N	GLY A	34145. 991	-5. 237	3. 739	1. 00	0.00 N
	ATOM	448	CA	GLY A	34146. 818	-4. 253	4. 412	1. 00	0.00 C
	ATOM	449	C	GLY A	34146. 029	-3. 038	4. 858	1. 00	0.00 C
	ATOM	450	0	GLY A	34144. 844	-2. 911	4. 549	1. 00	0.000
15	ATOM	451	H	GLY A	34145. 172	-4. 955	3. 281	1. 00	0.00 H
	ATOM	452	1HA	GLY A	34147. 272	-4. 712	5. 278	1. 00	0.00 H
	ATOM	453	2HA	GLY A	34147. 599	-3.933	3. 737	1. 00	0.00 H
	ATOM	454	N	VAL A	35146. 687	-2. 143	5. 588	1. 00	0. 00 N
	ATOM	455	CA	VAL A	35146. 038	-0. 932	6. 079	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	456	C	VAL A	35146. 696	0. 316	5. 500	1. 00	0. 00 C
	ATOM	457	0	VAL A	35147. 920	0. 388	5. 382	1. 00	0.000
	ATOM	458	CB	VAL A	35146. 078	-0.860	7. 619	1. 00	0. 00 C
	ATOM	459	CG	1 VAL A	35147. 514	-0.810	8. 119	1. 00	0. 00 C
	ATOM	460	CG	2 VAL A	35145. 288	0. 341	8. 119	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	461	Н	VAL A	35147. 629	-2. 300	5. 802		0. 00 H
	ATOM	462	HA.	VAL A	A 35145. 004	-0. 959	5. 767	1. 00	0.00 H
	ATOM	463	B HB	VAL A	A 35145. 616	-1. 754	8. 012		0. 00 H
	ATOM	464	1 1HG	1 VAL	A 35147. 617	-1. 449	8. 984		
	ATOM	465	5 2HG	1 VAL	A 35147. 765	0. 205	8. 391	1. 00	0. 00 H

							476			
	ATOM	466 3	HG1 V	AL A		35148. 179	-1. 148	7. 339	1. 00	0.00 H
	ATOM	467 1	HG2 V	VAL A		35144. 239	0. 197	7. 903	1. 00	0.00 H
	ATOM	468 2	HG2 V	VAL A		35145. 637	1. 234	7. 622	1. 00	0.00 H
	ATOM	469 3	HG2 V	VAL A		35145. 425	0. 444	9. 185	1. 00	0.00 H
5	ATOM	470	N :	ILE A	L	36145.876	1. 300	5. 143	1. 00	0.00 N
	ATOM	471	CA	ILE A	l	36146.379	2. 546	4. 577	1. 00	0.00 C
	ATOM	472	C	ILE A	I	36147. 308	3. 255	5. 558	1. 00	0. 00 C
	ATOM	473	0	ILE A	A	36147. 020	3. 340	6. 751	1. 00	0.000
	ATOM	474	CB	ILE A	I	36145. 228	3. 498	4. 194	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	475	CG1	ILE A	A	36144. 210	2. 776	3. 308	1. 00	0. 00 C
	ATOM	476	CG2	ILE A	A.	36145.772	4. 732	3. 486	1. 00	0. 00 C
	ATOM	477	CD1	ILE	A	36143.058	3.654	2. 872	1. 00	0. 00 C
	MOTA	478	H	ILE.	A	36144. 911	1. 184	5. 262	1. 00	0.00 H
	ATOM	479	HA	ILE	A	36146. 934	2. 305	3. 681	1. 00	0.00 H
15	ATOM	480	HB	ILE	A	36144. 741	3. 820	5. 102	1. 00	0.00 H
	ATOM	481	1HG1	ILE	A	36144. 706	2. 416	2. 420	1. 00	0. 00 H
	ATOM	482	2HG1	ILE	A	36143. 801	1. 936	3. 852	1. 00	0. 00 H
	ATOM	483	1HG2	ILE	A	36145. 242	5. 607	3. 832	1. 00	0. 00 H
	ATOM	484	2HG2	ILE	A	36145. 632	4. 626	2. 420	1. 00	0.00 H
20	ATOM	485	3HG2	ILE	A	36146. 824	4. 838	3. 702	1. 00	0. 00 H
	ATOM	486	1HD1	ILE	A	36142. 131	3. 246	3. 251	1. 00	0. 00 H
	ATOM	487	2HD1	ILE	A	36143. 021	3. 690	1. 794		0. 00 H
	ATOM	488	3HD1	ILE	A	36143. 197	4. 651	3. 263		0.00 H
	ATOM	489	N	ARG	A	37148. 425	3. 761	5. 045		0.00 N
25	ATOM	490	CA	ARG	A	37149. 398	4. 463	5. 876		0.00 C
	ATOM	491	C	ARG	A	37149. 620	5. 885	5. 372		
	ATOM	492	0	ARG	A	37149. 301	6. 854	6. 060		
	ATOM	493	CB	ARG	A	37150. 725	3. 703	5. 895		
	ATOM	494	CG	ARG	A	37150. 572	2. 216	6. 176	1. 00	0. 00 C



	ATOM	495	CD .	ARG A	37150. 497	1. 937	7. 668	1. 00	0. 00 C
	ATOM	496	NE	ARG A	37149. 266	2. 455	8. 261	1. 00	0. 00 N
	ATOM	497	CZ	ARG A	37149. 103	2. 662	9. 566	1. 00	0.00 C
	ATOM	498	NH1	ARG A	37150. 087	2. 396	10. 417	1. 00	0.00 N
5	ATOM	499	NH2	ARG A	37147. 951	3. 135	10. 023	1. 00	0. 00 N
	ATOM	500	H	ARG A	37148. 601	3. 660	4. 086	1. 00	0.00 H
	ATOM	501	HA	ARG A	37149. 005	4. 507	6.880	1. 00	0.00 H
	ATOM	502	1HB	ARG A	37151. 206	3. 817	4. 934	1. 00	0.00 H
	ATOM	503	2HB	ARG A	37151. 359	4. 128	6. 658	1. 00	0.00 H
10	ATOM	504	1HG	ARG A	37149. 665	1.864	5. 709	1. 00	0.00 H
	ATOM	505	2HG	ARG A	37151. 421	1. 692	5. 762	1. 00	0.00 H
	ÅTOM	506	1HD	ARG A	37150. 539	0.870	7. 824	1. 00	0.00 H
	ATOM	507	2HD	ARG A	37151. 343	2. 404	8. 151	1. 00	0. 00 H
	ATOM	508	HE	ARG A	37148. 523	2. 659	7. 656	1. 00	0.00 H
15	ATOM	509	1HH1	ARG A	37150. 957	2. 038	10.079	1. 00	0.00 H
	ATOM	510	2HH1	ARG A	37149. 958	2. 554	11. 395	1. 00	0.00 H
	ATOM	511	1HH2	ARG A	37147. 206	3. 338	9. 387	1. 00	0.00 H
	ATOM	512	2HH2	ARG A	37147. 828	3. 291	11. 003	1. 00	0. 00 H
	ATOM	513	N	TRP A	38150. 168	6. 003	4. 168	1. 00	0. 00 N
20	ATOM	514	CA	TRP A	38150. 433	7. 308	3. 573	1. 00	0.00 C
	MOTA	515	C	TRP A	38149. 677	7. 472	2. 256	1. 00	0.00 C
	ATOM	516	0	TRP A	38149. 724	6. 600	1. 389	1. 00	0.000
	ATOM	517	CB	TRP A	38151. 937	7. 494	3. 343	1. 00	0. 00 C
	ATOM	518	CG	TRP A	38152. 271	8. 679	2. 486	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	519	CD 1	TRP I	A 38152. 549	9. 947	2. 909	1. 00	0.00 C
	ATOM	520	CD2	2 TRP	A 38152. 356	8. 706	1. 056	1. 00	0. 00 C
	ATOM	521	NE	TRP	A 38152. 802	10. 760	1. 830	1. 00	0.00 N
	ATOM	522	CE	TRP	A 38152.689	10. 021	0. 681	1. 00	0.00 C
	ATOM	523	CE	3 TRP	A 38152. 183	7. 745	0. 057	1. 00	0.00 C

							4/8			
	ATOM	524	CZ2	TRP	A	38152. 852	10. 398	-0.650	1. 00	0.00 C
	ATOM	525	CZ3	TRP	A	38152. 345	8. 119	-1. 263	1. 00	0.00 C
	ATOM	526	CH2	TRP	A	38152. 676	9. 435	-1.607	1. 00	0.00°C
	ATOM	527	H	TRP	A	38150. 401	5. 193	3.666	1. 00	0.00 H
5	ATOM	528	HA	TRP	A	38150. 089	8. 062	4. 266	1. 00	0.00 H
	ATOM	529	1HB	TRP	A	38152. 427	7. 624	4. 296	1. 00	0.00 H
	ATOM	530	2HB	TRP	A	38152. 331	6. 611	2.860	1. 00	0.00 H
	ATOM	531	HD1	TRP	A	38152. 564	10. 253	3. 945	1. 00	0.00 H
	ATOM	532	HE 1	TRP	A	38153. 026	11. 713	1. 876	1. 00	0.00 H
10	ATOM	533	HE3	TRP	A	38151. 927	6. 725	0. 301	1. 00	0.00 H
	ATOM	534	HZ2	TRP	A	38153. 105	11. 409	-0. 931	1. 00	0.00 H
	ATOM	535	HZ3	TRP	A	38152. 214	7. 389	-2.050	1. 00	0.00 H
	ATOM	536	HH2	TRP	A	38152. 793	9. 683	-2.653	1. 00	0.00 H
	ATOM	537	N	ILE	A	39148. 993	8. 601	2. 114	1. 00	0. 00 N
15	ATOM	538	CA	ILE	A	39148. 236	8. 890	0.902	1. 00	0.00 C
	ATOM	539	C	ILE	A	39148. 716	10. 190	0. 268	1. 00	0. 00 C
	ATOM	540	0	ILE	A	39148. 434	11. 278	0.771	1. 00	0.000
	ATOM	541	CB	ILE	A	39146. 726	8. 999	1. 193	1. 00	0. 00 C
	ATOM	542	CG1	ILE	A	39146. 253	7. 793	2.006	1. 00	0.00 C
20	ATOM	543	CG2	ILE	A	39145. 943	9. 110	-0. 106	1. 00	0.00 C
	ATOM	544	CD1	ILE	A	39144. 821	7. 908	2. 482	1. 00	0.00 C
	ATOM	545	H	ILE	A	39149. 002	9. 259	2. 839	1. 00	0. 00 H
	ATOM	546	HA	ILE	A	39148. 392	8. 079	0. 207	1. 00	0. 00 H
	ATOM	547	HB	ILE	A	39146. 556	9. 898	1. 765	1. 00	0.00 H
25	ATOM	548	1HG1	ILE	A	39146. 329	6. 904	1. 398	1. 00	0. 00 H
	ATOM	549	2HG1	ILE	A	39146. 885	7. 682	2. 876	1. 00	0.00 H
	ATOM	550	1HG2	ILE	A	39146. 511	8. 664	-0. 909	1. 00	0.00 H
	ATOM	551	2HG2	ILE	A	39145. 761	10. 151	-0. 328	1. 00	0. 00 H
	ATOM	552	3HG2	ILE	A	39145. 000	8. 593	-0. 003	1. 00	0.00 H

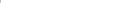


	ATOM	553	1HD1	ILE A	39144. 804	8. 363	3. 462	1. 00	0.00 H
	ATOM	554	2HD1	ILE A	39144. 379	6. 925	2. 534	1. 00	0.00 H
	ATOM	555	3HD1	ILE A	39144. 261	8. 520	1. 790	1. 00	0.00 H
	ATOM	556	N	GLY A	40149. 446	10.073	-0.836	1. 00	0.00 N
5	ATOM	557	CA	GLY A	40149. 956	11. 250	-1. 512	1. 00	0.00 C
	ATOM	558	C	GLY A	40150. 450	10. 954	-2. 913	1. 00	0. 00 C
	ATOM	559	0	GLY A	40150. 200	9. 877	-3. 455	1. 00	0.000
	ATOM	560	H	GLY A	40149.644	9. 181	-1. 192	1. 00	0.00 H
	ATOM	561	1 HA	GLY A	40149. 172	11. 988	-1.567	1. 00	0.00 H
10	ATOM	562	2HA	GLY A	40150.774	11. 655	-0. 934	1. 00	0.00 H
	ATOM	563	N	GLN A	41151. 151	11. 918	-3. 503	1. 00	0. 00 N
	ATOM	564	CA	GLN A	41151. 682	11. 767	-4. 850	1. 00	0. 00 C
	ATOM	565	C	GLN A	41153. 178	12. 077	-4. 881	1. 00	0. 00 C
	ATOM	566	0	GLN A	41153. 587	13. 211	-4. 627	1. 00	0.000
15	ATOM	567	CB	GLN A	41150. 936	12. 694	-5.810	1. 00	0.00 C
	ATOM	568	CG	GLN A	41149. 424	12. 612	-5. 681	1. 00	0. 00 C
	ATOM	569	CD	GLN A	41148. 756	13. 969	-5. 779	1. 00	0. 00 C
	ATOM	570	0E1	GLN A	41148. 808	14. 769	-4. 846	1. 00	0.000
	ATOM	571	NE2	GLN A	41148. 124	14. 235	-6. 916	1. 00	0.00 N
20	ATOM	572	H	GLN A	41151. 313	12. 753	-3. 019	1. 00	0.00 H
	ATOM	573	HA	GLN A	41151. 527	10. 744	-5. 158	1. 00	0. 00 H
	ATOM	574	1HB	GLN A	41151. 236	13. 711	-5. 614	1. 00	0. 00 H
	ATOM	575	2HB	GLN A	41151. 205	12. 436	-6. 822	1. 00	0. 00 H
	ATOM	576	1HG	GLN A	41149. 040	11. 982	-6. 470	1. 00	0.00 H
25	ATOM	577	2HG	GLN A	41149. 179	12. 175	-4. 724	1. 00	0. 00 H
	ATOM	578	1HE2	GLN A	41148. 124	13. 549	-7. 616	1. 00	0.00 H
	ATOM	579	2HE2	GLN A	41147. 685	15. 106	-7. 009	1. 00	0.00 H
	ATOM	580	N	PRO A	42154. 020	11. 075	-5. 191	1. 00	0.00 N
	ATOM	581	CA	PRO A	42155. 475	11. 257	-5. 248	1. 00	0.00 C

						480			
	ATOM	582	C	PRO A	42155.883	12. 348	-6. 233	1. 00	0.00 C
	ATOM	583	0	PRO A	42155. 116	12. 706	-7. 128	1. 00	0.000
	ATOM	584	CB	PRO A	42155. 994	9. 893	-5. 715	1. 00	0.00 C
	ATOM	585	CG	PRO A	42154. 914	8. 931	-5. 358	1. 00	0.00 C
5	ATOM	586	CD	PRO A	42153. 628	9. 690	-5. 508	1. 00	0.00 C
	ATOM	587	HA	PRO A	42155. 882	11. 485	-4. 274	1. 00	0.00 H
	ATOM	588	1HB	PRO A	42156. 167	9. 916	-6. 781	1. 00	0.00 H
	ATOM	589	2HB	PRO A	42156. 914	9. 659	-5. 200	1. 00	0.00 H
	ATOM	590	1HG	PRO A	42154. 933	8. 088	-6. 033	1. 00	0.00 H
10	ATOM	591	2HG	PRO A	42155. 037	8. 600	-4. 338	1. 00	0. 00 H
	ATOM	592	1HD	PRO A	42153. 259	9. 615	-6. 520	1. 00	0. 00 H
	ATOM	593	2HD	PRO A	42152. 890	9. 327	-4. 806	1. 00	0.00 H
	ATOM	594	N	PRO A	43157. 103	12. 891	-6. 082	1. 00	0.00 N
	ATOM	595	CA	PRO A	43157. 611	13. 946	-6. 963	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	596	C	PRO A	43157. 953	13. 424	-8. 354	1. 00	0.00 C
	ATOM	597	0	PRO A	43159. 092	13. 042	-8.621	1. 00	0.000
	ATOM	598	CB	PRO A	43158. 874	14. 427	-6. 250	1. 00	0.00 C
	ATOM	599	CG	PRO A	43159. 327	13. 252	-5. 454	1. 00	0. 00 C
	ATOM	600	CD	PRO A	43158. 079	12. 520	-5. 041	1. 00	0.00 C
20	ATOM	601	HA	PRO A	43156. 908	14. 763	-7. 049	1. 00	0.00 H
	ATOM	602	1HB	PRO A	43159. 613	14. 718	-6. 982	1. 00	0.00 H
	ATOM	603	2HB	PRO A	43158. 636	15. 266	-5. 615	1. 00	0.00 H
	ATOM	604	1HG	PRO A	43159. 951	12. 615	-6. 063	1. 00	0. 00 H
	ATOM	605	2HG	PRO A	43159. 871	13. 587	-4. 583	1. 00	0.00 H
25	ATOM	606	1HD	PRO A	43158. 252	11. 454	-5. 037	1. 00	0.00 H
	ATOM	607	2HD	PRO A	43157. 751	12. 855	-4.068	1. 00	0.00 H
	ATOM	608	N	GLY A	44156. 960	13. 410	-9. 236	1. 00	0. 00 N
	ATOM	609	CA	GLY A	44157. 179	12. 932	-10. 588	1. 00	0.00 C
	ATOM	610	C	GLY A	44155. 901	12. 471	-11. 257	1. 00	0.00 C

	ATOM	611 0	GLY A	44155. 595	12. 885 -12. 375	1. 00	0.000
	ATOM	612 H	GLY A	44156. 072		1. 00	0. 00 H
		613 1HA	GLY A	44157. 612	13. 728 -11. 173	1. 00	0. 00 H
	ATOM				12. 105 -10. 556	1. 00	0. 00 H
-	ATOM	614 2HA	GLY A	44157. 875			
5	ATOM	615 N	LEU A	45155. 154	11. 611 -10. 574	1. 00	0. 00 N
	ATOM	616 CA	LEU A	45153. 902	11. 095 -11. 112	1. 00	0. 00 C
	ATOM	617 C	LEU A	45152. 735	11. 431 -10. 190	1. 00	0. 00 C
	ATOM	618 0	LEU A	45152.647	10. 916 -9. 076	1. 00	0.000
	ATOM	619 CB	LEU A	45153. 993	9. 580 -11. 306	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	620 CG	LEU A	45154.530	8. 806 -10. 099	1. 00	0.00 C
	ATOM	621 CD	1 LEU A	45154. 083	7. 352 -10. 154	1. 00	0. 00 C
	ATOM	622 CD	2 LEU A	45156.049	8. 900 -10. 039	1. 00	0. 00 C
	ATOM	623 H	LEU A	45155. 450	11. 319 -9. 685	1. 00	0.00 H
	ATOM	624 HA	LEU A	45153. 734	11. 562 -12. 070	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	625 1HB	LEU A	45153.006	9. 208 -11. 537	1. 00	0.00 H
	ATOM	626 2HB	LEU A	45154. 640	9. 384 -12. 147	1. 00	0.00 H
	ATOM	627 HG	LEU A	45154. 131	9. 243 -9. 196	1. 00	0.00 H
	ATOM	628 1HD	1 LEU A	45153. 399	7. 155 -9. 341	1. 00	0.00 H
	ATOM	629 2HD	1 LEU A	45154. 943	6. 705 -10. 064	1. 00	0.00 H
20	ATOM	630 3HD	1 LEU A	45153. 587	7. 161 -11. 094	1. 00	0.00 H
	ATOM	631 1HD	2 LEU A	45156. 481	7. 939 -10. 273	1. 00	0.00 H
	ATOM	632 2HD	2 LEU A	45156. 351	9. 197 -9. 044	1. 00	0.00 H
	ATOM	633 3HD	2 LEU A	45156. 395	9. 634 -10. 752	1. 00	0.00 H
	ATOM	634 N	ASN A	46151. 839	12. 293 -10. 660	1. 00	0.00 N
25	ATOM	635 CA	ASN A	46150.682	12. 685 -9. 866	1. 00	0.00 C
	ATOM	636 C	ASN A	46149.666	11. 550 -9. 807	1. 00	0.00 C
	ATOM	637 0	ASN A	46148. 992	11. 253 -10. 792	1. 00	0.000
	ATOM	638 CI	B ASN A	46150.034	13. 937 -10. 460	1. 00	0.00 C
	ATOM	639 CC	ASN A	46149.364	14. 797 -9. 406	1. 00	0.00 C

							482			
	ATOM	640	OD1	ASN	A	46149. 991	15. 199	-8. 426	1. 00	0.000
	ATOM	641	ND2	ASN	A	46148. 083	15. 083	-9. 604	1. 00	0.00 N
	ATOM	642	H	ASN	A	46151. 958	12. 670 -	-11. 556	1. 00	0.00 H
	ATOM	643	HA	ASN	A	46151. 023	12. 904	-8.865	1. 00	0.00 H
5	ATOM	644	1HB	ASN	A	46150.792	14. 529 -	-10. 950	1. 00	0.00 H
	ATOM	645	2HB	ASN	A	46149. 290	13. 640 -	-11. 184	1. 00	0.00 H
	ATOM	646	1HD2	ASN	A	46147. 648	14. 729 -	-10. 408	1. 00	0.00 H
	ATOM	647	2HD2	ASN	A	46147.625	15. 639	-8. 939	1. 00	0.00 H
	ATOM	648	N	GLU	A	47149. 563	10. 920	-8. 642	1. 00	0.00 N
10	ATOM	649	CA	GLU	A	47148. 631	9. 817	-8. 447	1. 00	0.00 C
	ATOM	650	C	GLU	A	47148. 480	9. 494	-6. 965	1. 00	0. 00 C
	ATOM	651	0	GLU	A	47149. 455	9. 161	-6. 291	1. 00	0.000
	ATOM	652	CB	GLU	A	47149. 104	8. 574	-9. 206	1. 00	0.00 C
	ATOM	653	CG	GLU	A	47150. 611	8. 372	-9. 178	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	654	CD	GLU	A	47151. 090	7. 413	-10. 250	1. 00	0.00 C
	ATOM	655	0E1	GLU	A	47151. 384	6. 246	-9. 915	1. 00	0.000
	ATOM	656	0E2	GLU	A	47151. 171	7. 829	-11. 425	1. 00	0.000
	ATOM	657	H	GLU	A	47150. 130	11. 205	-7. 896	1. 00	0.00 H
	ATOM	658	HA	GLU	A	47147.671	10. 122	-8. 836	1. 00	0.00 H
20	ATOM	659	1HB	GLU	A	47148. 638	7. 703	-8. 771	1. 00	0.00 H
	ATOM	660	2HB	GLU	A	47148. 793	8. 658	-10. 237	1. 00	0.00 H
	ATOM	661	1HG	GLU	A	47151. 093	9. 326	-9. 329	1. 00	0. 00 H
	ATOM	662	2HG	GLU	A	47150. 892	7. 978	-8. 212	1. 00	0. 00 H
	ATOM	663	N	VAL	A	48147. 255	9. 585	-6. 461	1. 00	0.00 N
25	ATOM	664	CA	VAL	A	48146. 988	9. 294	-5. 059	1. 00	0. 00 C
	ATOM	665	C	VAL	A	48147. 302	7. 836	-4. 743	1. 00	0. 00 C
	ATOM	666	0	VAL	A	48146. 505	6. 943	-5. 029	1. 00	0. 00 0
	ATOM	667	CB	VAL	, A	48145. 522	9. 585	-4. 689	1. 00	0.00 C
	ATOM	668	CG	l VAL	, A	48145. 318	9. 474	-3. 186	1. 00	0. 00 C



							.00			
	ATOM	669	CG2	VAL	A	48145. 108	10. 959	-5. 192	1. 00	0.00 C
	ATOM	670	H	VAL	A	48146. 514	9. 850	-7. 045	1. 00	0.00 H
	ATOM	671	HA	VAL	A	48147. 625	9. 928	-4. 458	1. 00	0.00 H
	ATOM	672	HB	VAL	A	48144. 897	8. 846	-5. 169	1. 00	0.00 H
5	ATOM	673	1HG1	VAL	A	48145. 394	8. 440	-2. 887	1. 00	0.00 H
	ATOM	674	2HG1	VAL	A	48144. 339	9. 853	-2. 928	1. 00	0.00 H
	ATOM	675	3HG1	VAL	A	48146. 073	10. 054	-2. 677	1. 00	0.00 H
	ATOM	676	1HG2	VAL	A	48144. 413	11. 403	-4. 495	1. 00	0.00 H
	ATOM	677	2HG2	VAL	A	48144. 636	10.861	-6. 158	1. 00	0.00 H
10	ATOM	678	3HG2	VAL	A	48145. 981	11. 589	-5. 280	1. 00	0.00 H
	ATOM	679	N	LEU	A	49148. 472	7. 601	-4. 156	1. 00	0.00 N
	ATOM	680	CA	LEU	A	49148. 892	6. 250	-3.807	1. 00	0.00 C
	ATOM	681	C	LEU	A	49148. 847	6. 042	-2. 299	1. 00	0.00 C
	ATOM	682	0	LEU	A	49149. 562	6. 707	-1. 549	1. 00	0.000
15	ATOM	683	CB	LEU	A	49150. 306	5. 982	-4. 327	1. 00	0.00 C
	ATOM	684	CG	LEU	A	49150. 455	6. 034	-5. 849	1. 00	0.00 C
	ATOM	685	CD1	LEU	A	49151. 876	6. 420	-6. 232	1. 00	0.00 C
	ATOM	686	CD2	LEU	A	49150. 080	4. 696	-6. 467	1. 00	0.00 C
	ATOM	687	H	LEU	A	49149. 066	8. 354	-3. 954	1. 00	0.00 H
20	ATOM	688	HA	LEU	A	49148. 208	5. 558	-4. 274	1. 00	0.00 H
	ATOM	689	1HB	LEU	A	49150. 971	6. 715	-3.896	1. 00	0.00 H
	ATOM	690	2HB	LEU	A	49150. 610	5. 002	-3.992	1. 00	0.00 H
	ATOM	691	HG	LEU	A	49149. 787	6. 786	-6. 245	1. 00	0. 00 H
	ATOM	692	1HD1	LEU	A	49152. 135	7. 354	-5. 757	1. 00	0.00 H
25	ATOM	693	2HD1	LEU	A	49151. 942	6. 530	-7. 304	1. 00	0.00 H
	ATOM	694	3HD 1	LEU	A	49152. 559	5. 649	-5. 906	1. 00	0.00 H
	ATOM	695	1HD2	LEU	A	49149. 173	4. 330	-6.007	1. 00	0. 00 H
	ATOM .	696	2HD2	LEU	A	49150. 878	3. 987	-6.303	1. 00	0.00 H
	ATOM	697	3HD2	LEU	A	49149. 920	4. 821	-7. 527	1. 00	0.00 H

	ATOM	698	N	ALA	A	50148. 001	5. 118	-1.861	1. 00	0.00 N
	ATOM	699	CA	ALA	A	50147. 865	4. 827	-0. 441	1. 00	0.00 C
	ATOM	700	С	ALA	A	50148. 802	3. 700	-0.019	1. 00	0. 00 C
	ATOM	701	0	ALA	A	50148. 655	2. 561	-0.462	1. 00	0.000
5	ATOM	702	CB	ALA	A	50146. 423	4. 471	-0. 111	1. 00	0. 00 C
	ATOM	703	H	ALA	A	50147. 456	4. 621	-2. 506	1. 00	0.00 H
	ATOM	704	HA	ALA	A	50148. 124	5. 723	0. 106	1. 00	0.00 H
	ATOM	705	1HB	ALA	A	50146. 405	3. 738	0. 682	1. 00	0.00 H
	ATOM	706	2HB	ALA	A	50145. 943	4. 063	-0. 988	1. 00	0.00 H
10	ATOM	707	ЗНВ	ALA	A	50145. 896	5. 358	0. 208	1. 00	0.00 H
	ATOM	708	N	GLY	A	51149. 764	4. 024	0. 838	1. 00	0.00 N
	ATOM	709	CA	GLY	A	51150. 710	3. 029	1. 304	1. 00	0.00 C
	ATOM	710	C	GLY	A	51150.071	2. 011	2. 229	1. 00	0.00 C
	ATOM	711	0	GLY	A	51149. 790	2. 310	3. 390	1. 00	0.000
15	ATOM	712	H	GLY	A	51149. 832	4. 950	1. 156	1. 00	0.00 H
	ATOM	713	1HA	GLY	A	51151. 122	2. 512	0.450	1. 00	0.00 H
	ATOM	714	2HA	GLY	A	51151. 510	3. 526	1. 830	1. 00	0.00 H
	ATOM	715	N	LEU	A	52149. 841	0.808	1. 715	1. 00	0.00 N
	ATOM	716	CA	LEU	A	52149. 231	-0. 256	2. 503	1. 00	0.00 C
20	ATOM	717	C	LEU	A	52150. 296	-1. 119	3. 171	1. 00	0.00 C
	ATOM	718	0	LEU	A	52151. 352	-1. 377	2. 594	1. 00	0.000
	ATOM	719	CB	LEU	A	52148. 333	-1. 124	1. 619	1. 00	0.00 C
	ATOM	720	CG	LEU	A	52147. 158	-0. 390	0. 972	1. 00	0.00 C
	ATOM	721	CD1	LEU	A	52146. 581	-1. 211	-0. 171	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	722	CD2	LEU	A	52146. 085	-0. 087	2. 006	1. 00	0. 00 C
	ATOM	723	H	LEU	A	52150. 088	0.631	0. 782	1. 00	0.00 H
	ATOM	724	HA	LEU	A	52148. 627	0. 206	3. 271	1. 00	0. 00 H
	ATOM	725	1HB	LEU	A	52148. 942	-1. 551	0. 835	1. 00	0.00 H
	ATOM	726	2HB	LEU	A	52147. 938	-1. 928	2. 223	1. 00	0.00 H

WO	2004/01678	81							PC1/JP2	2003/010288
		,					485			
	ATOM	727	HG	LEU	A	52147. 507	0. 548	0. 565	1. 00	0.00 H
	ATOM	728	1HD1	LEU	A	52145. 819	-1. 874	0. 211	1. 00	0.00 H
	ATOM	729	2HD1	LEU	A	52147. 367	-1. 793	-0.630	1. 00	0.00 H
	ATOM	730	3HD1	LEU	A	52146. 147	-0. 550	-0. 906	1. 00	0.00 H
5	ATOM	731	1HD2	LEU	A	52145. 114	-0. 103	1. 534	1. 00	0.00 H
	ATOM	732	2HD2	LEU	A	52146. 261	0. 891	2. 432	1. 00	0.00 H
	ATOM	733	3HD2	LEU	A	52146. 118	-0. 831	2. 789	1. 00	0.00 H
	ATOM	734	N	GLU	A	53150. 010	-1. 565	4. 390	1. 00	0.00 N
	ATOM	735	CA	GLU	A	53150. 943	-2. 400	5. 137	1. 00	0.00 C
10	ATOM	736	C	GLU	A	53150. 426	-3. 831	5. 244	1. 00	0.00 C
	ATOM	737	0	GLU	A	53149. 452	-4. 099	5.948	1. 00	0.000
	ATOM	738	CB	GLU	A	53151. 171	-1. 823	6. 535	1. 00	0.00 C
	ATOM	739	CG	GLU	A	53152. 170	-2. 613	7. 365	1. 00	0.00 C
	ATOM	740	CD	GLU	A	53151.776	-2. 697	8. 827	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	741	0E1	GLU	A	53152. 274	-3.607	9. 524	1. 00	0.000
	ATOM	742	0E2	GLU	A	53150.970	-1.856	9. 275	1. 00	0.000
	ATOM	743	H	GLU	A	53149. 151	-1. 326	4. 797	1. 00	0.00 H
	ATOM	744	HA	GLU	A	53151.882	-2. 409	4. 604	1. 00	0.00 H
	ATOM	745	1HB	GLU	A	53151. 536	-0.811	6. 440	1. 00	0.00 H
20	ATOM	746	2HB	GLU	A	53150. 229	-1. 809	7.064	1. 00	0.00 H
	ATOM	747	1HG	GLU	A	53152. 236	-3. 615	6. 968	1. 00	0.00 H
	ATOM	748	2HG	GLU	A	53153. 135	-2. 134	7. 295	1.00	0. 00 H
	ATOM	749	N	LEU	A	54151. 083	-4. 747	4. 540	1. 00	0. 00 N
	ATOM	750	CA	LEU	A	54150. 690	-6. 152	4. 556	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	751	C	LEU	A	54150. 936	-6. 770	5. 929	1. 00	0.00 C
	ATOM	752	0	LEU	A	54151. 987	-6. 563	6. 535	1. 00	0.000
	ATOM	753	CB	LEU	A	54151. 460	-6. 929	3. 488	1. 00	0.00 C
	ATOM	754	CG	LEU	A	54151. 434	-6. 309	2. 090	1. 00	0.00 C

ATOM 755 CD1 LEU A 54152.561 -6.869 1.236 1.00 0.00 C

							486			
	ATOM	756	CD2	LEU	A	54150. 087	-6.552	1. 425	1. 00	0.00 C
	ATOM	757	H	LEU	A	54151. 852	-4. 472	3. 997	1. 00	0.00 H
	ATOM	758	HA	LEU	A	54149. 635	-6. 202	4. 335	1. 00	0. 00 H
	MOTA	759	1HB	LEU	A	54152. 490	-7. 011	3. 805	1. 00	0.00 H
5	ATOM	760	2HB	LEU	A	54151. 042	-7. 922	3. 424	1. 00	0. 00 H
	ATOM	761	HG	LEU	A	54151. 578	-5. 241	2. 175	1. 00	0.00 H
	ATOM	762	1HD1	LEU	A	54153. 480	-6. 863	1. 804	1. 00	0. 00 H
	ATOM	763	2HD1	LEU	A	54152. 680	-6. 260	0. 352	1. 00	0. 00 H
	ATOM	764	3HD1	LEU	A	54152. 324	-7. 882	0. 947	1. 00	0.00 H
10	ATOM	765	1HD2	LEU	A	54149. 633	-7. 438	1. 847	1. 00	0. 00 H
	ATOM	766	2HD2	LEU	A	54150. 229	-6. 692	0.364	1. 00	0. 00 H
	ATOM	767	3HD2	LEU	A	54149. 443	-5. 702	1. 595	1. 00	0. 00 H
	ATOM	768	N	GLU	A	55149. 958	-7. 528	6. 413	1. 00	0.00 N
	ATOM	769	CA	GLU	A	55150.067	-8. 176	7. 715	1. 00	0.00 C
15	ATOM	770	C	GLU	A	55151. 139	-9. 261	7. 696	1. 00	0.00 C
	ATOM	771	0	GLU	A	55151. 836	-9. 478	8. 686	1. 00	0.000
	ATOM	772	CB	GLU	A	55148. 722	-8. 779	8. 123	1. 00	0.00 C
	ATOM	773	CG	GLU	A	55147.657	-7. 739	8. 430	1. 00	0.00 C
	ATOM	774	CD	GLU	A	55146.711	-7. 512	7. 268	1. 00	0.00 C
20	ATOM	775	0E 1	GLU	A	55146. 763	-6. 420	6. 663	1. 00	0.000
	ATOM	776	OE2	GLU	A	55145.916	-8. 426	6. 962	1. 00	0.000
	ATOM	777	H	GLU	A	55149. 144	-7. 655	5. 884	1. 00	0.00 H
	ATOM	778	HA	GLU	A	55150. 347	-7. 424	8. 437	1. 00	0.00 H
	ATOM	779	1HB	GLU	A	55148. 361	-9. 404	7. 319	1. 00	0.00 H
25	ATOM	780	2HB	GLU	A	55148. 864	-9. 388	9. 003	1. 00	0.00 H
	ATOM	781	1HG	GLU	A	55147. 083	-8. 069	9. 283	1. 00	0.00 H
	ATOM	782	2HG	GLU	A	55148. 143	-6. 803	8. 667	1. 00	0.00 H
	ATOM	783	N	ASP	A	56151. 263	-9. 943	6. 561	1. 00	0.00 N
	ATOM	784	CA	ASP	A	56152. 251	-11. 006	6. 412	1. 00	0.00 C

						487			
	ATOM	785	C	ASP A	A	56153. 446 -10. 528	5. 596	1. 00	0.00 C
	ATOM	786	0	ASP A	A	56153. 285 -9. 897	4. 551	1. 00	0.000
	ATOM	787	CB	ASP A	A	56151. 617 -12. 228	5. 745	1. 00	0.00 C
	ATOM	788	CG	ASP A	A	56151. 036 -13. 201	6. 753	1. 00	0.00 C
5	ATOM	789	OD1	ASP A	A	56149. 897 -13. 665	6. 541	1. 00	0.000
	ATOM	790	OD2	ASP	A	56151. 722 -13. 498	7. 754	1. 00	0.000
	ATOM	791	H	ASP	A	56150. 678 -9. 724	5. 806	1. 00	0.00 H
	ATOM	792	HA	ASP .	A	56152. 591 -11. 281	7. 399	1. 00	0.00 H
	ATOM	793	1HB	ASP .	A	56150. 825 -11. 902	5. 089	1. 00	0.00 H
10	ATOM	794	2HB	ASP	A	56152. 370 -12. 744	5. 167	1. 00	0.00 H
	ATOM	795	N	GLU	A	57154. 646 -10. 834	6. 078	1. 00	0.00 N
	ATOM	796	CA	GLU	A	57155. 870 -10. 436	5. 392	1. 00	0. 00 C
	ATOM	797	C	GLU	A	57155. 928 -11. 034	3. 991	1. 00	0. 00 C
	ATOM	798	0	GLU	A	57156. 352 -12. 176	3. 810	1. 00	0.000
15	ATOM	799	CB	GLU	A	57157. 095 -10. 872	6. 197	1. 00	0. 00 C
	ATOM	800	CG	GĻŪ	A	57157. 104 -10. 349	7. 624	1. 00	0.00 C
	ATOM	801	CD	GLU	A	57156. 564 -11. 358	8. 618	1. 00	0.00 C
	ATOM	802	0E 1	GLU	A	57156. 945 -11. 284	9. 805	1. 00	0.000
	ATOM	803	0E2	GLU	A	57155. 759 -12. 221	8. 210	1. 00	0.000
20	ATOM	804	H	GLU	A	57154. 710 -11. 339	6. 915	1. 00	0. 00 H
	ATOM	805	HA	GLU	A	57155. 869 -9. 359	5. 311	1. 00	0. 00 H
	ATOM	806	1HB	GLU	A	57157. 123 -11. 951	6. 233	1. 00	0. 00 H
	ATOM	807	2HB	GLU	A	57157. 985 -10. 514	5. 700	1. 00	0.00 H
	ATOM	808	1HG	GLU	A	57158. 120 -10. 105	7. 898	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	809	2HG	GLU	A	57156. 496 -9. 458	7. 671	1. 00	0. 00 H
	ATOM	810	N	CYS	A	58155. 499 -10. 256	3. 003	1. 00	0.00 N
	ATOM	811	CA	CYS	A	58155. 502 -10. 709	1. 617	1. 00	0. 00 C
	ATOM	812	C	CYS	A	58156. 853 -10. 442	0.960	1. 00	0. 00 C
	ATOM	813	0	CYS	A	58157. 328 -9. 307	0. 933	1. 00	0.000

			-	•		4	488			
	ATOM	814	CB	CYS A	A	58154. 392 -	-10. 013	0.828	1. 00	0. 00 C
	ATOM	815	SG	CYS	A	58154. 271 -	-10. 539	-0.897	1. 00	0.00 S
	ATOM	816	H	CYS	A	58155. 173	-9. 355	3. 210	1.00	0.00 H
	ATOM	817	HA	CYS	A	58155. 319 -	-11. 773	1.616	1. 00	0.00 H
5	ATOM	818	1HB	CYS .	A	58153. 443 -	-10. 217	1. 300	1. 00	0.00 H
	ATOM	819	2HB	CYS	A	58154. 570	-8. 947	0. 835	1. 00	0.00 H
	ATOM	820	HG	CYS	A	58154. 021 -	-11. 467	-0. 907	1. 00	0.00 H
	ATOM	821	N	ALA	A	59157. 466	-11. 496	0. 431	1. 00	0.00 N
	ATOM	822	CA	ALA	A	59158. 762	-11. 375	-0. 226	1. 00	0.00 C
10	ATOM	823	C	ALA	A	59158. 686	-10. 433	-1. 423	1. 00	0.00 C
	ATOM	824	0	ALA	A	59157. 969	-10. 698	-2. 389	1. 00	0.000
	ATOM	825	CB	ALA	A	59159. 262	-12. 744	-0.661	1. 00	0.00 C
	ATOM	826	H	ALA	A	59157. 037	-12. 376	0. 483	1. 00	0.00 H
	ATOM	827	HA	ALA	A	59159. 463	-10. 974	0. 491	1. 00	0.00 H
15	ATOM	828	1HB	ALA	A	59160. 333	-12. 710	-0.800	1. 00	0.00 H
	ATOM	829	2HB	ALA	A	59158. 788	-13. 021	-1. 592	1. 00	0.00 H
	ATOM	830	3HB	ALA	A	59159. 020	-13. 474	0. 097	1. 00	0.00 H
	ATOM	831	N	GLY	A	60159. 428	-9. 334	-1. 352	1. 00	0. 00 N
	ATOM	832	CA	GLY	A	60159. 430	-8. 369	-2. 437	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	833	C	GLY	A	60158. 687	-7. 096	-2.082	1. 00	0. 00 C
	ATOM	834	0	GLY	A	60157. 935	-6. 561	-2. 896	1. 00	0.000
	ATOM	835	H	GLY	A	60159. 979	-9. 176	-0. 558	1. 00	0.00 H
	ATOM	836	1HA	GLY	A	60160. 452	-8. 119	-2. 680	1. 00	0.00 H
	ATOM	837	2HA	GLY	A	60158. 963	-8. 816	-3. 302	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	838	S N	CYS	A	61158. 897	-6. 610	-0.863	1. 00	0.00 N
	ATOM	839) CA	CYS	A	61158. 240	-5. 392	-0. 402	1. 00	0. 00 C
	ATOM	840) C	CYS	A	61159. 222	-4. 494	0. 343	1. 00	0. 00 C
	ATOM	841	0	CYS	A	61160. 342	-4. 903	0. 652	1. 00	0.000
	ATOM	842	2 CB	CYS	S A	61157.058	-5. 738	0. 505	1. 00	0.00 C

	489
	マロフ

	ATOM	843	SG	CYS A	61155. 845	-6. 842	-0. 254	1. 00	0.00 S
	ATOM	844	H	CYS A	61159. 508	-7. 081	-0. 258	1. 00	0.00 H
	ATOM	845	HA	CYS A	61157. 875	-4. 863	-1. 270	1. 00	0.00 H
	ATOM	846	1HB	CYS A	61157. 427	-6. 219	1. 397	1. 00	0.00 H
5	ATOM	847	2HB	CYS A	61156. 547	-4. 826	0. 779	1. 00	0.00 H
	ATOM	848	HG	CYS A	61154. 969	-6. 511	-0.042	1. 00	0.00 H
	ATOM	849	N	THR A	62158. 796	-3. 268	0. 629	1. 00	0.00 N
	ATOM	850	CA	THR A	62159. 637	-2. 311	1. 338	1. 00	0. 00 C
	ATOM	851	C	THR A	62159. 197	-2. 171	2. 790	1. 00	0.00 C
10	ATOM	852	0	THR A	62158. 253	-2. 829	3. 230	1. 00	0.000
	ATOM	853	СВ	THR A	62159. 591	-0. 949	0.645	1. 00	0.00 C
	ATOM	854	0G1	THR A	62158. 350	-0. 308	0. 879	1. 00	0.000
	ATOM	855	CG2	THR A	62159. 791	-1. 031	-0.853	1. 00	0.00 C
	ATOM	856	H	THR A	62157. 894	-3. 000	0. 357	1. 00	0.00 H
15	ATOM	857	HA	THR A	62160.651	-2. 682	1. 316	1. 00	0.00 H
	ATOM	858	HB	THR A	62160.376	-0. 325	1. 050	1. 00	0.00 H
	MOTA	859	HG1	THR A	62157. 639	-0.850	0.529	1. 00	0.00 H
	ATOM	860	1HG2	THR A	62158. 928	-1. 498	-1. 305	1. 00	0.00 H
	ATOM	861	2HG2	THR A	62160.671	-1. 618	-1.067	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	862	3HG2	THR A	62159. 913	-0. 036	-1. 254	1. 00	0.00 H
	ATOM	863	N	ASP A	63159. 886	-1. 310	3. 533	1. 00	0.00 N
	ATOM	864	CA	ASP A	63159. 564	-1. 083	4. 937	1. 00	0. 00 C
	ATOM	865	C	ASP A	63158. 915	0. 283	5. 133	1. 00	0.00 C
	MOTA	866	0	ASP A	63159. 079	0. 916	6. 177	1. 00	0.000
25	ATOM	867	CB	ASP A	63160. 827	-1. 189	5. 794	1. 00	0.00 C
	MOTA	868	CG	ASP A	63161.869	-0. 155	5. 418	1. 00	0.00 C
	ATOM	869	OD 1	ASP A	63162. 279	0. 624	6. 304	1. 00	0.000
	ATOM	870	OD2	ASP A	63162. 277	-0. 124	4. 237	1. 00	0.000
	ATOM	871	Н	ASP A	63160. 627	-0. 815	3. 126	1. 00	0.00 H

							490			
	MOTA	872	HA	ASP	A	63158. 866	-1. 847	5. 245	1. 00	0. 00 H
	ATOM	873	1HB	ASP	A	63160. 564	-1.046	6. 832	1. 00	0.00 H
	ATOM	874	2HB	ASP	A	63161. 258	-2. 171	5. 668	1. 00	0.00 H
	ATOM	875	N	GLY	A	64158. 180	0. 734	4. 122	1. 00	0.00 N
5	ATOM	876	CA	GLY	A	64157. 517	2. 023	4. 204	1. 00	0. 00 C
	ATOM	877	C	GLY	A	64158. 203	3. 081	3. 362	1. 00	0.00 C
	ATOM	878	0	GLY	A	64158. 146	4. 269	3. 680	1. 00	0.000
	ATOM	879	H	GLY	A	64158. 085	0. 187	3. 315	1. 00	0.00 H
	ATOM	880	1HA	GLY	A	64156. 498	1. 913	3. 865	1. 00	0.00 H
10	ATOM	881	2HA	GLY	A	64157. 511	2. 347	5. 233	1. 00	0.00 H
	ATOM	882	N	THR	A	65158. 852	2. 650	2. 285	1. 00	0.00 N
	ATOM	883	CA	THR	A	65159. 552	3. 569	1. 395	1. 00	0.00 C
	ATOM	884	C	THR	A	65159. 130	3. 350	-0.054	1. 00	0.00 C
	ATOM	885	0	THR	A	65159. 318	2. 267	-0. 609	1. 00	0.000
15	ATOM	886	CB	THR	A	65161.065	3. 392	1. 530	1. 00	0.00 C
	ATOM	887	0G1	THR	A	65161. 396	2. 023	1. 693	1. 00	0.000
	ATOM	888	CG2	THR	A	65161. 654	4. 148	2. 700	1. 00	0. 00 C
	ATOM	889	H	THR	. A	65158. 861	1. 690	2. 085	1. 00	0.00 H
	ATOM	890	HA	THR	A	65159. 290	4. 576	1. 685	1. 00	0.00 H
20	ATOM	891	HB	THR	A	65161. 541	3. 751	0.629	1. 00	0.00 H
	ATOM	892	HG1	THR	A	65161. 415	1. 594	0.834	1. 00	0.00 H
	ATOM	893	1HG2	THR	A	65160.857	4. 539	3. 315	1. 00	0.00 H
	ATOM	894	2HG2	THR	R A	65162. 259	4. 965	2. 333	1. 00	0.00 H
	ATOM	895	3HG2	THE	R A	65162. 268	3. 482	3. 288	1. 00	0.00 H
25	ATOM	896	N	PHE	E A	66158. 560	4. 385	-0.663	1. 00	0.00 N
	ATOM	897	CA	PHE	E A	66158. 112	4. 304	-2.048	1. 00	0.00 C
	ATOM	898	C	PHE	E A	66159. 029	5. 108	-2. 965	1. 00	0.00 C
	ATOM	899	0	PHI	3 A	66159. 115	6. 331	-2. 857	1. 00	0.000
	ATOM	900	CB	PHI	E A	66156. 675	4. 814	-2. 172	1. 00	0.00 C

					4	191			
	ATOM	901	CG 3	PHE A	66156.029	4. 474	-3. 484	1. 00	0. 00 C
	ATOM	902	CD1	PHE A	66155. 625	5. 475	-4. 354	1. 00	0. 00 C
	ATOM	903	CD2	PHE A	66155. 826	3. 153	-3.849	1. 00	0.00 C
	ATOM	904	CE1	PHE A	66155. 032	5. 165	-5. 562	1. 00	0.00 C
5	ATOM	905	CE2	PHE A	66155. 232	2. 836	-5. 057	1. 00	0.00 C
	ATOM	906	CZ	PHE A	66154. 834	3. 843	-5.914	1. 00	0.00 C
	ATOM	907	H	PHE A	66158. 438	5. 222	-0. 168	1. 00	0.00 H
	ATOM	908	HA	PHE A	66158. 143	3. 268	-2. 347	1. 00	0.00 H
	ATOM	909	1HB	PHE A	66156.077	4. 380	-1. 385	1. 00	0.00 H
10	ATOM	910	2HB	PHE A	66156.672	5. 890	-2.068	1. 00	0.00 H
	ATOM	911	HD1	PHE A	66155. 780	6. 509	-4. 080	1. 00	0.00 H
	ATOM	912	HD2	PHE A	66156. 137	2. 364	-3. 179	1. 00	0.00 H
	ATOM	913	HE 1	PHE A	66154.721	5. 954	-6. 231	1. 00	0.00 H
	ATOM	914	HE2	PHE A	66155. 080	1. 803	-5. 329	1. 00	0.00 H
15	ATOM	915	HZ	PHE A	66154. 371	3. 598	-6. 858	1. 00	0. 00 H
	ATOM	916	N	ARG A	67159.713	4. 411	-3.867	1. 00	0. 00 N
	ATOM	917	CA	ARG A	67160. 624	5. 059	-4. 803	1. 00	0. 00 C
	ATOM	918	C	ARG A	67161.735	5. 794	-4. 062	1. 00	0. 00 C
	ATOM	919	0	ARG A	67162. 174	6. 864	-4. 482	1. 00	0.000
20	ATOM	920	CB	ARG A	67159. 858	6. 036	-5. 698	1. 00	0.00 C
	ATOM	921	CG	ARG A	67158. 819	5. 365	-6. 581	1. 00	0.00 C
	ATOM	922	CD	ARG A	67158. 307	6. 310	-7. 654	1. 00	0. 00 C
	ATOM	923	NE	ARG A	67159. 178	6. 330	-8. 827	1. 00	0. 00 N
	ATOM	924	c CZ	ARG A	67159. 307	5. 310	-9. 672	1. 00	0.00 C
25	ATOM	925	NH 1	ARG A	67158. 624	4. 189	-9. 480	1. 00	0.00 N
	ATOM	926	NH2	ARG A	67160. 122	5. 412	-10. 714	1. 00	0.00 N
	ATOM	927	H	ARG A	67159. 602	3. 438	3 -3. 904	1. 00	0.00 H
	ATOM	928	B HA	ARG A	67161. 066	4. 291	-5. 420	1. 00	0.00 H
	ATOM	929	HB 1HB	ARG A	67159. 357	6. 759	-5. 074	1.00	0.00 H

1	O	1
~		•

	ATOM	930	2HB	ARG .	A	67160. 564	6. 549	-6. 336	1. 00	0.00 H
	ATOM	931	1HG	ARG .	A	67159. 266	4. 504	-7.056	1. 00	0.00 H
	ATOM	932	2HG	ARG	A	67157. 989	5. 048	-5. 965	1. 00	0.00 H
	ATOM	933	1HD	ARG	A	67157. 321	5. 990	-7. 957	1. 00	0.00 H
5	ATOM	934	2HD	ARG	A	67158. 250	7. 306	-7. 242	1. 00	0.00 H
	ATOM	935	HE	ARG	A	67159. 695	7. 147	-8. 993	1. 00	0.00 H
	ATOM	936	1HH1	ARG	A	67158.008	4. 106	-8.697	1. 00	0.00 H
	ATOM	937	2HH1	ARG	A	67158.725	3. 426	-10. 119	1. 00	0.00 H
	ATOM	938	1HH2	ARG	A	67160. 639	6. 254	-10.864	1. 00	0.00 H
10	ATOM	939	2HH2	ARG	A	67160. 219	4. 646	-11. 348	1. 00	0.00 H
	ATOM	940	N	GLY	A	68162. 187	5. 212	-2. 955	1. 00	0.00 N
	ATOM	941	CA	GLY	A	68163. 243	5. 827	-2. 173	1. 00	0.00 C
	ATOM	942	C	GLY	A	68162. 762	7. 037	-1.396	1. 00	0.00 C
	ATOM	943	0	GLY	A	68163. 536	7. 953	-1. 119	1. 00	0.000
15	ATOM	944	H	GLY	A	68161. 800	4. 359	-2.667	1. 00	0.00 H
	ATOM	945	1HA	GLY	A	68163.632	5. 098	-1. 478	1. 00	0.00 H
	ATOM	946	2HA	GLY	A	68164.037	6. 132	-2. 838	1. 00	0.00 H
	ATOM	947	N	THR	A	69161. 481	7. 040	-1. 044	1. 00	0.00 N
	ATOM	948	CA	THR	A	69160. 897	8. 147	-0. 295	1. 00	0.00 C
20	ATOM	949	C	THR	A	69160. 046	7. 632	0.861	1. 00	0.00 C
	ATOM	950	0	THR	A	69158. 867	7. 323	0. 687	1. 00	0.000
	ATOM	951	CB	THR	A	69160. 049	9. 023	-1. 217	1. 00	0.00 C
	ATOM	952	0G1	THR	A	69160. 737	9. 293	-2. 425	1. 00	0.000
	ATOM	953	CG2	THR	A	69159.669	10. 351	-0. 598	1. 00	0.00 C
25	ATOM	954	H	THR	A	69160. 914	6. 280	-1. 294	1. 00	0.00 H
	ATOM	955	HA	THR	A	69161.706	8. 738	0. 105	1. 00	0.00 H
	ATOM	956	HB	THR	A	69159. 135	8. 498	-1. 457	1. 00	0.00 H
	ATOM	957	HG1	THR	A	69161. 578	9. 711	-2. 228	1. 00	0.00 H
	ATOM	958	1HG2	THR	A	69160. 045	11. 156	-1. 213	1. 00	0.00 H

493 ·

-						.,,			
	ATOM	959	2HG2	THR A	69160. 099	10. 423	0.390	1. 00	0.00 H
	ATOM	960	3HG2	THR A	69158. 594	10. 423	-0.530	1. 00	0.00 H
	ATOM	961	N	ARG A	70160.651	7. 542	2.041	1. 00	0.00 N
	ATOM	962	CA	ARG A	70159. 949	7.064	3. 226	1. 00	0.00 C
5	ATOM	963	C	ARG A	70158. 808	8. 005	3.600	1. 00	0. 00 C
	ATOM	964	0	ARG A	70158. 979	9. 224	3. 623	1. 00	0.000
	ATOM	965	CB	ARG A	70160. 920	6. 931	4. 401	1. 00	0. 00 C
	ATOM	966	CG	ARG A	70160. 340	6. 178	5. 588	1. 00	0. 00 C
	ATOM	967	CD	ARG A	70160. 741	6.817	6. 909	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	968	NE	ARG A	70161. 752	6.032	7.613	1. 00	0.00 N
	ATOM	969	CZ	ARG A	70163. 055	6. 085 ⁻	7. 344	1. 00	0.00 C
	ATOM	970	NH1	ARG A	70163. 511	6.883	6. 385	1. 00	0.00 N
	ATOM	971	NH2	ARG A	70163. 905	5. 337	8. 033	1. 00	0.00 N
	ATOM	972	H	ARG A	70161. 592	7. 802	2. 115	1. 00	0.00 H
15	ATOM	973	HA	ARG A	70159. 538	6.091	2. 999	1. 00	0.00 H
	ATOM	974	1HB	ARG A	70161. 803	6. 407	4.066	1. 00	0.00 H
	ATOM	975	2HB	ARG A	70161. 203	7. 920	4. 732	1. 00	0.00 H
	ATOM	976	1HG	ARG A	70159. 263	6. 180	5. 511	1. 00	0. 00 H
	ATOM	977	2HG	ARG A	70160. 703	5. 159	5. 566	1. 00	0.00 H
20	ATOM	978	1HD	ARG A	70161. 136	7. 802	6. 714	1. 00	0. 00 H
	ATOM	979	2HD	ARG A	70159. 863	6. 899	7. 533	1. 00	0.00 H
	ATOM	980	HE	ARG A	70161. 444	5. 432	8. 325	1. 00	0.00 H
	ATOM	981	1 HH 1	ARG A	70162. 877	7. 450	5. 861	1. 00	0.00 H
	ATOM	982	2HH 1	ARG A	70164. 491	6. 919	6. 190	1. 00	0.00 H
25	ATOM	983	1HH2	ARG A	70163. 567	4. 734	8. 756	1. 00	0.00 H
	ATOM	984	2HH2	ARG A	70164. 884	5. 377	7. 832	1. 00	0. 00 H
	ATOM	985	N	TYR A	71157. 646	7. 431	3. 890	1. 00	0.00 N
	ATOM	986	CA	TYR, A	71156. 476	8. 218	4. 264	1. 00	0.00 C
	ATOM	987	C	TYR A	71156. 055	7. 920	5. 700	1. 00	0.00 C

							マンマ			
	ATOM	988	0	TYR A	·	71155. 648	8. 817	6. 437	1. 00	0.000
	ATOM	989	CB	TYR A		71155. 316	7. 932	3. 309	1. 00	0.00 C
	ATOM	990	CG	TYR A	L	71155. 479	8. 569	1. 948	1. 00	0.00 C
	ATOM	991	CD1	TYR A	L	71155. 397	7. 809	0. 788	1. 00	0.00 C
5	ATOM	992	CD2	TYR A	l	71155. 717	9. 933	1. 823	1. 00	0. 00 C
	ATOM	993	CE1	TYR A	١.	71155. 547	8. 389	-0. 457	1. 00	0.00 C
	ATOM	994	CE2	TYR A	l	71155. 867	10. 520	0. 581	1. 00	0.00 C
	ATOM	995	CZ	TYR A	l	71155. 781	9. 745	-0. 555	1. 00	0.00 C
	ATOM	996	ОН	TYR A	Į	71155. 931	10. 325	-1. 793	1. 00	0.000
10	ATOM	997	H	TYR A	A	71157. 572	6. 454	3. 855	1. 00	0.00 H
	ATOM	998	HA	TYR A	I	71156. 742	9. 262	4. 190	1. 00	0.00 H
	ATOM	999	1HB	TYR A	I	71155. 232	6.864	3. 166	1. 00	0.00 H
	ATOM	1000	2HB	TYR A	A	71154. 401	8. 305	3. 744	1. 00	0.00 H
	ATOM	1001	HD1	TYR A	4	71155. 213	6. 748	0.869	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1002	HD2	TYR A	A	71155. 785	10. 538	2. 716	1. 00	0.00 H
	ATOM	1003	HE 1	TYR A	A	71155. 480	7. 781	-1. 347	1. 00	0.00 H
	ATOM	1004	HE2	TYR A	A	71156. 051	11. 581	0. 506	1. 00	0.00 H
	ATOM	1005	HH	TYR	A	71155. 460	11. 161	-1.814	1. 00	0.00 H
	ATOM	1006	N	PHE	A	72156. 155	6. 653	6. 089	1. 00	0. 00 N
20	ATOM	1007	CA	PHE	A	72155. 784	6. 235	7. 436	1. 00	0.00 C
	ATOM	1008	C	PHE	A	72156. 783	5. 220	7. 984	1. 00	0.00 C
	ATOM	1009	0	PHE.	A	72157. 758	4. 872	7. 320	1. 00	0.000
	ATOM	1010	CB	PHE	A	72154. 378	5. 635	7. 437	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1011	CG	PHE	A	72154. 144	4. 648	6. 328	1. 00	0.00 C
25	ATOM	1012	CD1	PHE	A	72153. 812	5. 083	5. 055	1. 00	0.00 C
	ATOM	1013	CD2	PHE	A	72154. 258	3. 287	6. 559	1. 00	0.00 C
	ATOM	1014	· CE1	PHE	A	72153. 598	4. 179	4. 033	1. 00	0.00 C
	ATOM	1015	CE2	PHE	A	72154. 045	2. 378	5. 541	1. 00	0.00 C
	ATOM	1016	CZ	PHE	A	72153. 714	2. 824	4. 276	1. 00	0.00 C

	•						495			
	ATOM	1017	H	PHE	A	72156. 486	5. 982	5. 455	1. 00	0.00 H
	MOTA	1018	HA	PHE	A	72155. 795	7. 110	8.068	1. 00	0.00 H
	ATOM	1019	1HB	PHE	A	72154. 212	5. 125	8. 375	1. 00	0.00 H
	ATOM	1020	2HB	PHE	A	72153. 654	6. 431	7. 333	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1021	HD1	PHE	A	72153. 721	6. 142	4. 864	1. 00	0.00 H
	ATOM	1022	HD2	PHE	A	72154. 517	2. 937	7. 548	1. 00	0.00 H
	ATOM	1023	HE1	PHE	A	72153. 338	4. 530	3. 045	1. 00	0.00 H
	ATOM	1024	HE2	PHE	A	72154. 137	1. 319	5. 734	1. 00	0.00 H
	ATOM	1025	HZ	PHE	A	72153. 547	2. 115	3. 479	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1026	N	THR	A	73156. 533	4. 750	9. 202	1. 00	0.00 N
	ATOM	1027	CA	THR	A	73157. 409	3. 775	9. 840	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1028	C	THR	A	73156. 665	2. 470	10. 108	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1029	0	THR	A	73155. 816	2. 398	10. 997	1. 00	0.000
	ATOM	1030	CB	THR	A	73157, 964	4. 337	11. 151	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1031	0G1	THR	A	73157. 040	5. 231	11. 743	1. 00	0.000
	ATOM	1032	CG2	THR	A	73159. 273	5. 077	10. 977	1. 00	0.00 C
	ATOM	1033	H	THR	A	73155. 738	5. 066	9. 682	1. 00	0.00 H
	ATOM	1034	HA	THR	A	73158. 230	3. 576	9. 168	1. 00	0.00 H
	ATOM	1035	HB	THR	A	73158. 133	3. 520	11. 837	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1036	HG1	THR	A	73157. 405	5. 572	12. 564	1. 00	0.00 H
	ATOM	1037	1HG2	THR	A	73159. 290	5. 554	10. 008	1. 00	0.00 H
	ATOM	1038	2HG2	THR	A	73160. 093	4. 377	11. 048	1. 00	0.00 H
	ATOM	1039	3HG2	THR	A	73159. 369	5. 824	11. 749	1. 00	0.00 H
	MOTA	1040	N	CYS	A	74156. 991	1. 440	9. 335	1. 00	0. 00 N
25	ATOM	1041	CA	CYS	A	74156. 354	0. 138	9. 488	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1042	C	CYS	A	74157. 390	-0. 982	9. 465	1. 00	0.00 C
	ATOM	1043	0	CYS	A	74158. 591	-0. 728	9. 368	1. 00	0.000
	ATOM	1044	CB	CYS	A	74155. 323	-0. 083	8. 379	1. 00	0.00 C
	ATOM	1045	SG	CYS	A	74153. 706	0.652	8. 718	1. 00	0.00 S

							496			
	ATOM	1046	H	CYS A		74157. 676	1. 559	8. 643	1. 00	0.00 H
	ATOM	1047	HA	CYS A		74155. 850	0. 125	10.442	1. 00	0.00 H
	ATOM	1048	1HB	CYS A		74155. 694	0. 350	7.462	1. 00	0.00 H
	ATOM	1049	2HB	CYS A		74155. 180	-1. 144	8. 237	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1050	HG	CYS A		74153. 749	1. 078	9. 577	1. 00	0.00 H
	ATOM	1051	N	ALA A	L	75156. 918	-2. 220	9. 553	1. 00	0.00 N
	ATOM	1052	CA	ALA A	L	75157. 803	-3. 378	9. 542	1. 00	0.00 C
	ATOM	1053	C	ALA A	1	75158. 397	-3.602	8. 156	1. 00	0.00 C
	ATOM	1054	0	ALA A	l	75157. 882	-3. 095	7. 160	1. 00	0.000
10	ATOM	1055	CB	ALA A	١	75157. 053	-4. 619	10. 004	1. 00	0.00 C
	ATOM	1056	H	ALA A	I	75155. 951	-2. 359	9. 628	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1057	HA	ALA A	A	75158. 605	-3. 190	10. 241	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1058	1HB	ALA A	A	75157. 153	-4. 723	11. 074	1. 00	0.00 H
	ATOM	1059	2HB	ALA A	A	75157. 466	-5. 490	9. 518	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	1060	3HB	ALA A	A	75156. 008	-4. 525	9. 747	1. 00	0.00 H
	MOTA	1061	N	LEU A	A	76159. 484	-4. 366	8. 100	1. 00	0.00 N
	MOTA	1062	CA	LEU A	A	76160. 148	-4. 658	6. 836	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1063	C	LEU A	A	76159. 378	-5. 712	6. 046	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1064	0	LEU	A	76158. 795	-6. 631	6. 623	1. 00	0.000
20	ATOM	1065	CB	LEU .	A	76161. 579	-5. 137	7. 087	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1066	CG	LEU .	A	76162. 627	-4. 025	7. 176	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1067	CD 1	LEU	A	76163. 728	-4. 406	8. 153	1. 00	0.00 C
	ATOM	1068	CD2	LEU .	A	76163. 208	-3. 731	5. 802	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1069	H	LEU	A	76159. 846	-4. 742	8. 929	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1070	HA	LEU	A	76160. 179	-3. 745	6. 259	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1071	1HB	LEU	A	76161. 593	-5. 692	8. 013	1. 00	
	ATOM	1072	2HB	LEU	A	76161. 861		6. 284		
	ATOM	1073	B HG	LEU	A	76162. 155		7. 541		
	ATOM	1074	1 HD	1 LEU	A	76164. 661	-3. 965	7. 834	1. 00	0.00 H

						497			
ATOM	1075	2HD1	LEU A	A	76163. 828	-5. 481	8. 180	1. 00	0. 00 H
ATOM	1076	3HD1	LEU A	A	76163. 476	-4. 044	9. 139	1. 00	0.00 H
ATOM	1077	1HD2	LEU .	A	76164. 135	-4. 272	5. 681	1. 00	0.00 H
ATOM	1078	2HD2	LEU .	A	76163. 395	-2. 671	5. 708	1. 00	0.00 H
ATOM	1079	3HD2	LEU .	A	76162. 508	-4. 041	5. 040	1. 00	0.00 H
ATOM	1080	N	LYS	A	77159. 379	-5. 572	4. 724	1. 00	0.00 N
ATOM	1081	CA	LYS	A	77158. 681	-6. 513	3. 857	1. 00	0.00 C
ATOM	1082	C	LYS	A	77157. 188	-6. 536	4. 170	1. 00	0.00 C
ATOM	1083	0	LYS	A	77156. 545	-7. 584	4. 103	1. 00	0.000
ATOM	1084	CB	LYS	A	77159. 268	-7. 917	4. 011	1. 00	0.00 C
ATOM	1085	CG	LYS	A	77160. 742	-8.002	3. 648	1. 00	0.00 C
ATOM	1086	CD	LYS	A	77160. 936	-8. 190	2. 152	1. 00	0. 00 C
ATOM	1087	CE	LYS	A	77162. 179	-7. 470	1. 656	1. 00	0. 00 C
ATOM	1088	NZ	LYS	A	77162. 702	-8. 067	0. 396	1. 00	0. 00 N
ATOM	1089	H	LYS	A	77159. 861	-4. 819	4. 324	1. 00	0.00 H
ATOM	1090	HA	LYS	A	77158. 816	-6. 185	2. 837	1. 00	0. 00 H
ATOM	1091	1HB	LYS	A	77159. 154	-8. 231	5. 038	1. 00	0.00 H
ATOM	1092	2HB	LYS	A	77158. 722	-8. 595	3. 373	1. 00	0.00 H
ATOM	1093	1HG	LYS	A	77161. 232	-7. 089	3. 952	1. 00	0.00 H
ATOM	1094	2HG	LYS	A	77161. 183	-8. 840	4. 168	1. 00	0.00 H
ATOM	1095	1HD	LYS	A	77161. 036	-9. 245	1. 942	1. 00	0.00 H
ATOM	1096	2HD	LYS	A	77160. 073	-7. 799	1. 634	1. 00	0.00 H
ATOM	1097	1HE	LYS	A	77161. 932	-6. 434	1. 478	1. 00	0.00 H
ATOM	1098	2HE	LYS	A	77162. 943	-7. 531	2. 418	1. 00	0.00 H
ATOM	1099	1HZ	LYS	A	77162. 608	-9. 102	0. 425	1. 00	0.00 H
ATOM	1100	2HZ	LYS	A	77163. 706	-7. 824	0. 274	1. 00	0.00 H
MOTA	1101	3HZ	LYS	A	77162. 168	-7. 703	-0. 419	1. 00	0.00 H
ATOM	1102	N	LYS	A	78156. 643	-5. 373	4. 513	1. 00	0.00 N
ATOM	1103	CA	LYS	A	78155. 224	-5. 259	4. 837	1. 00	0.00 C
	ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM ATOM	ATOM 1076 ATOM 1077 ATOM 1078 ATOM 1079 ATOM 1080 ATOM 1081 ATOM 1082 ATOM 1083 ATOM 1084 ATOM 1085 ATOM 1086 ATOM 1087 ATOM 1088 ATOM 1089 ATOM 1090 ATOM 1091 ATOM 1092 ATOM 1093 ATOM 1094 ATOM 1095 ATOM 1096 ATOM 1097 ATOM 1098 ATOM 1099 ATOM 1100 ATOM 1101 ATOM 1101	ATOM 1076 3HD1 ATOM 1077 1HD2 ATOM 1078 2HD2 ATOM 1079 3HD2 ATOM 1080 N ATOM 1081 CA ATOM 1082 C ATOM 1083 O ATOM 1084 CB ATOM 1085 CG ATOM 1087 CE ATOM 1088 NZ ATOM 1089 H ATOM 1090 HA ATOM 1091 1HB ATOM 1092 2HB ATOM 1093 1HG ATOM 1094 2HG ATOM 1095 1HD ATOM 1097 1HE ATOM 1097 1HE ATOM 1099 1HZ <	ATOM 1076 3HD1 LEU ATOM 1077 1HD2 LEU ATOM 1078 2HD2 LEU ATOM 1079 3HD2 LEU ATOM 1080 N LYS ATOM 1081 CA LYS ATOM 1082 C LYS ATOM 1083 O LYS ATOM 1084 CB LYS ATOM 1085 CG LYS ATOM 1086 CD LYS ATOM 1088 NZ LYS ATOM 1089 H LYS ATOM 1090 HA LYS ATOM 1091 1HB LYS ATOM 1091 1HB LYS ATOM 1092 2HB LYS ATOM 1093 1HG LYS ATOM 1094 2HG LYS ATOM 1095 1HD LYS ATOM 1097 1HE LYS <tr< td=""><td>ATOM 1076 3 HD1 LEU A ATOM 1077 1 HD2 LEU A ATOM 1078 2 HD2 LEU A ATOM 1079 3 HD2 LEU A ATOM 1080 N LYS A ATOM 1081 CA LYS A ATOM 1082 C LYS A ATOM 1084 CB LYS A ATOM 1085 CG LYS A ATOM 1086 CD LYS A ATOM 1087 CE LYS A ATOM 1088 NZ LYS A ATOM 1089 H LYS A ATOM 1090 HA LYS A ATOM 1091 1HB LYS A ATOM 1092 2HB LYS A ATOM 1093 1HG LYS A ATOM 1096 2HD LYS A<td>ATOM 1076 3HD1 LEU A 76163. 476 ATOM 1077 1HD2 LEU A 76164. 135 ATOM 1078 2HD2 LEU A 76162. 508 ATOM 1080 N LYS A 77159. 379 ATOM 1081 CA LYS A 77158. 681 ATOM 1082 C LYS A 77157. 188 ATOM 1083 O LYS A 77156. 545 ATOM 1084 CB LYS A 77159. 268 ATOM 1085 CG LYS A 77160. 742 ATOM 1086 CD LYS A 77160. 742 ATOM 1087 CE LYS A 77162. 179 ATOM 1089 H LYS A 77158. 816 ATOM 1090 HA LYS A 77158. 816 ATOM 1091 1HB LYS A 77158. 722 ATOM 1092 2HB LYS A 77161. 232 ATOM 1094 2HG LYS A 77161. 036 ATOM 1095 1HD LYS A 77161. 036 ATOM 1096 2HD LYS A 77162. 608 ATOM 1099 1HZ LYS A 77163. 706 ATOM 1101 3HZ LYS A 77162. 608</td><td>ATOM 1075 2HD1 LEU A 76163.828 -5.481 ATOM 1076 3HD1 LEU A 76163.476 -4.044 ATOM 1077 1HD2 LEU A 76164.135 -4.272 ATOM 1078 2HD2 LEU A 76163.395 -2.671 ATOM 1079 3HD2 LEU A 76162.508 -4.041 ATOM 1080 N LYS A 77159.379 -5.572 ATOM 1081 CA LYS A 77159.379 -5.572 ATOM 1083 O LYS A 77157.188 -6.536 ATOM 1084 CB LYS A 77156.545 -7.584 ATOM 1085 CG LYS A 77159.268 -7.917 ATOM 1086 CD LYS A 77160.742 -8.002 ATOM 1088 NZ LYS A 77162.179 -7.470 ATOM 1088 NZ LYS A 77159.861 -4.819 ATOM 1089 H LYS A 77159.861 -4.819 ATOM 1090 HA LYS A 77159.861 -4.819 ATOM 1091 1HB LYS A 77158.816 -6.185 ATOM 1092 2HB LYS A 77158.722 -8.595 ATOM 1094 2HG LYS A 77161.183 -8.840 ATOM 1095 1HD LYS A 77161.183 -8.840 ATOM 1096 2HD LYS A 77161.932 -7.089 ATOM 1097 1HE LYS A 77161.932 -6.434 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.608 -9.102 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.608 -7.703 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.608 -7.703</td><td>ATOM 1075 2HD1 LEU A 76163.828 -5.481 8.180 ATOM 1076 3HD1 LEU A 76163.476 -4.044 9.139 ATOM 1077 1HD2 LEU A 76164.135 -4.272 5.681 ATOM 1078 2HD2 LEU A 76164.135 -2.671 5.708 ATOM 1079 3HD2 LEU A 76162.508 -4.041 5.040 ATOM 1080 N LYS A 77159.379 -5.572 4.724 ATOM 1081 CA LYS A 77159.379 -5.572 4.724 ATOM 1082 C LYS A 77156.681 -6.513 3.857 ATOM 1083 O LYS A 77156.545 -7.584 4.103 ATOM 1084 CB LYS A 77156.545 -7.584 4.103 ATOM 1085 CG LYS A 77160.742 -8.002 3.648 ATOM 1086 CD LYS A 77160.936 -8.190 2.152 ATOM 1088 NZ LYS A 77162.179 -7.470 1.656 ATOM 1089 H LYS A 77158.816 -6.185 2.837 ATOM 1090 HA LYS A 77158.816 -6.185 2.837 ATOM 1091 1HB LYS A 77158.722 -8.595 3.373 ATOM 1092 2HB LYS A 77161.232 -7.089 3.952 ATOM 1093 1HG LYS A 77161.232 -7.089 3.952 ATOM 1094 2HG LYS A 77161.232 -7.089 3.952 ATOM 1095 1HD LYS A 77161.932 -6.434 1.478 ATOM 1096 2HD LYS A 77162.943 -7.531 2.418 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.943 -7.531 2.418 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.608 -9.102 0.425 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.168 -7.703 -0.419 ATOM 1101 3HZ LYS A 77162.168 -7.703 -0.419 ATOM 1101 3HZ LYS A 77162.168 -7.703 -0.419 ATOM 1101 3HZ LYS A 77162.168 -7.703 -0.419</td><td>ATOM 1075 2HD1 LEU A 76163. 426 -5. 481 8. 180 1. 00 ATOM 1076 3HD1 LEU A 76163. 476 -4. 044 9. 139 1. 00 ATOM 1077 1HD2 LEU A 76163. 476 -4. 272 5. 681 1. 00 ATOM 1078 2HD2 LEU A 76162. 508 -4. 041 5. 040 1. 00 ATOM 1080 N LYS A 77159. 379 -5. 572 4. 724 1. 00 ATOM 1081 CA LYS A 77158. 681 -6. 513 3. 857 1. 00 ATOM 1082 C LYS A 77159. 268 -7. 584 4. 103 1. 00 ATOM 1085 CG LYS A 77160. 742 -8. 002 3. 648 1. 00 ATOM 1086 CD LYS A 77160. 742 -8. 002 3. 648 1. 00 ATOM</td></td></tr<>	ATOM 1076 3 HD1 LEU A ATOM 1077 1 HD2 LEU A ATOM 1078 2 HD2 LEU A ATOM 1079 3 HD2 LEU A ATOM 1080 N LYS A ATOM 1081 CA LYS A ATOM 1082 C LYS A ATOM 1084 CB LYS A ATOM 1085 CG LYS A ATOM 1086 CD LYS A ATOM 1087 CE LYS A ATOM 1088 NZ LYS A ATOM 1089 H LYS A ATOM 1090 HA LYS A ATOM 1091 1HB LYS A ATOM 1092 2HB LYS A ATOM 1093 1HG LYS A ATOM 1096 2HD LYS A <td>ATOM 1076 3HD1 LEU A 76163. 476 ATOM 1077 1HD2 LEU A 76164. 135 ATOM 1078 2HD2 LEU A 76162. 508 ATOM 1080 N LYS A 77159. 379 ATOM 1081 CA LYS A 77158. 681 ATOM 1082 C LYS A 77157. 188 ATOM 1083 O LYS A 77156. 545 ATOM 1084 CB LYS A 77159. 268 ATOM 1085 CG LYS A 77160. 742 ATOM 1086 CD LYS A 77160. 742 ATOM 1087 CE LYS A 77162. 179 ATOM 1089 H LYS A 77158. 816 ATOM 1090 HA LYS A 77158. 816 ATOM 1091 1HB LYS A 77158. 722 ATOM 1092 2HB LYS A 77161. 232 ATOM 1094 2HG LYS A 77161. 036 ATOM 1095 1HD LYS A 77161. 036 ATOM 1096 2HD LYS A 77162. 608 ATOM 1099 1HZ LYS A 77163. 706 ATOM 1101 3HZ LYS A 77162. 608</td> <td>ATOM 1075 2HD1 LEU A 76163.828 -5.481 ATOM 1076 3HD1 LEU A 76163.476 -4.044 ATOM 1077 1HD2 LEU A 76164.135 -4.272 ATOM 1078 2HD2 LEU A 76163.395 -2.671 ATOM 1079 3HD2 LEU A 76162.508 -4.041 ATOM 1080 N LYS A 77159.379 -5.572 ATOM 1081 CA LYS A 77159.379 -5.572 ATOM 1083 O LYS A 77157.188 -6.536 ATOM 1084 CB LYS A 77156.545 -7.584 ATOM 1085 CG LYS A 77159.268 -7.917 ATOM 1086 CD LYS A 77160.742 -8.002 ATOM 1088 NZ LYS A 77162.179 -7.470 ATOM 1088 NZ LYS A 77159.861 -4.819 ATOM 1089 H LYS A 77159.861 -4.819 ATOM 1090 HA LYS A 77159.861 -4.819 ATOM 1091 1HB LYS A 77158.816 -6.185 ATOM 1092 2HB LYS A 77158.722 -8.595 ATOM 1094 2HG LYS A 77161.183 -8.840 ATOM 1095 1HD LYS A 77161.183 -8.840 ATOM 1096 2HD LYS A 77161.932 -7.089 ATOM 1097 1HE LYS A 77161.932 -6.434 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.608 -9.102 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.608 -7.703 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.608 -7.703</td> <td>ATOM 1075 2HD1 LEU A 76163.828 -5.481 8.180 ATOM 1076 3HD1 LEU A 76163.476 -4.044 9.139 ATOM 1077 1HD2 LEU A 76164.135 -4.272 5.681 ATOM 1078 2HD2 LEU A 76164.135 -2.671 5.708 ATOM 1079 3HD2 LEU A 76162.508 -4.041 5.040 ATOM 1080 N LYS A 77159.379 -5.572 4.724 ATOM 1081 CA LYS A 77159.379 -5.572 4.724 ATOM 1082 C LYS A 77156.681 -6.513 3.857 ATOM 1083 O LYS A 77156.545 -7.584 4.103 ATOM 1084 CB LYS A 77156.545 -7.584 4.103 ATOM 1085 CG LYS A 77160.742 -8.002 3.648 ATOM 1086 CD LYS A 77160.936 -8.190 2.152 ATOM 1088 NZ LYS A 77162.179 -7.470 1.656 ATOM 1089 H LYS A 77158.816 -6.185 2.837 ATOM 1090 HA LYS A 77158.816 -6.185 2.837 ATOM 1091 1HB LYS A 77158.722 -8.595 3.373 ATOM 1092 2HB LYS A 77161.232 -7.089 3.952 ATOM 1093 1HG LYS A 77161.232 -7.089 3.952 ATOM 1094 2HG LYS A 77161.232 -7.089 3.952 ATOM 1095 1HD LYS A 77161.932 -6.434 1.478 ATOM 1096 2HD LYS A 77162.943 -7.531 2.418 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.943 -7.531 2.418 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.608 -9.102 0.425 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.168 -7.703 -0.419 ATOM 1101 3HZ LYS A 77162.168 -7.703 -0.419 ATOM 1101 3HZ LYS A 77162.168 -7.703 -0.419 ATOM 1101 3HZ LYS A 77162.168 -7.703 -0.419</td> <td>ATOM 1075 2HD1 LEU A 76163. 426 -5. 481 8. 180 1. 00 ATOM 1076 3HD1 LEU A 76163. 476 -4. 044 9. 139 1. 00 ATOM 1077 1HD2 LEU A 76163. 476 -4. 272 5. 681 1. 00 ATOM 1078 2HD2 LEU A 76162. 508 -4. 041 5. 040 1. 00 ATOM 1080 N LYS A 77159. 379 -5. 572 4. 724 1. 00 ATOM 1081 CA LYS A 77158. 681 -6. 513 3. 857 1. 00 ATOM 1082 C LYS A 77159. 268 -7. 584 4. 103 1. 00 ATOM 1085 CG LYS A 77160. 742 -8. 002 3. 648 1. 00 ATOM 1086 CD LYS A 77160. 742 -8. 002 3. 648 1. 00 ATOM</td>	ATOM 1076 3HD1 LEU A 76163. 476 ATOM 1077 1HD2 LEU A 76164. 135 ATOM 1078 2HD2 LEU A 76162. 508 ATOM 1080 N LYS A 77159. 379 ATOM 1081 CA LYS A 77158. 681 ATOM 1082 C LYS A 77157. 188 ATOM 1083 O LYS A 77156. 545 ATOM 1084 CB LYS A 77159. 268 ATOM 1085 CG LYS A 77160. 742 ATOM 1086 CD LYS A 77160. 742 ATOM 1087 CE LYS A 77162. 179 ATOM 1089 H LYS A 77158. 816 ATOM 1090 HA LYS A 77158. 816 ATOM 1091 1HB LYS A 77158. 722 ATOM 1092 2HB LYS A 77161. 232 ATOM 1094 2HG LYS A 77161. 036 ATOM 1095 1HD LYS A 77161. 036 ATOM 1096 2HD LYS A 77162. 608 ATOM 1099 1HZ LYS A 77163. 706 ATOM 1101 3HZ LYS A 77162. 608	ATOM 1075 2HD1 LEU A 76163.828 -5.481 ATOM 1076 3HD1 LEU A 76163.476 -4.044 ATOM 1077 1HD2 LEU A 76164.135 -4.272 ATOM 1078 2HD2 LEU A 76163.395 -2.671 ATOM 1079 3HD2 LEU A 76162.508 -4.041 ATOM 1080 N LYS A 77159.379 -5.572 ATOM 1081 CA LYS A 77159.379 -5.572 ATOM 1083 O LYS A 77157.188 -6.536 ATOM 1084 CB LYS A 77156.545 -7.584 ATOM 1085 CG LYS A 77159.268 -7.917 ATOM 1086 CD LYS A 77160.742 -8.002 ATOM 1088 NZ LYS A 77162.179 -7.470 ATOM 1088 NZ LYS A 77159.861 -4.819 ATOM 1089 H LYS A 77159.861 -4.819 ATOM 1090 HA LYS A 77159.861 -4.819 ATOM 1091 1HB LYS A 77158.816 -6.185 ATOM 1092 2HB LYS A 77158.722 -8.595 ATOM 1094 2HG LYS A 77161.183 -8.840 ATOM 1095 1HD LYS A 77161.183 -8.840 ATOM 1096 2HD LYS A 77161.932 -7.089 ATOM 1097 1HE LYS A 77161.932 -6.434 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.608 -9.102 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.608 -7.703 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.608 -7.703	ATOM 1075 2HD1 LEU A 76163.828 -5.481 8.180 ATOM 1076 3HD1 LEU A 76163.476 -4.044 9.139 ATOM 1077 1HD2 LEU A 76164.135 -4.272 5.681 ATOM 1078 2HD2 LEU A 76164.135 -2.671 5.708 ATOM 1079 3HD2 LEU A 76162.508 -4.041 5.040 ATOM 1080 N LYS A 77159.379 -5.572 4.724 ATOM 1081 CA LYS A 77159.379 -5.572 4.724 ATOM 1082 C LYS A 77156.681 -6.513 3.857 ATOM 1083 O LYS A 77156.545 -7.584 4.103 ATOM 1084 CB LYS A 77156.545 -7.584 4.103 ATOM 1085 CG LYS A 77160.742 -8.002 3.648 ATOM 1086 CD LYS A 77160.936 -8.190 2.152 ATOM 1088 NZ LYS A 77162.179 -7.470 1.656 ATOM 1089 H LYS A 77158.816 -6.185 2.837 ATOM 1090 HA LYS A 77158.816 -6.185 2.837 ATOM 1091 1HB LYS A 77158.722 -8.595 3.373 ATOM 1092 2HB LYS A 77161.232 -7.089 3.952 ATOM 1093 1HG LYS A 77161.232 -7.089 3.952 ATOM 1094 2HG LYS A 77161.232 -7.089 3.952 ATOM 1095 1HD LYS A 77161.932 -6.434 1.478 ATOM 1096 2HD LYS A 77162.943 -7.531 2.418 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.943 -7.531 2.418 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.608 -9.102 0.425 ATOM 1099 1HZ LYS A 77162.168 -7.703 -0.419 ATOM 1101 3HZ LYS A 77162.168 -7.703 -0.419 ATOM 1101 3HZ LYS A 77162.168 -7.703 -0.419 ATOM 1101 3HZ LYS A 77162.168 -7.703 -0.419	ATOM 1075 2HD1 LEU A 76163. 426 -5. 481 8. 180 1. 00 ATOM 1076 3HD1 LEU A 76163. 476 -4. 044 9. 139 1. 00 ATOM 1077 1HD2 LEU A 76163. 476 -4. 272 5. 681 1. 00 ATOM 1078 2HD2 LEU A 76162. 508 -4. 041 5. 040 1. 00 ATOM 1080 N LYS A 77159. 379 -5. 572 4. 724 1. 00 ATOM 1081 CA LYS A 77158. 681 -6. 513 3. 857 1. 00 ATOM 1082 C LYS A 77159. 268 -7. 584 4. 103 1. 00 ATOM 1085 CG LYS A 77160. 742 -8. 002 3. 648 1. 00 ATOM 1086 CD LYS A 77160. 742 -8. 002 3. 648 1. 00 ATOM

							498								
	ATOM	1104	C	LYS A	7815	54. 686	-3.	886	4.	449	1. ()0	0. 0	0	C
	ATOM	1105	0	LYS A	7815	3. 863	-3.	308	5.	158	1. (00	0. 0	0 (0
	ATOM	1106	CB	LYS A	7815	55. 000	-5.	505	6.	330	1. (00	0. 0	0	C
	ATOM	1107	CG	LYS A	7815	55. 513	-6.	854	6.	809	1. (00	0. 0	0	С
5	ATOM	1108	CD	LYS A	781	55. 303	-7.	030	8.	304	1.	00	0. 0	0	C
	ATOM	1109	CE	LYS A	781	54. 065	-7.	862	8.	598	1.	00	0.0	0	C
	ATOM	1110	NZ	LYS A	781	53. 334	-7.	367	9.	797	1.	00	0.0	0	N
	ATOM	1111	H	LYS A	781	57. 206	-4.	572	4.	548	1.	00	0. 0	0	H
	ATOM	1112	HA	LYS A	781	54. 695	-6.	012	4.	274	1.	00	0. 0	0(H
10	ATOM	1113	1HB	LYS A	781	55. 507	-4.	732	6.	890	1.	00	0. 0	0	H
	ATOM	1114	2HB	LYS A	781	53. 942	-5.	453	6.	537	1.	00	0. 0	00	H
	ATOM	1115	1HG	LYS A	781	54. 984	-7.	636	6.	285	1.	00	0. 0	00	H
	ATOM	1116	2HG	LYS A	781	56. 570	-6.	924	6.	592	1.	00	0. (00	H
	ATOM	1117	1HD	LYS A	781	56. 165	-7.	526	8.	723	1.	00	0. (00	H
15	ATOM	1118	2HD	LYS A	781	55. 188	-6.	057	8.	759	1.	00	0. (00	H
	ATOM	1119	1HE	LYS A	781	53. 407	-7.	820	7.	743	1.	00	0. (00	H
	ATOM	1120	2HE	LYS A	781	54. 367	-8.	. 886	8.	768	1.	00	0. (00	H
	ATOM	1121	1HZ	LYS A	781	52. 990	-6.	. 399	9.	630	1.	00	0. (00	H
	ATOM	1122	2HZ	LYS A	781	53. 965	-7.	. 361	10.	623	1.	00	0.	00	H
20	ATOM	1123	3HZ	LYS A	781	52. 521	-7.	. 982	9.	999	1.	00	0.	00	H
	ATOM	1124	N	ALA A	A 791	55. 156	-3.	. 369	3.	318	1.	00	0.	00	N
	ATOM	1125	CA	ALA A	A 791	54. 722	-2.	. 064	2.	836	1.	00	0.	00	C
	ATOM	1126	C	ALA .	A 791	54. 543	-2	. 070	1.	322	1.	00	0.	00	C
	ATOM	1127	0	ALA	A 791	55. 517	-1	. 992	0.	571	1.	00	0.	00	0
25	ATOM	1128	CB	ALA .	A 791	55. 720	-0	. 992	3.	. 247	1.	00	0.	00	C
	ATOM	1129	Н	ALA .	A 791	55. 811	-3	. 879	2.	796	1.	00	0.	00	H
	ATOM	1130	HA	ALA .	A 791	53. 774	-1	. 837	3.	. 299	1.	00	0.	00	H
	ATOM	1131	1HB	ALA .	A 791	55. 219	-0	. 036	3.	. 300	1.	00	0.	00	H
	ATOM	1132	2HB	ALA .	A 791	56. 515	-0	. 941	2.	. 518	1.	00	0.	00	H

							499			
	ATOM	1133	3HB	ALA	A	79156. 133	-1. 237	4. 214	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1134	N	LEU	A	80153. 294	-2. 162	0. 878	1. 00	0.00 N
	ATOM	1135	CA	LEU	A	80152. 988	-2. 178	-0. 548	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1136	C	LEU	A	80152. 143	-0.968	-0. 936	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	1137	0	LEU	A	80150. 992	-0.842	-0. 519	1. 00	0.000
	ATOM	1138	CB	LEU	A	80152. 252	-3. 467	-0. 919	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1139	CG	LEU	A	80151. 835	-3. 574	-2. 387	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1140	CD1	LEU	A	80153. 048	-3. 819	-3. 270	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1141	CD2	LEU	A	80150. 809	-4. 683	-2. 568	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	1142	H	LEU	A	80152. 561	-2. 220	1. 525	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1143	HA	LEU	A	80153. 922	-2. 138	-1. 088	1. 00	0. 00 H
	ATOM.	1144	1HB	LEU	A	80152. 896	-4. 303	-0. 687	1. 00	0.00 H
	ATOM	1145	2HB	LEU	A	80151.364	-3. 538	-0. 309	1. 00	0.00 H
	ATOM	1146	HG	LEU	A	80151.381	-2. 644	-2. 693	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	1147	1HD1	LEU	A	80153. 457	-2.872	-3. 590	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1148	2HD1	LEU	A	80152. 753	-4. 394	-4. 136	1. 00	0.00 H
	ATOM	1149	3HD1	LEU	A	80153. 796	-4. 364	-2. 713	1. 00	0.00 H
	ATOM	1150	1HD2	LEU	A	80150. 935	-5. 134	-3. 541	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1151	2HD2	LEU	A	80149. 814	-4. 270	-2. 488	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1152	3HD2	LEU	A	80150.950	-5. 432	-1. 803	1. 00	0.00 H
	ATOM	1153	N	PHE	A	81152. 723	-0. 082	-1. 739	1. 00	0.00 N
	ATOM	1154	CA	PHE	A	81152. 024	1. 117	-2. 185	1. 00	0.00 C
	ATOM	1155	C	PHE	A	81151. 158	0.819	-3. 405	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1156	0	PHE	A	81151. 569	0. 089	-4. 307	1. 00	0.000
25	ATOM	1157	CB	PHE	A	81153. 027	2. 224	-2. 515	1. 00	0.00 C
	ATOM	1158	CG	PHE	A	81153. 688	2. 816	-1. 303	1. 00	0.00 C
	ATOM	1159	CD1	PHE	A	81153. 308	4.060	-0. 828	1. 00	0.00 C
	ATOM	1160	CD2	PHE	A	81154. 690	2. 126	-0. 639	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1161	CE1	PHE	A	81153. 915	4. 607	0. 287	1. 00	0.00 C

	ATOM	1162	CE2	PHE	A	81155. 300	2. 668	0. 477	1. 00	0.00 C
	ATOM	1163	CZ	PHE	A	81154. 912	3. 909	0. 941	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1164	H	PHE	A	81153. 643	-0. 239	-2. 039	1. 00	0.00 H
	ATOM	1165	HA	PHE	A	81151. 388	1. 449	-1. 379	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1166	1HB	PHE	A	81153. 800	1. 822	-3. 151	1. 00	0.00 H
	ATOM	1167	2HB	PHE	A	81152. 515	3. 020	-3. 037	1. 00	0.00 H
	ATOM	1168	HD1	PHE	A	81152. 527	4. 606	-1. 338	1. 00	0.00 H
	ATOM	1169	HD2	PHE	A	81154. 995	1. 156	-1. 000	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1170	HE 1	PHE	A	81153. 609	5. 579	0.647	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1171	HE2	PHE	A	81156.080	2. 121	0. 985	1. 00	0.00 H
	ATOM	1172	HZ	PHE	A	81155. 388	4. 335	1. 812	1. 00	0.00 H
	ATOM	1173	N	VAL	A	82149. 959	1. 389	-3. 427	1. 00	0.00 N
	ATOM	1174	CA	VAL	A	82149. 035	1. 184	-4. 535	1. 00	0.00 C
	ATOM	1175	C	VAL	A	82148. 156	2. 412	-4. 753	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1176	0	VAL	A	82148. 101	3. 306	-3. 909	1. 00	0.000
	ATOM	1177	CB	VAL	A	82148. 134	-0. 041	-4. 297	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1178	CG1	VAL	A	82148. 953	-1. 322	-4. 333	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1179	CG2	VAL	A	82147. 392	0. 090	-2. 976	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1180	H	VAL	A	82149. 687	1. 962	-2.677	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1181	HA	VAL	A	82149. 619	1. 009	-5. 427	1. 00	0.00 H
	MOTA	1182	HB	VAL	A	82147. 404	-0. 087	-5. 093	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1183	1HG1	VAL	A	82148. 303	-2. 170	-4. 174	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1184	2HG1	VAL	A	82149. 702	-1. 292	-3. 555	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1185	3HG1	VAL	A	82149. 436	-1. 415	-5. 295	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1186	1HG2	VAL	A	82147. 988	-0. 338	-2. 185	1. 00	0.00 H
	ATOM	1187	2HG2	VAL	A	82146. 449	-0. 432	-3. 039	1. 00	0.00 H
	ATOM	1188	3HG2	VAL	A	82147. 212	1. 134	-2.767	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1189	N	LYS	A	83147. 471	2. 448	-5. 891	1. 00	0.00 N
	ATOM	1190	CA	LYS	A	83146. 594	3. 565	-6.221	1. 00	0. 00 C

						501		
	ATOM	1191	C	LYS A	83145. 381	3. 596 -5. 299	1. 00	0.00 C
	ATOM	1192	0	LYS A	83144. 624	2. 629 -5. 217	1. 00	0.000
	ATOM	1193	CB	LYS A	83146. 139	3. 470 -7. 679	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1194	CG	LYS A	83147. 278	3. 584 -8. 680	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	1195	CD	LYS A	83146. 839	3. 163 -10. 073	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1196	CE	LYS A	83147. 457	4. 048 -11. 143	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1197	NZ	LYS A	83147. 818	3. 274 -12. 363	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1198	H	LYS A	83147. 557	1. 704 -6. 524	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1199	HA	LYS A	83147. 155	4. 478 -6. 087	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1200	1HB	LYS A	83145. 649	2. 520 -7. 830	1. 00	0.00 H
	ATOM	1201	2HB	LYS A	83145. 434	4. 265 -7. 876	1. 00	0.00 H
	ATOM	1202	1HG	LYS A	83147. 612	4. 610 -8. 714	1. 00	0.00 H
	ATOM	1203	2HG	LYS A	83148. 090	2. 948 -8. 359	1. 00	0.00 H
	ATOM	1204	1HD	LYS A	83147. 145	2. 142 -10. 243	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	1205	2HD	LYS A	83145. 763	3. 233 -10. 137	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1206	1HE	LYS A	83146. 748	4. 815 -11. 411	1. 00	0.00 H
	ATOM	1207	2HE	LYS A	83148. 348	4. 506 -10. 741	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1208	1HZ	LYS A	83148. 624	3. 721 -12. 844	1. 00	0.00 H
	ATOM	1209	2HZ	LYS A	83147. 011	3. 243 -13. 018	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1210	3HZ	LYS A	83148. 078	2. 300 -12. 105	1. 00	0.00 H
	ATOM	1211	N	LEU A	84145. 203	4. 715 -4. 606	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1212	CA	LEU A	84144. 082	4. 880 -3. 689	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1213	C	LEU A	A 84142. 752	4. 717 -4. 418	1. 00	0.00 C
	ATOM	1214	0	LEU A	84141. 808	4. 136 -3. 885	1. 00	0.000
25	ATOM	1215	CB	LEU A	A 84144. 149	6. 254 -3. 018	1. 00	0.00 C
	ATOM	1216	CG	LEU A	A 84142. 966	6. 592 -2. 109	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1217	CD	LEU A	A 84143. 161	5. 981 -0. 730	1. 00	0.00 C
	ATOM	1218	CD2	LEU A	A 84142. 791	8. 100 -2. 004	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1219	Н	LEU	A 84145. 841	5. 450 -4. 716	1. 00	0.00 H

	ATOM	1220	HA	LEU	A	84144. 160	4. 115	-2. 931	1. 00	0.00 H
	ATOM	1221	1HB	LEU	A	84145. 054	6. 300	-2. 429	1. 00	0.00 H
	ATOM	1222	2HB	LEU	A	84144. 206	7. 004	-3. 793	1. 00	0.00 H
	ATOM	1223	HG	LEU	A	84142. 063	6. 179	-2. 533	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1224	1 HD 1	LEU	A	84142. 445	6. 406	-0.043	1. 00	0.00 H
	ATOM	1225	2HD1	LEU	A	84144. 162	6. 188	-0. 382	1. 00	0.00 H
	ATOM	1226	3HD1	LEU	A	84143. 014	4. 912	-0. 787	1. 00	0.00 H
	ATOM	1227	1HD2	LEU	A	84142. 772	8. 530	-2. 995	1. 00	0.00 H
	MOTA	1228	2HD2	LEU	A	84143. 614	8. 521	-1. 445	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1229	3HD2	LEU	A	84141. 863	8. 321	-1. 498	1. 00	0.00 H
	ATOM	1230	N	LYS	A	85142. 688	5. 234	-5. 641	1. 00	0.00 N
	ATOM	1231	CA	LYS	A	85141. 474	5. 146	-6. 444	1. 00	0.00 C
	ATOM	1232	C	LYS	A	85141. 139	3. 693	-6. 773	1. 00	0.00 C
	ATOM	1233	0	LYS	A	85139. 984	3. 356	-7. 028	1. 00	0.000
15	ATOM	1234	CB	LYS	A	85141. 633	5. 950	-7. 735	1. 00	0.00 C
	ATOM	1235	CG	LYS	A	85142. 797	5. 492	-8. 599	1. 00	0.00 C
	ATOM	1236	CD	LYS	A	85143. 178	6. 548	-9.624	1. 00	0.00 C
	ATOM	1237	CE	LYS	A	85144. 685	6.620	-9.814	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1238	NZ	LYS	A	85145. 077	7. 728	-10. 729	1. 00	0.00 N
20	MOTA	1239	H	LYS	A	85143. 474	5. 685	-6. 012	1. 00	0.00 H
	ATOM	1240	HA	LYS	A	85140.664	5. 566	-5.867	1. 00	0.00 H
	ATOM	1241	1HB	LYS	A	85140. 726	5. 860	-8. 316	1. 00	0.00 H
	ATOM	1242	2HB	LYS	A	85141. 786	6. 989	-7. 483	1. 00	0.00 H
	MOTA	1243	1HG	LYS	A	85143. 648	5. 297	-7. 964	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1244	2HG	LYS	A	85142. 515	4. 586	-9. 115	1. 00	0.00 H
	ATOM	1245	1HD	LYS	A	85142. 718	6. 301	-10. 569	1. 00	0.00 H
	ATOM	1246	2HD	LYS	A	85142. 820	7. 509	-9. 287	1. 00	0.00 H
	ATOM	1247	1HE	LYS	A	85145. 149	6. 779	-8. 852	1. 00	0.00 H
	ATOM	1248	2HE	LYS	A	85145. 028	5. 683	-10. 228	1. 00	0.00 H

	•	
•		
_ 21		٧

							505			
	ATOM	1249	1HZ	LYS A	L	85146.064	8. 004	-10. 553	1. 00	0.00 H
	ATOM	1250	2HZ	LYS A	L	85144. 465	8. 553	-10. 574	1. 00	0.00 H
	ATOM	1251	3HZ	LYS A	L	85144. 984	7. 423	-11. 719	1. 00	0.00 H
	ATOM	1252	N	SER A	1	86142. 158	2. 837	-6. 765	1. 00	0.00 N
5	ATOM	1253	CA	SER A	1	86141. 968	1. 423	-7. 064	1. 00	0.00 C
	ATOM	1254	C	SER A	l	86141. 945	0. 594	-5. 782	1. 00	0.00 C
	ATOM	1255	0	SER A	A	86142. 403	-0. 548	-5. 762	1. 00	0.000
	ATOM	1256	CB	SER A	ł	86143. 077	0. 922	-7. 990	1. 00	0.00 C
	ATOM	1257	0G	SER A	I	86143. 061	1. 613	-9. 227	1. 00	0.000
10	ATOM	1258	H	SER A	1	86143. 057	3. 164	-6. 555	1. 00	0.00 H
	ATOM	1259	HA	SER A	4	86141. 017	1. 314	-7. 563	1. 00	0.00 H
	ATOM	1260	1HB	SER A	A	86144. 035	1. 078	-7. 518	1. 00	0.00 H
	ATOM	1261	2HB	SER A	A	86142. 936	-0. 133	-8. 178	1. 00	0.00 H
	ATOM	1262	HG	SER A	A	86142. 156	1. 684	-9. 542	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1263	N	CYS A	A	87141. 410	1. 178	-4. 715	1. 00	0.00 N
	ATOM	1264	CA	CYS A	A	87141. 328	0. 494	-3. 430	1. 00	0.00 C
	ATOM	1265	C	CYS A	A	87139. 877	0. 215	-3. 053	1. 00	0.00 C
	ATOM	1266	0	CYS A	A	87138. 984	1. 005	-3. 360	1. 00	0.000
	ATOM	1267	CB	CYS A	A	87141. 999	1. 331	-2. 340	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1268	SG	CYS	A	87143. 804	1. 366	-2. 440	1. 00	0.00 S
	ATOM	1269	H	CYS	A	87141. 062	2. 090	-4. 794	1. 00	0.00 H
	ATOM	1270	HA	CYS	A	87141. 851	-0. 446	-3. 521	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1271	1HB	CYS	A	87141. 648	2. 350	-2. 411	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1272	2HB	CYS	A	87141. 730	0. 931	-1. 372	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	1273	HG	CYS	A	87144. 150	1. 419	-1. 547	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1274	N	ARG	A	88139. 650	-0. 912	-2. 386	1. 00	0.00 N
	ATOM	1275	CA	ARG	A	88138. 306	-1. 294	-1. 967	1. 00	0.00 C
	ATOM	1276	C	ARG	A	88138. 213	-1. 371	-0. 443	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1277	0	ARG .	A	88139. 151	-1. 815	0. 220	1. 00	0.000

							504			
	ATOM	1278	CB	ARG	A	88137. 922	-2. 641	-2. 582	1. 00	0.00 C
	ATOM	1279	CG	ARG	A	88137. 196	-2. 517	-3. 912	1. 00	0.00 C
	ATOM	1280	CD	ARG	A	88135. 691	-2.650	-3. 741	1. 00	0.00 C
	ATOM	1281	NE	ARG .	A	88135.014	-2. 887	-5.014	1. 00	0.00 N
5	ATOM	1282	CZ	ARG .	A	88135. 048	-4. 047	-5.667	1. 00	0.00 C
	ATOM	1283	NH1	ARG	A	88135. 722	-5. 076	-5. 171	1. 00	0.00 N
	ATOM	1284	NH2	ARG	A	88134. 404	-4. 178	-6.818	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1285	H	ARG	A	88140. 403	-1. 499	-2. 170	1. 00	0.00 H
	ATOM	1286	HA	ARG	A	88137. 622	-0. 538	-2.321	1. 00	0.00 H
10	MOTA	1287	1HB	ARG	A	88138. 819	-3. 221	-2. 738	1. 00	0.00 H
	ATOM	1288	2HB	ARG	A	88137. 278	-3. 168	-1. 893	1. 00	0.00 H
	ATOM	1289	1HG	ARG	A	88137. 415	-1. 551	-4. 342	1. 00	0.00 H
	ATOM	1290	2HG	ARG	A	88137. 545	-3. 296	-4. 575	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1291	1HD	ARG	A	88135. 489	-3. 478	-3. 078	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1292	2HD	ARG	A	88135. 310	-1. 739	-3. 305	1. 00	0.00 H
	ATOM	1293	HE	ARG	A	88134. 509	-2. 143	-5. 402	1. 00	0.00 H
	ATOM	1294	1HH1	ARG	A	88136. 210	-4. 985	-4. 303	1. 00	0.00 H
	ATOM	1295	2HH1	ARG	A	88135. 743	-5. 945	-5. 665	1. 00	0.00 H
	ATOM	1296	1HH2	ARG	A	88133. 894	-3. 405	-7. 196	1. 00	0.00 H
20	MOTA	1297	2HH2	ARG	A	88134. 428	-5. 048	-7. 309	1. 00	0.00 H
	ATOM	1298	N	PR0	A	89137. 078	-0. 939	0. 135	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1299	CA	PRO	A	89136. 874	-0. 966	1. 588	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1300	C	PR0	A	89137. 102	-2. 352	2. 179	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1301	0	PRO	A	89136. 511	-3. 334	1. 728	1. 00	0.000
25	ATOM	1302	CB	PRO	A	89135. 410	-0. 549	1. 755	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1303	CG	PRO	A	89135. 090	0. 225	0. 523	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1304	CD	PRO	A	89135. 907	-0. 394	-0. 577	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1305	HA	PRO	A	89137. 513	-0. 254	2. 089	1. 00	0.00 H
	ATOM	1306	1HB	PR0	A	89134. 791	-1. 430	1. 841	1. 00	0. 00 H

							303			
	ATOM	1307	2HB	PR0	A	89135. 305	0.060	2. 641	1. 00	0.00 H
	ATOM	1308	1HG	PR0	A	89134. 037	0. 140	0.301	1. 00	0.00 H
	ATOM	1309	2HG	PRO	A	89135. 366	1. 260	0.658	1. 00	0.00 H
	ATOM	1310	1HD	PR0	A	89135. 351	-1. 180	-1.064	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1311	2HD	PRO	A	89136. 206	0. 358	-1. 292	1. 00	0.00 H
	ATOM	1312	N	ASP	A	90137. 960	-2. 426	3. 190	1. 00	0.00 N
	ATOM	1313	CA	ASP	A	90138. 264	-3. 694	3. 844	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1314	C	ASP	A	90137. 542	-3.802	5. 183	1. 00	0.00 C
	ATOM	1315	0	ASP	A	90137. 962	-3. 209	6. 176	1. 00	0.000
10	ATOM	1316	CB	ASP	A	90139. 773	-3. 835	4. 052	1. 00	0.00 C
	ATOM	1317	CG	ASP	A	90140. 201	-5. 279	4. 220	1. 00	0.00 C
	ATOM	1318	OD 1	ASP	A	90140. 849	-5. 592	5. 241	1. 00	0.000
	ATOM	1319	OD2	ASP	A	90139. 886	-6. 098	3. 331	1. 00	0.000
	ATOM	1320	H	ASP	A	90138. 399	-1. 609	3. 505	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1321	HA	ASP	A	90137. 923	-4. 488	3. 199	1. 00	0.00 H
	ATOM	1322	1HB	ASP	A	90140. 288	-3. 423	3. 197	1. 00	0.00 H
	ATOM	1323	2HB	ASP	A	90140.061	-3. 287	4. 937	1. 00	0.00 H
	ATOM	1324	N	SER	A	91136. 454	-4. 564	5. 202	1. 00	0.00 N
	ATOM	1325	CA	SER	A	91135. 673	-4. 751	6. 420	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1326	С	SER	A	91136. 034	-6. 066	7. 101	1. 00	0.00 C
	ATOM	1327	0	SER	A	91135. 196	-6. 689	7. 753	1. 00	0.000
	ATOM	1328	CB	SER	A	91134. 177	-4. 723	6. 101	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1329	0G	SER	A	91133. 431	-4. 222	7. 197	1. 00	0.000
	MOTA	1330	H	SER	A	91136. 168	-5. 012	4. 378	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1331	HA	SER	A	91135. 904	-3. 937	7. 090	1. 00	0.00 H
	ATOM	1332	1HB	SER	. A	91134. 005	-4. 088	5. 245	1. 00	0.00 H
	ATOM	1333	2HB	SER	. A	91133. 841	-5. 725	5. 881	1. 00	0.00 H
	ATOM	1334	HG	SER	A	91133. 583	-3. 278	7. 284	1. 00	0.00 H
	ATOM	1335	N	ARG	A	92137. 285	-6. 486	6. 944	1. 00	0.00 N

	ATOM	1336	CA	ARG A	A	92137. 756	-7. 728	7. 544	1. 00	0.00 C
	ATOM	1337	C	ARG A	A	92137. 792	-7. 619	9.064	1. 00	0.00 C
	ATOM	1338	0	ARG A	A	92137. 609	-8. 610	9. 772	1. 00	0.000
	ATOM	1339	CB	ARG A	A	92139. 148	-8. 079	7. 013	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1340	CG	ARG A	A	92139. 143	-8. 589	5. 580	1. 00	0.00 C
	ATOM	1341	CD	ARG .	A	92139. 469	-10.073	5. 512	1. 00	0.00 C
	ATOM	1342	NE	ARG .	A	92138. 336	-10. 902	5. 917	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1343	CZ	ARG	A	92138. 226	-12. 197	5.630	1. 00	0.00 C
	ÄTOM	1344	NH1	ARG .	A	92139. 176	-12. 813	4. 938	1. 00	0.00 N
10	ATOM	1345	NH2	ARG .	A	92137. 162	-12. 877	6.034	1. 00	0.00 N
	ATOM	1346	H	ARG	A	92137. 907	-5. 946	6. 412	1. 00	0.00 H
	ATOM	1347	HA	ARG	A	92137. 067	-8. 511	7. 267	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1348	1HB	ARG	A	92139. 770	-7. 197	7. 057	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1349	2HB	ARG	A	92139. 579	-8. 843	7. 644	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	1350	1HG	ARG	A	92138. 163	-8. 427	5. 155	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1351	2HG	ARG	A	92139. 879	-8. 040	5.012	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1352	1HD	ARG	A	92139. 739	-10. 322	4. 497	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1353	2HD	ARG	A	92140. 303	-10. 275	6. 167	1. 00	0.00 H
	ATOM	1354	HE	ARG	A	92137. 620	-10. 471	6. 430	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	1355	1HH1	ARG	A	92139. 980	-12. 307	4. 629	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1356	2HH 1	ARG	A	92139. 088	-13. 787	4. 725	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1357	1HH2	ARG	A	92136. 443	-12. 418	6. 556	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1358	2HH2	ARG	A	92137. 079	-13. 850	5. 819	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1359	N	PHE	A	93138. 031	-6. 410	9. 561	1. 00	0.00 N
25	ATOM	1360	CA	PHE	A	93138. 092	-6. 172	10. 999	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1361	C	PHE	A	93136.976	-5. 233	11. 447	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1362	0	PHE	A	93137. 114	-4. 519	12. 440	1. 00	0.000
	ATOM	1363	CB	PHE	A	93139. 451	-5. 583	11. 381	1. 00	0.00 C
	ATOM	1364	CG	PHE	A	93140. 586	6. 559	11. 253	1. 00	0. 00 C

				•		507	_		
	MOTA	1365	CD1	PHE A	93140. 898	-7. 122	10. 026	1. 00	0.00 C
	ATOM	1366	CD2	PHE A	93141. 340	-6. 914	12. 361	1. 00	0.00 C
	ATOM	1367	CE1	PHE A	93141. 942	-8. 020	9. 905	1. 00	0.00 C
	ATOM	1368	CE2	PHE A	93142. 385	-7. 811	12. 246	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1369	CZ	PHE A	93142. 686	-8. 365	11. 017	1. 00	0.00 C
	ATOM	1370	H	PHE A	93138. 170	-5. 659	8. 947	1. 00	0.00 H
	ATOM	1371	HA	PHE A	93137. 968	-7. 122	11. 497	1. 00	0.00 H
	ATOM	1372	1HB	PHE A	93139. 664	-4. 741	10. 740	1. 00	0.00 H
	MOTA	1373	2HB	PHE A	93139. 413	-5. 248	12. 407	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1374	HD1	PHE A	93140. 317	-6.853	9. 156	1. 00	0.00 H
	ATOM	1375	HD2	PHE A	93141. 105	-6. 482	13. 322	1. 00	0.00 H
	ATOM	1376	HE 1	PHE A	93142. 175	-8. 451	8. 944	1. 00	0.00 H
	ATOM	1377	HE2	PHE A	93142. 965	-8. 079	13. 117	1. 00	0.00 H
	ATOM	1378	HZ	PHE A	93143. 502	-9. 066	10. 925	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1379	N	ALA A	94135. 869	-5. 238	10. 710	1. 00	0.00 N
	ATOM	1380	CA	ALA A	94134. 732	-4. 386	11. 038	1. 00	0. 00 C
	MOTA	1381	C	ALA A	94133. 628	-5. 181	11. 726	1. 00	0. 00 C
	MOTA	1382	0	ALA A	94133. 159	-6. 193	11. 204	1. 00	0.000
	ATOM	1383	CB	ALA A	94134. 197	-3. 716	9. 780	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	1384	H	ALA A	94135. 814	-5. 829	9. 930	1. 00	0.00 H
	ATOM	1385	HA	ALA A	94135. 077	-3. 614	11. 709	1. 00	0.00 H
	ATOM	1386	1HB	ALA A	94133. 322	-4. 246	9. 434	1. 00	0.00 H
	ATOM	1387	2HB	ALA A	94134. 956		9. 013	1. 00	0.00 H
	ATOM	1388	3HB	ALA A			10. 004		0.00 H
25	ATOM	1389	N	SER A			12. 902	1. 00	0. 00 N
	MOTA	1390	CA	SER A					0.00 C
	MOTA	1391	C	SER A					
	ATOM	1392	0	SER A					
	ATOM	1393	CB	SER A	A 95132. 460	-5. 298	15. 162	1. 00	0. 00 C

							508			
	ATOM	1394	0G	SER	A	95133. 40	3 -6. 280	15. 554	1. 00	0.00 0
	ATOM	1395	H	SER	A	95133. 62	9 -3.905	13. 266	1. 00	0.00 H
	ATOM	1396	HA	SER	A	95132. 15	2 -6. 422	13. 366	1.00	0.00 H
	ATOM	1397	1HB	SER	A	95132. 86	0 -4.322	15. 392	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1398	2HB	SER	A	95131. 54	6 -5. 452	15. 714	1. 00	0.00 H
	ATOM	1399	HG	SER	A	95132. 94	1 -7.050	15. 894	1. 00	0.00 H
	ATOM	1400	N	LEU	A	96129. 80	9 -5.620	13. 143	1. 00	0.00 N
	ATOM	1401	CA	LEU	A	96128. 45	9 -5. 157	12. 847	1. 00	0.00 C
	ATOM	1402	C	LEU	A	96127. 44	8 -6. 288	13. 000	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	1403	0	LEU	A	96127.60	1 -7. 357	12. 405	1. 00	0.000
	ATOM	1404	CB	LEU	A	96128. 39	4 -4.589	11. 428	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1405	CG	LEU	A	96127.01	9 -4.076	10. 997	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1406	CD1	LEU	A	96126.63	35 -2. 843	11. 801	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1407	CD2	LEU	A	96127.00	9 -3. 769	9. 507	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1408	H	LEU	A	96129. 98	37 -6. 583	13. 183	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1409	HA	LEU	A	96128. 21	15 -4. 375	13. 549	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1410	1HB	LEU	A	96129. 09	99 -3. 773	11. 358	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1411	2HB	LEU	A	96128. 69	96 -5. 363	10. 738	1. 00	0. 00 H
	MOTA	1412	HG	LEU	A	96126. 28	31 -4.841	11. 187	1. 00	0.00 H
20	MOTA	1413	1HD1	LEU	A	96126. 37	75 -3. 136	12. 807	1. 00	0. 00 H
	MOTA	1414	2HD1	LEU	A	96125. 78	88 -2. 360	11. 336	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1415	3HD1	LEU	A	96127. 46	68 -2. 157	11. 829	1. 00	0.00 H
	ATOM	1416	1HD2	LEU	A	96127. 88	87 -3. 195	9. 252	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1417	2HD2	LEU	A	96126. 12	24 -3. 200	9. 263	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1418	3HD2	LEU	A	96127. 00	08 -4. 693	8. 949	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1419	N	GLN	A	97126. 4	14 -6. 047	13. 800	1. 00	0.00 N
	ATOM	1420	CA	GLN	A	97125. 3	75 -7. 044	14. 031	1. 00	0.00 C
	ATOM	1421	C	GLN	A	97124. 0	46 -6. 595	13. 432	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1422	0	GLN	A	97123. 7	70 -5. 398	13. 339	1. 00	0.000

							207			
	ATOM	1423	CB	GLN	A	97125. 212	-7. 303	15. 529	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1424	CG	GLN	A	97126. 300	-8. 185	16. 117	1. 00	0.00 C
	ATOM	1425	CD	GLN	A	97126. 152	-9. 640	15. 720	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1426	0E1	GLN	A	97125. 213	-10. 317	16. 141	1. 00	0.000
5	ATOM	1427	NE2	GLN	A	97127. 077	-10. 129	14. 903	1. 00	0.00 N
	ATOM	1428	H	GLN	A	97126. 347	-5. 176	14. 244	1. 00	0.00 H
	ATOM	1429	HA	GLN	A	97125. 682	-7. 961	13. 548	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1430	1HB	GLN	A	97125. 225	-6. 356	16.050	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1431	2HB	GLN	A	97124. 259	-7. 784	15. 699	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1432	1HG	GLN	A	97127. 260	-7. 830	15. 771	1. 00	0.00 H
	ATOM	1433	2HG	GLN	A	97126. 260	-8. 115	17. 196	1. 00	0.00 H
	ATOM	1434	1HE2	GLN	A	97127. 796	-9. 531	14. 608	1. 00	0.00 H
	ATOM	1435	2HE2	GLN	A	97127. 005	-11.066	14. 630	1. 00	0.00 H
	ATOM	1436	N	PR0	A	98123. 198	-7. 552	13. 015	1. 00	0. 00 N
15	ATOM	1437	CA	PR0	A	98121. 892	-7. 248	12. 423	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1438	C	PR0	A	98121. 064	-6. 310	13. 296	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1439	0	PR0	A	98121. 520	-5. 859	14. 346	1. 00	0.000
	ATOM	1440	CB	PR0	A	98121. 218	-8. 617	12. 320	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1441	CG	PR0	A	98122. 345	-9. 589	12. 252	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1442	CD	PR0	A	98123. 448	-9. 004	13. 089	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1443	HA	PR0	A	98121. 996	-6. 819	11. 436	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1444	1HB	PR0	A	98120. 603	-8. 785	13. 193	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1445	2HB	PR0	A	98120. 610	-8. 657	11. 430	1. 00	0.00 H
	ATOM	1446	1HG	PR0	A	98122. 033	-10. 541	12.655	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1447	2HG	PRO	A	98122. 671	-9. 702	11. 228	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1448	1HD	PR0	A	98123. 376	-9. 356	14. 108	1. 00	0.00 H
	ATOM	1449	2HD	PR0	A	98124. 412	-9. 251	12.670	1. 00	0.00 H
	ATOM	1450	N	SER	A	99119. 844	-6. 023	12. 855	1. 00	0.00 N
	ATOM	1451	CA	SER	A	99118. 951	-5. 140	13. 597	1. 00	0.00 C

							210			
	ATOM	1452	C	SER A	ľ	99117. 810	-5. 928	14. 232	1. 00	0.00 C
	MOTA	1453	0	SER A	1	99117. 697	-5. 997	15. 456	1. 00	0.000
	MOTA	1454	CB	SER A	I	99118. 386	-4. 058	12. 675	1. 00	0.00 C
	ATOM	1455	0G	SER A	ł	99118. 327	-4. 512	11. 333	1. 00	0.000
5	ATOM	1456	H	SER A	I	99119. 535	-6. 414	12. 011	1. 00	0.00 H
	ATOM	1457	HA	SER A	4	99119. 527	-4. 669	14. 379	1. 00	0.00 H
	ATOM	1458	1HB	SER A	4	99117. 390	-3. 797	12. 997	1. 00	0.00 H
	ATOM	1459	2HB	SER A	A	99119. 020	-3. 184	12. 717	1. 00	0.00 H
	ATOM	1460	HG	SER A	A	99118. 412	-3. 764	10. 737	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1461	N	GLY A	A	100116.966	-6. 519	13. 393	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1462	CA	GLY	A	100115. 846	-7. 293	13. 892	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1463	C	GLY	A	100114. 524	-6. 565	13. 742	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1464	0	GLY	A	100114. 144	-5. 782	14. 613	1. 00	0.000
	ATOM	1465	H	GLY	A	100117. 107	-6. 428	12. 427	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	1466	1HA	GLY .	A	100115.796	-8. 225	13. 347	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1467	2HA	GLY	A	100116.009	-7. 509	14. 937	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1468	N	PRO	A	101113. 793	-6. 802	12. 638	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1469	CA	PRO	A	101112. 500	-6. 153	12. 392	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1470	C	PRO	A	101111. 553	-6. 277	13. 581	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	1471	0	PRO	A	101111. 276	-7. 378	14. 055	1. 00	0.000
	ATOM	1472	CB	PRO	A	101111. 946	-6. 912	11. 186	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1473	CG	PRO	A	101113. 151	-7. 427	10. 478	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1474	CD	PRO	A	101114. 167	-7. 720	11. 546	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1475	HA	PRO	A	101112. 624	-5. 110	12. 139	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	1476	1HB	PRO	A	101111. 311	-7. 718	11. 525	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1477	2HB	PR0	A	101111. 380	-6. 238	10. 561	1. 00	0.00 H
	ATOM	1478	1HG	PRO	A	101112. 901	-8. 329	9. 939	1. 00	0.00 H
	MOTA	1479	2HG	PRO	A	101113. 526	-6. 676	9. 799	1. 00	0.00 H
	ATOM	1480	1HD	PRO	A	101114. 093	-8. 749	11. 865	1. 00	0.00 H

	MOTA	1481 2H	D P	RO A	4	101115.	164	-7. 505	11. 188	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1482 N	I S	ER A	A	102111.	061	-5. 138	14.060	1. 00	0.00 N
	ATOM	1483 C	A S	SER .	A	102110.	144	-5. 120	15. 194	1. 00	0.00 C
	ATOM	1484 0	S	SER.	A	102110.	802	-5. 719	16. 434	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1485 () S	SER .	A	102110.	493	-6. 842	16. 831	1. 00	0.000
	ATOM	1486 (CB S	SER .	A	102108.	866	-5. 890	14. 857	1. 00	0.00 C
	ATOM	1487 (G S	SER	A	102107.	873	-5.024	14. 333	1. 00	0.000
	MOTA	1488 I	I S	SER	A	102111.	319	-4. 292	13.640	1. 00	0.00 H
	MOTA	1489 I	HA S	SER	A	102109.	891	-4. 091	15. 398	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1490 11	HB S	SER	A	102109.	088	-6. 647	14. 120	1. 00	0.00 H
	ATOM	1491 21	HB S	SER	A	102108.	483	-6. 358	15. 752	1. 00	0.00 H
	ATOM	1492	HG :	SER	A	102108.	270	-4. 434	13. 690	1. 00	0.00 H
	ATOM	1493	N :	SER	A	103111.	709	-4. 961	17. 041	1. 00	0.00 N
	ATOM	1494	CA	SER	A	103112	410	-5. 416	18. 235	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1495	C	SER	A	103111	554	-5. 208	19. 481	1. 00	0.00 C
	ATOM	1496	0	SER	A	103110	663	-4. 359	19. 498	1. 00	0.000
	ATOM	1497	CB	SER	A	103113	. 740	-4. 676	18. 385	1. 00	0.00 C
	ATOM	1498	0G	SER	A	103114	. 772	-5. 329	17. 666	1. 00	0.000
	ATOM	1499	H	SER	A	103111	. 912	-4. 075	16. 676	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1500	HA	SER	A	103112	. 607	-6. 472	18. 121	1. 00	0.00 H
	ATOM	1501 1	HB	SER	A	103113	. 634	-3.670	18. 006	1. 00	0.00 H
	ATOM	1502 2	HB	SER	A	103114	. 013	-4. 638	19. 430	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1503	HG	SER	A	103114	. 839	-6. 240	17. 960	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1504	N	GLY	A	104111	. 832	-5. 986	20. 520	1. 00	0.00 N
25	ATOM	1505	CA	GLY	A	104111	. 079	-5. 871	21756	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1506	C	GLY	A	104111	. 969	-5. 896	22. 983	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1507	0	GLY	A	104111	. 575	-6. 523	23. 989	1. 00	0.000
	ATOM	1508	OXT	GLY	A	104113	3. 061	-5. 291	22. 937	1. 00	0.000
	ATOM	1509	H	GLY	A	104112	2. 555	-6. 645	20. 449	1. 00	0. 00 H

1510 1HA GLY A 104110.529 -4.941 21. 743 1. 00 0.00 H ATOM 0.00 H 1511 2HA GLY A 104110. 379 -6. 691 21. 815 1. 00 ATOM 1512 GLY A 104 TER

ENDMDL

5

	立体構造	造座 標	聚表 1 0				
	ATOM 1	N	GLY A	1132. 485	-2. 135 -14. 848	1. 00	0.00 N
	ATOM 2	CA	GLY A	1133. 474	-2. 831 -13. 979	1. 00	0.00 C
	ATOM 3	C	GLY A	1133. 260	-2. 538 -12. 507	1. 00	0.00 C
10	ATOM 4	0	GLY A	1133. 286	-3. 446 -11. 676	1.00	0.000
	ATOM 5	1H	GLY A	1132. 906	-1. 268 -15. 244	1. 00	0.00 H
	ATOM 6	2H	GLY A	1131. 643	-1. 877 -14. 296	1.00	0.00 H
	ATOM 7	3H	GLY A	1132. 197	-2. 756 -15. 631	1.00	0.00 H
	ATOM 8	1HA	GLY A	1133. 389	-3. 896 -14. 138	1. 00	0. 00 H
15	ATOM 9	2HA	GLY A	1134. 468	-2. 515 -14. 257	1. 00	0.00 H
	ATOM10	N	SER A	2133. 048	-1. 266 -12. 184	1.00	0.00 N
	ATOM11	CA	SER A	2132. 829	-0. 855 -10. 803	1. 00	0.00 C
	ATOM12	C	SER A	2131. 367	-0. 493 -10. 568	1. 00	0.00 C
	ATOM13	0	SER A	2130. 763	0. 238 -11. 354	1. 00	0.000
20	ATOM14	CB	SER A	2133. 723	0. 338 -10. 456	1.00	0. 00 C
	ATOM15	0G	SER A	2133. 256	1. 523 -11. 074	1. 00	0.000
	ATOM16	H	SER A	2133. 039	-0. 588 -12. 892	1.00	0.00 H
	ATOM17	HA	SER A	2133. 089	-1. 686 -10. 164	1. 00	0.00 H
	ATOM18	1HB	SER A	2133. 727	0.483 -9.386	1. 00	0.00 H
25	ATOM19	2HB	SER A	2134. 729	0. 141 -10. 795	1. 00	0.00 H
	ATOM20	HG	SER A	2133. 668	2. 285 -10. 661	1. 00	0.00 H
	ATOM21	N	SER A	3130. 801	-1. 010 -9. 482	1. 00	0.00 N
	ATOM22	CA	SER A	3129. 408	-0. 742 -9. 143	1. 00	0.00 C
	ATOM23	C	SER A	3129. 287	0. 525 -8. 303	1. 00	0. 00 C

0.00 H

0.00 H

0.00 N

0.00 C

0.00 C

0.000

0.00 C

0.000

0.00 H

0.00 H

0.00 H

0.00 H

0.00 H

0.00 N

0.00 C

0.00 C

1.00

1.00

1.00

1.00

1.00

1.00

1.00

1.00

1.00

1.00

1.00

1.00

1.00

1.00

1.00

1.00

0

CB

0G

H

HA

HG

N

CA

C

0

Ĥ

N

CA

C

0

CB

0G

H

HA

HG

N

CA

C

GLY A

GLY A

SER A

4128. 293

4129. 932

5127.915

5127. 362

5127.409

5127.856

5125. 922

5125.076

5127. 913

5127. 964

5125. 558

5125. 895

5124. 212

6126. 945

6126. 933

6128. 282

ATOM24

ATOM25

ATOM26

ATOM27

ATOM28

ATOM31

ATOM32

ATOM33

ATOM34

ATOM35

ATOM36

ATOM39

ATOM40

ATOM41

ATOM42

ATOM43

ATOM44

ATOM45

ATOM46

ATOM49

ATOM50

ATOM51

ATOM52

ATOM47 1HB

ATOM48 2HB

ATOM37 1HA

ATOM38 2HA

ATOM29 1HB

ATOM30 2HB

5

10

15

20

25

31							PCT/JP2003/0	1028
				513	3			
	SER	A	3129. 369	0. 478	-7.076	1. 00	0.000	
	SER	A	3128. 807	-1. 928	-8. 388	1. 00	0.00 C	
	SER	A	3127. 458	-2. 142	-8. 764	1. 00	0.000	
	SER	A	3131. 334	-1. 586	-8. 893	1. 00	0.00 H	
	SER	A	3128. 865	-0.602	-10.066	1. 00	0.00 H	
	SER	A	3129. 375	-2. 820	-8. 612	1. 00	0.00 H	
	SER	A	3128. 847	-1. 734	-7. 326	1. 00	0. 00 H	
	SER	A	3126. 975	-1. 313	-8. 709	1. 00	0.00 H	
	GLY	A	4129. 091	1. 657	-8. 972	1. 00	0.00 N	
	GLY	A	4128. 962	2. 919	-8. 271	1. 00	0.00 C	
	GLY	A	4128. 420	4. 023	-9. 158	1. 00	0.00 C	
	GLY	A	4128. 458	3. 918	-10. 383	1. 00	0.000	
	GLY	A	4129. 035	1. 633	-9. 950	1. 00	0.00 H	•

-7.432

-7.901

-8.537

-9.279

-8.444

-8.914

-9.699

-8.569

-7.558

-8.774

-7.202

-6.301

-5.606

6.353 - 10.164

6.722 - 10.319

4.993 - 10.258

2. 787

3. 214

5.084

6. 212

7.487

8. 534

5.916

5. 793

5. 110

6. 159

7. 394

8. 540

	ATOM53	0	SER	A	6129.041	7. 739	-5. 475	1.00	0.000
	ATOM54	CB	SER	A	6125.824	8. 385	-5. 259	1. 00	0.00 C
	ATOM55	0G	SER	A	6125.843	7. 091	-4. 683	1.00	0.000
	ATOM56	H	SER	A	6126.601	6. 532	-6. 884	1. 00	0.00 H
5	ATOM57	HA	SER	A	6126.740	9. 423	-6. 892	1. 00	0.00 H
	ATOM58	1HB	SER	A	6125. 965	9. 115	-4. 475	1. 00	0.00 H
	ATOM59	2HB	SER	A	6124. 866	8. 543	-5. 731	1. 00	0.00 H
	ATOM60	HG	SER	A	6126.724	6. 899	-4. 353	1. 00	0.00 H
	ATOM61	N	GLY	A	7128. 574	9. 917	-5. 163	1. 00	0.00 N
10	ATOM62	CA	GLY	A	7129. 830	10. 179	-4. 487	1. 00	0. 00 C
	ATOM63	C	GLY	A	7129. 885	11. 568	-3.882	1. 00	0.00 C
	ATOM64	0	GLY	A	7130. 880	12. 278	-4. 029	1. 00	0.000
	ATOM65	H	GLY	A	7127. 930	10. 645	-5. 297	1. 00	0.00 H
	ATOM66	1HA	GLY	A	7129. 962	9. 451	-3. 702	1. 00	0.00 H
15	ATOM67	2HA	GLY	A	7130. 637	10. 078	-5. 198	1. 00	0.00 H
	ATOM68	N	LEU	A	8128. 813	11. 957	-3. 200	1. 00	0.00 N
	ATOM69	CA	LEU	A	8128. 741	13. 271	-2. 570	1. 00	0.00 C
	ATOM70	С	LEU	A	8128. 749	13. 146	-1. 050	1. 00	0.00 C
	ATOM71	0	LEU	A	8128. 123	13. 940	-0. 349	1. 00	0.000
20	ATOM72	CB	LEU	A	8127. 482	14. 011	-3.026	1. 00	0.00 C
	ATOM73	CG	LEU	A	8127. 632	14. 802	-4. 326	1. 00	0.00 C
	ATOM74	CD1	LEU	A	8126. 291	14. 925	-5. 034	1. 00	0.00 C
	ATOM75	CD2	LEU	A	8128. 217	16. 179	-4. 047	1. 00	0.00 C
	ATOM76	H	LEU	A	8128. 050	11. 347	-3. 119	1. 00	0.00 H
25	ATOM77	HA	LEU	A	8129. 610	13. 834	-2. 878	1. 00	0.00 H
	ATOM78	1HB	LEU	A	8126. 692	13. 286	-3. 158	1. 00	0.00 H
	ATOM79	2HB	LEU	A	8127. 190	14. 697	-2. 245	1. 00	0.00 H
	ATOM80	HG	LEU	A	8128. 308	14. 277	-4. 983	1. 00	0.00 H
	ATOM81	1HD1	LEU	A	8126. 239	15. 875	-5. 546	1. 00	0.00 H

							-	,15					
	ATOM82	2HD1	LEU	A 8	125.	493	14. 863	3 -	-4. 307	1. 00	0.00	H	
	ATOM83	3HD1	LEU	A 8	126.	187	14. 12	4 -	-5. 750	1. 00	0.00	H	
	ATOM84	1HD2	LEU	A 8	127.	824	16. 888	8 -	-4. 760	1. 00	0.00	H	
	ATOM85	2HD2	LEU	A 8	129.	293	16. 13	7 -	-4. 136	1. 00	0.00	H	
5	ATOM86	3HD2	LEU	A 8	3127.	950	16. 48	7 -	-3. 047	1. 00	0.00	H	
	ATOM87	N	ALA	A 9	129.	465	12. 14	4 -	-0. 548	1. 00	0.00	N	
	ATOM88	CA	ALA	A 9	129.	555	11. 91	6	0. 889	1. 00	0. 00	C	
	ATOM89	C	ALA	A 9	130.	916	11. 34	1	1. 267	1. 00	0.00	С	
	ATOM90	0	ALA	A 9	131.	007	10. 38	6	2. 039	1. 00	0.00	0	
10	ATOM91	CB	ALA	A 9	128.	440	10. 98	8	1. 346	1. 00	0.00	C	
	ATOM92	H	ALA	A 9	129.	942	11. 54	6	-1. 158	1. 00	0.00	H	
	ATOM93	HA	ALA	A 9	9129.	426	12. 86	6	1. 386	1. 00	0.00	H	
	ATOM94	1HB	ALA	A 9	128.	296	11. 09	5	2. 411	1. 00	0.00	H	
	ATOM95	2HB	ALA	A 9	9128.	707	9. 96	6	1. 120	1. 00	0.00	H	
15	ATOM96	ЗНВ	ALA	A 9	9127.	526	11. 24	2	0. 831	1. 00	0.00	Н	
	ATOM97	N	MET	A 10	0131.	974	11. 92	9	0. 717	1. 00	0.00	N	
	ATOM98	CA	MET	A 10	133.	. 332	11. 47	5	0. 996	1. 00	0.00	C	
	ATOM99	C	MET	A 10	0134.	. 283	12. 66	1	1. 158	1. 00	0.00	C	
	ATOM	100	0	MET	A	10135.	242	12.	808 0.	401	1. 00	0.00	0
20	ATOM	101	CB	MET	A	10133.	825	10.	557 − 0 .	127	1. 00	0. 00	C
	ATOM	102	CG	MET	A	10133.	494	11.	064 -1.	523	1. 00	0.00	C
	ATOM	103	SD	MET	A	10134.	899	11.	857 -2.	329	1.00	0.00	S
	ATOM	104	CE	MET	A	10134.	803	11.	137 -3.	965	1. 00	0.00	C
	ATOM	105	H	MET	A	10131.	838	12.	686 0.	109	1. 00	0.00	H
25	ATOM	106	HA	MET	A	10133.	311	10.	918 1.	920	1. 00	0. 00	H
	ATOM	107	1HB	MET	A	10134.	897	10.	458 −0 .	048	1. 00	0.00	H
	ATOM	108	2HB	MET	A	10133.	372	9.	584 -0.	004	1. 00	0. 00	H
	ATOM	109	1HG	MET	A	10133.	178	10.	227 -2.	128	1. 00	0.00	H
	ATOM	110	2HG	MET	A	10132.	. 687	11.	778 -1.	452	1. 00	0. 00	H

						210			
	ATOM	111 1H	E MET	A .	10135. 673	11. 424	-4.536	1. 00	0.00 H
	ATOM	112 2H	E MET	A	10133. 912	11. 489	-4. 462	1. 00	0.00 H
	ATOM	113 3H	IE MET	A	10134. 767	10.060	-3. 883	1. 00	0.00 H
	ATOM	114 N	PRO	A	11134. 028	13. 530	2. 154	1. 00	0.00 N
5	ATOM	115 C	A PRO	A	11134. 869	14. 707	2. 406	1. 00	0.00 C
	ATOM	116 C	PRO	A	11136. 323	14. 343	2. 706	1. 00	0.00 C
	ATOM	117 0) PRO	A	11137. 243	14. 934	2. 142	1. 00	0.000
	MOTA	118 (CB PRO	A	11134. 223	15. 370	3. 629	1. 00	0.00 C
	ATOM	119 (CG PRO	A	11132. 840	14. 818	3. 694	1. 00	0.00 C
10	ATOM	120 (CD PRO	A	11132. 907	13. 439	3. 104	1. 00	0. 00 C
	ATOM	121 H	HA PRO	A	11134. 841	15. 391	1. 570	1. 00	0.00 H
	ATOM	122 1	HB PRO	A	11134. 789	15. 125	4. 514	1. 00	0.00 H
	ATOM	123 21	HB PRO	A	11134. 212	16. 441	3. 492	1. 00	0.00 H
	ATOM	124 1	HG . PRO	A	11132. 515	14. 768	4. 723	1. 00	0.00 H
15	ATOM	125 2	HG PRO	A	11132. 170	15. 439	3. 119	1. 00	0.00 H
	ATOM	126 1	HD PRO	A	11133. 108	12. 708	3. 873	1. 00	0.00 H
	ATOM	127 2	HD PRO) A	11131. 985	13. 205	2. 592	1. 00	0.00 H
	ATOM	128	N PRO) A	12136. 556	13. 370	3.608	1. 00	0.00 N
	ATOM	129	CA PRO) A	12137. 907	12. 949	3. 978	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	130	C PRO) A	12138. 499	11. 939	3. 000	1. 00	0. 00 C
	ATOM	131	O PRO) A	12139. 664	12. 044	2. 616	1. 00	0.000
	ATOM	132	CB PRO) A	12137. 694	12. 306	5. 345	1. 00	0. 00 C
•	ATOM	133	CG PRO) A	12136. 322	11. 725	5. 275	1. 00	0. 00 C
	ATOM	134	CD PRO) A	12135. 527	12. 609	4. 344	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	135	HA PR	O A	12138. 574	13. 792	4. 073	1. 00	0. 00 H
	MOTA	136 1	HB PR	0 A	12138. 441	11. 543	5. 507	1. 00	0.00 H
	ATOM	137 2	HB PR	0 A	12137. 765	13. 059	6. 116	1. 00	0. 00 H
	ATOM	138 1	HG PR	0 A	12136. 371	10. 720	4. 885	1. 00	0.00 H
	ATOM	139 2	2HG PR	0 A	12135. 876	11. 724	6. 259	1. 00	0.00 H

							317			
	ATOM	140	1HD	PRO	A	12134. 939	12. 007	3.668	1.00	0.00 H
	ATOM	141	2HD	PRO	A	12134. 889	13. 271	4. 910	1. 00	0.00 H
	ATOM	142	N	GLY	A	13137. 695	10. 958	2. 605	1. 00	0.00 N
	ATOM	143	CA	GLY	A	13138. 165	9. 942	1. 680	1. 00	0.00 C
5	ATOM	144	C	GLY	A	13137. 387	9. 927	0. 380	1. 00	0. 00 C
	ATOM	145	0	GLY	A	13137. 055	10. 980	-0. 165	1. 00	0.000
	ATOM	146	H	GLY	A	13136. 776	10. 921	2. 947	1. 00	0.00 H
	ATOM	147	1HA	GLY	A	13139. 206	10. 126	1. 460	1. 00	0.00 H
	ATOM	148	2HA	GLY	A	13138. 075	8. 975	2. 152	1. 00	0.00 H
10	ATOM	149	N	ASN	A	14137. 097	8. 729	-0. 117	1. 00	0. 00 N
	ATOM	150	CA	ASN	A	14136. 354	8. 576	-1. 364	1. 00	0.00 C
	ATOM	151	C	ASN	A	14135. 392	7. 395	-1. 282	1. 00	0.00 C
	ATOM	152	0	ASN	A	14135. 721	6. 353	-0.716	1. 00	0.000
	ATOM	153	CB	ASN	A	14137. 318	8. 384	-2. 536	1. 00	0.00 C
15	ATOM	154	CG	ASN	A	14138. 440	9. 403	-2.536	1. 00	0.00 C
	ATOM	155	OD 1	ASN	A	14138. 425	10. 362	-3. 307	1. 00	0.000
	ATOM	156	ND2	ASN	A	14139. 424	9. 201	-1.666	1. 00	0. 00 N
	ATOM	157	H	ASN	A	14137. 390	7. 928	0.364	1. 00	0.00 H
	ATOM	158	HA	ASN	A	14135. 785	9. 479	-1. 523	1. 00	0.00 H
20	ATOM	159	1HB	ASN	A	14137. 753	7. 397	-2. 478	1. 00	0.00 H
	ATOM	160	2HB	ASN	A ·	14136. 771	8. 478	-3. 462	1. 00	0.00 H
	ATOM	161	1HD2	ASN	A	14139. 370	8. 415	-1. 082	1. 00	0.00 H
	ATOM	162	2HD2	ASN	A	14140. 162	9. 844	-1. 644	1. 00	0.00 H
	ATOM	163	N	SER	A	15134. 203	7. 567	-1. 851	1. 00	0.00 N
25	ATOM	164	CA	SER	A	15133. 189	6. 517	-1. 845	1. 00	0.00 C
	ATOM	165	С	SER	A	15132. 729	6. 212	-0. 422	1. 00	0.00 C
	ATOM	166	0	SER	A	15131. 666	6.664	0. 007	1. 00	0.000
	ATOM	167	CB	SER	A	15133. 733	5. 247	-2. 504	1. 00	0.00 C
	ATOM	168	OG	SER	. A	15133. 356	5. 179	-3.869	1. 00	0.000

WO 2004/0	016781	V						PCT	/JP2003/0102
					•	518			
ATOM	169	H	SER	A	15134. 001	8. 422	-2. 287	1. 00	0. 00 H
ATOM	170	HA	SER .	A	15132. 344	6.872	-2. 414	1. 00	0. 00 H
ATOM	171	1 HB	SER .	A	15134. 811	5. 244	-2. 442	1. 00	0.00 H
ATOM	172	2HB	SER	A	15133. 341	4. 381	-1. 991	1. 00	0.00 H
ATOM	173	HG	SER	A	15132. 415	5. 352	-3. 950	1. 00	0.00 H
ATOM	174	N	HIS	A	16133. 533	5. 445	0.306	1. 00	0.00 N
ATOM	175	CA	HIS	A	16133. 208	5. 082	1. 680	1. 00	0.00 C
ATOM	176	C	HIS	A	16134. 066	5.865	2. 668	1. 00	0. 00 C
ATOM	177	0	HIS	A	16133. 573	6. 351	3. 686	1. 00	0.000
ATOM	178	CB	HIS	A	16133. 405	3. 580	1. 894	1. 00	0.00 C
ATOM	179	CG	HIS	A	16132. 249	2. 752	1. 423	1. 00	0.00 C
ATOM	180	ND1	HIS	A	16131. 753	1. 680	2. 135	1. 00	0.00 N
ATOM	181	CD2	HIS	A	16131. 490	2. 843	0. 305	1. 00	0.00 C
ATOM	182	CE1	HIS	A	16130. 739	1. 148	1. 475	1. 00	0. 00 C
ATOM	183	NE2	HIS	A	16130. 560	1. 835	0.362	1. 00	0.00 N
ATOM	184	H	HIS	A	16134. 367	5. 115	-0.090	1. 00	0.00 H
ATOM	185	HA	HIS	A	16132. 170	5. 328	1.851	1. 00	0.00 H
ATOM	186	1HB	HIS	A	16134. 284	3. 260	1. 355	1. 00	0.00 H
ATOM	187	2HB	HIS	A	16133. 545	3. 389	2. 948	1. 00	0.00 H
ATOM	188	HD 1	HIS	A	16132. 093	1. 357	2. 995	1. 00	0.00 H
ATOM	189	HD2	HIS	A	16131. 598	3. 573	-0. 485	1. 00	0.00 H
ATOM	190	HE I	HIS	A	16130. 157	0. 295	1. 792	1. 00	0.00 H
ATOM	191	HE2	HIS	A	16129. 823	1. 704	-0. 270	1. 00	0.00 H
ATOM	192	N	GLY	A	17135. 354	5. 982	2. 360	1. 00	0.00 N
ATOM	193	CA	GLY	A	17136. 261	6. 707	3. 230	1. 00	0.00 C
ATOM	194	C	GLY	A	17137. 602	6. 015	3. 375	1. 00	0.00 C

4. 481

1. 536

2. 823

5.653

5. 574

7. 695

1.00

1.00

1.00

0.000

0.00 H

0.00 H

5

10

15

20

25

 ${\tt ATOM}$

ATOM

ATOM

0

H

197 1HA

195

196

GLY A

GLY A

GLY A

17138. 004

17135.690

10

15

20

25

ATOM

ATOM

ATOM

WO 2004/	016781	V						PCT	/ JP2 003/0102
					5	519			
ATOM	198	2HA	GLY	A	17135. 809	6.802	4. 206	1.00	0.00 H
ATOM	199	N	LEU	A	18138. 294	5. 830	2. 256	1. 00	0.00 N
ATOM	200	CA	LEU	A	18139. 598	5. 176	2. 264	1. 00	0.00 C
ATOM	201	C	LEU	A	18140. 706	6. 174	2. 579	1. 00	0.00 C
ATOM	202	0	LEU	A	18141. 119	6. 952	1. 718	1. 00	0.000
ATOM	203	CB	LEU	A	18139. 865	4. 509	0.913	1. 00	0. 00 C
ATOM	204	CG	LEU	A	18138. 793	3. 519	0. 456	1. 00	0. 00 C
ATOM	205	CD1	LEU	A	18138. 995	3. 149	-1.004	1. 00	0.00 C
ATOM	206	CD2	LEU	A	18138. 812	2. 274	1. 330	1. 00	0. 00 C
ATOM	207	H	LEU	A	18137. 921	6. 141	1. 406	1. 00	0.00 H
ATOM	208	HA	LEU	A	18139. 583	4. 418	3. 032	1. 00	0.00 H
ATOM	209	1HB	LEU	A	18139. 953	5. 284	0. 165	1. 00	0.00 H
ATOM	210	2HB	LEU	A	18140. 806	3. 983	0. 975	1. 00	0.00 H
ATOM	211	HG	LEU	A	18137. 821	3. 981	0. 552	1. 00	0. 00 H
ATOM	212	1HD1	LEU	A	18139. 946	2. 651	-1. 122	1. 00	0.00 H
ATOM	213	2HD1	LEU	A	18138. 982	4. 045	-1. 608	1. 00	0. 00 H
ATOM	214	3HD1	LEU	A	18138. 202	2. 489	-1. 322	1. 00	0.00 H
ATOM	215	1HD2	LEU	A	18139. 397	1. 505	0.849	1. 00	0.00 H
ATOM	216	2HD2	LEU	Α	18137. 802	1. 920	1. 475	1. 00	0.00 H
ATOM	217	3HD2	LEU	A	18139. 250	2. 513	2. 288	1. 00	0.00 H
ATOM	218	N	GLU	A	19141. 185	6. 148	3. 819	1. 00	0.00 N
ATOM	219	CA	GLU	I A	19142. 246	7. 051	4. 248	1. 00	0.00 C
ATOM	220	C	GLU	JA	19143. 202	6. 348	5. 207	1. 00	0. 00 C
ATOM	221	0	GLU	J A	19143. 061	5. 156	5. 479	1. 00	0.000
ATOM	222	CB	GLI	JA	19141. 650	8. 289	4. 919	1. 00	0.00 C
ATOM	223	CG	GLU	JA	19140. 820	7. 972	6. 152	1. 00	0.00 C

19141.049

19142. 219

19140.058

CD

224

225

226

GLU A

OE1 GLU A

OE2 GLU A

7. 279

7. 517

7. 922

8.961

9. 330

9. 368

1. 00

1. 00

1.00

0.00 C

0.000

							520			
	ATOM	227	H	GLU .	A	19140. 816	5. 504	4. 460	1. 00	0.00 H
	ATOM	228	HA	GLU	A	19142. 796	7. 357	3. 371	1. 00	0.00 H
	ATOM	229	1HB	GLU	A	19142. 455	8. 948	5. 212	1. 00	0.00 H
	ATOM	230	2HB	GLU	A	19141. 018	8. 800	4. 209	1. 00	0.00 H
5	ATOM	231	1HG	GLU	A	19139. 776	7. 993	5. 883	1. 00	0.00 H
	ATOM	232	2HG	GLU	A	19141. 081	6. 984	6. 502	1. 00	0.00 H
	ATOM	233	N	VAL	A	20144. 175	7. 096	5. 717	1. 00	0.00 N
	ATOM	234	CA	VAL	A	20145. 156	6. 545	6. 647	1. 00	0.00 C
	ATOM	235	C	VAL	A	20144. 476	5. 973	7. 886	1. 00	0.00 C
10	ATOM	236	0	VAL	A	20143. 563	6. 582	8. 443	1. 00	0.000
	ATOM	237	CB	VAL	A	20146. 178	7. 612	7. 081	1. 00	0.00 C
	ATOM	238	CG1	VAL	A	20147. 289	6. 984	7. 908	1. 00	0. 00 C
	ATOM	239	CG2	VAL	A	20146. 748	8. 330	5.868	1. 00	0. 00 C
	ATOM	240	H	VAL	A	20144. 237	8. 041	5. 462	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	241	HA	VAL	A	20145. 687	5. 753	6. 139	1. 00	0.00 H
	ATOM	242	HB	VAL	A	20145. 670	8. 340	7. 697	1. 00	0. 00 H
	ATOM	243	1HG1	VAL	A	20146. 955	6.867	8. 929	1. 00	0.00 H
	ATOM	244	2HG1	VAL	A	20148. 160	7. 622	7. 885	1. 00	0.00 H
	ATOM	245	3HG1	VAL	A	20147. 539	6. 017	7. 499	1. 00	0.00 H
20	ATOM	246	1HG2	VAL	A	20147. 025	7. 605	5. 117	1. 00	0. 00 H
	ATOM	247	2HG2	VAL	A	20147. 620	8. 89.6	6. 161	1. 00	0. 00 H
	ATOM	248	3HG2	VAL	A	20146. 004	9. 001	5. 463	1. 00	0.00 H
	ATOM	249	N	GLY	A	21144. 928	4. 797	8. 312	1. 00	0.00 N
	ATOM	250	CA	GLY	A	21144. 352	4. 163	9. 482	1. 00	0.00 C
25	ATOM	251	C	GLY	A	21143. 278	3. 154	9. 125	1. 00	0.00 C
	ATOM	252	0	GLY	A	21143. 175	2. 098	9. 750	1. 00	0.000
	ATOM	253	H	GLY	A	21145. 658	4. 358	7. 827	1. 00	0.00 H
	ATOM	254	1HA	GLY	A	21145. 137	3. 658	10. 028	1. 00	0.00 H
	ATOM	255	2HA	GLY	A	21143. 920	4. 923	10. 116	1. 00	0.00 H

							521			
	ATOM	256	N	SER	A	22142. 474	3. 480	8. 118	1. 00	0.00 N
	ATOM	257	CA	SER	A	22141. 402	2. 595	7. 678	1. 00	0.00 C
	ATOM	258	C	SER	A	22141. 949	1. 470	6.805	1. 00	0. 00 C
	ATOM	259	0	SER	A	22142. 939	1. 645	6. 095	1. 00	0.000
5	ATOM	260	CB	SER	A	22140. 344	3. 385	6. 907	1. 00	0.00 C
	ATOM	261	0G	SER	A	22140. 269	4. 723	7. 368	1. 00	0.000
	ATOM	262	H	SER	A	22142. 606	4. 335	7. 659	1. 00	0.00 H
	ATOM	263	HA	SER	A	22140. 947	2. 164	8. 556	1. 00	0.00 H
	ATOM	264	1HB	SER	A	22140. 598	3. 395	5. 857	1. 00	0.00 H
10	ATOM	265	2HB	SER	A	22139. 380	2. 916	7. 039	1. 00	0.00 H
	ATOM	266	HG	SER	A	22140. 281	4. 731	8. 329	1. 00	0.00 H
	ATOM	267	N	LEU	A	23141. 298	0. 312	6.864	1. 00	0.00 N
	ATOM	268	CA	LEU	A	23141. 719	-0.842	6. 079	1. 00	0. 00 C
	ATOM	269	C	LEU	A	23141. 156	-0. 772	4. 664	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	270	0	LEU	A	23140. 073	-0. 229	4. 441	1. 00	0.000
	ATOM	271	CB	LEU	A	23141. 267	-2. 138	6. 756	1. 00	0.00 C
	ATOM	272	CG	LEU	A	23141. 762	-2. 325	8. 192	1. 00	0.00 C
	MOTA	273	CD1	LEU	A	23140. 763	-3. 143	8. 997	1. 00	0.00 C
	ATOM	274	CD2	LEU	A	23143. 129	-2. 990	8. 201	1. 00	0.00 C
20	ATOM	275	H	LEU	A	23140. 515	0. 233	7. 449	1. 00	0.00 H
	ATOM	276	HA	LEU	A	23142. 797	-0. 831	6.026	1. 00	0. 00 H
	ATOM	277	1HB	LEU	A	23140. 186	-2. 158	6. 763	1. 00	0: 00 H
	ATOM	278	2HB	LEU	A	23141. 622	-2.970	6. 167	1. 00	0.00 H
	ATOM	279	HG	LEU	A	23141. 855	-1. 357	8.662	1. 00	0.00 H
25	ATOM	280	1HD1	LEU	A	23140. 721	-2. 765	10. 008	1. 00	0.00 H
	ATOM	281	2HD1	LEU	A	23141. 074	-4. 177	9. 012	1. 00	0.00 H
	ATOM	282	3HD1	LEU	I A	23139. 786	-3.066	8. 544	1. 00	0.00 H
	ATOM	283	1HD2	LEU	Γ A	23143. 718	-2. 591	9. 013	1. 00	0.00 H
	ATOM	284	2HD2	LEU	J A	23143. 630	-2. 796	7. 264	1. 00	0.00 H

PCT/JP2003/010

	ATOM	285	3HD2	LEU A	23143.010	-4. 056	8. 332	1. 00	0.00 H
	ATOM	286	N	ALA A	24141. 896	-1. 326	3. 709	1. 00	0.00 N
	ATOM	287	CA	ALA A	24141. 472	-1. 326	2. 314	1. 00	0. 00. C
	ATOM	288	C	ALA A	24142. 116	-2. 474	1. 545	1. 00	0.00 C
5	ATOM	289	0	ALA A	24143. 252	-2. 858	1. 820	1. 00	0.000
	ATOM	290	CB	ALA A	24141. 806	0. 005	1. 660	1. 00	0.00 C
	ATOM	291	H	ALA A	24142. 750	-1. 744	3. 949	1. 00	0.00 H
	ATOM	292	HA	ALA A	24140. 398	-1. 451	2. 294	1. 00	0.00 H
	ATOM	293	1HB	ALA A	24142. 746	-0.079	1. 134	1. 00	0.00 H
10	ATOM	294	2HB	ALA A	24141. 884	0.770	2. 419	1. 00	0. 00 H
	ATOM	295	ЗНВ	ALA A	24141. 026	0. 270	0.962	1. 00	0.00 H
	ATOM	296	N	GLU A	25141. 383	-3. 016	0. 578	1. 00	0.00 N
	ATOM	297	CA	GLU A	25141. 883	-4. 121	-0. 233	1. 00	0.00 C
	ATOM	298	C	GLU A	25142. 149	-3. 669	-1. 665	1. 00	0.00 C
15	ATOM	299	0	GLU A	25141. 544	-2.711	-2. 146	1. 00	0.000
	ATOM	300	CB	GLU A	25140. 883	-5. 278	-0. 229	1. 00	0.00 C
	ATOM	301	CG	GLU A	25141. 402	-6. 533	-0. 912	1. 00	0.00 C
	ATOM	302	CD	GLU A	25140. 359	-7. 631	-0. 983	1. 00	0.00 C
	ATOM	303	0E1	GLU A	25140. 483	-8. 511	-1.860	1. 00	0.000
20	ATOM	304	0E2	GLU A	25139. 420	-7.612	-0. 159	1. 00	0.000
	ATOM	305	H	GLU A	25140. 484	-2.666	0. 406	1. 00	0.00 H
	ATOM	306	HA	GLU A	25142. 812	-4. 458	0. 203	1. 00	0.00 H
	ATOM	307	1HB	GLU A	25140. 640	-5. 526	0. 794	1. 00	0.00 H
	ATOM	308	2HB	GLU A	25139. 984	-4. 963	-0. 738	1. 00	0.00 H
25	ATOM	309	1HG	GLU A	25141. 704	-6. 281	-1. 917	1. 00	0.00 H
	ATOM	310	2HG	GLU A	25142. 255	-6. 900	-0.362	1. 00	0.00 H
	ATOM	311	N	VAL A	26143. 058	-4. 363	-2. 340	1. 00	0.00 N
	ATOM	312	CA	VAL A	26143. 405	-4. 034	-3. 718	1. 00	0.00 C
	ATOM	313	C	VAL A	26143. 016	-5. 163	-4. 667	1. 00	0.00 C

							323			
	ATOM	314	0	VAL	A	26142. 958	-6. 327	-4. 272	1. 00	0.000
	ATOM	315	CB	VAL	A	26144. 911	-3. 750	-3.867	1. 00	0.00 C
	ATOM	316	CG1	VAL	A	26145. 220	-3. 217	-5. 257	1. 00	0.00 C
	ATOM	317	CG2	VAL	A	26145.378	-2. 775	-2. 798	1. 00	0.00 C
5	ATOM	318	H	VAL	A	26143.507	-5. 116	-1. 903	1. 00	0.00 H
	ATOM	319	HA	VAL	A	26142.862	-3. 141	-3. 995	1. 00	0.00 H
	ATOM	320	HB	VAL	A	26145. 446	-4. 679	-3. 735	1. 00	0.00 H
	ATOM	321	1HG1	VAL	A	26146. 167	-2. 698	-5. 241	1. 00	0.00 H
	ATOM	322	2HG1	VAL	A	26144. 441	-2.535	-5. 563	1. 00	0.00 H
10	ATOM	323	3HG1	VAL	A	26145. 272	-4. 039	-5. 955	1. 00	0.00 H
	ATOM	324	1HG2	VAL	A	26144. 985	-3.076	-1. 838	1. 00	0.00 H
	ATOM	325	2HG2	VAL	A	26145. 026	-1. 782	-3. 036	1. 00	0.00 H
	ATOM	326	3HG2	VAL	A	26146. 458	-2. 773	-2 . 759	1. 00	0.00 H
	ATOM	327	N	LYS	A	27142. 751	-4. 810	-5. 921	1. 00	0. 00 N
15	ATOM	328	CA	LYS	A	27142. 369	-5. 793	-6. 927	1. 00	0. 00 C
	ATOM	329	C	LYS	A	27143. 583	-6. 248	-7. 731	1. 00	0. 00 C
	ATOM	330	0	LYS	A	27144. 100	-5. 507	-8. 567	1. 00	0.000
	ATOM	331	CB	LYS	A	27141. 311	-5. 209	-7. 865	1. 00	0. 00 C
	ATOM	332	CG	LYS	A	27140. 596	-6. 257	-8. 703	1. 00	0.00 C
20	ATOM	333	CD	LYS	A	27139. 384	-5. 672	-9. 410	1. 00	0. 00 C
	ATOM	334	CE	LYS	A	27139. 017	-6. 478	-10. 646	1. 00	0. 00 C
	ATOM	335	NZ	LYS	A	27137. 542	-6. 568	-10. 832	1. 00	0. 00 N
	ATOM	336	H	LYS	A	27142. 815	-3. 865	-6. 176	1. 00	0. 00 H
	ATOM	337	HA	LYS	A	27141. 951	-6. 647	-6. 414	1. 00	0.00 H
25	ATOM	338	1HB	LYS	A	27140. 573	-4. 686	-7. 276	1. 00	0.00 H
	ATOM	339	2HB	LYS	A	27141. 787	-4. 509	-8. 535	1. 00	0.00 H
	ATOM	340	1HG	LYS	A	27141. 280	-6. 641	-9. 443	1. 00	0.00 H
	ATOM	341	2HG	LYS	A	27140. 271	-7. 060	-8. 057	1. 00	0.00 H
	ATOM	342	1HD	LYS	A	27138. 545	-5. 673	-8. 729	1. 00	0.00 H

			-					524		_	
	MOTA	343	2HD	LYS	A	27139.	607	-4. 657	-9. 707	1. 00	0.00 H
	ATOM	344	1HE	LYS	A	27139.	452	-6. 003	-11. 512	1. 00	0.00 H
	ATOM	345	2HE	LYS	A	27139.	419	-7. 475	-10. 542	1. 00	0.00 H
	ATOM	346	1HZ	LYS	A	27137.	058	-6. 447	-9. 919	1. 00	0.00 H
5	ATOM	347	2HZ	LYS	A	27137.	287	-7. 496	-11. 226	1. 00	0.00 H
	ATOM	348	3HZ	LYS	A	27137.	218	-5. 825	-11. 485	1. 00	0.00 H
	ATOM	349	N	GLU	A	28144.	031	-7. 473	-7. 475	1. 00	0.00 N
	ATOM ·	350	CA	GLU	A	28145.	184	-8. 026	-8. 174	1. 00	0.00 C
	ATOM	351	C	GLU	A	28145.	135	-9. 551	-8. 180	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	352	0	GLU	A	28144.	125	-10. 152	-7. 814	1. 00	0.000
	ATOM	353	CB	GLU	A	28146.	483	-7. 545	-7. 523	1. 00	0. 00 C
	ATOM	354	CG	GLU	A	28147.	503	-7. 017	-8. 517	1. 00	0. 00 C
	ATOM	355	CD	GLU	A	28148.	752	-7. 873	-8. 585	1. 00	0. 00 C
	ATOM	356	0E1	GLU	A	28149.	528	-7. 872	-7. 606	1. 00	0.000
15	ATOM	357	0E2	GLU	A	28148.	955	-8. 548	-9. 617	1. 00	0.000
	ATOM	358	H	GLU	A	28143.	576	-8. 016	-6. 798	1. 00	0.00 H
	MOTA	359	HA	GLU	A	28145.	. 152	-7. 674			0. 00 H
	ATOM	360	1HB	GLU	A	28146.	. 249	-6. 755	-6. 824		0. 00 H
	ATOM	361	2HB	GLU	A	28146	. 929	-8. 368			0.00 H
20	ATOM	362	1HG	GLU	A	28147	. 052	-6. 989			0.00 H
	ATOM	363	2HG	GLU	A	28147	. 786	-6. 016	-8. 224		0. 00 H
	ATOM	364	N	ASN	A			-10. 172			0. 00 N
	ATOM	365	CA	ASN	A	29146	. 317	-11. 626	8. 650		0. 00 C
	ATOM	366	C	ASN	A			-12. 213			0. 00 C
25	ATOM	367	0	ASN				-13. 020			0.000
	ATOM	368	CB	ASN	A				9. 529		0. 00 C
	ATOM	369	CG	ASN	A				3 -10.943		0. 00 C
	ATOM	370		ASN					5 -11. 284		0.000
	ATOM	371	ND2	2 ASN	A	29146	6. 907	-11. 37	5 -11.776	3 1.00	0.00 N

							323					
	ATOM	372	H	ASN	A	29147. 00)8 -9.	638 -8.	876	1. 00	0.00 H	
	ATOM	373	HA	ASN	A	29145. 40	00 -11.	995 -9.	085	1. 00	0.00 H	
	ATOM	374	1HB	ASN	A	29148. 21	14 -11.	257 -9.	576	1. 00	0.00 H	
	ATOM	375	2HB	ASN	A	29147. 95	58 -12.	932 -9.	095	1. 00	0.00 H	ĺ
5	ATOM	376	1HD2	ASN	A	29147. 07	76 –10.	472 -11.	435	1. 00	0.00 H	[
	ATOM	377	2HD2	ASN	A	29146. 62	29 -11.	566 -12.	696	1. 00	0.00 H	[
	ATOM	378	N	PRO	A	30147. 52	26 -11.	816 -6.	522	1.00	0. 00 N	1
	ATOM	379	CA	PRO	A	30147. 7	82 -12.	306 -5.	166	1. 00	0.00 0	,
	ATOM	380	C	PRO	A	30146. 8	84 -11.	635 -4.	126	1. 00	0.00	,
10	ATOM	381	0	PRO	A	30147. 0	49 -10.	453 -3.	828	1. 00	0.00 ()
	ATOM	382	CB	PRO	A	30149. 2	43 -11.	926 -4	. 932	1. 00	0.00	3
	ATOM	383	CG	PRO	A	30149. 4	48 -10.	704 -5	. 760	1. 00	0.00	3
	ATOM	384	CD	PR0	A	30148. 5	57 -10.	856 -6	. 965	1.00	0.00	3
	ATOM	385	HA	PR0	A	30147. 6	71 -13.	378 -5	. 105	1. 00	0. 00 1	H
15	ATOM	386	1HB	PR0	A	30149. 4	03 -11.	727 -3	. 883	1. 00	0.00	H
	ATOM	387	2HB	PR0	A	30149. 8	84 -12.	733 -5	. 255	1. 00	0.00	H
	ATOM	388	1HG	PR0	A	30149. 1	66 -9.	829 -5	. 194	1. 00	0.00	H
	ATOM	389	2HG	PRO	A	30150. 4	182 –10.	638 -6	. 064	1. 00	0. 00	H
	ATOM	390	1HD	PRO	A	30148. 1	13 [,] -9.	908 -7	. 225	1. 00	0.00	H
20	ATOM	391	2HD	PRO	A	30149. 1	17 -11.	252 -7	7. 799	1. 00	0. 00	H
	ATOM	392	N	PRO	A	31145. 9	919 -12.	. 382 -3	8. 559	1. 00	0. 00	N
	ATOM	393	CA	PRO) A	31145. (001 -11.	. 844 -2	2. 550	1. 00	0.00	C
	ATOM	394	C	PRO) A	31145. 7	700 –11.	. 555 -	1. 226	1. 00	0.00	C
	ATOM	395	0	PRO) A	31146. 2	226 -12	. 461 -0). 579	1. 00	0. 00	0
25	ATOM	396	CB	PRO) A	31143. 9	968 -12	. 960 -	2. 376	1. 00	0.00	C
	ATOM	397	' CG	PR() A	31144.	686 -14	. 204 -	2. 768	1. 00	0.00	C
	ATOM	398	CD	PRO) A	31145.	648 -13	. 802 -	3. 851	1. 00	0.00	C
	ATOM	399) HA	PRO) A	31144.	511 -10	. 946 -	2. 899	1. 00	0. 00	H
	ATOM	400) 1HB	PRO) A	31143.	644 -12	. 996 –	1. 346	1. 00	0. 00	H

 ${\tt ATOM}$

ATOM

 ${\tt ATOM}$

ATOM

426

427

428

429

N

CA

C

0

TYR A

TYR A

TYR A

TYR A

	WO 2004/	016781	Ĩ				4	PCT/s	JP2003/0102
	,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,		•			526			
	ATOM	401	2HB	PRO A	31143. 121 -	-12. 775	-3. 019	1. 00	0.00 H
	ATOM	402	1HG	PRO A	31145. 224	-14. 600	-1. 918	1. 00	0.00 H
	ATOM	403	2HG	PRO A	31143. 982	-14. 932	-3. 142	1. 00	0.00 H
	ATOM	404	1HD	PRO A	31146. 553	-14. 388	-3. 790	1. 00	0.00 H
5	ATOM	405	2HD	PRO A	31145. 189	-13. 914	-4. 822	1. 00	0.00 H
	ATOM	406	N	PHE A	32145. 703	-10. 287	-0.828	1. 00	0.00 N
	ATOM	407	CA	PHE A	32146. 338	-9. 878	0. 420	1. 00	0.00 C
	ATOM	408	C	PHE A	32145. 479	-8. 858	1. 160	1. 00	0.00 C
	ATOM	409	0	PHE A	32144. 591	-8. 238	0. 574	1. 00	0.000
10	ATOM	410	CB	PHE A	32147. 723	-9. 291	0. 142	1. 00	0.00 C
	ATOM	411	CG	PHE A	32147. 736	-8. 287	-0. 975	1. 00	0.00 C
	ATOM	412	CD1	PHE A	32148. 424	-8. 547	-2. 150	1. 00	0. 00 C
	ATOM	413	CD2	PHE A	32147. 060	-7. 083	-0.851	1. 00	0.00 C
	ATOM	414	CE 1	PHE A	32148. 438	-7. 626	-3. 180	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	415	CE2	PHE A	32147. 070	-6. 158	-1. 878	1. 00	0. 00 C
	ATOM	416	CZ	PHE A	32147. 760	-6. 429	-3. 044	1. 00	0. 00 C
	ATOM	417	H	PHE A	32145. 267	-9. 610	-1. 386	1. 00	0. 00 H
	ATOM	418	HA	PHE A	32146. 447	-10. 756	1. 038	1. 00	0. 00 H
	ATOM	419	1HB	PHE A	32148. 083	-8. 799	1. 033	1. 00	0.00 H
20	ATOM	420	2HB	PHE A	32148. 399	-10. 090	-0. 120	1. 00	0.00 H
	ATOM	421	HD 1	PHE A	32148. 955	-9. 482	-2.257	1. 00	0. 00 H
	ATOM	422	HD2	PHE A	32146. 521	-6. 871	0.060	1. 00	0.00 H
	ATOM	423	HE 1	PHE A	32148. 978	-7. 839	-4. 090	1. 00	0.00 H
	ATOM	424	HE2	PHE A	32146. 540	-5. 224	-1. 769	1. 00	0.00 H
25	· ATOM	425	HZ	PHE A	32147. 770	-5. 708	-3. 847	1. 00	0.00 H

33145.750 -8.690

-7. 746

-6.812

-7. 251

33145.001

33145. 945

33146. 943

2.450

3. 272

4.022

4. 594

1.00

1.00

1.00

1.00

0.00 N

0.00 C

0.00 C

			4		527		
	ATOM	430	CB	TYR A	33144. 109 -8. 494	4. 264 1. 00	0.00 C
	ATOM	431	CG	TYR A	33142. 774 -8. 908	3. 687 1. 00	0.00 C
	ATOM	432	CD1	TYR A	33142. 316 -10. 213	3. 813 1. 00	0.00 C
	ATOM	433	CD2	TYR A	33141. 973 -7. 993	3. 014 1. 00	0.00 C
5	ATOM	434	CE1	TYR A	33141. 097 -10. 594	3. 287 1. 00	0.00 C
	ATOM	435	CE2	TYR A	33140. 752 -8. 368	2. 486 1. 00	0.00 C
	ATOM	436	CZ	TYR A	33140. 319 -9. 668	2. 625 1. 00	0. 00 C
	ATOM	437	ОН	TYR A	33139. 104 -10. 045	2. 099 1. 00	0.000
	ATOM	438	H	TYR A	33146. 469 -9. 214	2. 860 1. 00	0.00 H
10	ATOM	439	HA	TYR A	33144. 379 -7. 156	2. 615 1. 00	0.00 H
	ATOM	440	1HB	TYR A	33144. 620 -9. 387	4. 592 1. 00	0.00 H
	ATOM	441	2HB	TYR A	33143. 921 -7. 859	5. 117 1. 00	0. 00 H
	ATOM	442	HD1	TYR A	33142. 927 -10. 935	4. 333 1. 00	0.00 H
	ATOM	443	HD2	TYR A	33142. 316 -6. 975	2. 907 1. 00	0. 00 H
15	ATOM	444	HE1	TYR A	33140. 757 -11. 614	3. 396 1. 00	0.00 H
	ATOM	445	HE2	TYR A	33140. 144 -7. 642	1. 967 1. 00	0.00 H
	ATOM	446	НН	TYR A	33138. 462 -10. 131	2. 807 1. 00	0.00 H
	ATOM	447	N	GLY A	34145. 623 -5. 522	4. 016 1. 00	0.00 N
	ATOM	448	CA	GLY A	34146. 453 -4. 548	4. 700 1. 00	0.00 C
20	ATOM	449	C	GLY A	34145. 682 -3. 302	5. 091 1. 00	0. 00 C
	ATOM	450	0	GLY A	34144. 454 -3. 272	5. 009 1. 00	0.000
	ATOM	451	H	GLY A	34144. 817 -5. 230	3. 543 1. 00	0.00 H
	ATOM	452	1HA	GLY A	34146. 861 -5. 001	5. 591 1. 00	0.00 H
	ATOM	453	2HA	GLY A	34147. 267 -4. 264	4. 049 1. 00	0.00 H
25	ATOM	454	N	VAL A	35146. 405 -2. 272	5. 520 1. 00	0.00 N
	ATOM	455	CA	VAL A	35145. 783 -1. 018	5. 927 1. 00	0. 00 C
	ATOM	456	C	VAL A	35146. 505 0. 177	5. 313 1. 00	0.00 C
	ATOM	457	0	VAL A	35147. 721 0. 150	5. 125 1. 00	0.000
	ATOM	458	CB	VAL A	35145. 769 -0. 870	7. 462 1. 00	0.00 C



528	,

	ATOM	459	CG1	VAL	A	35147. 188	-0.848	8. 012	1. 00	0.00 C
	ATOM	460	CG2	VAL	A	35145. 010	0. 383	7. 873	1. 00	0.00 C
	ATOM	461	H	VAL	A	35147. 380	-2. 359	5. 565	1. 00	0.00 H
	ATOM	462	HA	VAL	A	35144. 760	-1.026	5. 579	1. 00	0.00 H
5	ATOM	463	HB	VAL	A	35145. 261	-1.726	7. 880	1. 00	0.00 H
	ATOM	464	1HG1	VAL	A	35147. 862	-1. 287	7. 291	1. 00	0.00 H
	ATOM	465	2HG1	VAL	A	35147. 226	-1. 413	8. 931	1. 00	0. 00 H
	ATOM	466	3HG1	VAL	A	35147. 483	0. 173	8. 204	1. 00	0. 00 H
	ATOM	467	1HG2	VAL	A	35143.960	0. 255	7. 654	1. 00	0.00 H
10	ATOM	468	2HG2	VAL	A	35145. 392	1. 231	7. 324	1. 00	0.00 H
	ATOM	469	3HG2	VAL	A	35145. 140	0. 551	8. 931	1. 00	0.00 H
	ATOM	470	N	ILE	A	36145. 747	1. 224	5. 003	1. 00	0.00 N
	ATOM	471	CA	ILE	A	36146. 316	2. 429	4. 411	1. 00	0.00 C
	ATOM	472	C	ILE	A	36147. 242	3. 136	5. 395	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	473	0	ILE	A	36146.961	3. 200	6. 592	1. 00	0.000
	ATOM	474	CB	ILE	A	36145. 216	3. 410	3. 960	1. 00	0.00 C
	ATOM	475	CG1	ILE	A	36144. 192	2. 693	3. 078	1. 00	0. 00 C
	ATOM	476	CG2	ILE	A	36145. 828	4. 590	3. 218	1. 00	0. 00 C
	ATOM	477	CD1	ILE	A	36143. 055	3. 584	2. 627	1. 00	0.00 C
20	ATOM	478	Н.	ILE	A	36144. 783	1. 186	5. 177	1. 00	0.00 H
	ATOM	479	HA	ILE	A	36146. 887	2. 136	3. 542	1. 00	0.00 H
	ATOM	480	HB	ILE	A	36144. 720	3. 789	4. 841	1. 00	0.00 H
	ATOM	481	1HG1	ILE	A	36144. 686	2. 316	2. 196	1. 00	0.00 H
	ATOM	482	2HG1	ILE	A	36143. 767	1. 866	3. 629	1. 00	0.00 H
25	ATOM	483	1HG2	ILE	A	36146. 782	4. 299	2. 805	1. 00	0.00 H
	MOTA	484	2HG2	LILE	A	36145. 968	5. 413	3. 903	1. 00	0. 00 H
	MOTA	485	3HG2	l ILE	A	36145. 168	4. 894	2. 420	1. 00	0.00 H
	ATOM	486	1HD 1	ILE	A	36143. 454	4. 434	2. 094	1. 00	0. 00 H
	ATOM	487	2HD	ILE	A	36142. 502	3. 928	3. 489	1. 00	0.00 H



	ATOM	488	3HD1	ILE .	A	36142. 397	3. 027	1. 976	1. 00	0.00 H
	ATOM	489	N	ARG	A	37148. 348	3. 667	4. 882	1. 00	0.00 N
	ATOM	490	CA	ARG	A	37149. 317	4. 368	5. 718	1. 00	0.00 C
	ATOM	491	C	ARG	A	37149. 519	5. 800	5. 231	1. 00	0.00 C
5	ATOM	492	0	ARG	A	37149. 161	6. 756	5. 921	1. 00	0.000
	ATOM	493	CB	ARG	A	37150.653	3. 625	5. 718	1. 00	0.00 C
	ATOM	494	CG	ARG	A	37150. 520	2. 138	6.004	1. 00	0. 00 C
	ATOM	495	CD	ARG	A	37150. 448	1. 861	7. 496	1. 00	0.00 C
	ATOM	496	NE	ARG	A	37149. 225	2. 391	8. 094	1. 00	0.00 N
10	ATOM	497	CZ	ARG	A	37149. 068	2. 601	9. 399	1. 00	0.00 C
	ATOM	498	NH 1	ARG	A	37150.053	2. 328	10. 246	1. 00	0.00 N
	ATOM	499	NH2	ARG	A	37147. 924	3. 087	9. 859	1. 00	0.00 N
	ATOM	500	H	ARG	A	37148. 518	3. 582	3. 922	1. 00	0.00 H
	ATOM	501	HA	ARG	A	37148. 929	4. 395	6. 724	1. 00	0.00 H
15	ATOM	502	1HB	ARG	A	37151. 119	3. 744	4. 752	1. 00	0.00 H
	ATOM	503	2HB	ARG	A	37151. 293	4. 058	6. 473	1. 00	0.00 H
	ATOM	504	1HG	ARG	A	37149. 620	1. 770	5. 536	1. 00	0. 00 H
	ATOM	505	2HG	ARG	A	37151. 376	1.624	5. 592	1. 00	0.00 H
	ATOM	506	1HD	ARG	A	37150. 480	0. 793	7. 654	1. 00	0.00 H
20	ATOM	507	2HD	ARG	A	37151. 301	2. 320	7. 976	1. 00	0.00 H
	ATOM	508	HE	ARG	A	37148. 481	2. 601	7. 491	1. 00	0.00 H
	ATOM	509	1HH1	ARG	A	37150. 918	1. 961	9. 906	1. 00	0.00 H
	ATOM	510	2HH1	ARG	A	37149. 929	2. 488	11. 224	1. 00	0.00 H
	ATOM	511	1HH2	ARG	A	37147. 178	3. 295	9. 226	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	512	2HH2	ARG	A	37147. 805	3. 245	10. 839	1. 00	0. 00 H
	ATOM	513	N	TRP	A	38150. 092	5. 942	4. 041	1. 00	0. 00 N
	ATOM	514	CA	TRP	A	38150. 340	7. 259	3. 465	1. 00	0.00 C
	ATOM	515	C	TRP	A	38149. 621	7. 414	2. 128	1. 00	0.00 C
	ATOM	516	0	TRP	A	38149. 714	6. 549	1. 257	1. 00	0.000

	ATOM	517	CB	TRP	A	38151. 845	7. 487	3. 282	1. 00	0.00 C
	ATOM	518	CG	TRP	A	38152. 172	8. 692	2. 450	1. 00	0.00 C
	ATOM	519	CD1	TRP	A	38152. 385	9. 965	2. 896	1. 00	0. 00 C
	ATOM	520	CD2	TRP	A	38152. 315	8. 736	1. 025	1. 00	0.00 C
5	ATOM	521	NE 1	TRP	A	38152. 652	10. 798	1. 836	1. 00	0.00 N
	ATOM	522	CE2	TRP	A	38152. 614	10. 067	0. 677	1. 00	0.00 C
	ATOM	523	CE3	TRP	A	38152. 218	7. 779	0. 011	1. 00	0. 00 C
	ATOM	524	CZ2	TRP	A	38152. 818	10. 462	-0. 644	1. 00	0.00 C
	ATOM	525	CZ3	TRP	A	38152. 421	8. 174	-1. 298	1. 00	0.00 C
10	ATOM	526	CH2	TRP	A	38152. 718	9. 504	-1.616	1. 00	0.00 C
	ATOM ·	527	H	TRP	A	38150. 355	5. 143	3. 538	1. 00	0.00 H
	ATOM	528	HA	TRP	A	38149. 956	7. 998	4. 152	1. 00	0.00 H
	ATOM	529	1HB	TRP	A	38152. 303	7. 619	4. 251	1. 00	0.00 H
	ATOM	530	2HB	TRP	A	38152. 276	6. 622	2. 800	1. 00	0.00 H
15	ATOM	531	HD1	TRP	A	38152. 347	10. 260	3. 934	1. 00	0.00 H
	ATOM	532	HE 1	TRP	A	38152. 840	11. 757	1. 898	1. 00	0.00 H
	ATOM	533	HE3	TRP	A	38151. 989	6. 750	0. 236	1. 00	0.00 H
	ATOM	534	HZ2	TRP	A	38153. 045	11. 485	-0.905	1. 00	0.00 H
	ATOM	535	HZ3	TRP	A	38152. 350	7. 447	-2.094	1. 00	0.00 H
20	ATOM	536	HH2	TRP	A	38152. 868	9. 767	-2.653	1. 00	0.00 H
	ATOM	537	N	ILE	A	39148. 914	8. 527	1. 971	1. 00	0.00 N
	ATOM	538	CA	ILE	A	39148. 186	8. 807	0. 740	1. 00	0.00 C
	ATOM	539	C	ILE	A	39148. 655	10. 121	0. 126	1. 00	0.00 C
	ATOM	540	0	ILE	A	39148. 335	11. 200	0.627	1. 00	0.000
25	ATOM	541	CB	ILE	A	39146. 667	8. 879	0. 986	1. 00	0.00 C
	ATOM	542	CG1	ILE	A	39146. 190	7. 640	1. 748	1. 00	0.00 C
	MOTA	543	CG2	2 ILE	A	39145. 921	9. 014	-0. 333	1. 00	0.00 C
	ATOM	544	CD 1	ILE	A	39145. 160	7. 947	2. 814	1. 00	0.00 C
	ATOM	545	H	ILE	A	39148. 886	9. 181	2. 700	1. 00	0.00 H

PCT/

	ATOM	546	HA	ILE A		39148. 383	8. 004	0.044	1. 00	0.00 H
	ATOM	547	HB	ILE A	١.	39146. 462	9. 757	1. 578	1. 00	0.00 H
	ATOM	548	1HG1	ILE A	1	39145. 747	6. 945	1. 051	1. 00	0.00 H
	ATOM	549	2HG1	ILE A	I	39147. 036	7. 172	2. 228	1. 00	0.00 H
5	ATOM	550	1HG2	ILE A	A	39146. 587	9. 412	-1. 085	1. 00	0.00 H
	MOTA	551	2HG2	ILE A	A	39145. 082	9. 681	-0. 206	1. 00	0.00 H
	ATOM	552	3HG2	ILE A	4	39145. 564	8. 044	-0. 647	1. 00	0.00 H
	ATOM	553	1HD1	ILE A	A	39145. 546	8. 705	3. 479	1. 00	0.00 H
	ATOM	554	2HD1	ILE A	A	39144. 946	7. 049	3. 377	1. 00	0.00 H
10	ATOM	555	3HD1	ILE A	A	39144. 254	8. 303	2. 348	1. 00	0.00 H
	ATOM	556	N	GLY	A	40149. 421	10. 027	-0.956	1. 00	0. 00 N
	ATOM	557	CA	GLY	A	40149. 925	11. 219	-1.610	1. 00	0. 00 C
	ATOM	558	C	GLY .	A	40150. 479	10. 940	-2. 992	1. 00	0.00 C
	ATOM	559	0	GLY .	A	40150. 290	9. 853	-3. 539	1. 00	0.000
15	ATOM	560	H	GLY	A	40149. 648	9. 142	-1. 310	1. 00	0.00 H
	ATOM	561	1HA	GLY	A	40149. 122	11. 936	-1.694	1. 00	0.00 H
	ATOM	562	2HA	GLY	A	40150. 707	11. 646	-1.001	1. 00	0. 00 H
	ATOM	563	N	GLN	A	41151. 164	11. 928	-3. 558	1. 00	0.00 N
	ATOM	564	CA	GLN	A	41151.749	11. 795	-4. 885	1. 00	0.00 C
20	ATOM	565	C	GLN	A	41153. 233	12. 162	-4. 861	1. 00	0.00 C
	ATOM	566	0	GLN	A	41153. 589	13. 310	-4. 593	1. 00	0.000
	ATOM	567	CB	GLN	A	41151. 006	12. 692	-5. 874	1. 00	0.00 C
	ATOM	568	CG	GLN	A	41149. 494	12. 552	-5. 804	1. 00	0. 00 C
	ATOM	569	CD	GLN	A	41148. 780	13. 884	-5. 930	1. 00	0.00 C
25	ATOM	570	0E 1	GLN	A	41148. 762	14. 682	-4. 993	1. 00	0.000
	MOTA	571	NE 2	GLN	A	41148. 187	14. 129	-7. 091	1. 00	0.00 N
	ATOM	572	H	GLN	A	41151. 277	12. 770	-3. 071	1. 00	0.00 H
	ATOM	573	HA	GLN	A	41151.645	10. 767	-5. 196	1. 00	0.00 H
	ATOM	574	1HB	GLN	A	41151. 260	13. 721	-5. 669	1. 00	0. 00 H

ATOM

							532			
	ATOM	575	2HB	GLN .	A	41151. 324	12. 446	-6.875	1. 00	0.00 H
	ATOM	576	1HG	GLN	A	41149. 166	11. 910	-6. 606	1. 00	0. 00 H
	ATOM	577	2HG	GLN	A	41149. 230	12. 107	-4. 856	1. 00	0.00 H
	ATOM	578	1HE2	GLN	A	41148. 242	13. 447	-7. 792	1. 00	0.00 H
5	ATOM	579	2HE2	GLN	A	41147. 718	14. 983	-7. 200	1. 00	0.00 H
	ATOM	580	N	PRO	A	42154. 123	11. 192	-5. 140	1. 00	0. 00 N
	ATOM	581	CA	PRO	A	42155. 571	11. 431	-5. 144	1. 00	0. 00 C
	ATOM	582	C	PRO	A	42155. 970	12. 538	-6. 115	1. 00	0.00 C
	ATOM	583	0	PRO	A	42155. 226	12. 862	-7. 040	1. 00	0.000
10	ATOM	584	CB	PRO	A	42156. 160	10. 089	-5. 592	1. 00	0.00 C
	ATOM	585	CG	PRO	A	42155. 105	9. 086	-5. 277	1. 00	0.00 C
	ATOM	586	CD	PRO	A	42153. 796	9. 795	-5. 471	1. 00	0.00 C
	ATOM	587	HA	PRO	A	42155. 932	11. 675	-4. 156	1. 00	0.00 H
	ATOM	588	1HB	PR0	A	42156. 372	10. 122	-6. 650	1. 00	0.00 H
15	ATOM	589	2HB	PR0	A	42157.068	9. 891	-5. 043	1. 00	0.00 H
	ATOM	590	1HG	PR0	A	42155. 182	8. 247	-5. 953	1. 00	0.00 H
	ATOM	591	2HG	PR0	A	42155. 204	8. 755	-4. 253	1. 00	0.00 H
	ATOM	592	1HD	PR0	A	42153. 468	9. 707	-6. 496	1. 00	0.00 H
	ATOM	593	2HD	PR0	A	42153.049	9. 403	-4. 796	1. 00	0.00 H
20	ATOM	594	N	PR0	A	43157. 157	13. 135	-5.916	1. 00	0.00 N
	ATOM	595	CA	PR0	A	43157. 653	14. 210	-6. 779	1. 00	0.00 C
	ATOM	596	C	PR0	A	43158. 072	13. 701	-8. 154	1. 00	0. 00 C
	ATOM	597	0	PR0	A	43159. 237	13. 372	-8. 377	1. 00	0.000
	ATOM	598	CB	PR0	A	43158. 867	14. 743	-6. 019	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	599	CG	PRO	A	43159. 338	13. 593	-5. 199	1. 00	0. 00 C
	ATOM	600	CD	PRO	A	43158. 107	12. 807	-4. 836	1. 00	0. 00 C
	ATOM	601	HA	PRO	A	43156. 922	14. 995	-6. 894	1. 00	0.00 H
	ATOM	602	1HB	PRO	A	43159. 621	15. 063	-6. 722	1. 00	0.00 H

603 2HB PRO A 43158.570 15.575 -5.398 1.00 0.00 H



	ATOM	604	1HG	PRO	A	43160. 015	12. 982	-5. 778	1. 00	0.00 H
	ATOM	605	2HG	PRO	A	43159. 827	13. 954	-4. 306	1. 00	0.00 H
	ATOM	606	1HD	PRO	A	43158. 325	11. 749	-4.822	1. 00	0.00 H
	ATOM	607	2HD	PRO	A	43157.724	13. 126	-3.877	1. 00	0.00 H
5	ATOM	608	N	GLY	A	44157. 115	13. 641	-9. 073	1. 00	0.00 N
	ATOM	609	CA	GLY	A	44157. 408	13. 172	-10. 414	1. 00	0.00 C
	ATOM	610	C	GLY	A	44156. 177	12. 664	-11. 134	1. 00	0. 00 C
	ATOM	611	0	GLY	A	44155. 900	13. 064	-12. 265	1. 00	0.000
	ATOM	612	H	GLY	A	44156. 204	13. 916	-8. 839	1. 00	0.00 H
10_	ATOM	613	1HA	GLY	A	44157. 832	13. 986	-10.982	1. 00	0.00 H
	ATOM	614	2HA	GLY	A	44158. 132	12. 374	-10.354	1. 00	0.00 H
	ATOM	615	N	LEU	A	45155. 434	11. 777	-10. 479	1. 00	0.00 N
	ATOM	616	CA	LEU	A	45154. 226	11. 214	-11.068	1. 00	0.00 C
	ATOM	617	C	LEU	A	45153.012	11. 507	-10. 196	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	618	0	LEU	A	45152. 895	10. 989	-9. 086	1. 00	0.000
	ATOM	619	CB	LEU	A	45154. 382	9. 704	-11. 255	1. 00	0.00 C
	ATOM	620	CG	LEU	A	45154. 896	8. 948	-10. 027	1. 00	0.00 C
	ATOM	621	CD1	LEU	A	45154. 503	7. 479	-10. 098	1. 00	0.00 C
	ATOM	622	CD2	LEU	A	45156. 407	9. 097	-9. 903	1. 00	0.00 C
20	ATOM	623	H	LEU	A	45155. 705	11. 497	-9. 578	1. 00	0.00 H
	ATOM	624	HA	LEU	A	45154. 080	11. 674	-12. 034	1. 00	0.00 H
	ATOM	625	1HB	LEU	A	45153. 420	9. 294	-11. 528	1. 00	0.00 H
	ATOM	626	2HB	LEU	A	45155.071	9. 532	-12. 069	1. 00	0.00 H
	ATOM	627	HG	LEU	A	45154. 444	9. 371	-9. 141	1. 00	0.00 H
25	ATOM	628	1HD1	LEU	A	45153. 934	7. 217	-9. 218	1. 00	0.00 H
	ATOM	629	2HD1	LEU	A	45155. 393	6. 869	-10. 146	1. 00	0.00 H
	ATOM	630	3HD1	LEU	A	45153.903	7. 308	-10. 979	1. 00	0.00 H
	ATOM	631	1HD2	LEU	A	45156.882	8. 155	-10. 133	1. 00	0.00 H
	ATOM	632	2HD2	LEU	A	45156.657	9. 388	-8. 893	1. 00	0.00 H

			•			534		
	ATOM	633	3HD2	LEU A	45156.754	9. 853 -10. 591	1. 00	0.00 H
	ATOM	634	N	ASN A	46152. 106	12. 339 -10. 702	1. 00	0.00 N
	ATOM	635	CA	ASN A	46150. 905	12. 688 -9. 956	1. 00	0. 00 C
	ATOM	636	C	ASN A	46149. 929	11. 517 -9. 931	1. 00	0.00 C
5	ATOM	637	0	ASN A	46149. 305	11. 193 -10. 942	1. 00	0.000
	ATOM	638	CB	ASN A	46150. 233	13. 914 -10. 577	1. 00	0.00 C
	ATOM	639	CG	ASN A	46149. 461	14. 730 -9. 558	1. 00	0.00 C
	ATOM	640	OD 1	ASN A	46150. 024	15. 208 -8. 573	1. 00	0.000
	ATOM	641	ND2	ASN A	46148. 164	14. 891 -9. 790	1. 00	0.00 N
10	ATOM	642	H	ASN A	46152. 249	12. 722 -11. 592	1. 00	0.00 H
	ATOM	643	HA	ASN A	46151. 197	12. 921 -8. 943	1. 00	0. 00 Ħ
	MOTA	644	1HB	ASN A	46150.990	14. 547 -11. 017	1. 00	0.00 H
	ATOM	645	2HB	ASN A	46149. 548	13. 590 -11. 346	1. 00	0.00 H
	ATOM	646	1HD2	ASN A	46147. 782	14. 480 -10. 594	1. 00	0.00 H
15	ATOM	647	2HD2	ASN A	46147. 640	15. 414 -9. 148	1. 00	0.00 H
	ATOM	648	N	GLU A	47149. 803	10. 889 -8. 768	1. 00	0.00 N
	ATOM	649	CA	GLU A	47148. 906	9. 754 -8. 603	1. 00	0.00 C
	ATOM	650	C	GLU A	47148. 706	9. 434 -7. 126	1. 00	0.00 C
	ATOM	651	0	GLU A	47149. 665	9. 143 -6. 412	1. 00	0.000
20	ATOM	652	CB	GLU A	47149. 452	8. 526 -9. 334	1. 00	0.00 C
	ATOM	653	CG	GLU A	47150. 963	8. 373 -9. 232	1. 00	0. 00 C
	ATOM	654	CD	GLU A	47151. 518	7. 390 -10. 243	1. 00	0.00 C
	ATOM	655	0E1	GLU A	47151. 557	7. 732 -11. 444	1. 00	0.000
	ATOM	656	0E2	GLU A	47151. 914	6. 278 -9. 835	1. 00	0.000
25	ATOM	657	H	GLU A	47150. 329	11. 196 -8. 002	1. 00	0.00 H
	ATOM	658	HA	GLU A	47147. 951	10. 022 -9. 033	1. 00	0.00 H
	ATOM	659	1HB	GLU A	47148. 996	7. 640 -8. 917	1. 00	0.00 H
	ATOM	660	2HB	GLU A	47149. 189	8. 596 -10. 379	1. 00	0.00 H
	ATOM	661	1HG	GLU A	47151. 419	9. 337 -9. 401	1. 00	0.00 H

						<i>333</i>			
	ATOM	662	2HG	GLU A	47151. 213	8. 027	-8. 240	1. 00	0.00 H
	ATOM	663	N	VAL A	48147. 460	9. 485	-6.673	1. 00	0.00 N
	ATOM	664	CA	VAL A	48147. 149	9. 192	-5. 280	1. 00	0. 00 C
	ATOM	665	C	VAL A	48147. 473	7. 740	-4. 951	1. 00	0.00 C
5	ATOM	666	0	VAL A	48146. 697	6. 836	-5. 256	1. 00	0.000
	ATOM	667	CB	VAL A	48145. 667	9. 463	-4. 963	1. 00	0.00 C
	ATOM	668	CG1	VAL A	48145. 413	9. 366	-3. 467	1. 00	0.00 C
	ATOM	669	CG2	VAL A	48145. 247	10. 826	-5. 495	1. 00	0. 00 C
	ATOM	670	H	VAL A	48146. 733	9. 719	-7. 288	1. 00	0.00 H
10	ATOM	671	HA	VAL A	48147. 756	9. 837	-4.660	1. 00	0. 00 H
	ATOM	672	HB	VAL A	48145. 070	8. 709	-5. 456	1. 00	0.00 H
	ATOM	673	1HG1	VAL A	48146. 110	10. 003	-2. 942	1. 00	0. 00 H
	ATOM	674	2HG1	VAL A	48145. 547	8. 344	-3. 145	1. 00	0.00 H
	ATOM	675	3HG1	VAL A	48144. 403	9. 683	-3. 252	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	676	1HG2	VAL A	48146. 102	11. 483	-5. 515	1. 00	0.00 H
	ATOM	677	2HG2	VAL A	48144. 486	11. 244	-4. 852	1. 00	0.00 H
	ATOM	678	3HG2	VAL A	48144. 853	10. 716	-6. 494	1. 00	0.00 H
	ATOM	679	N	LEU A	49148. 628	7. 523	-4. 329	1. 00	0.00 N
	ATOM	680	CA	LEU A	49149. 056	6. 179	-3. 963	1. 00	0.00 C
20	ATOM	681	C	LEU A	49148. 967	5. 975	-2. 457	1. 00	0. 00 C
	ATOM	682	0	LEU A	49149. 649	6. 651	-1. 687	1. 00	0.000
	ATOM	683	CB	LEU A	49150. 488	5. 931	-4. 439	1. 00	0. 00 C
	ATOM	684	CG	LEU A	49150. 689	6. 006	-5. 954	1. 00	0. 00 C
	ATOM	685	CD1	LEU A	49152. 159	6. 205	-6. 288	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	686	CD2	LEU A	49150. 153	4. 752	-6. 626	1. 00	0.00 C
	ATOM	687	H	LEU A	49149. 206	8. 286	-4. 112	1. 00	0.00 H
,	ATOM	688	HA.	LEU A	49148. 397	5. 477	-4. 449	1. 00	0.00 H
	ATOM	689	1HB	LEU A	49151. 133	6. 662	-3. 974	1. 00	0. 00 H
	ATOM	690	2HB	LEU A	49150. 789	4. 948	-4. 109	1. 00	0.00 H

					330	_		
	ATOM	691 HG	LEU A	49150. 142	6. 855	-6.341	1. 00	0.00 H
	ATOM	692 1HD1	LEU A	49152.669	5. 254	-6. 248	1. 00	0.00 H
	ATOM	693 2HD1	LEU A	49152. 603	6. 881	-5. 572	1. 00	0.00 H
	MOTA	694 3HD1	LEU A	49152. 250	6.621	-7. 280	1. 00	0.00 H
5	ATOM	695 1HD2	LEU A	49149. 135	4. 922	-6. 945	1. 00	0.00 H
	ATOM	696 2HD2	LEU A	49150. 178	3. 930	-5.926	1. 00	0. 00 H
	ATOM	697 3HD2	LEU A	49150. 763	4. 513	-7. 483	1.00	0.00 H
	ATOM	698 N	ALA A	50148. 121	5. 041	-2.041	1. 00	0. 00 N
	ATOM	699 CA	ALA A	50147. 945	4. 752	-0.626	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	700 C	ALA A	50148. 882	3. 638	-0. 173	1. 00	0. 00 C
	ATOM	701 0	ALA A	50148. 766	2. 496	-0.616	1. 00	0.000
	ATOM	702 CB	ALA A	50146. 498	4. 377	-0. 339	1. 00	0.00 C
	ATOM	703 H	ALA A	50147. 603	4. 535	-2. 702	1. 00	0.00 H
	ATOM	704 HA	ALA A	50148. 175	5. 652	-0.075	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	705 1HB	ALA A	50146. 198	4. 799	0.610	1. 00	0.00 H
	ATOM	706 2HB	ALA A	50146. 406	3. 303	-0.300	1. 00	0.00 H
	ATOM	707 3HB	ALA A	50145. 864	4. 766	-1. 122	1. 00	0.00 H
	ATOM	708 N	GLY A	51149. 813	3. 979	0.712	1. 00	0.00 N
	ATOM	709 CA	GLY A	51150. 760	2. 998	1. 211	1. 00	0.00 C
20	ATOM	710 C	GLY A	51150. 106	1. 965	2. 109	1. 00	0.00 C
	ATOM	711 0	GLY A	51149. 797	2. 248	3. 266	1. 00	0.000
	ATOM	712 H	GLY A	51149. 860	4. 905	1. 030	1. 00	0.00 H
	ATOM	713 1HA	GLY A	51151. 212	2. 492	0.370	1. 00	0.00 H
	ATOM	714 2HA	GLY A	51151. 530	3. 507	1. 769	1. 00	0.00 H
25	ATOM	715 N	LEU A	52149. 894	0. 768	1. 575	1. 00	0.00 N
	ATOM	716 CA	LEU A	52149. 273	-0.310	2. 338	1. 00	0.00 C
	ATOM	717 C	LEU A	52150. 326	-1. 142	3.061	1. 00	0.00 C
	ATOM	718 0	LEU A	52151. 468	-1. 243	2. 613	1. 00	0.000
	ATOM	719 CB	LEU A	52148. 444	-1. 205	1. 414	1. 00	0.00 C

	MOTA	720	CG	LEU	A	52147. 167	-0. 566	0.868	1. 00	0. 00 C
	MOTA	721	CD1	LEU	A	52146. 575	-1. 421	-0. 242	1. 00	0. 00 C
	ATOM	722	CD2	LEU	A	52146. 154	-0. 361	1. 984	1. 00	0. 00 C
	ATOM	723	H	LEU	A	52150. 162	0.603	0.647	1. 00	0.00 H
5	ATOM	724	HA	LEU	A	52148. 619	0. 139	3.071	1. 00	0.00 H
	ATOM	725	1HB	LEU	A	52149. 064	-1. 496	0. 579	1. 00	0.00 H
	ATOM	726	2HB	LEU	A	52148. 168	-2. 094	1. 963	1. 00	0.00 H
	ATOM	727	HG	LEU	A	52147. 407	0. 402	0. 450	1. 00	0.00 H
	ATOM ·	728	1HD1	LEU	A	52146. 553	-2. 454	0.074	1. 00	0.00 H
10	ATOM	729	2HD1	LEU	A	52147. 181	-1. 330	-1. 131	1. 00	0.00 H
	MOTA	730	3HD1	LEU	A	52145. 569	-1. 089	-0. 455	1. 00	0.00 H
	ATOM	731	1HD2	LEU	A	52145. 155	-0. 488	1. 591	1. 00	0.00 H
	ATOM	732	2HD2	LEU	A	52146. 258	0.636	2. 386	1. 00	0.00 H
	ATOM	733	3HD2	LEU	A	52146. 329	-1. 085	2. 765	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	734	N	GLU	A	53149. 934	-1. 737	4. 184	1. 00	0.00 N
	ATOM	735	CA	GLU	A	53150. 845	-2. 562	4. 970	1. 00	0.00 C
	ATOM	736	С	GLU	A	53150. 352	-4. 005	5. 036	1. 00	0.00 C
	ATOM	737	0	GLU	A	53149. 404	-4. 315	5. 758	1. 00	0.000
	ATOM	738	CB	GLU	A	53150. 988	-1. 995	6. 383	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	739	CG	GLU	A	53151. 949	-2. 780	7. 260	1. 00	0.00 C
	ATOM	740	CD	GLU	A	53151. 396	-3. 037	8. 648	1. 00	0. 00 C
	ATOM	741	0E 1	GLU	A	53150. 544	-2. 245	9. 104	1. 00	0.000
	MOTA	742	0E2	GLU	A	53151. 814	-4. 030	9. 281	1. 00	0.000
	ATOM	743	H	GLU	A	53149. 011	-1. 619	4. 490	1. 00	0.00 H
25	ATOM	744	HA	GLU	A	53151. 809	-2. 545	4. 486	1. 00	0. 00 H
	ATOM	745	1HB	GLU	I A	53151. 345	-0. 977	6. 317	1. 00	0.00 H
	ATOM	746	2HB	GLU	I A	53150. 018	-1. 995	6. 859	1. 00	0. 00 H
	ATOM	747	1HG	GLU	I A	53152. 150	-3. 732	6. 789	1. 00	0. 00 H
	ATOM	748	2HG	GLU	J A	53152. 870	-2. 223	7. 353	1. 00	0.00 H

	ATOM	749	N	LEU	A	54151. 002	-4. 881	4. 279	1. 00	0.00 N
	ATOM	750	CA	LEU .	A	54150. 631	-6. 290	4. 251	1. 00	0. 00 C
	ATOM	751	C	LEU	A	54150. 942	-6. 961	5. 585	1. 00	0. 00 C
	ATOM	752	0	LEU	A	54152. 009	-6. 752	6. 162	1. 00	0.000
5	ATOM	753	CB	LEU	A	54151. 366	-7. 013	3. 120	1. 00	0. 00 C
	ATOM	754	CG	LEU	A	54151. 264	-6. 341	1. 750	1. 00	0. 00 C
	ATOM	755	CD1	LEU	A	54152. 286	-6. 930	0. 790	1. 00	0. 00 C
	ATOM	756	CD2	LEU	A	54149. 857	-6. 487	1. 190	1. 00	0.00 C
	ATOM	757	H	LEU	A	54151. 750	-4. 573	3. 725	1. 00	0.00 H
10	ATOM	758	HA	LEU	A	54149. 568	-6. 349	4. 072	1. 00	0. 00 H
	ATOM	759	1HB	LEU	A	54152. 412	-7. 083	3. 386	1. 00	0. 00 H
	ATOM	760	2HB	LEU	A	54150. 965	-8. 011	3. 037	1. 00	0.00 H
	ATOM	761	HG	LEU	A	54151. 475	-5. 287	1. 856	1. 00	0. 00 H
	ATOM	762	1HD1	LEU	A	54153. 278	-6. 623	1. 087	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	763	2HD1	LEU	A	54152. 086	-6. 576	-0. 211	1. 00	0. 00 H
	ATOM	764	3HD1	LEU	A	54152. 221	-8. 007	0.810	1. 00	0. 00 H
	MOTA	765	1HD2	LEU	A	54149. 404	-7. 383	1. 586	1. 00	0.00 H
	ATOM	766	2HD2	LEU	A	54149. 904	-6. 554	0. 112	1. 00	0. 00 H
	ATOM	767	3HD2	LEU	A	54149. 266	-5. 628	1. 472	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	768	N	GLU	A	55150. 004	-7. 769	6.069	1. 00	0. 00 N
	ATOM	769	CA	GLU	A	55150. 179	-8. 471	7. 335	1. 00	0. 00 C
	ATOM	770	C	GLU	A	55151. 238	-9. 562	7. 211	1. 00	0. 00 C
	ATOM	771	0	GLU	A	55151. 998	-9.812	8. 146	1. 00	0.000
	ATOM	772	CB	GLU	A	55148. 852	-9. 081	7. 792	1. 00	0.00 C
25	ATOM	773	CG	GLU	A	55147. 840	-8. 051	8. 264	1. 00	0. 00 C
	ATOM	774	CD	GLU	A	55146. 466	-8. 647	8. 494	1. 00	0.00 C
	ATOM	775	0E1	GLU	A	55146. 189	-9. 080	9. 633	1. 00	0.000
	ATOM	776	0E2	GLU	A	55145. 665	-8. 681	7. 536	1. 00	0.000
	ATOM	777	H	GLU	A	55149. 175	-7. 896	5. 562	1. 00	0.00 H

						33	9			
	MOTA	778	HA	GLU A	4	55150. 505 - 7	751	8. 071	1. 00	0.00 H
	ATOM	779	1HB	GLU A	A	55148. 419 -9	. 629	6. 968	1. 00	0.00 H
	ATOM	780	2HB	GLU A	A	55149. 045 -9	. 764	8. 605	1. 00	0.00 H
	ATOM	781	1HG	GLU	A	55148. 188 -7	. 621	9. 191	1. 00	0.00 H
5	ATOM	782	2HG	GLU	A	55147.759 -7	7. 275	7.516	1. 00	0.00 H
	ATOM	783	N	ASP	A	56151. 281 -10	. 208	6. 050	1. 00	0. 00 N
	ATOM	784	CA	ASP	A	56152. 247 -11	1. 271	5. 804	1. 00	0. 00 C
	ATOM	785	C	ASP .	A	56153. 564 -10). 701	5. 286	1. 00	0.00 C
	ATOM	786	0	ASP	A	56153. 588 -9	9. 960	4. 303	1. 00	0.000
10	ATOM	787	CB	ASP	A	56151. 682 -12	2. 279	4. 800	1. 00	0. 00 C
	ATOM	788	CG	ASP	A	56151. 146 -13	3. 527	5. 473	1. 00	0. 00 C
	ATOM	789	OD 1	ASP	A	56151. 658 -14	4. 628	5. 177	1. 00	0.000
	ATOM	790	OD2	ASP	A	56150. 215 -13	3. 404	6. 297	1. 00	0.000
	ATOM	791	H	ASP	A	56150. 649	9. 963	5. 342	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	792	HA	ASP	A	56152. 43 1 -1	1. 775	6.741	1. 00	0. 00 H
	ATOM	793	1HB	ASP	A	56150. 877 -1	1. 816	4. 249	1. 00	0. 00 H
	ATOM	794	2HB	ASP	A	56152. 463 - 1	2. 571	4. 112	1. 00	0. 00 H
	ATOM	795	N	GLU	A	57154. 658 <i>-</i> 1	1. 051	5. 955	1. 00	0. 00 N
	ATOM	796	CA	GLU	A	57155. 979 -1	0. 573	5. 561	1. 00	0.00 C
20	ATOM	797	C	GLU	A	57156. 430 - 1	1. 230	4. 261	1. 00	0. 00 C
	ATOM	798	0	GLU	A	57157. 105 -1	2. 259	4. 276	1. 00	0.000
	MOTA	799	CB	GLU	A	57156. 996 -1	0. 855	6.669	1. 00	0.00 C
	ATOM	800	CG	GLU	A	57156. 796 <i>-</i> 1	0. 001	7. 910	1. 00	0. 00 C
	ATOM	801	CD	GLU	A	57156. 996 -1	0. 782	9. 194	1. 00	0.00 C
25	ATOM	802	0E1	GLU	A	57157. 428 - 1	0. 176	10. 197	1. 00	0.000
	ATOM	803	0E2	GLU	A	57156. 719 <i>-</i> 1	2. 000	9. 197	1. 00	0.000
	ATOM	804	H	GLU	A	57154. 576 <i>-</i> 1	1. 644	6. 730	1. 00	0.00 H
	ATOM	805	HA	GLU	A	57155. 913 -	9. 507	5. 409	1. 00	0.00 H
	ATOM	806	1HB	GLU	A	57156. 919 -1	1. 893	6. 957	1. 00	0.00 H

					540			
	ATOM	807	2HB	GLU A	57157. 988 -10. 669	6. 287	1. 00	0.00 H
	ATOM	808	1HG	GLU A	57157. 505 -9. 187	7. 890	1. 00	0.00 H
	ATOM	809	2HG	GLU A	57155. 792 -9. 603	7. 900	1. 00	0.00 H
	ATOM	810	N	CYS A	58156. 053 -10. 627	3. 138	1. 00	0.00 N
5	ATOM	811	CA	CYS A	58156. 420 -11. 154	1. 829	1. 00	0.00 C
	ATOM	812	C	CYS A	58157. 732 -10. 544	1. 345	1. 00	0.00 C
	ATOM	813	0	CYS A	58157. 972 -9. 349	1. 513	1. 00	0.000
	ATOM	814	CB	CYS A	58155. 309 -10. 874	0.814	1. 00	0.00 C
	ATOM	815	SG	CYS A	58153. 948 -12. 062	0.864	1. 00	0.00 S
10	ATOM	816	H	CYS A	58155. 515 -9. 810	3. 192	1. 00	0.00 H
	ATOM	817	HA	CYS A	58156. 546 -12. 221	1. 924	1. 00	0.00 H
	ATOM	818	1HB	CYS A	58154. 897 -9. 894	1. 005	1. 00	0.00 H
	ATOM	819	2HB	CYS A	58155. 729 -10. 894	-0. 181	1. 00	0.00 H
	ATOM	820	HG	CYS A	58154. 203 -12. 781	1. 445	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	821	N	ALA A	59158. 577 -11. 375	0. 745	1. 00	0. 00 N
	ATOM	822	CA	ALA A	59159. 865 -10. 917	0. 236	1. 00	0. 00 C
	ATOM	823	C	ALA A	59159. 687 -10. 014	-0. 978	1. 00	0. 00 C
	ATOM	824	0	ALA A	59158. 952 -10. 344	-1. 908	1. 00	0.000
	ATOM	825	CB	ALA A	59160. 746 -12. 107	-0. 115	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	826	H	ALA A	59158. 330 -12. 317	0. 640	1. 00	0. 00 H
	ATOM	827	HA	ALA A	59160. 353 -10. 358	1. 021	1. 00	0. 00 H
	ATOM	828	1HB	ALA A		0. 787	1. 00	0.00 H
	ATOM	829	2HB	ALA A		-0. 595	1. 00	0.00 H
	ATOM	830	3HB	ALA A		-0. 786	1. 00	0.00 H
25	ATOM	831	N	GLY A		-0. 962	1. 00	0.00 N
	ATOM	832	2 CA	GLY A		-2. 068	1. 00	0. 00 C
	ATOM	833	3 C	GLY A	60159. 640 -6. 615	-1. 658	1. 00	0.00 C
	ATOM	834	1 0	GLY A		-2. 248	1. 00	0.000
	ATOM	835	5 H	GLY A	60160. 933 -8. 658	-0. 194	1. 00	0.00 H

						541			
	ATOM	836	1HA	GLY A	60161. 257	-7. 746	-2.453	1. 00	0.00 H
	MOTA	837	2HA	GLY A	60159.665	-8. 377	-2. 849	1. 00	0.00 H
	ATOM	838	N	CYS A	61158. 781	-6. 658	-0. 646	1. 00	0.00 N
	ATOM	839	CA	CYS A	61158. 113	-5. 458	-0. 159	1. 00	0.00 C
5	MOTA	840	C	CYS A	61159. 094	-4. 548	0. 573	1. 00	0.00 C
	ATOM	841	0	CYS A	61160. 188	-4. 971	0. 946	1. 00	0.000
	ATOM	842	CB	CYS A	61156. 957	-5. 833	0.770	1. 00	0.00 C
	ATOM	843	SG	CYS A	61155. 776	-6. 994	0.047	1. 00	0.00 S
	ATOM	844	H	CYS A	61158. 591	-7. 518	-0. 217	1. 00	0.00 H
10	ATOM	845	HA	CYS A	61157. 718	-4. 928	-1.013	1. 00	0.00 H
	ATOM	846	1HB	CYS A	61157. 357	-6. 289	1. 665	1. 00	0.00 H
	ATOM	847	2HB	CYS A	61156. 416	-4. 937	1. 040	1. 00	0.00 H
	ATOM	848	HG	CYS A	61156. 044	-7. 882	0. 292	1. 00	0. 00 H
	ATOM	849	N	THR A	62158. 695	-3. 297	0. 777	1. 00	0. 00 N
15	ATOM	850	CA	THR A	62159. 539	-2. 327	1. 465	1. 00	0.00 C
	ATOM	851	C	THR A	62159. 139	-2. 201	2. 932	1. 00	0.00 C
	ATOM	852	0	THR A	62158. 254	-2. 912	3. 407	1. 00	0.000
	ATOM	853	CB	THR A	62159. 447	-0. 963	0. 780	1. 00	0. 00 C
	ATOM	854	0G1	THR A	62158. 176	-0. 787	0. 179	1. 00	0.000
20	ATOM	855	CG2	THR A	62160. 493	-0. 761	-0. 297	1. 00	0. 00 C
	ATOM	856	H	THR A	62157. 811	-3. 019	0. 456	1. 00	0. 00 H
	ATOM	857	HA	THR A	62160. 558	-2. 679	1. 411	1. 00	0.00 H
	ATOM	858	HB	THR A	62159. 582	-0. 189	1. 521	1. 00	0.00 H
	ATOM	859	HG1	THR A	62157. 510	-0. 686	0.864	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	860	1HG2	2 THR A	62160. 029	-0. 340	-1. 175	1. 00	0.00 H
	ATOM	861	2HG2	2 THR A	62160. 940	-1. 712	-0. 546	1. 00	0.00 H
	ATOM	862	3HG2	2 THR A	A 62161. 257	-0. 089	0.066	1. 00	0.00 H
	ATOM	863	N	ASP A	A 63159. 797	-1. 291	3. 642	1. 00	0.00 N
	ATOM	864	CA	ASP A	A 63159.510	-1. 071	5. 055	1. 00	0.00 C

							542			
	ATOM	865	C	ASP	A	63158. 823	0. 274	5. 267	1. 00	0.00 C
	ATOM	866	0	ASP	A	63158. 994	0. 913	6. 306	1. 00	0.000
	ATOM	867	CB	ASP	A	63160.800	-1. 132	5.874	1. 00	0.00 C
	ATOM	868	CG	ASP	A	63161. 816	-0. 098	5. 431	1. 00	0.00 C
5	ATOM	869	OD 1	ASP	A	63162. 969	-0. 483	5. 143	1. 00	0.000
	ATOM	870	OD2	ASP	A	63161. 459	1. 098	5. 371	1. 00	0.000
	ATOM	871	H	ASP	A	63160. 492	-0. 755	3. 207	1. 00	0.00 H
	ATOM	872	HA	ASP	A	63158. 847	-1. 857	5. 385	1. 00	0.00 H
	ATOM	873	1HB	ASP	A	63160. 568	-0. 958	6.914	1. 00	0.00 H
10	ATOM	874	2HB	ASP	A	63161. 241	-2. 113	5. 768	1. 00	0.00 H
	ATOM	875	N	GLY	A	64158. 045	0. 698	4. 277	1. 00	0.00 N
	ATOM	876	CA	GLY	A	64157. 344	1. 966	4. 375	1. 00	0. 00 C
	ATOM	877	C	GLY	A	64158. 028	3. 069	3. 593	1. 00	0.00 C
	ATOM	878	0	GLY	A	64158. 120	4. 204	4.059	1. 00	0.000
15	ATOM	879	H	GLY	A	64157. 946	0. 148	3. 473	1. 00	0.00 H
	ATOM	880	1HA	GLY	A	64156. 341	1. 839	3. 997	1. 00	0.00 H
	ATOM	881	2HA	GLY	A	64157. 292	2. 255	5. 414	1. 00	0.00 H
	ATOM	882	N	THR	A	65158. 508	2. 736	2. 400	1. 00	0. 00 N
	ATOM	883	CA	THR	A	65159. 188	3. 707	1. 550	1. 00	0.00 C
20	ATOM	884	C	THR	A	65158. 823	3. 496	0.083	1. 00	0.00 C
	ATOM	885	0	THR	A	65158. 776	2. 365	-0. 399	1. 00	0.000
	ATOM	886	CB	THR	A	65160. 703	3.602	1. 730	1. 00	0. 00 C
	ATOM	887	0G1	THR	A	65161. 154	2. 295	1. 424	1. 00	0.000
	ATOM	888	CG2	THR	A	65161. 162	3. 928	3. 135	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	889	Н.	THR	Α	65158. 403	1. 814	2. 083	1. 00	0. 00 H
	ATOM	890	HA	THR	Α	65158. 865	4. 692	1. 850	1. 00	0.00 H
	ATOM	891	HB	THR	A	65161. 184	4. 295	1. 056	1. 00	0.00 H
	ATOM	892	HG 1	THR	A	65160. 864	2. 054	0. 541	1. 00	0.00 H
	ATOM	893	1HG2	THR	. A	65160. 333	4. 326	3.701	1. 00	0.00 H

							543			
	ATOM	894	2HG2	THR	A	65161.954	4. 661	3. 094	1. 00	0.00 H
	ATOM	895	3HG2	THR	A	65161. 526	3. 031	3.613	1. 00	0.00 H
	ATOM	896	N	PHE	A	66158. 565	4. 594	-0.621	1. 00	0.00 N
	ATOM	897	CA	PHE	A	66158. 205	4. 530	-2.032	1. 00	0.00 C
5	ATOM	898	C	PHE	A	66159. 340	5. 050	-2. 907	1. 00	0.00 C
	ATOM	899	0	PHE	A	66159.609	6. 250	-2. 942	1. 00	0.000
	ATOM	900	CB	PHE	A	66156. 933	5. 338	-2. 293	1. 00	0.00 C
	ATOM	901	CG	PHE	A	66156. 226	4. 951	-3.560	1. 00	0.00 C
	ATOM	902	CD1	PHE	A	66155.795	3. 648	-3. 758	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	903	CD2	PHE	A	66155. 992	5. 888	-4. 553	1. 00	0. 00 C
	ATOM	904	CE1	PHE	A	66155. 145	3. 289	-4. 923	1. 00	0. 00 C
	ATOM	905	CE2	PHE	A	66155. 343	5. 534	-5. 721	1. 00	0.00 C
	ATOM	906	CZ	PHE	A	66154. 919	4. 232	-5. 906	1. 00	0. 00 C
	ATOM	907	H	PHE	A	66158. 618	5. 468	,-0. 181	1. 00	0. 00 H
15	ATOM	908	HA	PHE	A	66158. 020	3. 494	-2. 280	1. 00	0.00 H
	ATOM	909	1HB	PHE	A	66156. 247	5. 191	-1. 472	1. 00	0.00 H
	ATOM	910	2HB	PHE	A	66157. 188	6. 385	-2.360	1. 00	0.00 H
	ATOM	911	HD 1	PHE	A	66155. 971	2. 909	-2. 990	1. 00	0.00 H
	ATOM	912	HD2	PHE	A	66156. 324	6. 906	-4. 409	1. 00	0.00 H
20	ATOM	913	HE 1	PHE	Α	66154. 815	2. 270	-5.065	1. 00	0.00 H
	ATOM	914	HE2	PHE	A	66155. 167	6. 273	-6. 487	1. 00	0.00 H
	ATOM	915	HZ	PHE	A	66154. 411	3. 953	-6. 818	1. 00	0.00 H
	ATOM	916	N	ARG	A	67160. 001	4. 139	-3.614	1. 00	0.00 N
	ATOM	917	CA	ARG	A	67161. 107	4. 506	-4. 490	1. 00	0.00 C
25	MOTA	918	C	ARC	A	67162. 211	5. 212	-3. 708	1. 00	0. 00 C
	ATOM	919	0	ARC	A	67162. 933	6. 048	-4. 251	1. 00	0.000
	ATOM	920	CB	ARC	a A	67160. 612	5. 408	-5. 622	1. 00	0. 00 C
	ATOM	921	CG	ARC	3 A	67159. 489	4. 794	-6. 441	1. 00	0. 00 C
	ATOM	922	CD	AR(a A	67158. 923	5. 788	-7. 443	1. 00	0.00 C

				:	544			
	ATOM	923 NE	ARG A	67157.777	5. 245	-8. 167	1. 00	0. 00 N
	ATOM	924 CZ	ARG A	67157. 880	4. 402	-9. 192	1. 00	0. 00 C
	ATOM	925 NH	1 ARG A	67159.073	4. 005	-9. 618	1. 00	0. 00 N
	ATOM	926 NF	2 ARG A	67156. 787	3. 955	-9. 795	1. 00	0. 00 N
5	ATOM .	927 H	ARG A	67159. 739	3. 197	-3. 544	1. 00	0.00 H
	ATOM	928 H	ARG A	67161. 509	3. 598	-4. 915	1. 00	0.00 H
	ATOM	929 1H	3 ARG A	67160. 253	6. 334	-5. 197	1. 00	0.00 H
	ATOM	930 2H	3 ARG A	67161. 437	5. 622	-6. 285	1. 00	0.00 H
	ATOM	931 1H	G ARG A	67159. 873	3. 939	-6. 977	1. 00	0.00 H
10	ATOM	932 2H	G ARG A	67158. 699	4. 480	-5. 775	1. 00	0.00 H
	ATOM	933 1H	D ARG A	67158. 613	6. 677	-6. 912	1. 00	0.00 H
	ATOM	934 2H	D ARG A	67159. 697	6. 046	-8. 152	1. 00	0.00 H
	ATOM	935 H	E ARG A	67156. 884	5. 521	-7. 874	1. 00	0.00 H
	ATOM	936 1H	H1 ARG A	67159. 902	4. 339	-9. 169	1. 00	0.00 H
15	ATOM	937 2H	H1 ARG A	67159. 143	3. 372	-10. 389	1. 00	0.00 H
	ATOM	938 1H	H2 ARG A	67155. 885	4. 251	-9. 479	1. 00	0.00 H
	ATOM	939 2F	H2 ARG A	67156. 864	3. 323	-10. 566	1. 00	0.00 H
	ATOM	940 N	GLY A	68162. 335	4. 871	-2. 429	1. 00	0.00 N
	ATOM	941 (A GLY A	68163. 353	5. 483	-1. 595	1. 00	0.00 C
20	ATOM	942 (GLY A	68162. 794	6. 570		1. 00	0.00 C
	ATOM	943 (GLY A	68163. 408	6. 925	0. 310		0.000
	ATOM	944	GLY A	68161. 732	4. 199	-2. 049		0.00 H
	ATOM	945 1	HA GLY A	A 68163. 803	4. 719	-0. 979		0.00 H
	ATOM	946 2	HA GLY	A 68164. 112	5. 912	-2.231		0.00 H
25	ATOM	947	N THR	A 69161.630	7. 102	-1. 058		0.00 N
	ATOM	948	CA THR	A 69160. 995	8. 154	1 -0.275		
•	ATOM	949	C THR	A 69160. 179	7. 565	0.871		
	ATOM	950	O THR	A 69159. 128	6. 96	0.651		
	ATOM	951	CB THR	A 69160. 098	9. 013	3 -1. 167	1. 00	0. 00 C

					•	3 4 3	7		
	ATOM	952	0G1	THR A	69160.773	9. 370	-2.361	1. 00	0.000
	ATOM	953	CG2	THR A	69159. 637	10. 290	-0.501	1. 00	0.00 C
	ATOM	954	H	THR A	69161. 188	6. 779	-1.870	1. 00	0.00 H
	ATOM	955	HA	THR A	69161.776	8. 776	0. 139	1. 00	0.00 H
5	ATOM	956	HB	THR A	69159. 220	8. 442	-1. 432	1. 00	0.00 H
	ATOM	957	HG1	THR A	69161. 532	9. 917	-2. 148	1. 00	0.00 H
	ATOM	958	1HG2	THR A	69159. 314	10. 994	-1. 255	1. 00	0.00 H
	ATOM	959	2HG2	THR A	69160. 453	10. 717	0.064	1. 00	0.00 H
	ATOM	960	3HG2	THR A	69158. 814	10. 073	0. 164	1. 00	0.00 H
10	ATOM	961	N	ARG A	70160.668	7. 743	2. 093	1. 00	0.00 N
	ATOM	962	CA	ARG A	70159. 984	7. 230	3. 273	1. 00	0.00 C
	ATOM	963	C	ARG A	70158. 798	8. 116	3. 643	1. 00	0.00 C
	ATOM	964	0	ARG A	70158. 936	9. 332	3. 770	1. 00	0.000
	ATOM	965	CB	ARG A	70160. 953	7. 139	4. 452	1. 00	0.00 C
15	ATOM	966	CG	ARG A	70160. 326	6. 570	5. 714	1. 00	0.00 C
	ATOM	967	CD	ARG A	70160. 985	7. 127	6. 965	1. 00	0.00 C
	ATOM	968	NE	ARG A	70162. 129	6. 321	7. 387	1. 00	0.00 N
	ATOM	969	CZ	ARG A	70162. 855	6. 575	8. 472	1. 00	0.00 C
	ATOM	970	NH 1	ARG A	70162. 559	7. 610	9. 250	1. 00	0.00 N
20	ATOM	971	NH2	ARG A	70163. 880	5. 793	8. 782	1. 00	0.00 N
	ATOM	972	H	ARG A	70161. 509	8. 234	2. 205	1. 00	0.00 H
	ATOM	973	HA	ARG A	70159. 619	6. 241	3. 041	1. 00	0.00 H
	ATOM	974	1HB	ARG A	70161. 783	6. 507	4. 174	1. 00	0. 00 H
	MOTA	975	2HB	ARG A	70161. 325	8. 128	4. 676	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	976	1HG	ARG A	70159. 277	6. 825	5. 730	1. 00	0.00 H
	ATOM	977	2HG	ARG A	70160. 437	5. 495	5. 708	1. 00	0. 00 H
	ATOM	978	1HD	ARG A	70161. 321	8. 133	6. 762	1. 00	0.00 H
	ATOM	979	2HD	ARG A	70160. 257	7. 147	7. 763	1. 00	0.00 H
	ATOM	980	HE	ARG A	70162. 369	5. 551	6. 830	1. 00	0.00 H

							546			
	ATOM	981	1HH1	ARG	A	70161. 788	8. 203	9. 022	1. 00	0.00 H
	ATOM	982	2HH1	ARG	A	70163. 108	7. 795	10.066	1. 00	0.00 H
	ATOM	983	1HH2	ARG	A	70164. 106	5. 012	8. 201	1. 00	0.00 H
	ATOM	984	2HH2	ARG	A	70164. 426	5. 984	9. 599	1. 00	0.00 H
5	ATOM	985	N	TYR	A	71157. 633	7. 498	3. 811	1. 00	0.00 N
	ATOM	986	CA	TYR	A	71156. 424	8. 231	4. 165	1. 00	0. 00 C
	ATOM	987	C	TYR	A	71155. 976	7. 891	5. 583	1. 00	0. 00 C
	ATOM	988	0	TYR	A	71155. 657	8. 779	6. 373	1. 00	0.000
	ATOM	989	CB	TYR	A	71155. 302	7. 914	3. 175	1. 00	0. 00 C
10	ATOM	990	CG	TYR	A	71155. 508	8. 530	1. 808	1. 00	0. 00 C
	ATOM	991	CD1	TYR	A	71155. 560	9. 908	1.648	1. 00	0.00 C
	ATOM	992	CD2	TYR	A	71155. 651	7. 731	0.681	1. 00	0.00 C
	ATOM	993	CE1	TYR	A	71155. 748	10. 475	0. 401	1. 00	0.00 C
	ATOM	994	CE2	TYR	A	71155. 840	8. 290	-0. 569	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	995	CZ	TYR	A	71155. 888	9. 661	-0. 703	1. 00	0. 00 C
	ATOM	996	ОН	TYR	A	71156. 075	10. 221	-1.946	1. 00	0.000
	ATOM	997	H	TYR	A	71157. 587	6. 526	3. 695	1. 00	0. 00 H
	ATOM	998	HA	TYR	A	71156. 648	9. 286	4. 115	1. 00	0. 00 H
	ATOM	999	1HB	TYR	. A	71155. 234	6. 844	3. 048	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	1000	2HB	TYR	. A	71154. 368	8. 285	3. 569	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1001	HD 1	TYR	A	71155. 450	10. 542	2. 515	1. 00	0.00 H
	ATOM	1002	HD2	2 TYR	A	71155. 613	6. 657	0. 788	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1003	HE 1	TYR	A	71155. 785	11. 549	0. 297	1. 00	0. 00 H
•	ATOM	1004	HE2	2 TYR	A	71155. 950	7. 654	-1. 435	1. 00	0. 00 H
25	ATOM	1005	5 HH	TYF	R A	71155. 283	10. 101	-2. 476	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1006	3 N	PHE	E A	72155. 956	6. 600	5. 898	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1007	7 CA	PHE	E A	72155. 548	6. 144	7. 222	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1008	3 C	PHI	E A	72156. 530	5. 113	7. 768	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1009	9 0	PHI	E A	72157. 388	4. 612	7.042	1. 00	0.000

_	
- 1	
1	
•	

						=0.45 + 4.44		<i>-</i>		
	ATOM	1010	CB	PHE	A	72154. 141	5. 546		1. 00	0. 00 C
	ATOM	1011	CG	PHE	A	72153. 971	4. 509	6. 093	1. 00	0.00 C
	ATOM	1012	CD1	PHE	A	72153. 819	4. 884	4. 768	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1013	CD2	PHE	A	72153. 963	3. 161	6. 410	1. 00	0.00 C
5	ATOM	1014	CE1	PHE	A	72153. 663	3. 932	3. 779	1. 00	0.00 C
	ATOM	1015	CE2	PHE	A	72153. 806	2. 204	5. 425	1. 00	0.00 C
	ATOM	1016	CZ	PHE	A	72153. 657	2. 590	4. 107	1. 00	0.00 C
	ATOM	1017	H	PHE	A	72156. 222	5. 940	5. 226	1. 00	0.00 H
	ATOM	1018	HA	PHE	A	72155. 540	7. 000	7. 880	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1019	1HB	PHE	A	72153. 917	5. 082	8. 115	1. 00	0.00 H
	ATOM	1020	2HB	PHE	A	72153. 428	6. 338	6. 982	1. 00	0.00 H
	ATOM	1021	HD 1	PHE	A	72153. 824	5. 932	4. 509	1. 00	0.00 H
	ATOM	1022	HD2	PHE	A	72154. 080	2. 857	7. 440	1. 00	0.00 H
	ATOM	1023	HE 1	PHE	A	72153. 545	4. 237	2. 749	1. 00	0.00 H
15	ATOM	1024	HE2	PHE	A	72153. 803	1. 155	5. 685	1. 00	0.00 H
	ATOM	1025	HZ	PHE	A	72153. 534	1. 844	3. 335	1. 00	0.00 H
	ATOM	1026	N	THR	A	73156. 397	4. 800	9. 053	1. 00	0.00 N
	ATOM	1027	CA	THR	A	73157. 272	3. 828	9. 698	1. 00	0.00 C
	ATOM	1028	C	THR	A	73156. 519	2. 538	10. 005	1. 00	0.00 C
20	ATOM	1029	0	THR	A	73155. 738	2. 473	10. 954	1. 00	0.000
	ATOM	1030	CB	THR	A	73157. 854	4. 411	10. 986	1. 00	0.00 C
	ATOM	1031	0G1	THR	A	73158. 089	5. 800	10. 847	1. 00	0.000
	ATOM	1032	CG2	THR	A	73159. 160	3. 764	11. 400	1. 00	0.00 C
	ATOM	1033	H	THR	A	73155. 693	5. 232	9. 581	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1034	HA	THR	A	73158. 080	3. 606	9. 016	1. 00	0.00 H
	ATOM	1035	HB	THR	A	73157. 145	4. 265	11. 788	1. 00	0.00 H
	ATOM	1036	HG1	THR	A	73158. 193	6. 197	11. 715	1. 00	0.00 H
	ATOM	1037	1HG2	THR	A	73159. 299	3. 884	12. 464	1. 00	0.00 H
	ATOM	1038	2HG2	THR	A	73159. 977	4. 235	10. 874	1. 00	0.00 H

							548			
	ATOM	1039	3HG2	THR	A	73159. 133	2. 712	11. 155	1. 00	0.00 H
	ATOM	1040	N	CYS	A	74156. 759	1. 511	9. 195	1. 00	0.00 N
	ATOM	1041	CA	CYS	A	74156. 104	0. 222	9. 380	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1042	C	CYS	A	74157. 120	-0. 916	9. 346	1. 00	0. 00 C
5	ATOM	1043	0	CYS	A	74158. 299	-0. 699	9. 070	1. 00	0.000
	ATOM	1044	CB	CYS	A	74155. 043	0. 005	8. 299	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1045	SG	CYS	A	74153. 400	0. 615	8. 745	1. 00	0. 00 S
	ATOM	1046	H	CYS	A	74157. 392	1. 624	8. 455	1. 00	0.00 H
	ATOM	1047	HA	CYS	A	74155. 623	0. 231	10. 346	1. 00	0.00 H
10	ATOM	1048	1 HB	CYS	A	74155. 349	0. 516	7. 398	1. 00	0.00 H
	ATOM	1049	2HB	CYS	A	74154. 958	-1. 052	8. 095	1. 00	0.00 H
	ATOM	1050	HG	CYS	A	74153. 461	1. 565	8. 873	1. 00	0.00 H
	ATOM	1051	N	ALA	A	75156. 654	-2. 127	9. 629	1. 00	0.00 N
	ATOM	1052	CA	ALA	A	75157. 521	-3. 299	9. 631	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1053	C	ALA	A	75158. 160	-3. 510	8. 263	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1054	0	ALA	A	75157. 646	-3. 043	7. 247	1. 00	0.000
	ATOM	1055	CB	ALA	A	75156. 737	-4. 534	10. 046	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1056	H	ALA	A	75155. 703	-2. 236	9. 841	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1057	HA	ALA	A	75158. 301	-3. 134	10. 359	1. 00	0. 00 H
20	ATOM	1058	1HB	ALA	A	75157. 146	-5. 403	9. 551	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1059	2HB	ALA	A	75155. 701	-4. 415	9. 767	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1060	3HB	ALA	A	75156. 810	-4. 663	11. 116	1. 00	0.00 H
	ATOM	1061	N	LEU	A	76159. 285	-4. 219	8. 243	1. 00	0.00 N
	ATOM	1062	CA	LEU	A	76159. 994	-4. 493	6. 999	1. 00	0. 00 C
25	ATOM	1063	C	LEU	A	76159. 283	-5. 576	6. 194	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1064	0	LEU	A	76158. 703	-6. 503	6. 759	1. 00	0.000
	ATOM	1065	CB	LEU	A	76161. 433	-4. 921	7. 291	1. 00	0. 00° C
	ATOM	1066	CG	LEU	A	76162. 351	-3. 804	7. 794	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1067	CD1	LEU	A	76162. 435	-3.826	9. 312	1. 00	0. 00 C

							549	,		
	ATOM	1068	CD2	LEU	A	76163. 736	-3. 934	7. 179	1. 00	0.00 C
	ATOM	1069	H	LEU	A	76159. 645	-4. 567	9. 085	1. 00	0.00 H
	ATOM	1070	HA	LEU .	A	76160.009	-3. 583	6. 419	1. 00	0.00 H
	ATOM	1071	1HB	LEU .	A	76161. 410	-5. 702	8.036	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1072	2HB	LEU .	A	76161. 858	-5. 324	6. 383	1. 00	0.00 H
	ATOM	1073	HG	LEU .	A	76161. 940	-2. 849	7. 497	1. 00	0.00 H
	ATOM	1074	1HD1	LEU .	A	76162. 427	-4. 848	9. 658	1. 00	0.00 H
	ATOM	1075	2HD1	LEU .	A	76161. 591	-3. 298	9. 728	100	0.00 H
	ATOM	1076	3HD1	LEU .	A	76163. 350	-3. 346	9. 628	1. 00	0. 00 H
10	ATOM	1077	1HD2	LEU .	A	76163. 645	-4.063	6. 111	1. 00	0.00 H
	ATOM	1078	2HD2	LEU	A	76164. 240	-4. 790	7. 603	1. 00	0.00 H
	ATOM	1079	3HD2	LEU	A	76164. 307	-3. 041	7. 386	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1080	N	LYS	A	77159. 332	-5. 452	4. 872	1. 00	0.00 N
	ATOM	1081	CA	LYS	A	77158. 692	-6. 421	3. 989	1. 00	0. 00 C
15	ATOM	1082	C	LYS	A	77157. 190	-6. 481	4. 245	1. 00	0.00 C
	ATOM	1083	0	LYS	A	77156. 565	-7. 528	4. 083	1. 00	0.000
	ATOM	1084	CB	LYS	A	77159. 310	-7. 807 ∫	4. 186	1. 00	0.00 C
	ATOM	1085	CG	LYS	A	77160. 806	-7. 849	3. 921	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1086	CD	LYS	A	77161. 117	-7. 641	2. 448	1. 00	0. 00 C
20	ATOM	1087	CE	LYS	A	77162. 396	-6. 843	2. 255	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1088	NZ	LYS	A	77163. 575	-7. 532	2. 849	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1089	H	LYS	A	77159. 809	-4. 692	4. 480	1. 00	0.00 H
	ATOM	1090	HA	LYS	A	77158. 860	-6. 103	2. 971	1. 00	0.00 H
	ATOM	1091	1HB	LYS	A	77159. 138	-8. 124	5. 203	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1092	2HB	LYS	A	77158. 828	-8. 502	3. 515	1. 00	0. 00 H
	ATOM	1093	1HG	LYS	A	77161. 285	-7.069	4. 493	1. 00	0.00 H
	ATOM	1094	2HG	LYS	A	77161. 190	-8. 811	4. 228	1. 00	0.00 H
	ATOM	1095	1HD	LYS	A	77161. 231	-8. 604	1. 973	1. 00	0.00 H
	ATOM	1096	2HD	LYS	A	77160. 298	-7. 107	1. 989	1. 00	0.00 H

						550			
	ATOM	1097	1HE	LYS A	77162. 566	-6. 708	1. 197	1. 00	0.00 H
	ATOM	1098	2HE	LYSA	77162. 279	-5. 879	2. 726	1. 00	0.00 H
	ATOM	1099	1HZ	LYS A	77163. 556	-8. 544	2. 608	1. 00	0.00 H
	ATOM	1100	2HZ	LYS A	77163. 563	-7. 433	3. 884	1. 00	0.00 H
5	ATOM	1101	3HZ	LYS A	77164. 455	-7. 116	2. 482	1. 00	0.00 H
	ATOM	1102	N	LYS A	78156. 617	-5. 350	4. 644	1. 00	0. 00 N
	ATOM	1103	CA	LYS A	78155. 188	-5. 274	4. 922	1. 00	0.00 C
	ATOM	1104	C	LYS A	78154. 619	-3. 926	4. 490	1. 00	0. 00 C
	ATOM	1105	0	LYS A	78153. 788	-3. 339	5. 184	1. 00	0.000
10	ATOM	1106	CB	LYS A	78154. 924	-5. 500	6. 412	1. 00	0.00 C
	ATOM	1107	CG	LYS A	78155. 426	-6. 841	6. 922	1. 00	0.00 C
	ATOM	1108	CD	LYS A	78155. 126	-7. 022	8. 401	1. 00	0.00 C
•	ATOM	1109	CE	LYS A	78153. 865	-7. 842	8. 618	1. 00	0.00 C
	ATOM	1110	NZ	LYS A	78153. 075	-7. 350	9. 780	1. 00	0. 00 N
15	ATOM	1111	H	LYS A	78157. 169	-4. 548	4. 754	1. 00	0.00 H
	ATOM	1112	HA	LYS A	78154. 699	-6. 054	4. 357	1. 00	0.00 H
	ATOM	1113	1HB	LYS A	78155. 414	-4. 719	6. 974	1. 00	0.00 H
	ATOM	1114	2HB	LYS A	78153. 860	-5. 447	6. 589	1. 00	0. 00 н
	ATOM	1115	1HG	LYS A	78154. 941	-7. 631	6.368	1. 00	0.00 H
20	ATOM	1116	2HG	LYS A	78156. 494	-6. 896	6.771	1. 00	0.00 H
	ATOM	1117	1HD	LYS A	78155. 958	-7. 528	8.868	1. 00	0.00 H
	ATOM	1118	2HD	LYS A	78154. 995	-6. 049	8. 853	1. 00	0.00 H
	ATOM	1119	1HE	LYS A	78153. 256	-7. 784	7. 728	1. 00	0.00 H
	ATOM	1120	2HE	LYS A	78154. 146	-8. 870	8. 794	1. 00	0.00 H
25	ATOM	1121	1HZ	LYS A	78153. 198	-6. 322	9. 886	1. 00	0.00 H
	ATOM	1122	2HZ	LYS A	78153. 391	-7. 818	10.652	1. 00	0.00 H
	ATOM	1123	3HZ	LYS A	78152. 065	-7. 553	9. 636	1. 00	0.00 H
	ATOM	1124	N	ALA A	79155. 073	-3. 438	3. 340	1. 00	0.00 N
	ATOM	1125	CA	ALA A	79154. 611	-2. 159	2. 815	1. 00	0.00 C